

ROUGE FLAMANDE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

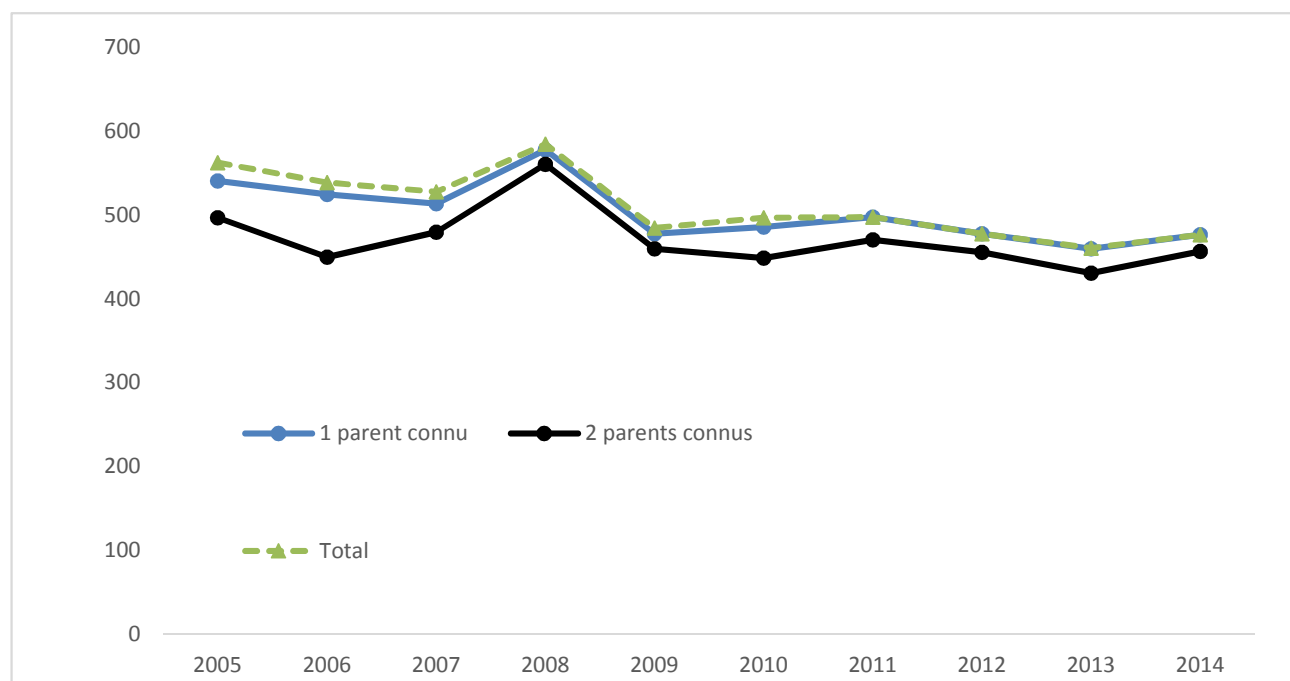
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	1 892	55
Nb pères différents	77	52
Nb max de descendants par père	125	2
Nb grands-pères paternels différents	67	43
Nb max de descendants par GPP	125	3
Nb mères différentes	1 314	52
Nb max de descendants par mère	5	2
Nb grands-pères maternels différents	85	43
Nb max de descendants par GPM	145	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	1 794	55

