

MONTBELIARDE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

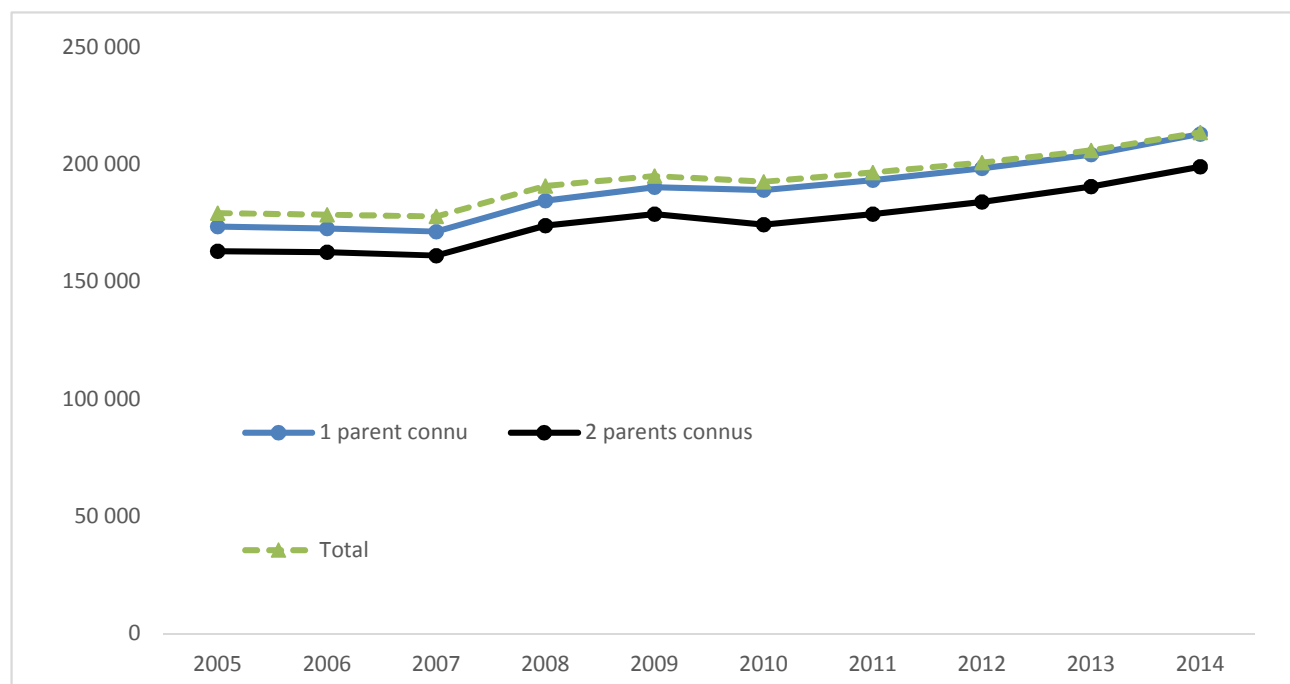
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	807 534	1 072
Nb pères différents	5 689	305
Nb max de descendants par père	29 230	28
Nb grands-pères paternels différents	970	149
Nb max de descendants par GPP	113 739	87
Nb mères différentes	549 648	944
Nb max de descendants par mère	30	6
Nb grands-pères maternels différents	10 591	149
Nb max de descendants par GPM	43 960	91
Nb d'animaux avec deux parents connus	751 296	1 072

