

NORMANDE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

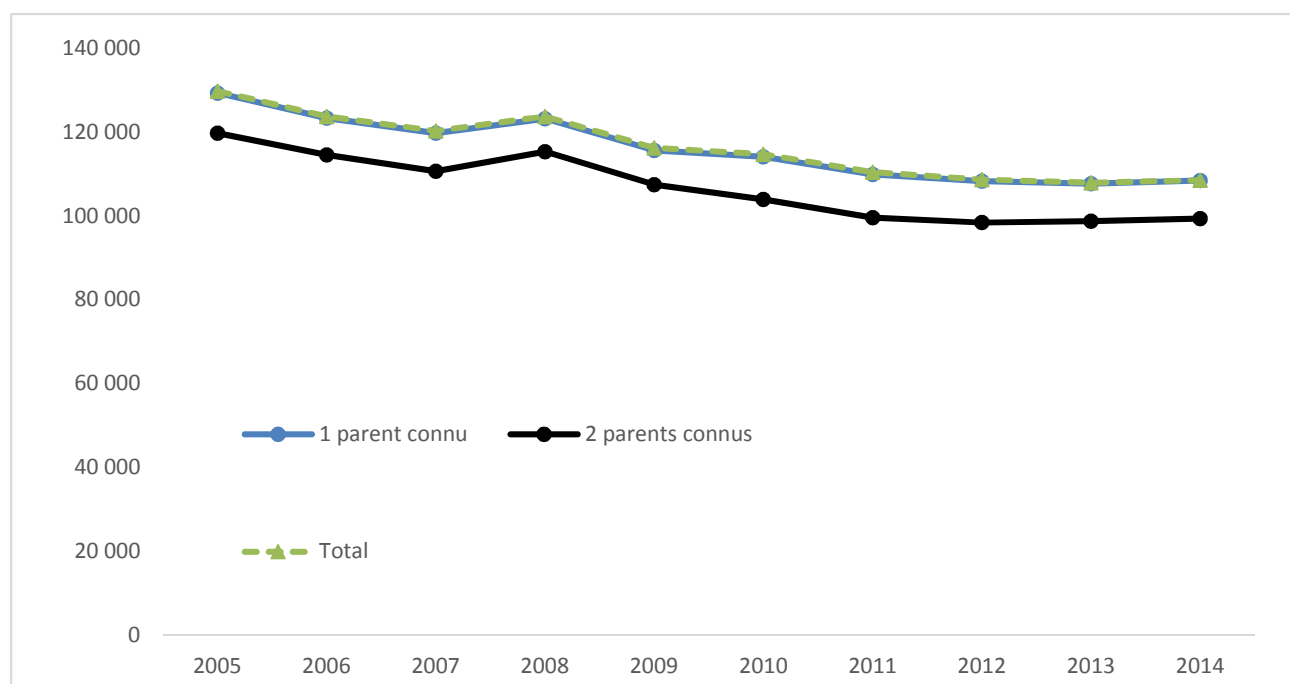
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	434 019	750
Nb pères différents	1 553	177
Nb max de descendants par père	16 543	31
Nb grands-pères paternels différents	265	93
Nb max de descendants par GPP	29 790	62
Nb mères différentes	311 309	657
Nb max de descendants par mère	16	4
Nb grands-pères maternels différents	3 639	93
Nb max de descendants par GPM	14 239	41
Nb d'animaux avec deux parents connus	395 902	750

