

GASCONNE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

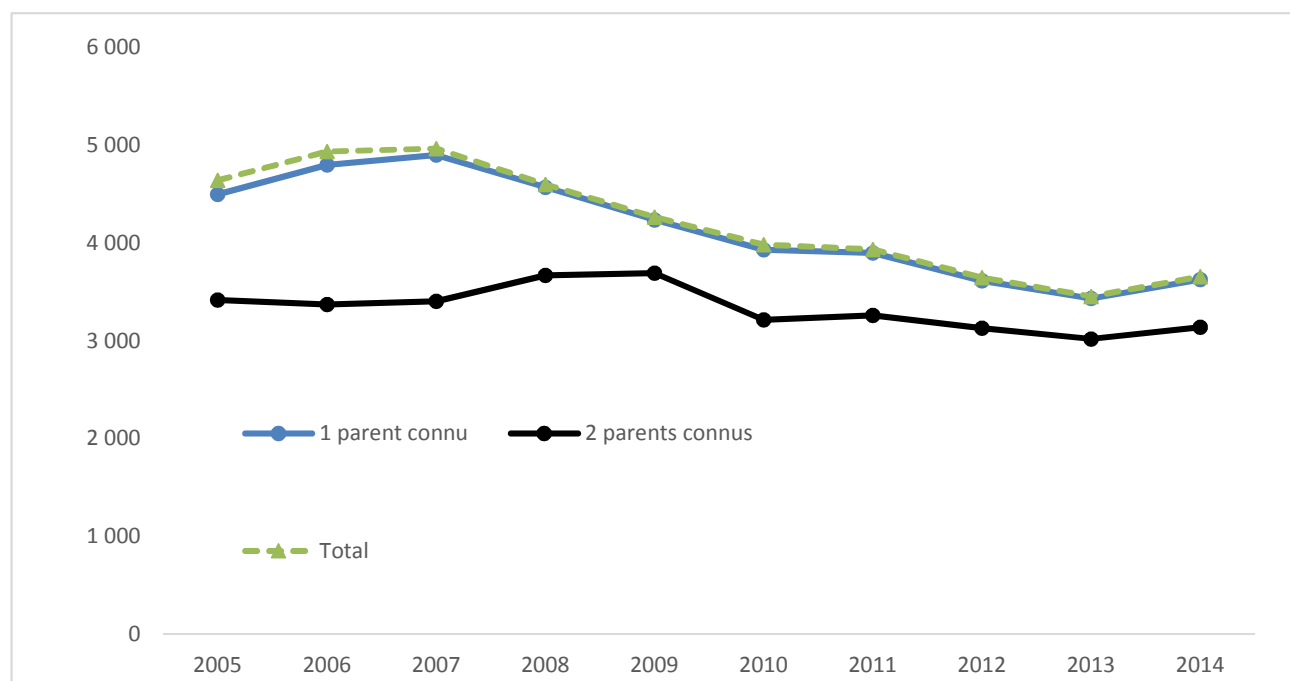
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	14 579	16
Nb pères différents	606	12
Nb max de descendants par père	314	2
Nb grands-pères paternels différents	258	10
Nb max de descendants par GPP	1 270	2
Nb mères différentes	9 411	16
Nb max de descendants par mère	6	1
Nb grands-pères maternels différents	1 116	10
Nb max de descendants par GPM	394	4
Nb d'animaux avec deux parents connus	12 554	15

