

PRIM'HOLSTEIN**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2012 -2015

Femelles

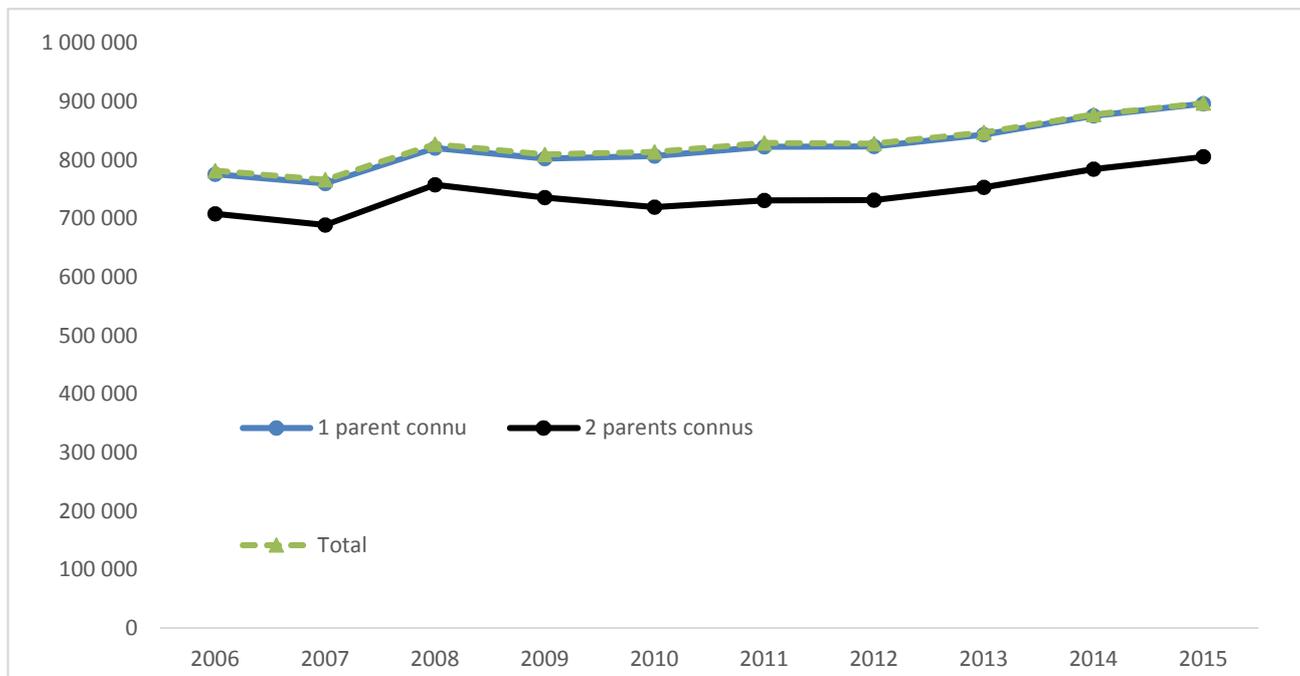
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	3 433 648	4 664
Nb pères différents	21 080	827
Nb max de descendants par père	41 753	189
Nb grands-pères paternels différents	2 706	299
Nb max de descendants par GPP	257 216	392
Nb mères différentes	2 501 512	3 717
Nb max de descendants par mère	38	11
Nb grands-pères maternels différents	38 418	299
Nb max de descendants par GPM	94 488	404
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 070 372	4 664

* père des femelles

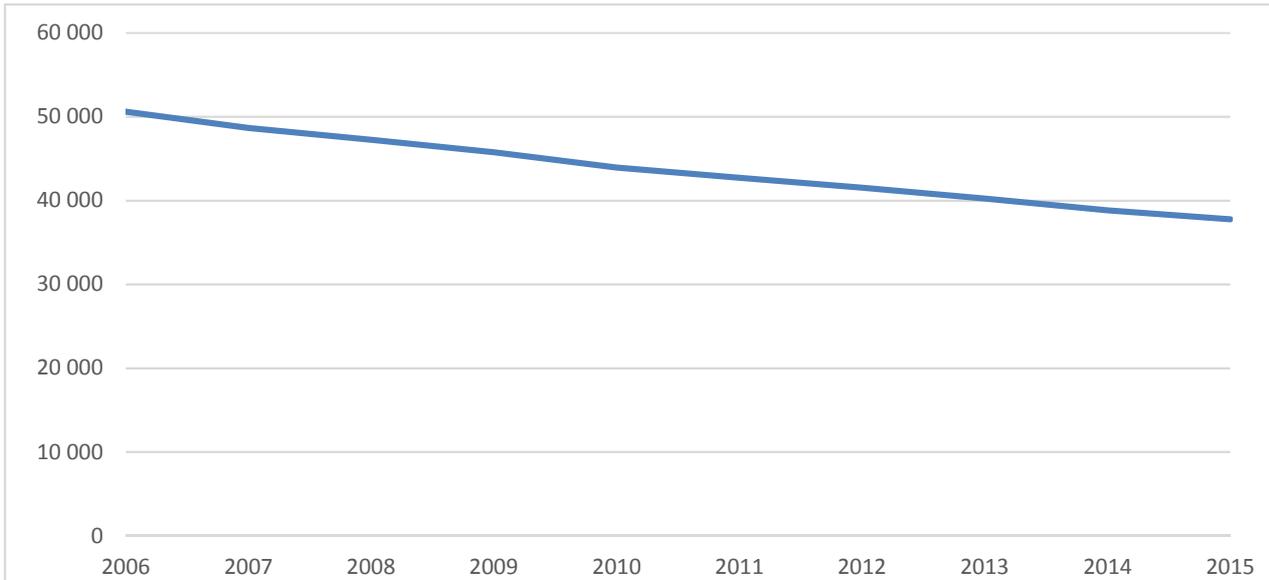
Rapport 2 parents connus/total des femelles 89%

