

VOSGIENNE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2012 -2015

Femelles

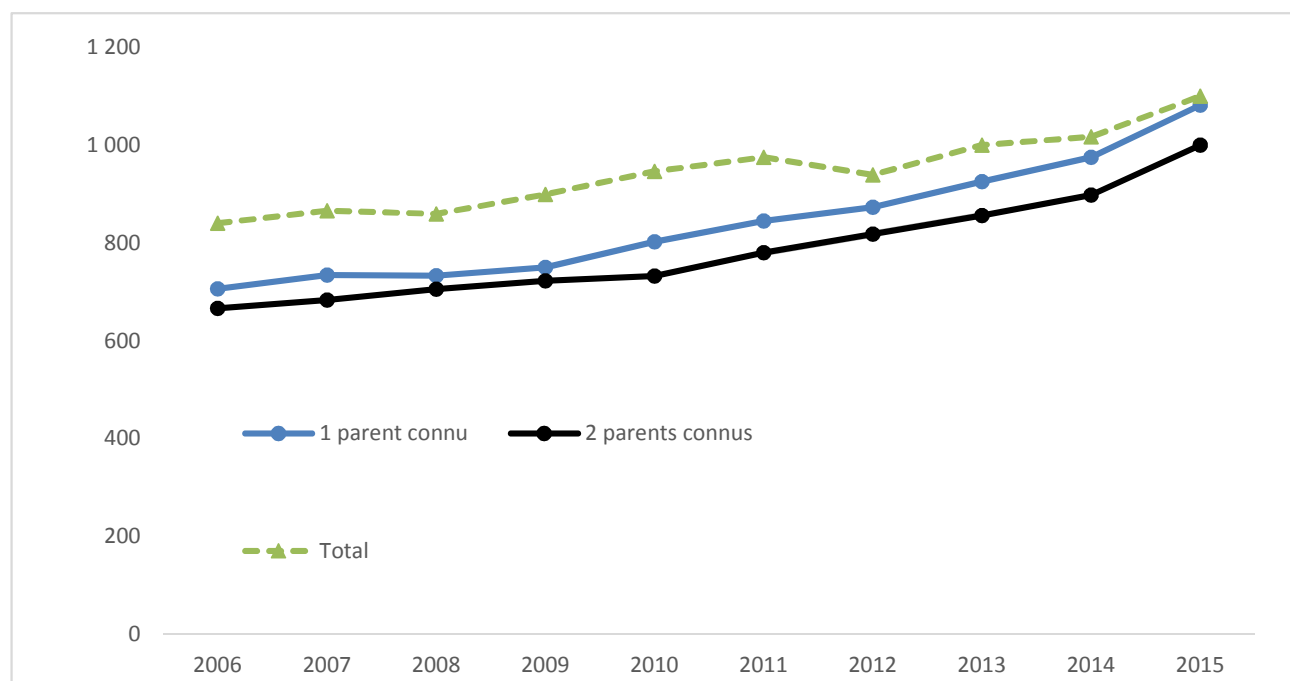
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	3 833	56
Nb pères différents	107	38
Nb max de descendants par père	388	3
Nb grands-pères paternels différents	48	33
Nb max de descendants par GPP	486	6
Nb mères différentes	2 621	49
Nb max de descendants par mère	7	3
Nb grands-pères maternels différents	113	33
Nb max de descendants par GPM	364	7
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 550	56

