

CHAROLAISE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

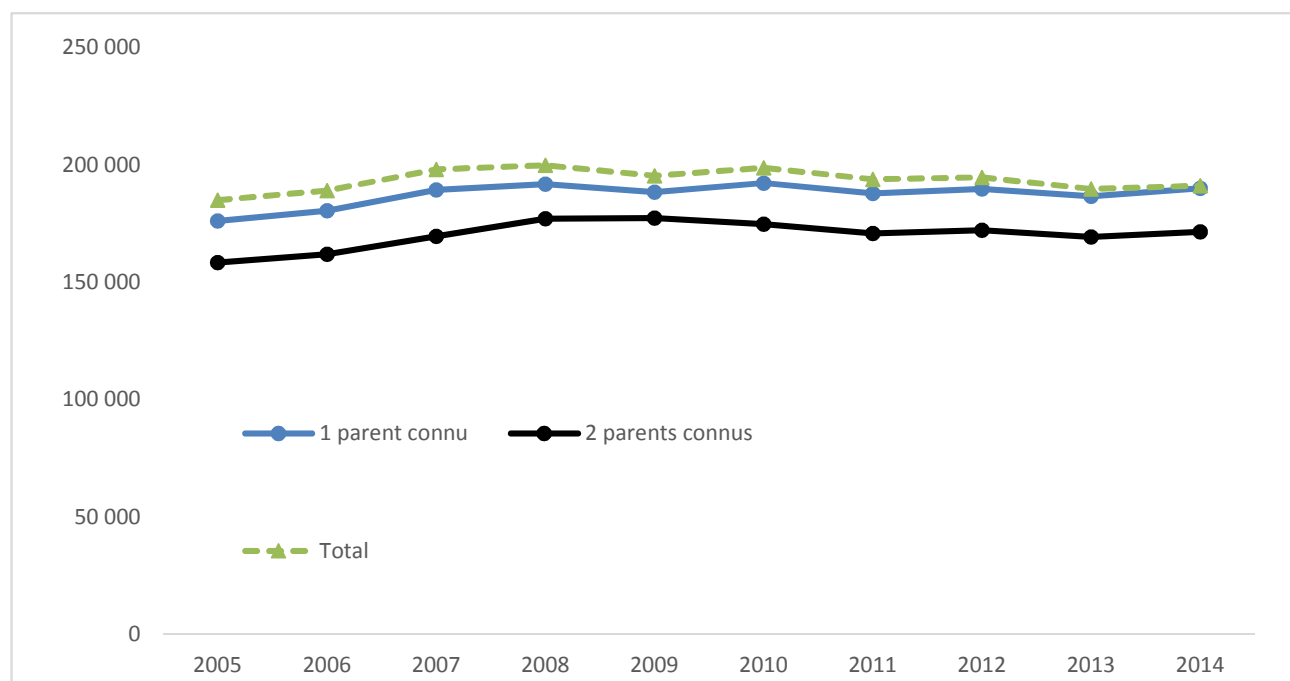
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	754 030	713
Nb pères différents	28 300	386
Nb max de descendants par père	10 936	12
Nb grands-pères paternels différents	8 196	295
Nb max de descendants par GPP	21 862	18
Nb mères différentes	487 523	665
Nb max de descendants par mère	18	3
Nb grands-pères maternels différents	41 798	295
Nb max de descendants par GPM	60 403	25
Nb d'animaux avec deux parents connus	683 369	713