% femelles issues IA 84

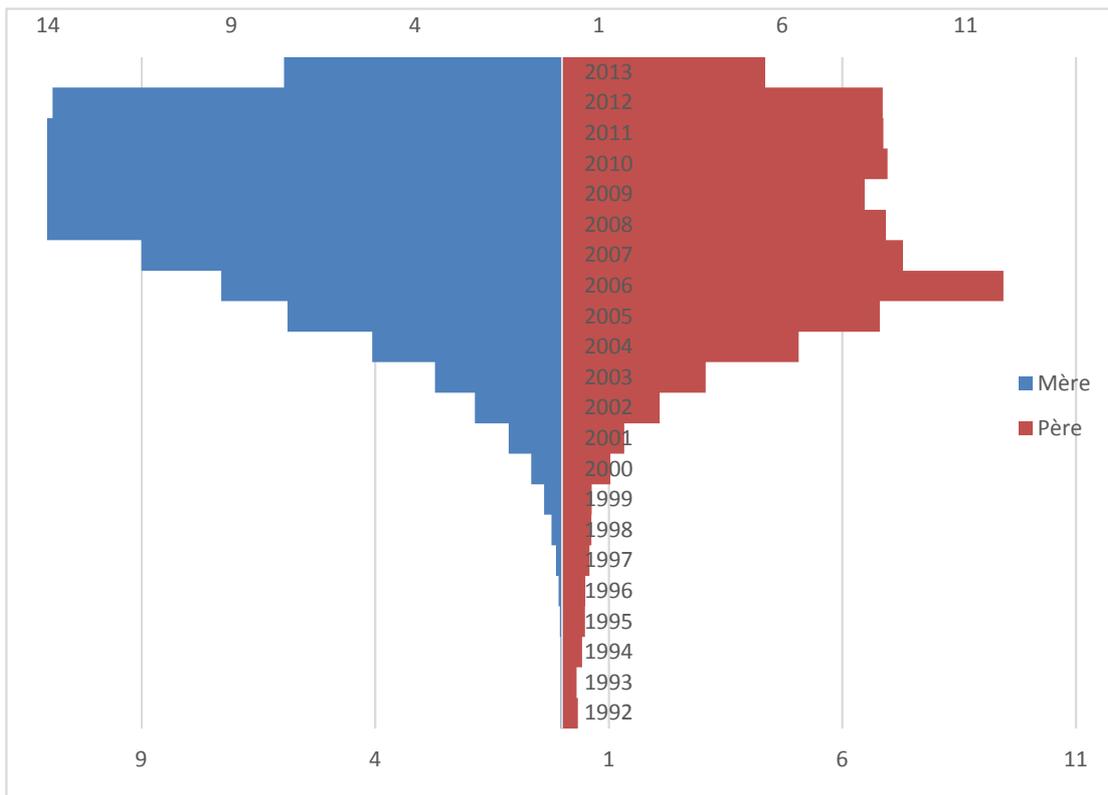
Evolution de la population femelle**Croissance démographique ●7**