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 87%

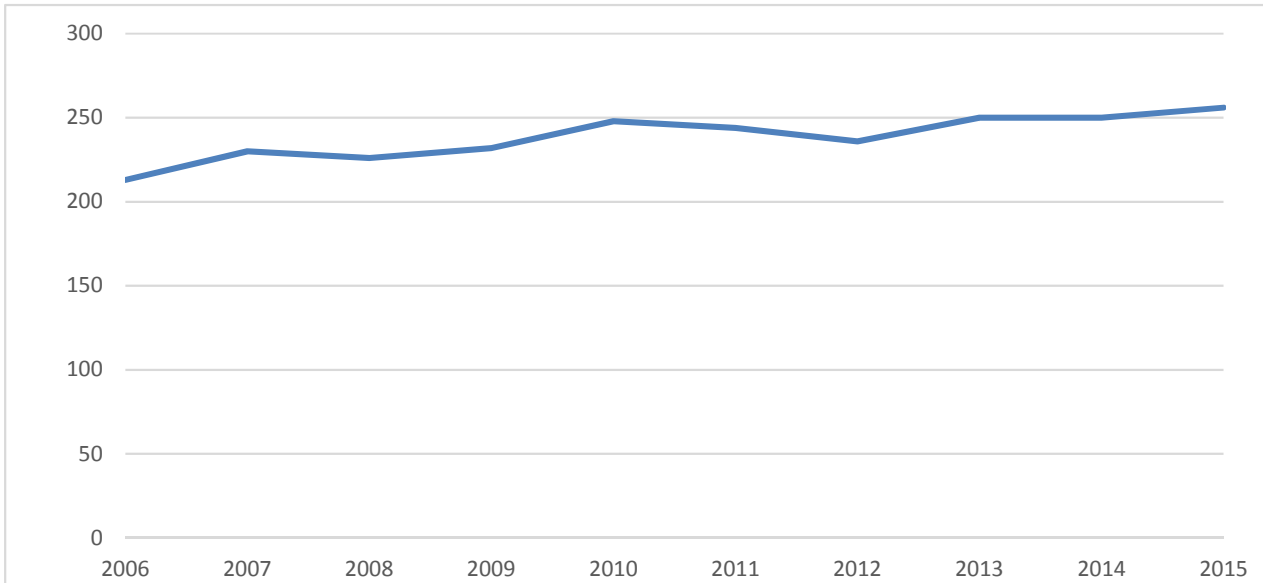
% femelles issues IA 84

Evolution de la population femelle

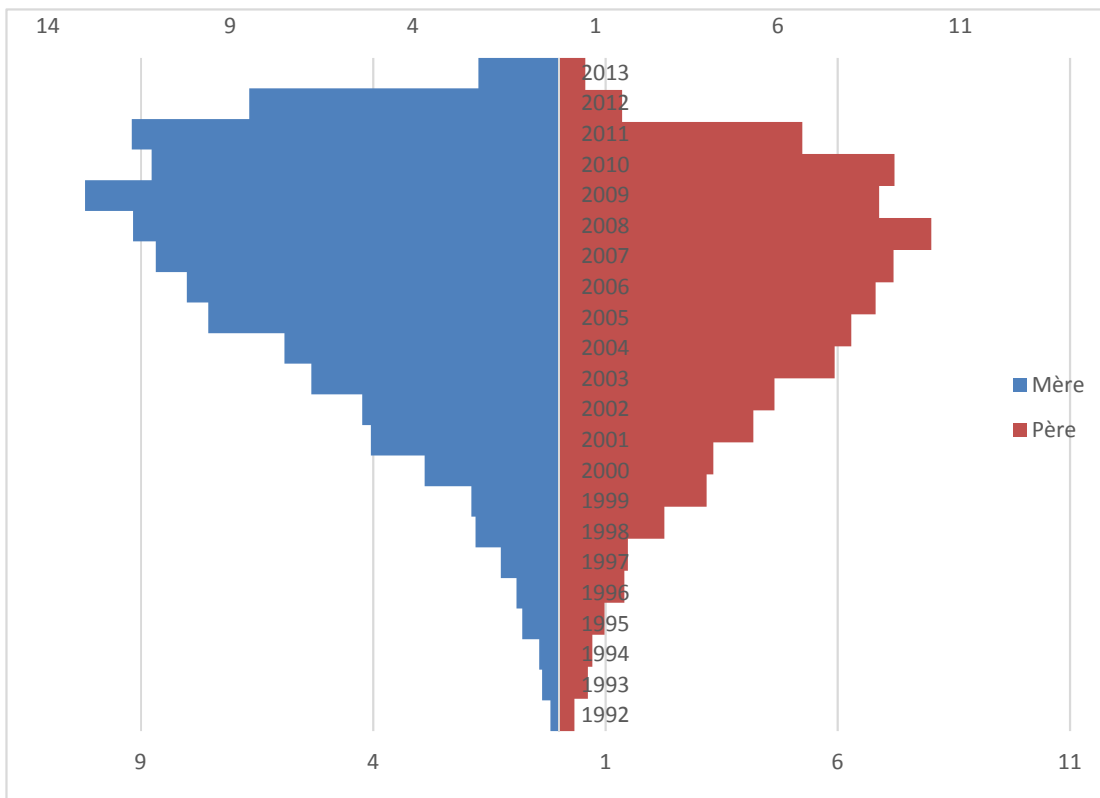
Croissance démographique ●14

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

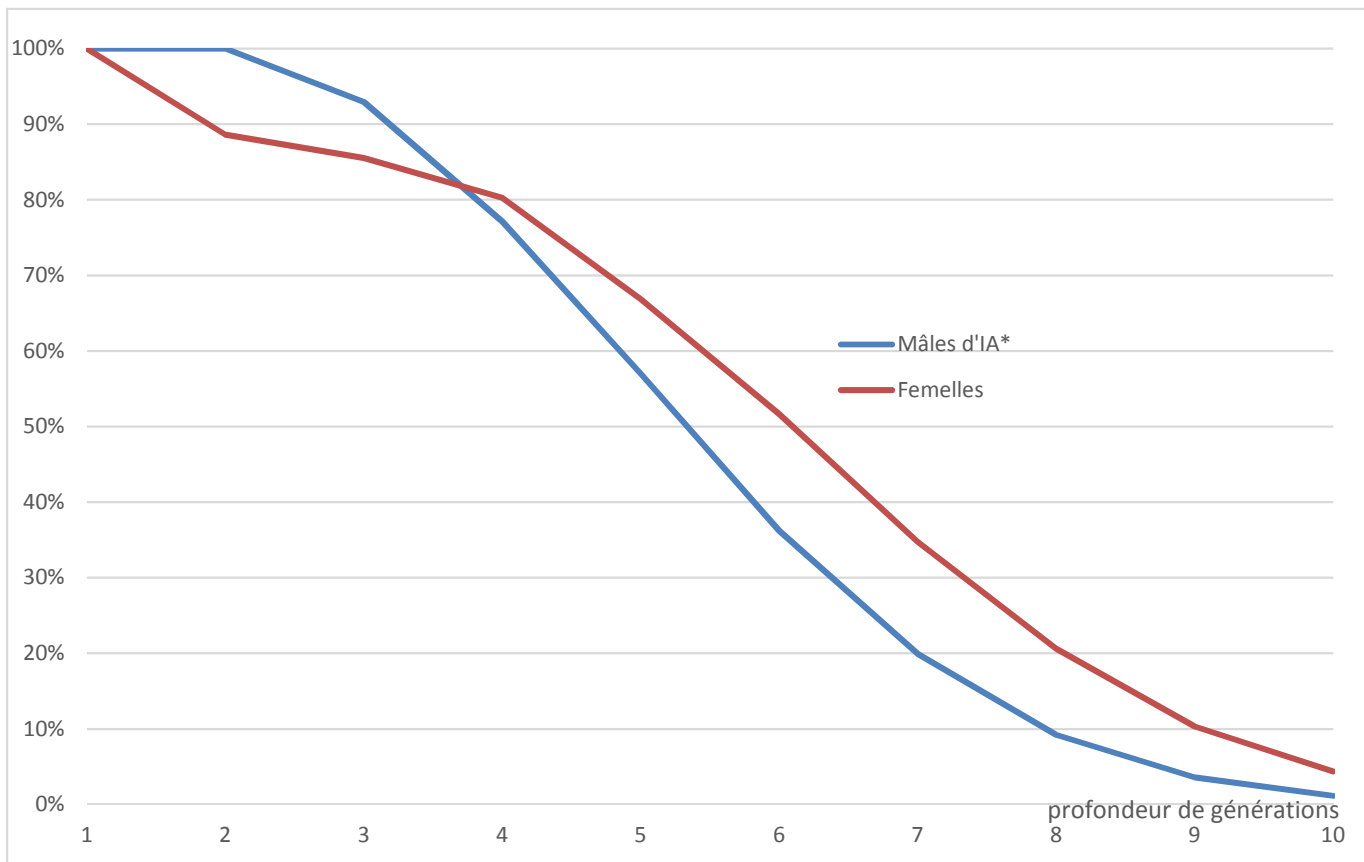
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	8,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	8,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	6,0
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,6
Moyenne 4 voies	7,3

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	3 550	56
Nb moyen de générations remontées	5.5	5.0
Nb moyen d'ancêtres connus	343	159
Nb maximum de générations remontées	19	15

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	2 630
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	67
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	21
Ratio Ae/Fe	31,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	10,8%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	7

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR6890006028	FILOU	M	1990	10,8%	10,8%	10,8%
2	FR6872120106	OCHINO	M	1972	10,2%	10,2%	21,0%
3	FR8879007335	POMPON	M	1979	9,4%	9,4%	30,4%
4	FR6878006726	OMAR	M	1978	8,1%	8,1%	38,4%
5	FR8892005687	HERBERT	M	1992	5,6%	4,9%	43,3%
6	FR6701501385	PAULETTE	F	1978	3,9%	3,9%	47,2%
7	FR7079008100	PONETTE	F	1979	4,0%	3,3%	50,5%
8	FR6780004463	RADAR	M	1980	2,6%	2,6%	53,1%
9	FR6882200612	TROUDIE	F	1982	2,3%	2,3%	55,3%
10	FR6891000977	GREDEL	F	1991	3,0%	2,3%	57,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,5
Consanguinité moyenne (%)	2,8
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,8
Parenté (%)	4,8
Consanguinité des parents (%)	2,0
Parentés des parents (%)	2,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	57
Taille efficace (méthode démographique)	411

