

**NORMANDE****Informations démographiques**

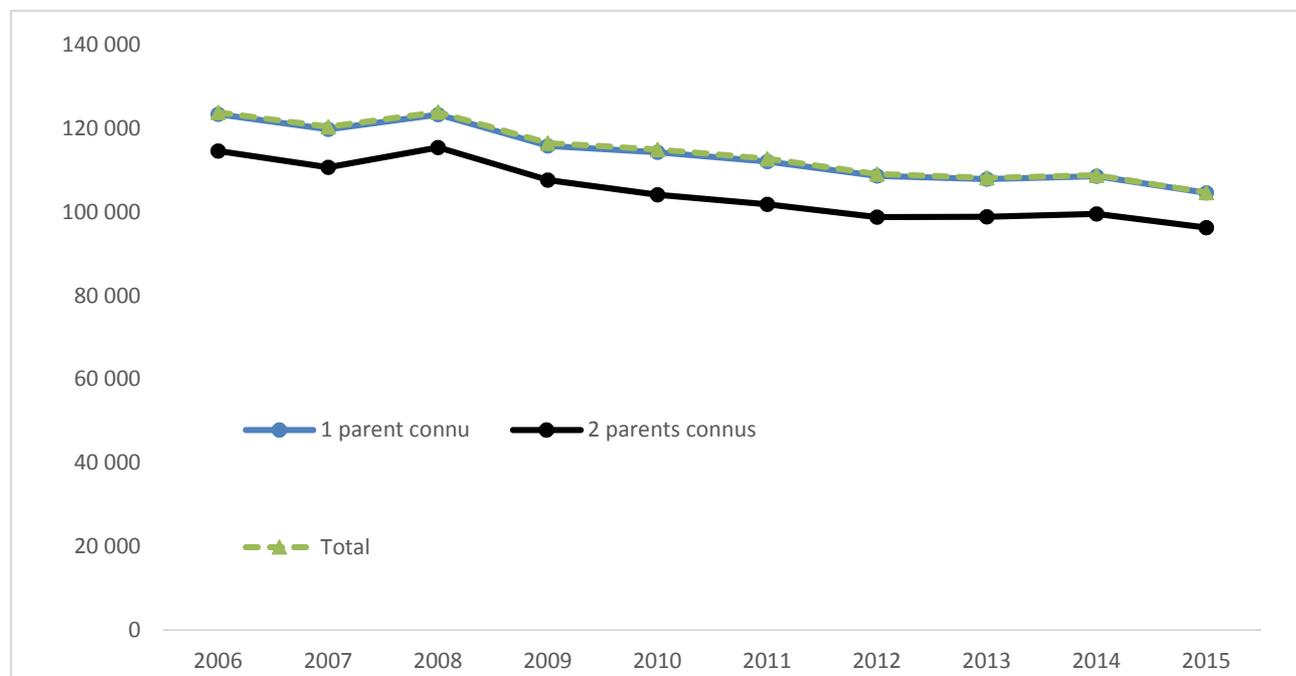
Période de naissance des femelles 2012 -2015

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	429 597	756
Nb pères différents	1 524	213
Nb max de descendants par père	15 870	31
Nb grands-pères paternels différents	319	102
Nb max de descendants par GPP	32 842	47
Nb mères différentes	307 544	674
Nb max de descendants par mère	16	4
Nb grands-pères maternels différents	3 421	102
Nb max de descendants par GPM	14 966	40
Nb d'animaux avec deux parents connus	393 387	756

\* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 91%

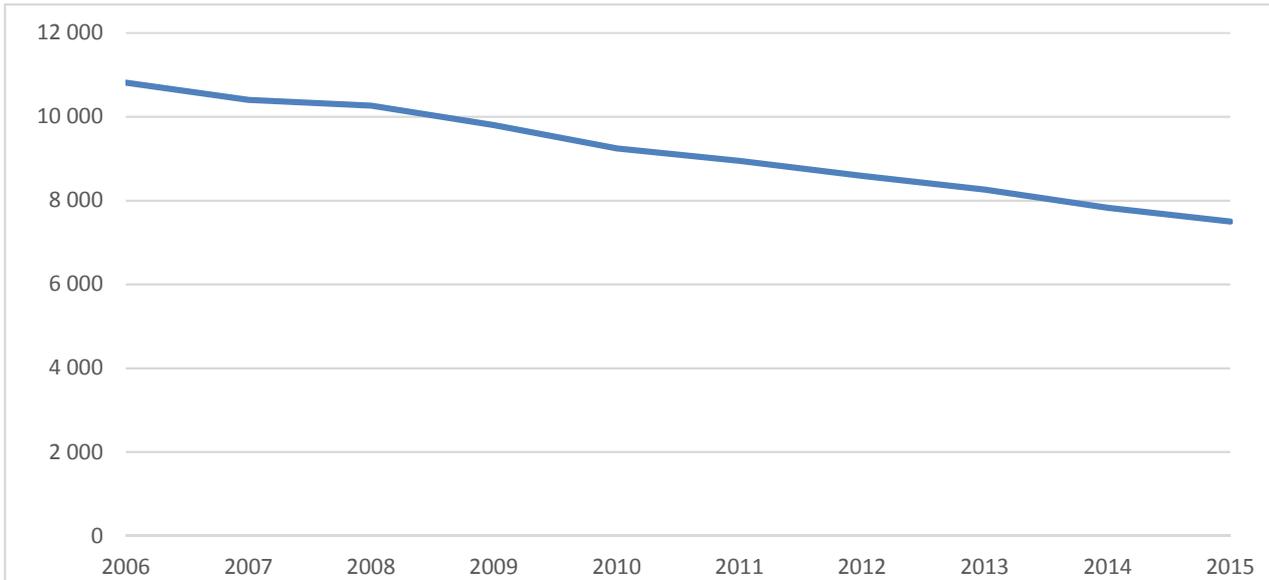
% femelles issues IA 90

**Evolution de la population femelle**

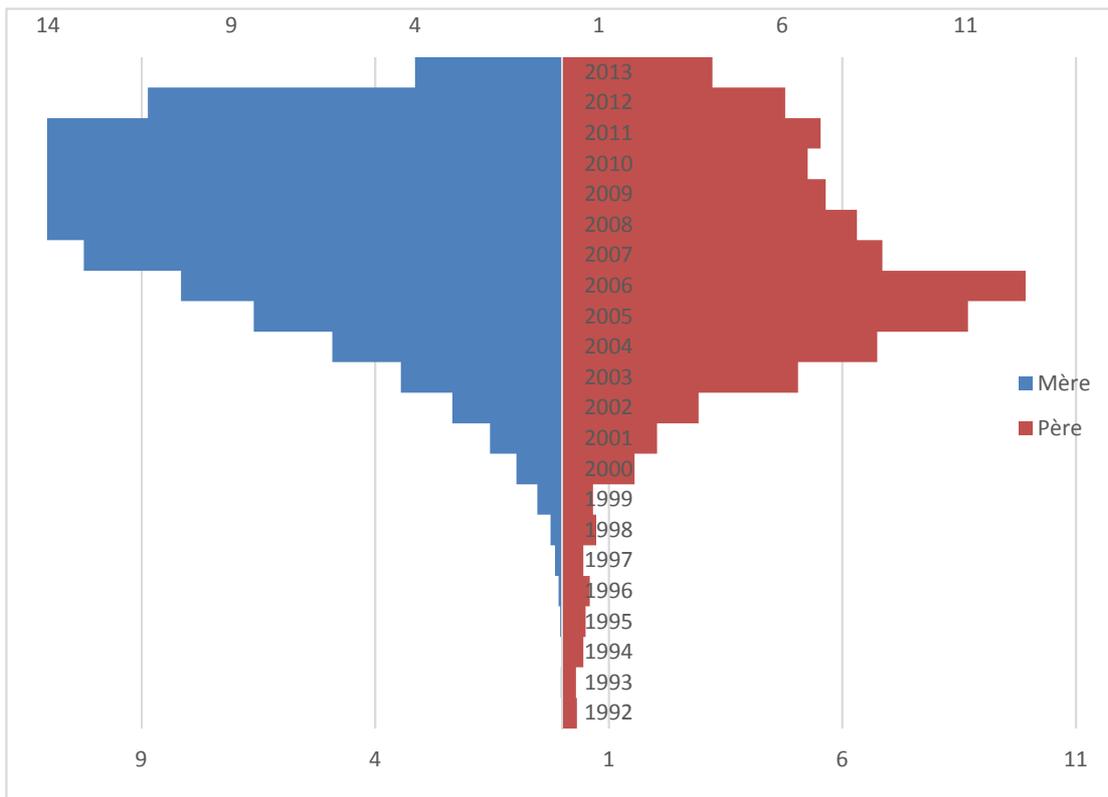
Croissance démographique ●-9

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

### Evolution du nombre de naisseurs



### Pyramide des âges de la population active femelle (%)



### Intervalle de générations des animaux reproducteurs

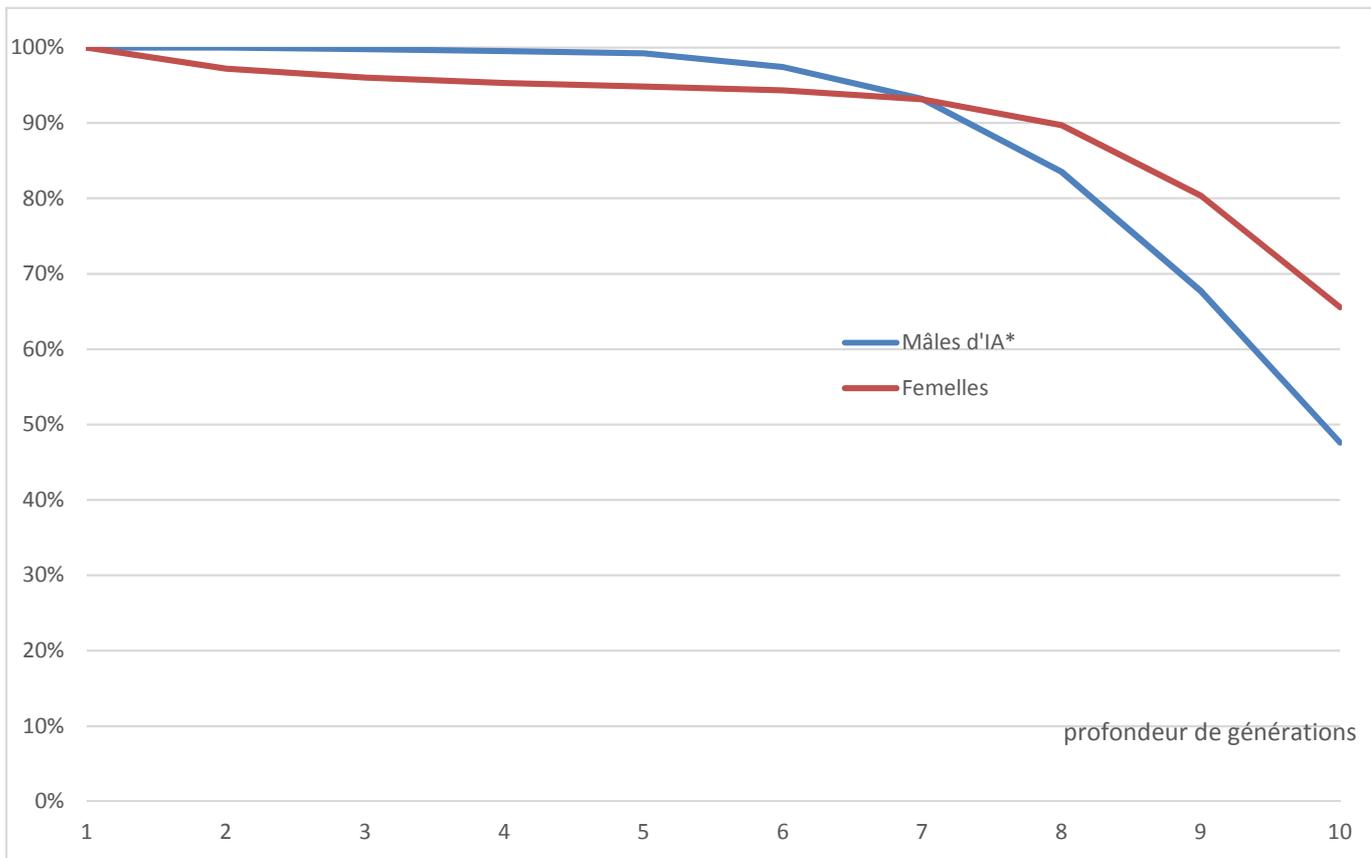
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	7,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	7,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,7
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,4
Moyenne 4 voies	6,0

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	393 387	756
Nb moyen de générations remontées	9,9	9,3
Nb moyen d'ancêtres connus	4 901	2 709
Nb maximum de générations remontées	28	21

\* père des femelles

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	110 733
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	80
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	21
Ratio Ae/Fe	26,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	12,5%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	8

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR7279014430	PARAMETRE	M	1979	12,5%	12,5%	12,5%