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

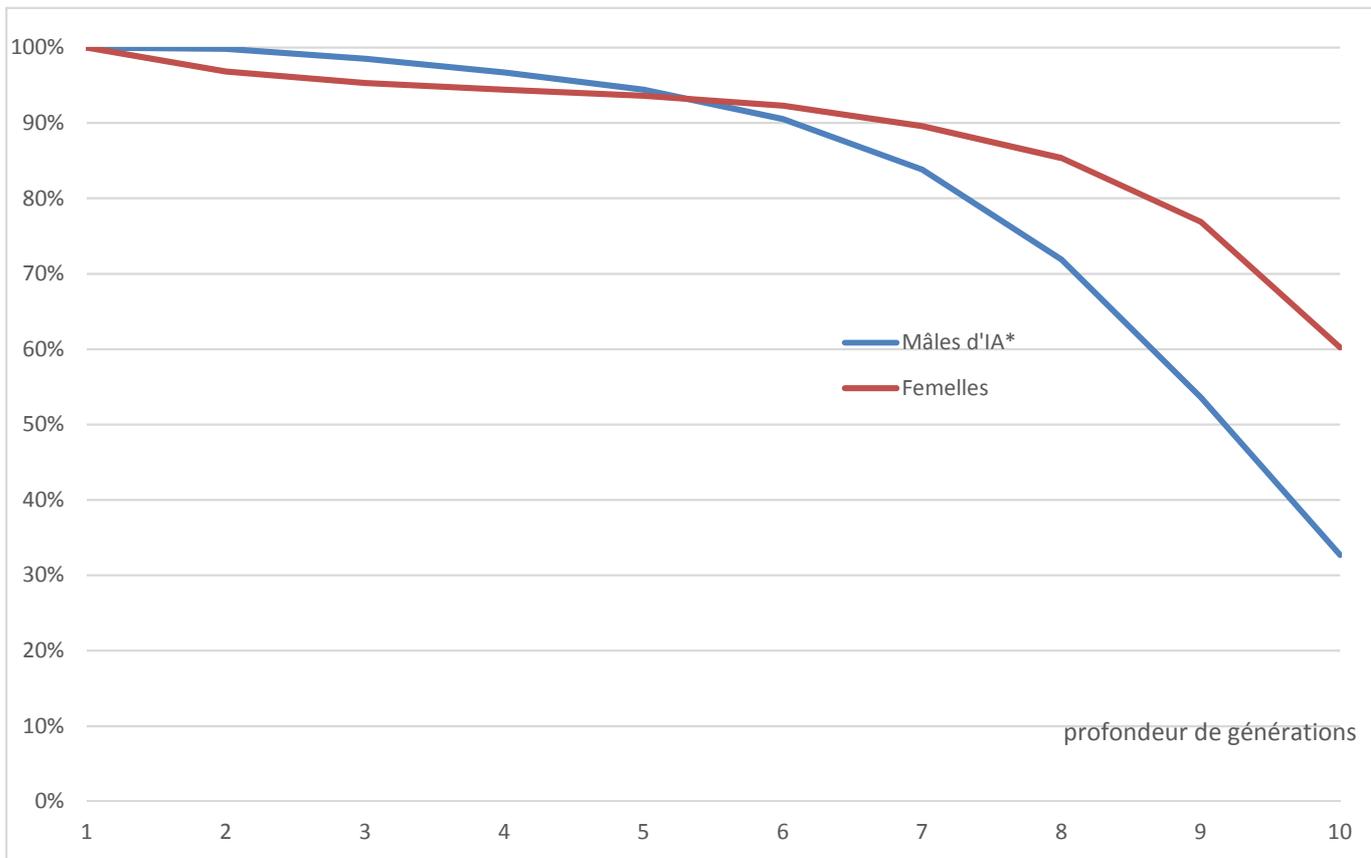
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	7,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	6,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,2
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,1
Moyenne 4 voies	5,6

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	3 070 372	4 664
Nb moyen de générations remontées	9,5	8,5
Nb moyen d'ancêtres connus	3 992	1 790
Nb maximum de générations remontées	28	22

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	811 683
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	83
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	20
Ratio Ae/Fe	24,0%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	12,8%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	8

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FRUS01491007	ELEVATION	M	1965	12,8%	12,8%	12,8%
2	FRUS01427381	CHIEF	M	1962	11,8%	11,8%	24,6%
3	FRUS01667366	BELL	M	1974	9,2%	9,2%	33,8%
4	FRUS06781299	ROSEVIVIAN	F	1966	4,1%	4,1%	37,9%
5	FRCD00383622	AEROSTAR	M	1985	6,2%	3,9%	41,8%
6	FRUS01929410	BLACKSTAR	M	1983	5,9%	3,7%	45,5%
7	FRU122358313	O-MAN JUST	M	1998	6,4%	3,4%	48,9%
8	FR5694028588	JOCKO BESN	M	1994	5,4%	3,0%	51,9%
9	FRUS01806201	NED BOY	M	1979	3,3%	2,9%	54,8%
10	FRUS02103297	BELLWOOD	M	1989	4,5%	2,5%	57,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	9,5
Consanguinité moyenne (%)	4,2
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,1
Parenté (%)	4,9
Consanguinité des parents (%)	3,7
Parentés des parents (%)	3,8
Taille efficace (méthode Cervantès)	96
Taille efficace (méthode démographique)	83 615

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	5,1%
entre 0 à 3,125% inclus	16,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	71,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	7,6%
entre 12,5% à 25% inclus	0,1%
plus de 25%	0,0%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	7,8%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,87