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 92%

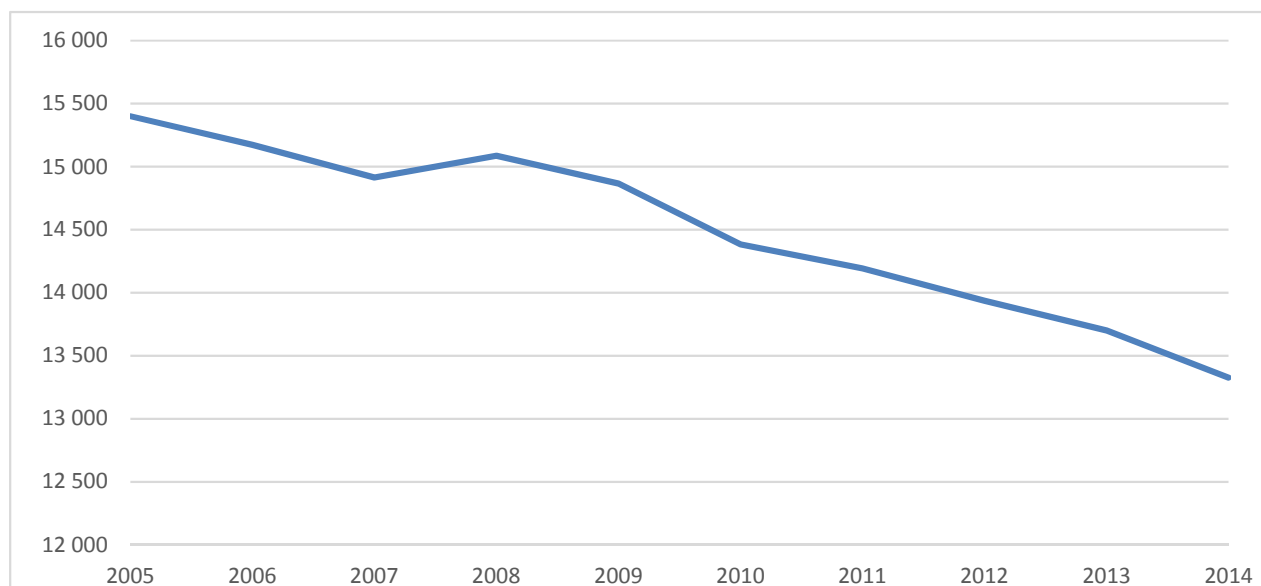
% femelles issues IA 87

Evolution de la population femelle

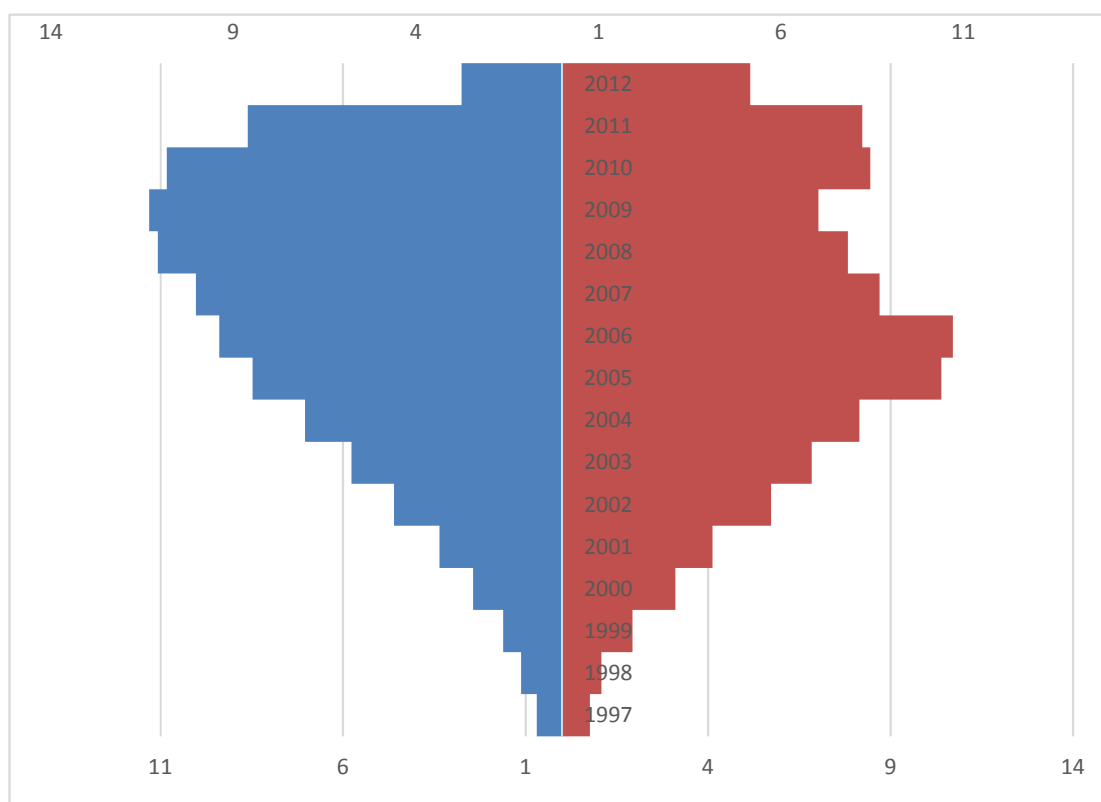
Croissance démographique ●10

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

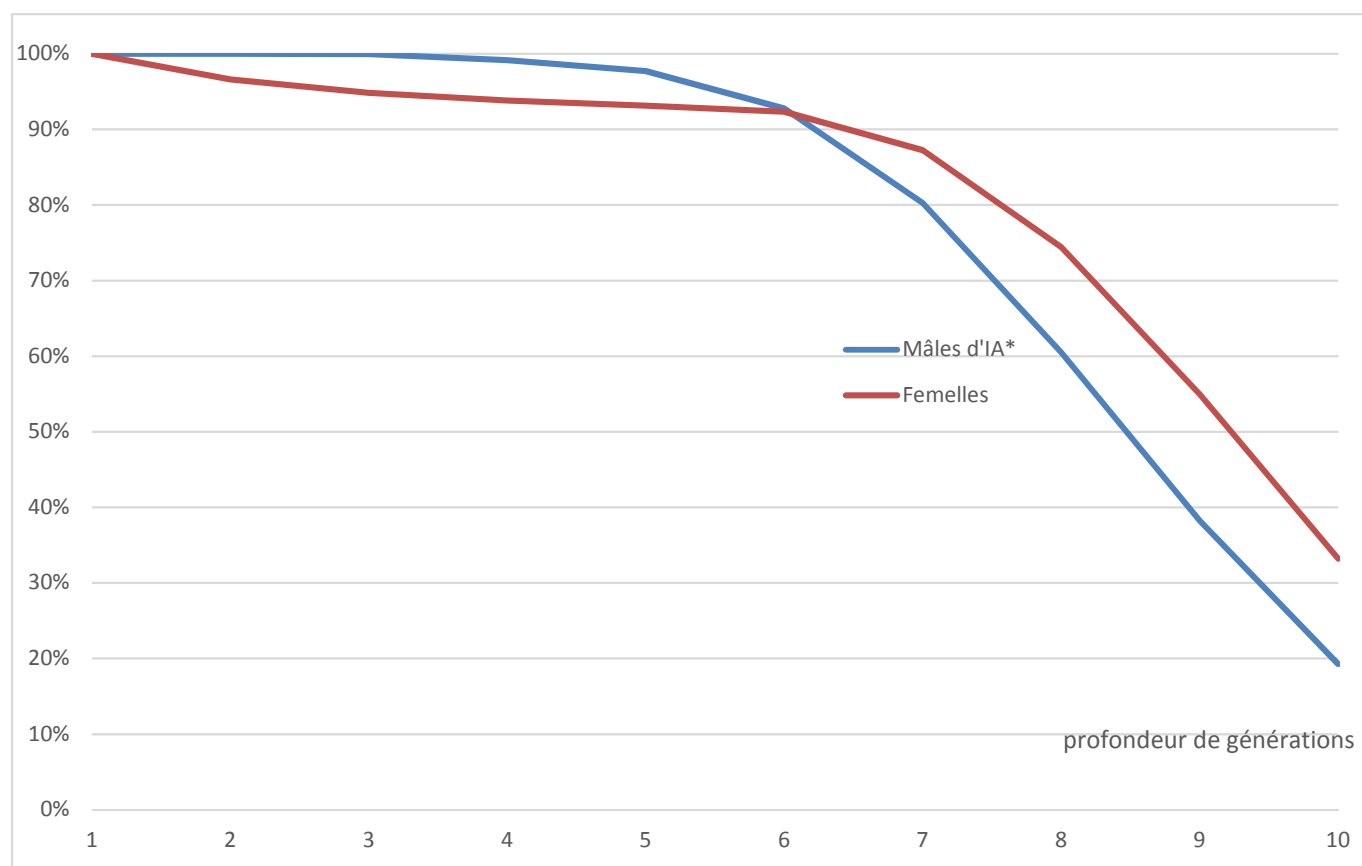
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	7,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	7,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,3
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,8
Moyenne 4 voies	6,3

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	751 296	1 072
Nb moyen de générations remontées	8,5	8,0
Nb moyen d'ancêtres connus	1 900	1 119
Nb maximum de générations remontées	22	19

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	178 622
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	66
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	18
Ratio Ae/Fe	26,8%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	15,2%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	6

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR7176060311	MARTIEN	M	1976	15,2%	15,2%	15,2%
2	FR2572016541	DEBOUT	M	1972	11,1%	11,1%	26,3%
3	FR3971002640	CORAIL	M	1971	7,4%	7,4%	33,7%
4	FR3877013344	NEWLOOK	M	1977	5,8%	5,8%	39,4%
5	FR7080007171	RHUM	M	1980	5,5%	5,5%	44,9%
6	FR0196014411	MICMAC	M	1996	8,2%	5,2%	50,1%
7	FR3990016792	FAUCON	M	1990	6,3%	4,0%	54,0%
8	FR7075000747	LISSETTE	F	1975	4,1%	3,1%	57,1%
9	FR7191071104	GARDIAN	M	1991	8,1%	3,1%	60,2%
10	FR0000185431	URANUS	M	1968	2,6%	2,6%	62,7%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	8,5
Consanguinité moyenne (%)	4,3
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	5,6
Consanguinité des parents (%)	3,8
Parentés des parents (%)	4,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	73
Taille efficace (méthode démographique)	22 523

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	7,0%
entre 0 à 3,125% inclus	17,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	60,2%
entre 6,25% à 12,5% inclus	15,2%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 15,5%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

1,49