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 91%

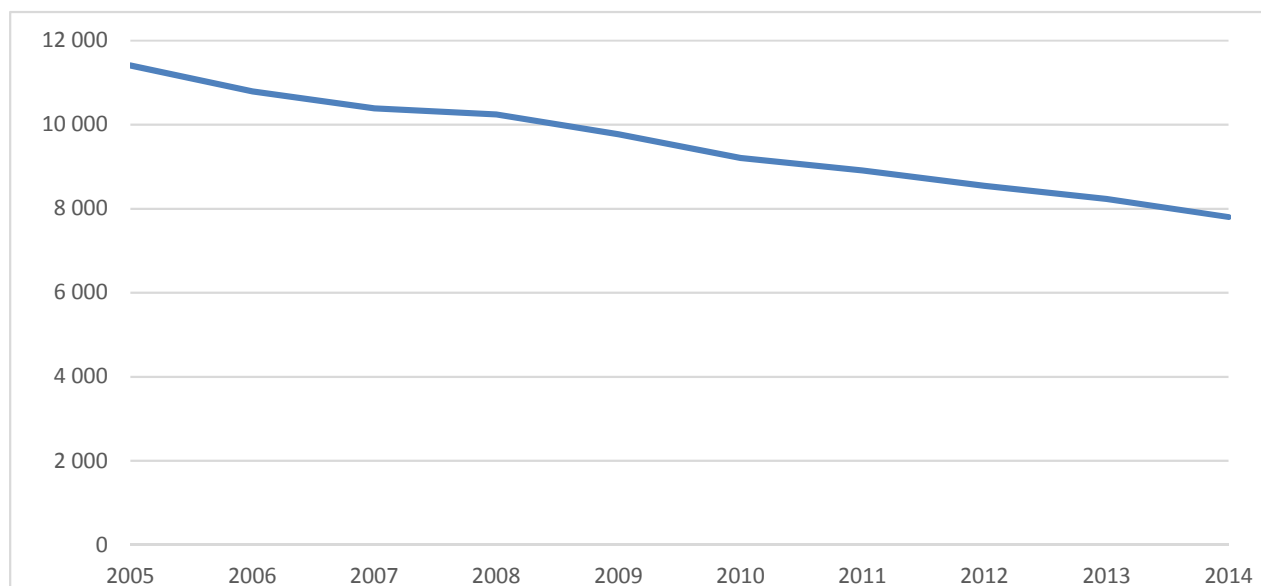
% femelles issues IA 90

Evolution de la population femelle

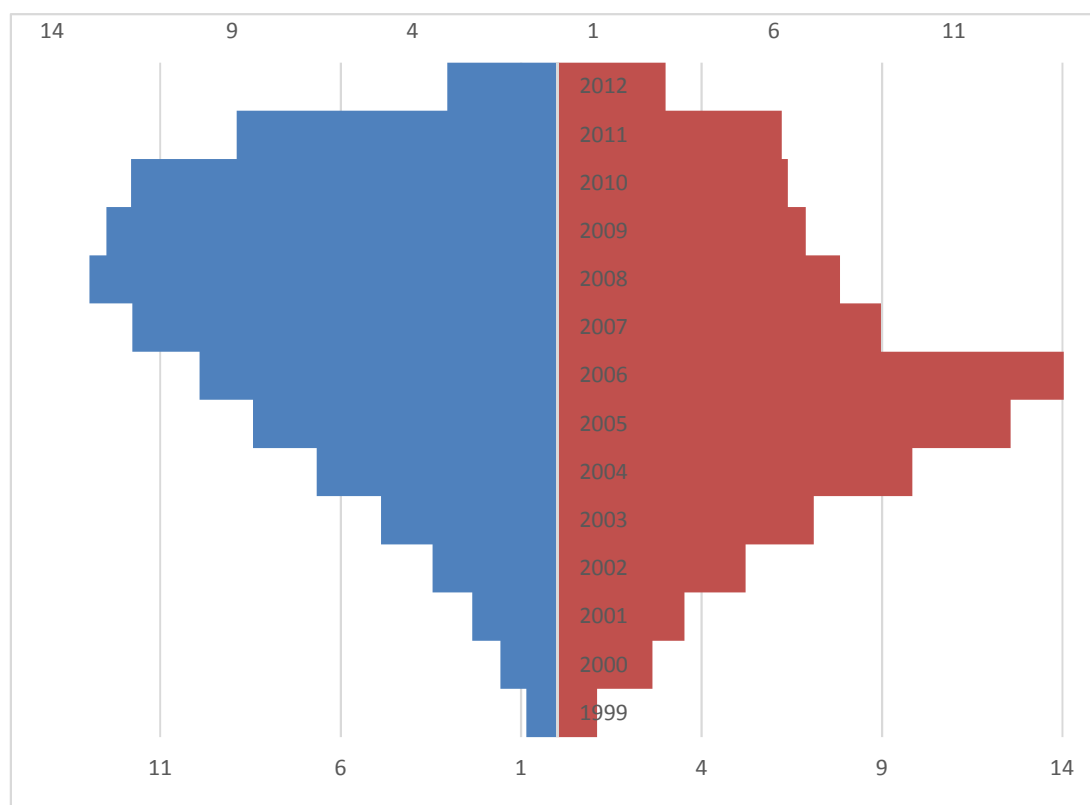
Croissance démographique 🟡-10

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

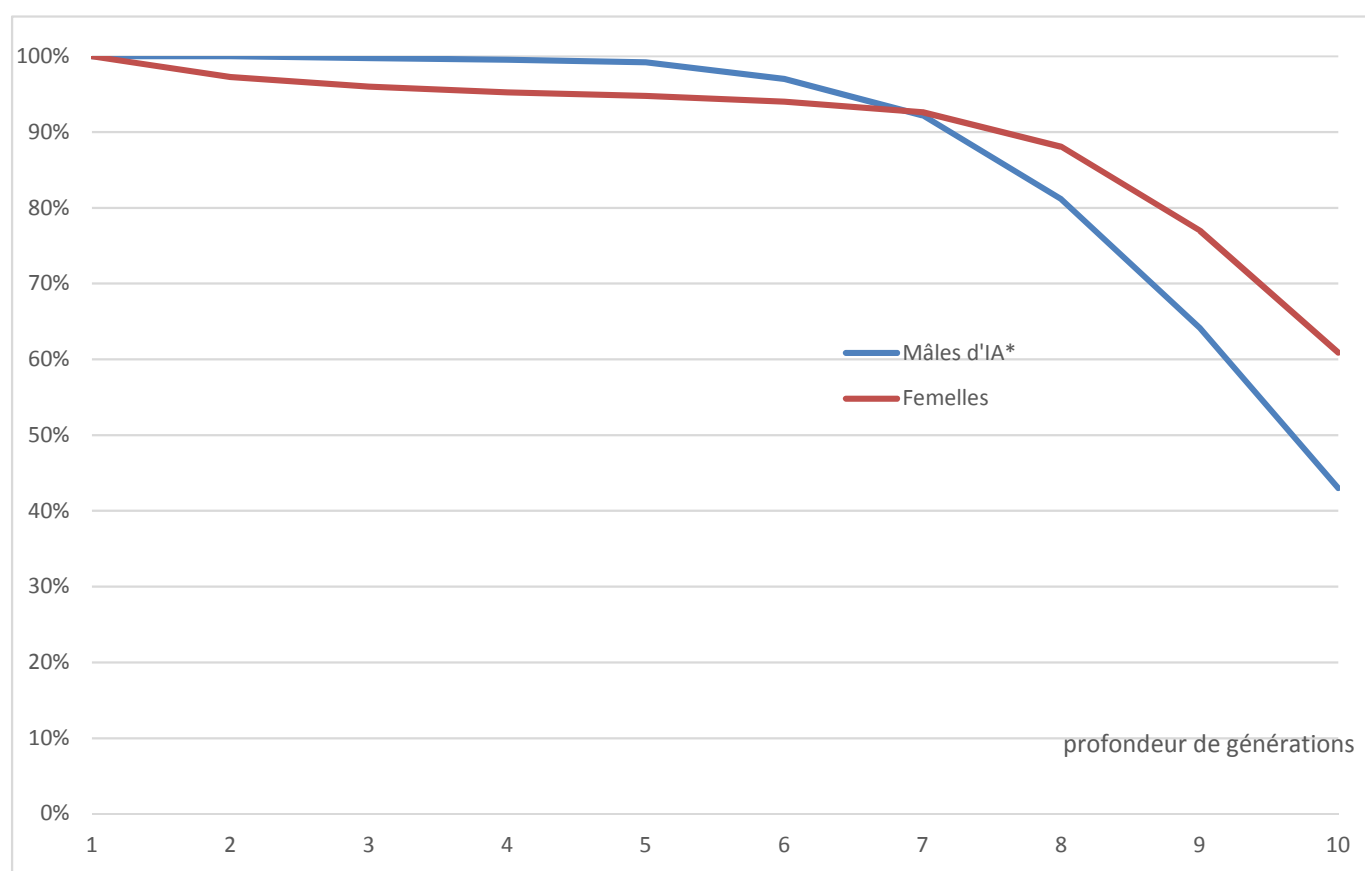
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	7,4
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	7,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,7
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,4
Moyenne 4 voies	6,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	395 902	750
Nb moyen de générations remontées	9,6	9,1
Nb moyen d'ancêtres connus	3 968	2 243
Nb maximum de générations remontées	28	20

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	111 691
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	80
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	21
Ratio Ae/Fe	26,8%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	12,4%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	8