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 94%

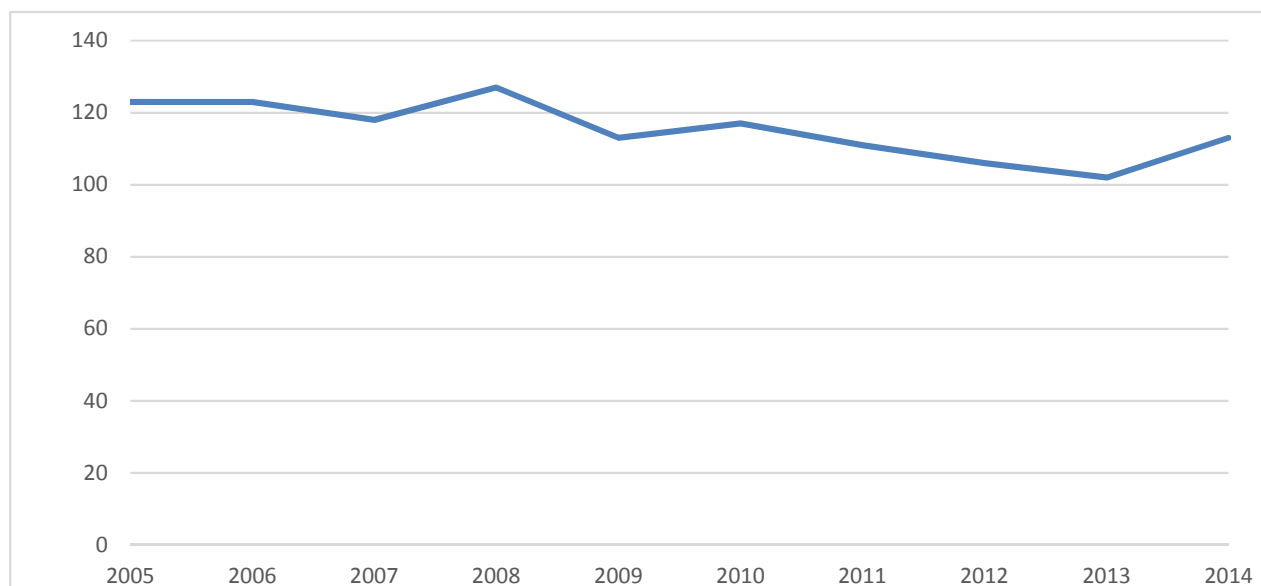
% femelles issues IA 82

Evolution de la population femelle

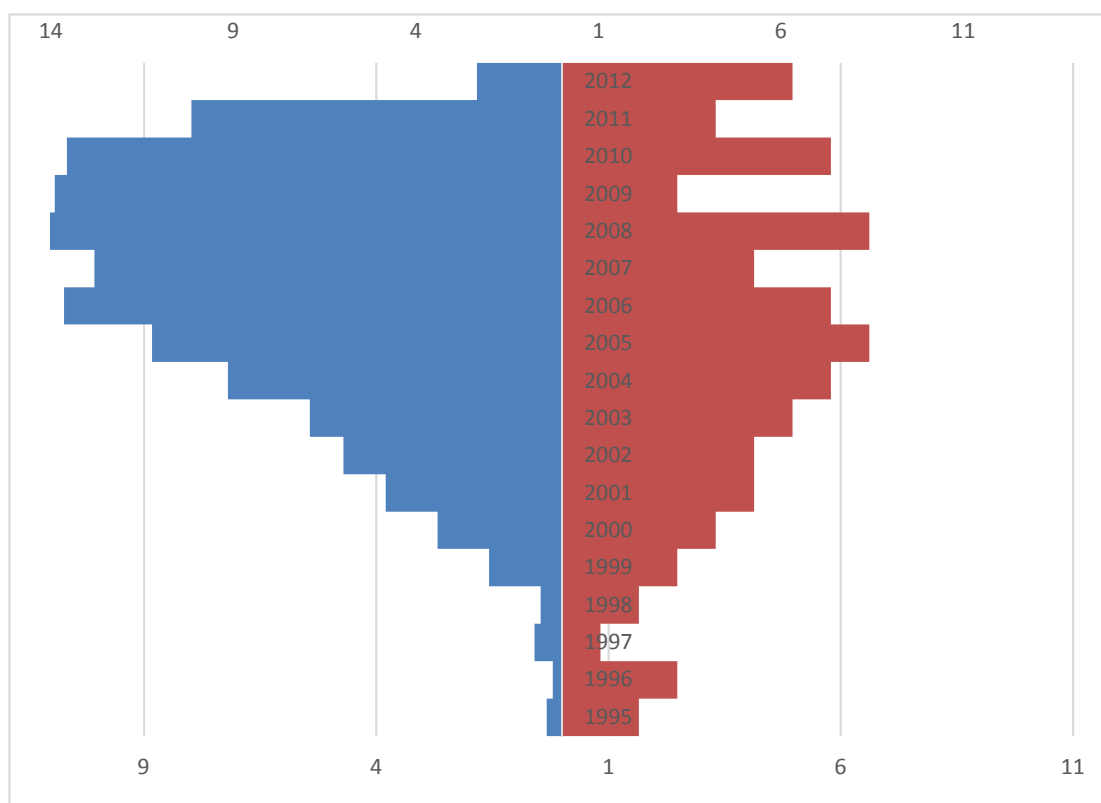
Croissance démographique ●-11

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

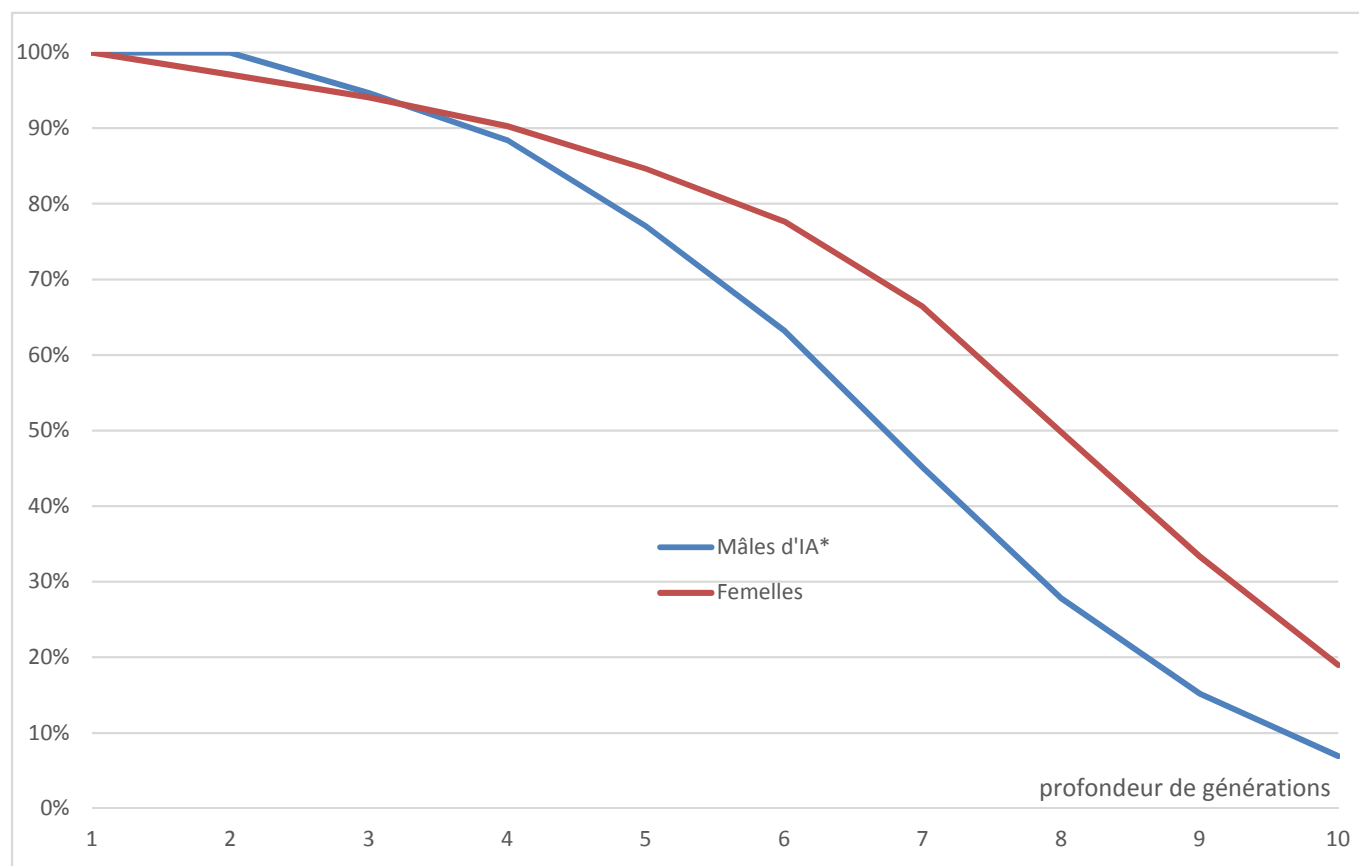
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	8,4
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	7,1
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,7
Moyenne 4 voies	6,4

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	1 794	55
Nb moyen de générations remontées	7,3	6,2
Nb moyen d'ancêtres connus	1 151	466
Nb maximum de générations remontées	20	15

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	1 896
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	54
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	31
Ratio Ae/Fe	57,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	7,4%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	11

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR6270032131	ERGOT	M	1970	7,4%	7,4%	7,4%
2	FR5991005370	GAULOIS	M	1991	6,6%	6,2%	13,6%
3	FR6204103580	PEDRO	M	1999	6,1%	6,1%	19,7%
4	FR6273000127	IRONNE	F	1973	5,8%	5,3%	24,9%
5	FR0000066409	VEJANE	F	1965	4,6%	4,4%	29,3%
6	FR6275000374		M	1975	4,5%	4,3%	33,6%
7	FRDK00031456	HV KJELD	M	1976	5,1%	4,3%	37,9%
8	FR6290000102	FLAMBEAU	M	1990	4,9%	4,1%	42,0%
9	FR6293000122	IRAN	M	1993	4,6%	3,8%	45,8%
10	FR5997030232	NIMPRIS	M	1997	6,3%	3,7%	49,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,3
Consanguinité moyenne (%)	3,3
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,5
Parenté (%)	4,6
Consanguinité des parents (%)	2,9
Parentés des parents (%)	3,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	78
Taille efficace (méthode démographique)	291