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

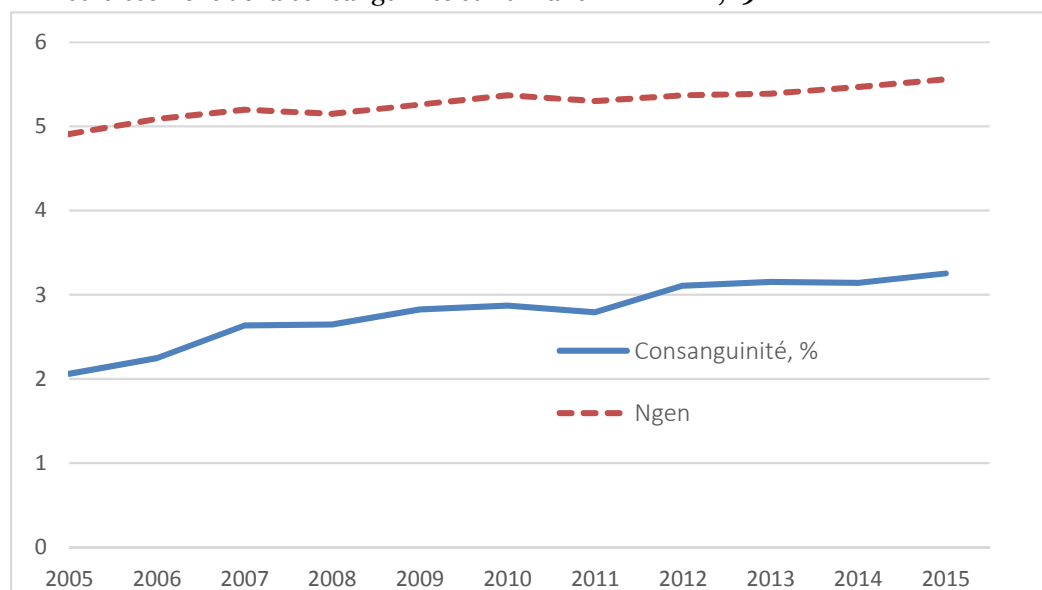
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	17,4%
entre 0 à 3,125% inclus	42,6%
entre 3,125% à 6,25% inclus	31,8%
entre 6,25% à 12,5% inclus	7,3%
entre 12,5% à 25% inclus	0,8%
plus de 25%	0,1%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	8,2%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

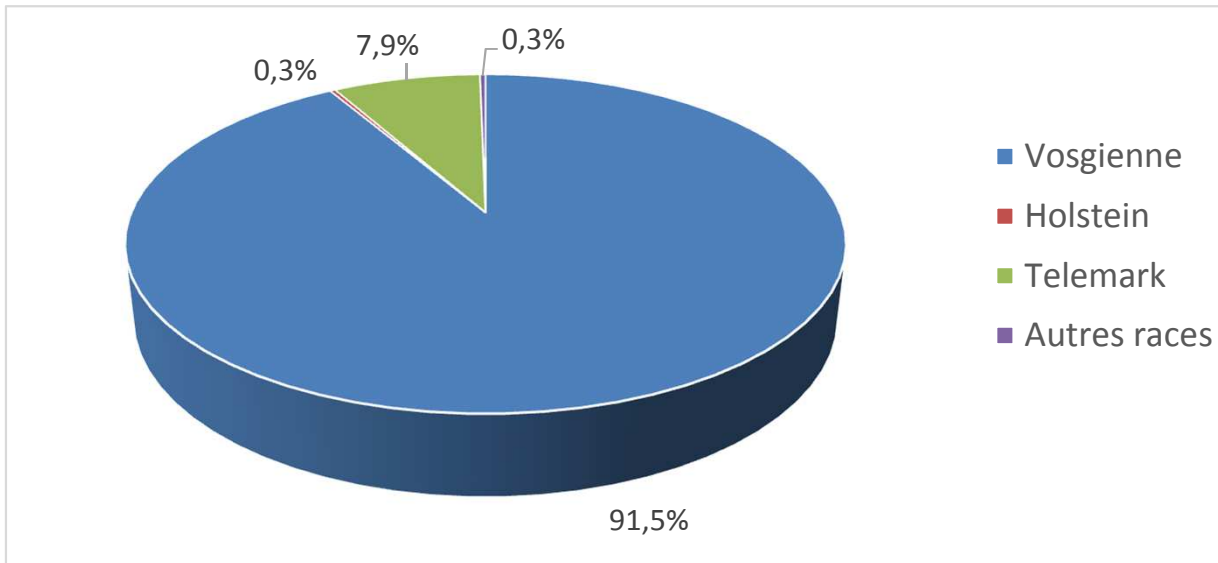
1,19



Gènes étrangers

Composition de la population femelle

2012 -2015



Evolution des gènes étrangers (population femelle)