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 85%

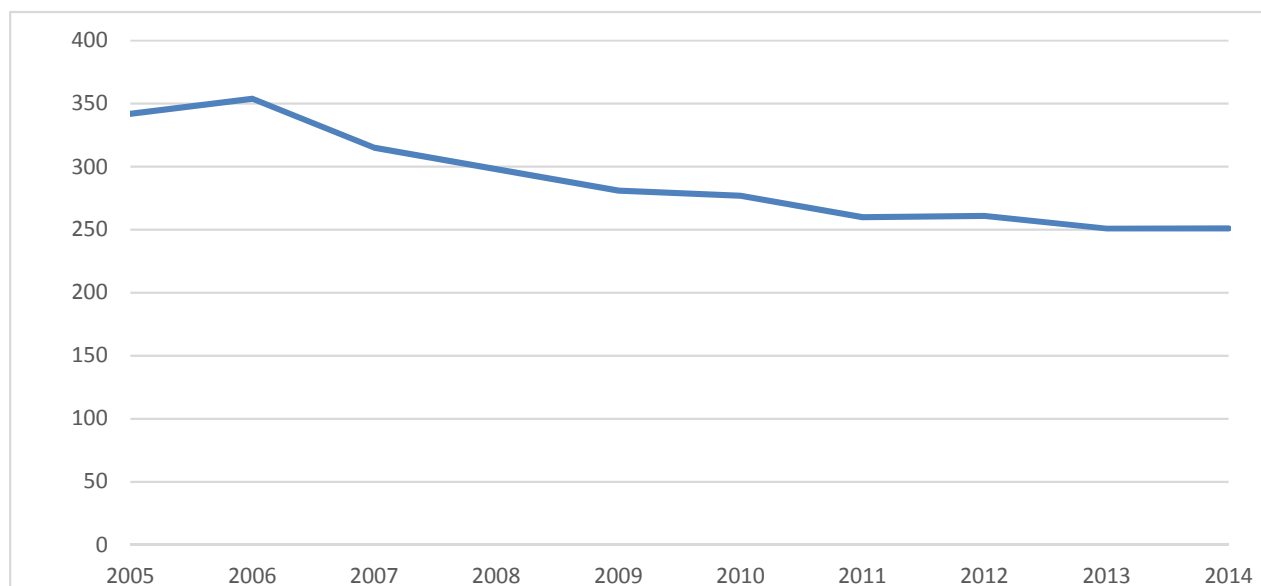
% femelles issues IA 9

Evolution de la population femelle

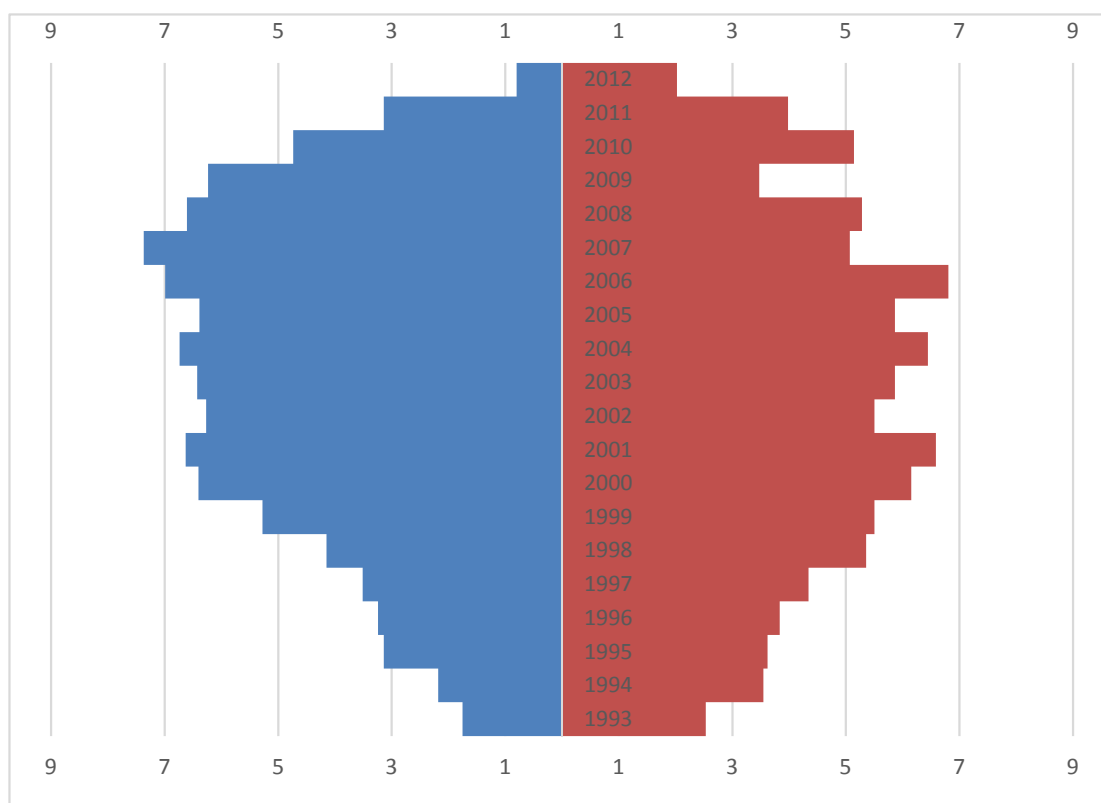
Croissance démographique ●-20

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

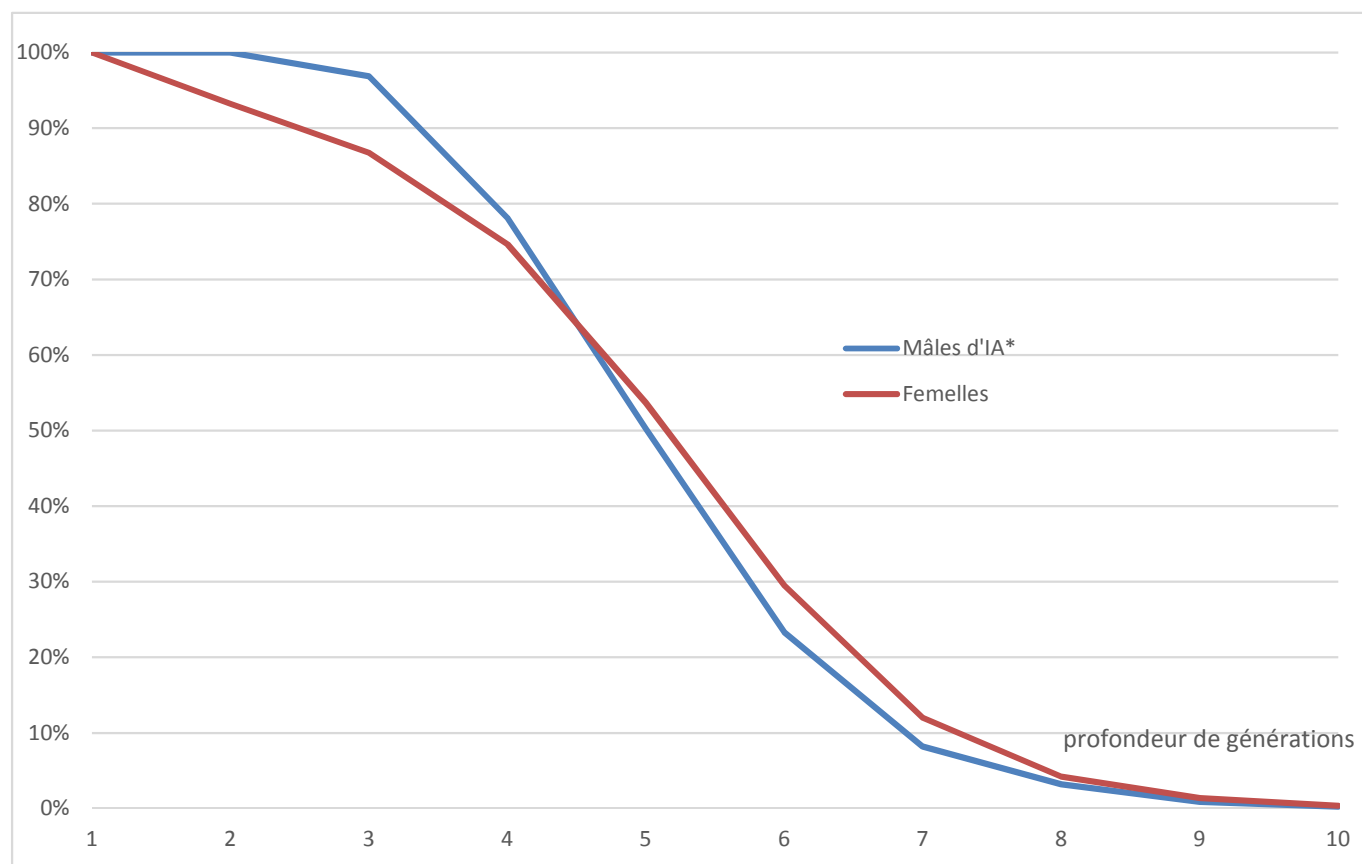
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,4
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,5
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	7,3
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	6,6
Moyenne 4 voies	6,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	12 554	15
Nb moyen de générations remontées	4,6	4,6
Nb moyen d'ancêtres connus	102	84
Nb maximum de générations remontées	19	13

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	7 084
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	220
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	96
Ratio Ae/Fe	43,8%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,7%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	63

