

CHAROLAISE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2012 -2015

Femelles

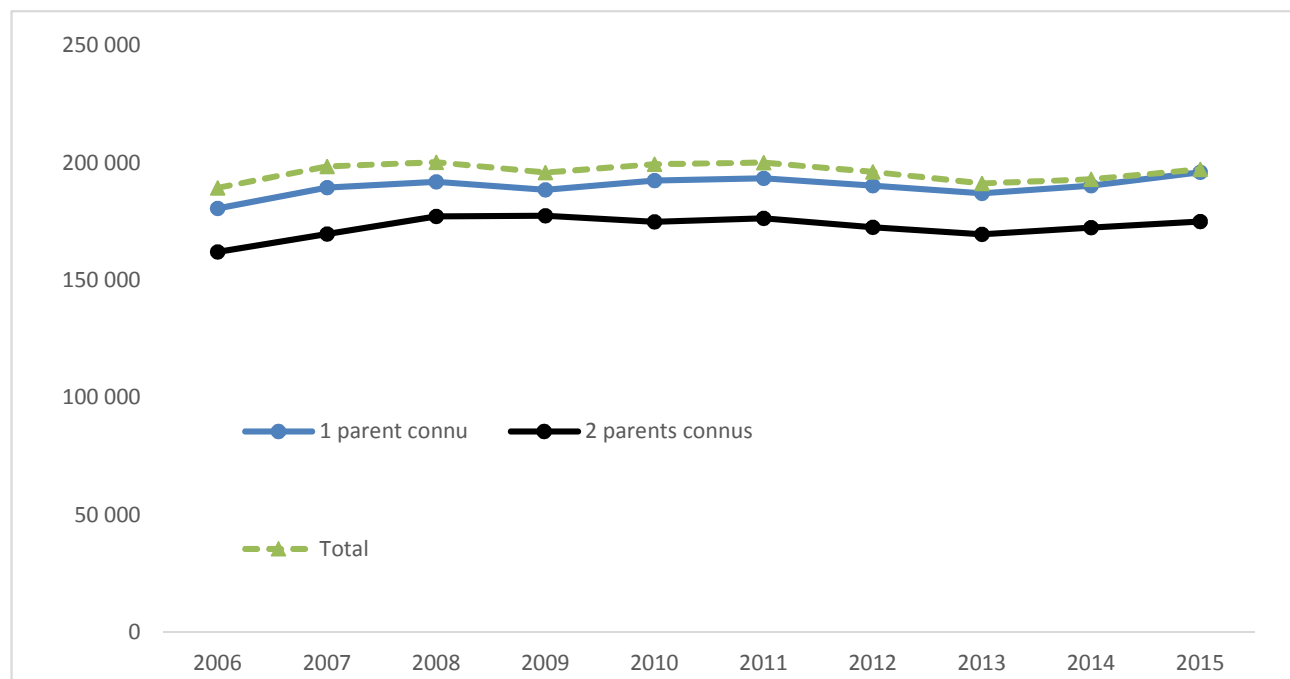
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	763 377	746
Nb pères différents	27 916	395
Nb max de descendants par père	13 639	13
Nb grands-pères paternels différents	8 104	298
Nb max de descendants par GPP	22 503	14
Nb mères différentes	491 524	698
Nb max de descendants par mère	20	3
Nb grands-pères maternels différents	41 921	298
Nb max de descendants par GPM	54 599	21
Nb d'animaux avec deux parents connus	689 461	746