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

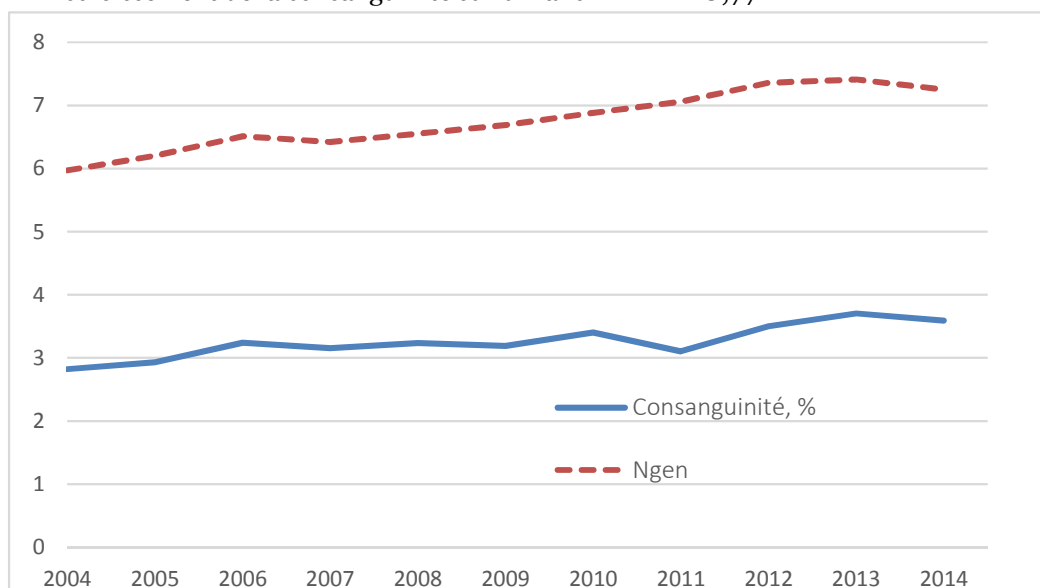
0% de consanguinité	8,5%
entre 0 à 3,125% inclus	44,8%
entre 3,125% à 6,25% inclus	38,6%
entre 6,25% à 12,5% inclus	6,9%
entre 12,5% à 25% inclus	1,0%
plus de 25%	0,2%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 8,2%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

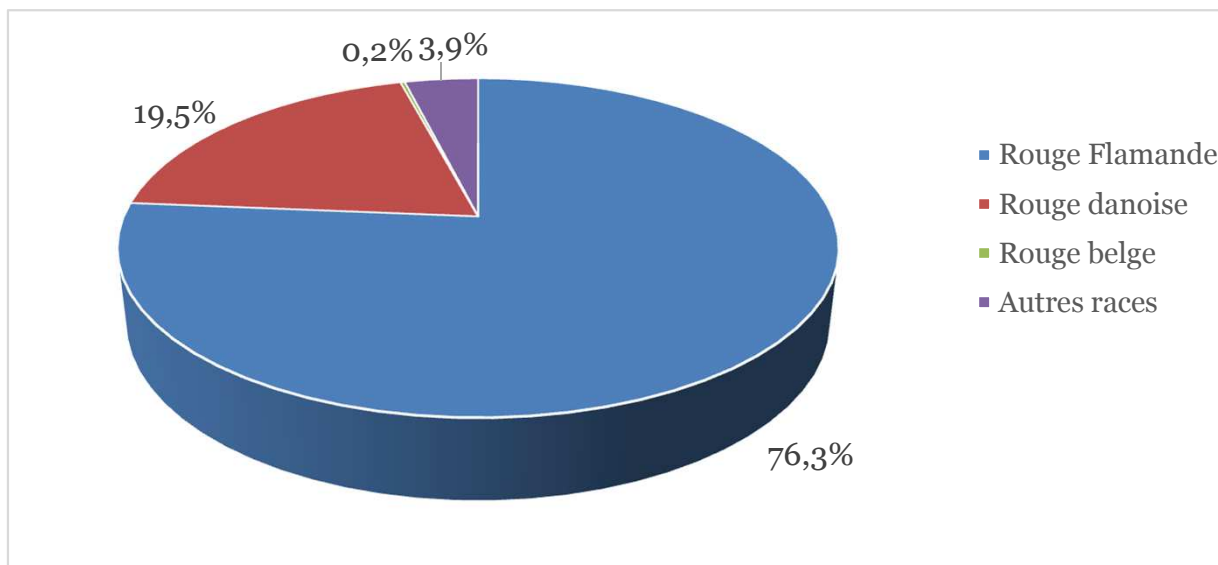
0,77



Gènes étrangers

Composition de la population femelle

2011 -2014



Evolution des gènes étrangers **(population femelle)**