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR7279014430	PARAMETRE	M	1979	12,4%	12,4%	12,4%
2	FR0194556P23	NICK	M	1961	9,9%	8,3%	20,7%
3	FR0245645L28	NEUILLY	M	1958	8,6%	7,1%	27,8%
4	FR6185008014	ARMENIA	M	1985	6,3%	6,3%	34,0%
5	FR6184008946	VALABRI	M	1984	7,6%	5,7%	39,7%
6	FR5389014161	ELIXIR	M	1989	5,5%	4,8%	44,5%
7	FR6173002201	IGUATU	M	1973	5,7%	4,2%	48,7%
8	FR5382025737	TUNISIE	F	1982	5,6%	4,0%	52,7%
9	FR2290023403	FOIX	M	1990	4,5%	3,9%	56,5%
10	FR4484034157	VODENA	M	1984	5,7%	3,8%	60,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	9,6
Consanguinité moyenne (%)	4,5
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	5,6
Consanguinité des parents (%)	4,1
Parentés des parents (%)	4,7
Taille efficace (méthode Cervantès)	84
Taille efficace (méthode démographique)	6 181

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	5,3%
entre 0 à 3,125% inclus	17,3%
entre 3,125% à 6,25% inclus	60,7%
entre 6,25% à 12,5% inclus	16,4%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 16,7%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

1,69