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 89%

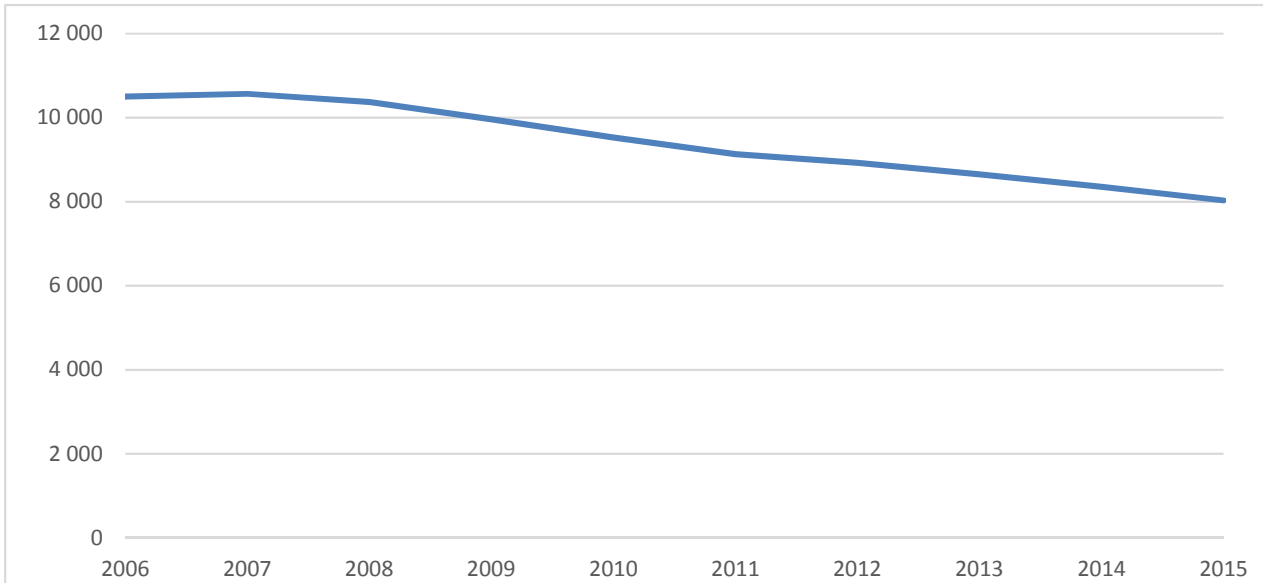
% femelles issues IA 32

Evolution de la population femelle

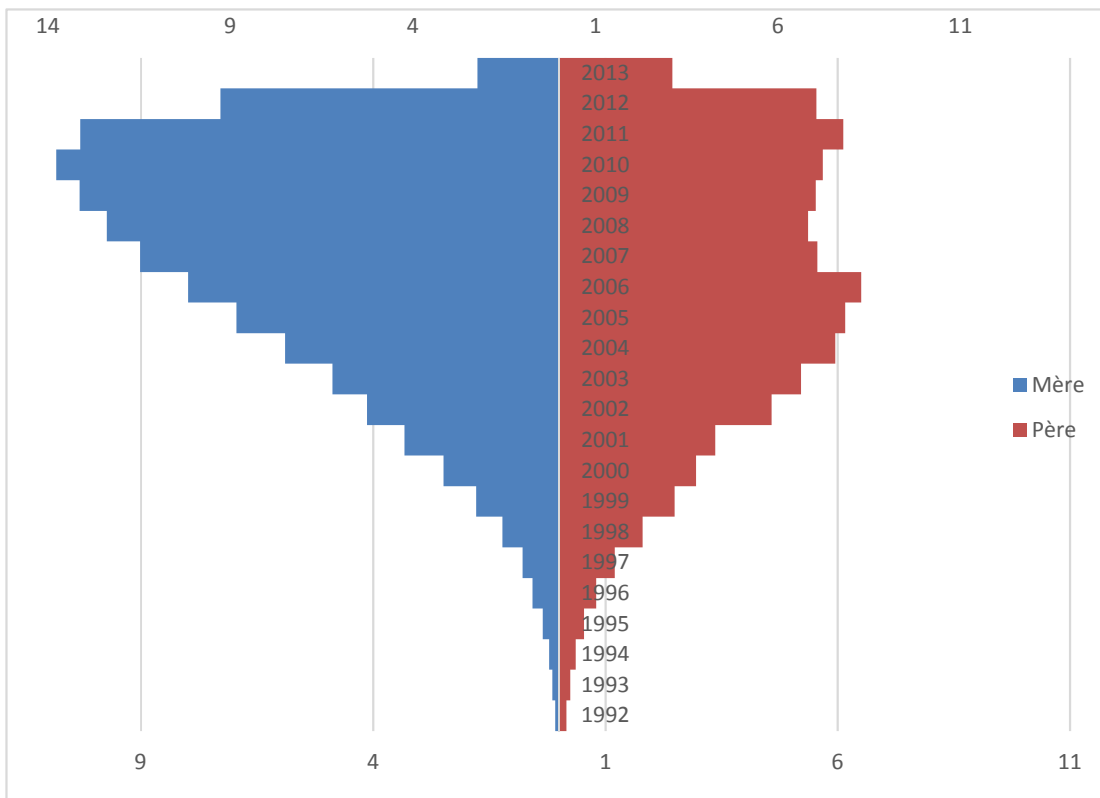
Croissance démographique ●-1

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

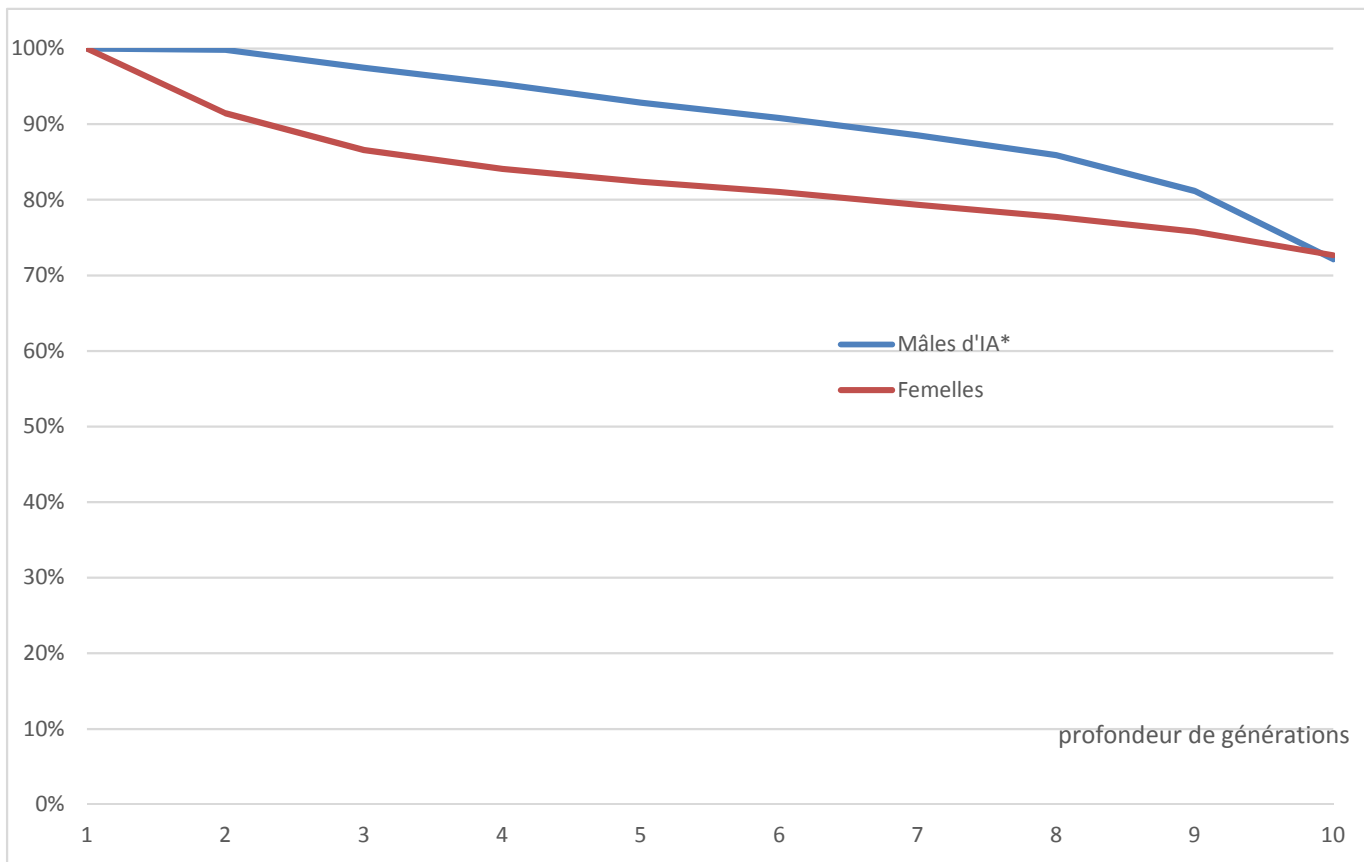
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	6,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,8
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,3
Moyenne 4 voies	5,8

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	689 461	746
Nb moyen de générations remontées	10,5	10,5
Nb moyen d'ancêtres connus	28 451	13 208
Nb maximum de générations remontées	32	24

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	196 772
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	430
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	175
Ratio Ae/Fe	40,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	2,8%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	76

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR4286100325	BLASON	M	1986	2,8%	2,8%	2,8%
2	FR0370119503	FLAMBEAU	M	1970	2,6%	2,6%	5,4%
3	FR5882101816	TILL	M	1982	2,1%	2,1%	7,5%
4	FR0384106449	VLADIMIR	M	1984	1,7%	1,7%	9,2%
5	FR8894104162	JUMPER	M	1994	1,8%	1,6%	10,8%
6	FR580793V025	VELOURS	M	1964	2,0%	1,5%	12,3%
7	FR8587103951	CONCILE	M	1987	1,6%	1,5%	13,8%
8	FR000D168012		M	1944	1,5%	1,4%	15,2%
9	FR2178102945	OFFICINE	F	1978	1,3%	1,3%	16,5%
10	FR580270S004	SYLVAIN	M	1961	1,3%	1,3%	17,8%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	10,5
Consanguinité moyenne (%)	0,8
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	0,7
Consanguinité des parents (%)	0,6
Parentés des parents (%)	0,5
Taille efficace (méthode Cervantès)	704
Taille efficace (méthode démographique)	105 663

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	22,2%
entre 0 à 3,125% inclus	74,5%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,6%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,3%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	1,2%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,3