2	FR0194556P23	NICK	M	1961	9,9%	8,3%	20,8%
3	FR0245645L28	NEUILLY	M	1958	8,6%	7,1%	27,9%
4	FR6185008014	ARMENIA	M	1985	6,3%	6,3%	34,2%
5	FR6184008946	VALABRI	M	1984	7,5%	5,6%	39,8%
6	FR5389014161	ELIXIR	M	1989	5,4%	4,6%	44,4%
7	FR6173002201	IGUATU	M	1973	5,9%	4,3%	48,7%
8	FR5382025737	TUNISIE	F	1982	5,6%	4,0%	52,7%
9	FR2290023403	FOIX	M	1990	4,5%	3,9%	56,6%
10	FR4484034157	VODENA	M	1984	5,7%	3,7%	60,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## **Probabilité d'identité des gènes**

Nombre de générations connues	9,9
Consanguinité moyenne (%)	4,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	5,7
Consanguinité des parents (%)	4,2
Parentés des parents (%)	4,8
Taille efficace (méthode Cervantès)	84
Taille efficace (méthode démographique)	6 066

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### **Répartition de la consanguinité**

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	5,1%
entre 0 à 3,125% inclus	14,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	62,7%
entre 6,25% à 12,5% inclus	18,0%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,0%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	18,3%

### **Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)**

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

1,46