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR1140029030	RELIEF	M	2000	5,7%	5,7%	5,7%
2	FR0904916416	COURNIER	M	1987	4,6%	4,6%	10,3%
3	FR1109402256	EVEQUE	M	1989	3,2%	3,2%	13,5%
4	FR1146019610	BLACK	M	2006	2,7%	2,7%	16,2%
5	FR3192042121	HERACLES	M	1992	2,3%	2,3%	18,5%
6	FR6506203674	ULSTER	M	2003	1,8%	1,8%	20,3%
7	FR1140008933	REVOLVER	M	2000	1,9%	1,7%	22,0%
8	FR1141039380	SULTAN	M	2001	1,6%	1,6%	23,5%
9	FR3116238964		M	1980	1,8%	1,2%	24,7%
10	FR0904312798	CACHOU	M	1987	2,2%	1,0%	25,7%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	4,6
Consanguinité moyenne (%)	1,0
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,8
Parenté (%)	0,8
Consanguinité des parents (%)	0,5
Parentés des parents (%)	0,4
Taille efficace (méthode Cervantès)	288
Taille efficace (méthode démographique)	2 277

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	56,6%
entre 0 à 3,125% inclus	36,6%
entre 3,125% à 6,25% inclus	3,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,7%
entre 12,5% à 25% inclus	1,6%
plus de 25%	0,4%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 3,7%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,44