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 89%

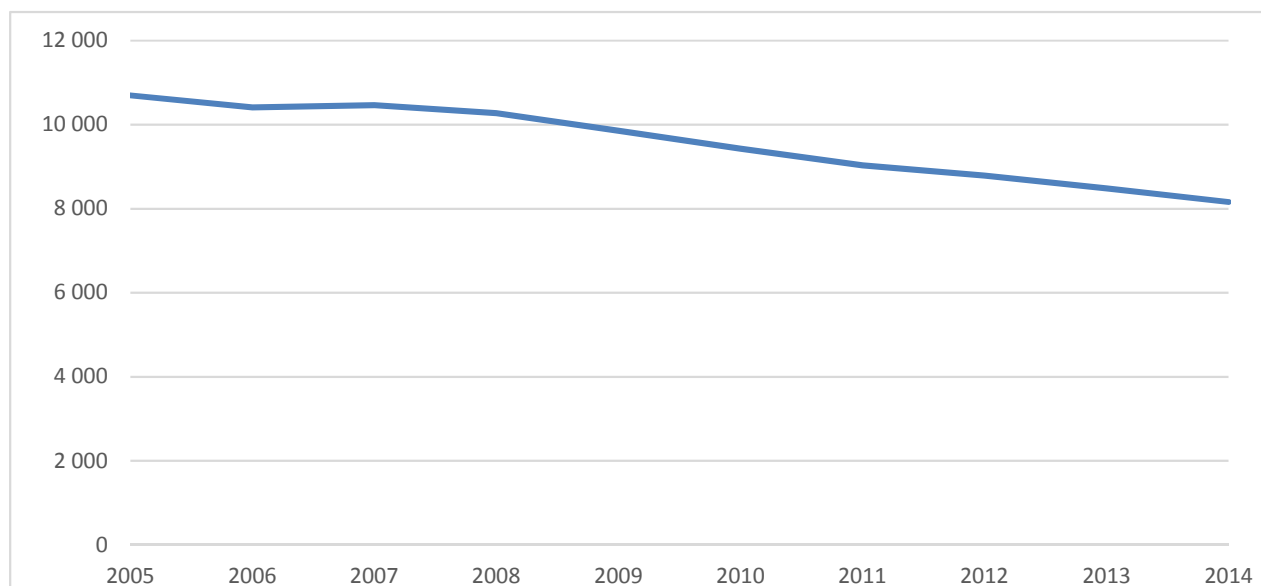
% femelles issues IA 31

Evolution de la population femelle

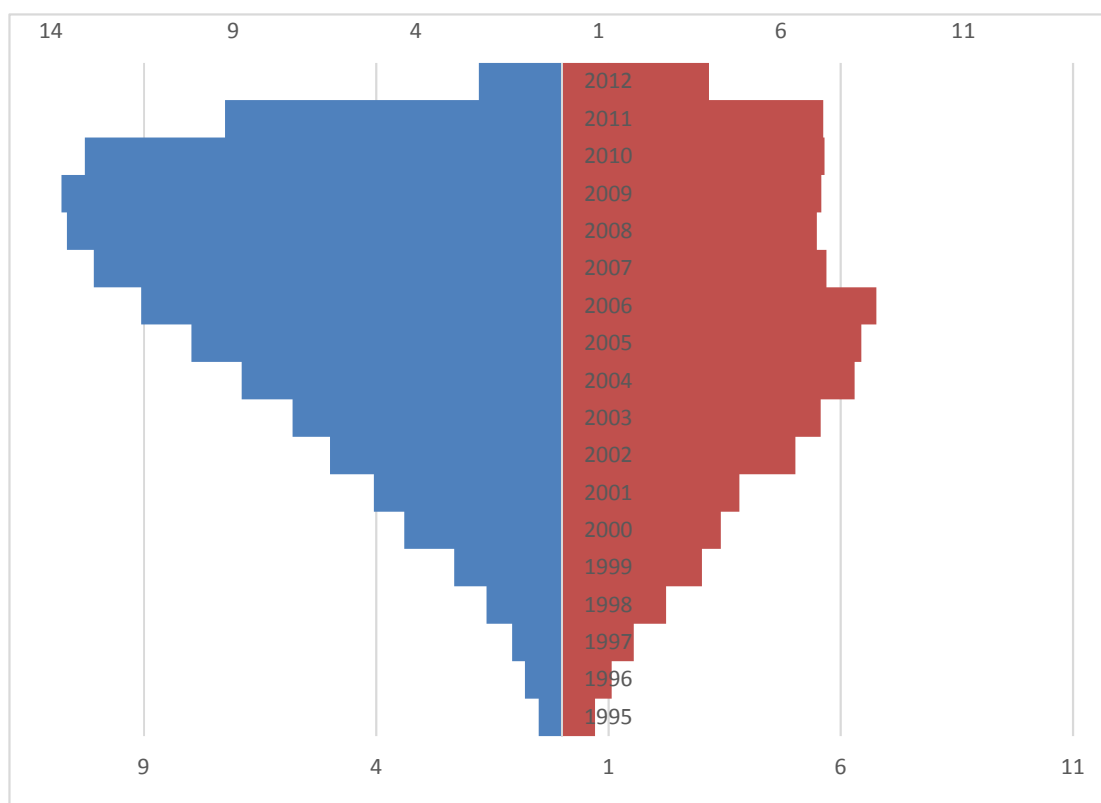
Croissance démographique ●○

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

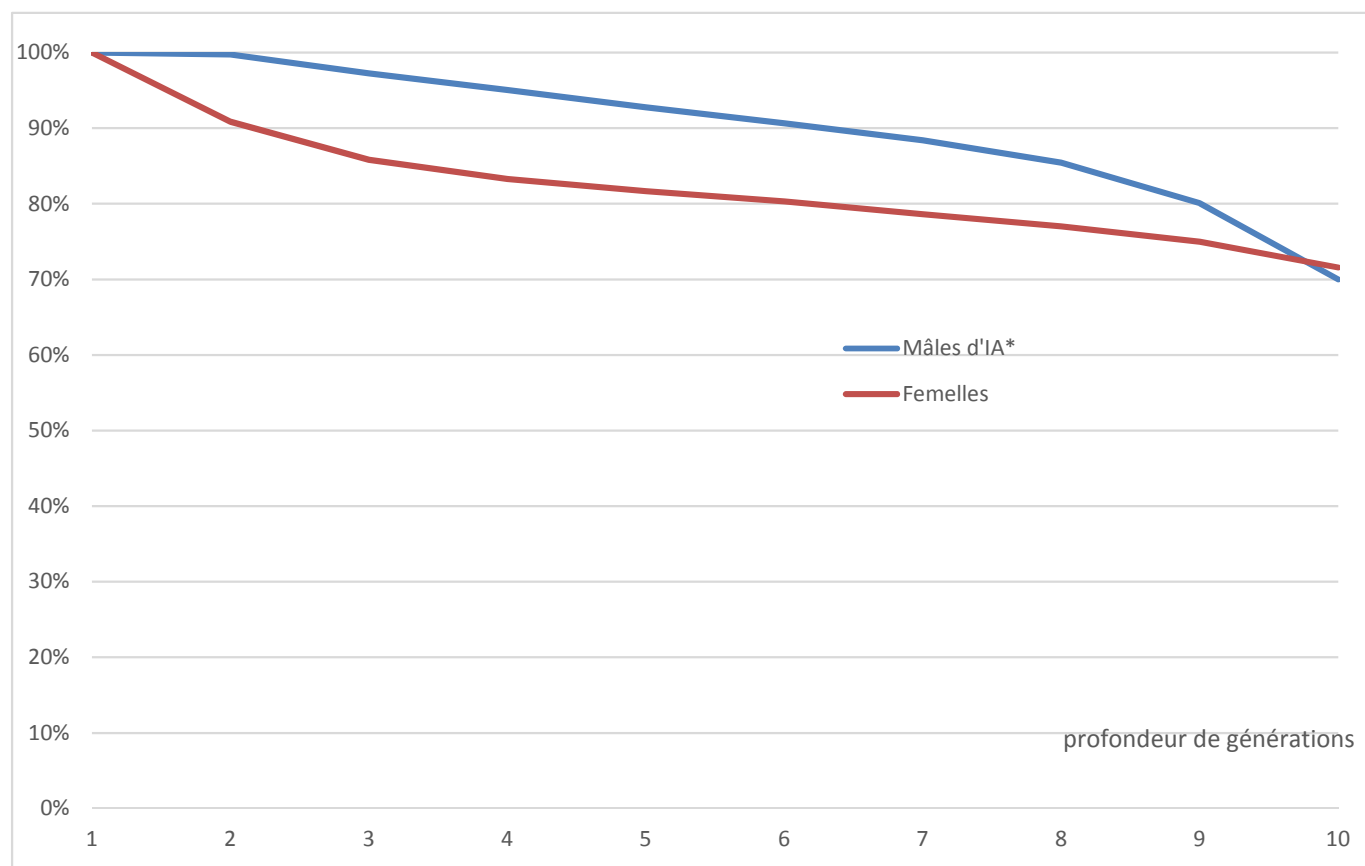
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	6,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,8
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,3
Moyenne 4 voies	5,8

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	683 369	713
Nb moyen de générations remontées	10,3	10,3
Nb moyen d'ancêtres connus	24 706	11 670
Nb maximum de générations remontées	32	23

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	198 592
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	436
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	180
Ratio Ae/Fe	41,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	2,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	80

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR4286100325	BLASON	M	1986	2,9%	2,9%	2,9%
2	FR0370119503	FLAMBEAU	M	1970	2,5%	2,5%	5,4%
3	FR5882101816	TILL	M	1982	2,2%	2,2%	7,6%
4	FR0384106449	VLADIMIR	M	1984	1,6%	1,6%	9,2%
5	FR580793V025	VELOURS	M	1964	2,0%	1,6%	10,7%
6	FR8894104162	JUMPER	M	1994	1,8%	1,5%	12,2%
7	FR8587103951	CONCILE	M	1987	1,6%	1,5%	13,6%
8	FR000D168012		M	1944	1,5%	1,3%	15,0%
9	FR2178102945	OFFICINE	F	1978	1,3%	1,3%	16,3%
10	FR580270S004	SYLVAIN	M	1961	1,3%	1,3%	17,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	10,3
Consanguinité moyenne (%)	0,8
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	0,7
Consanguinité des parents (%)	0,6
Parentés des parents (%)	0,4
Taille efficace (méthode Cervantès)	715
Taille efficace (méthode démographique)	106 989

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	23,2%
entre 0 à 3,125% inclus	73,5%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,6%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,3%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 1,2%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,26

