

ABONDANCE**Informations démographiques**

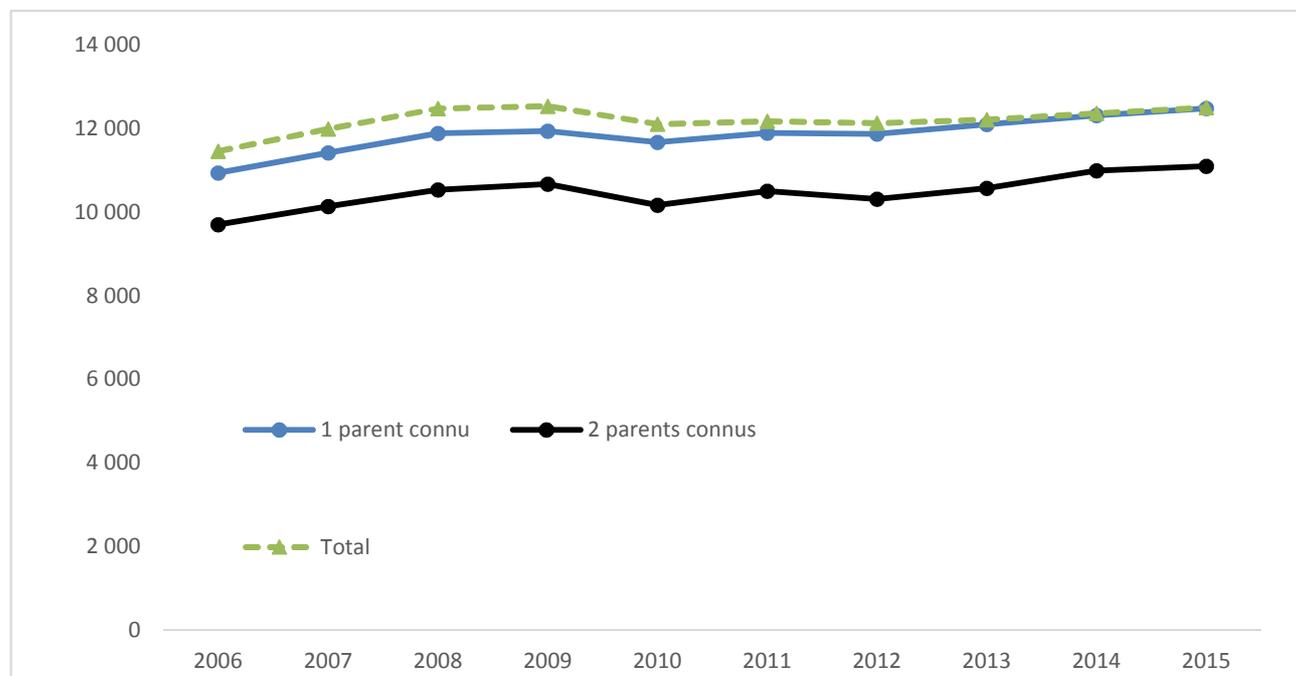
Période de naissance des femelles 2012 -2015

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	48 755	164
Nb pères différents	867	45
Nb max de descendants par père	3 391	8
Nb grands-pères paternels différents	180	26
Nb max de descendants par GPP	5 678	29
Nb mères différentes	33 449	136
Nb max de descendants par mère	19	3
Nb grands-pères maternels différents	1 200	26
Nb max de descendants par GPM	2 371	17
Nb d'animaux avec deux parents connus	42 968	164

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 87%

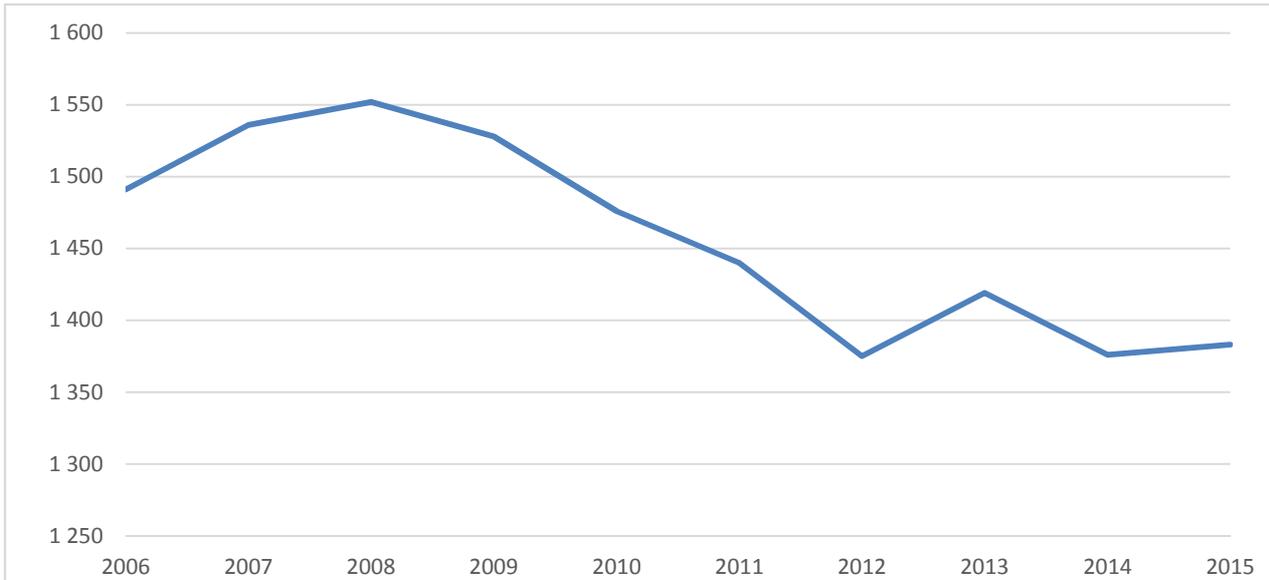
% femelles issues IA 73

Evolution de la population femelle

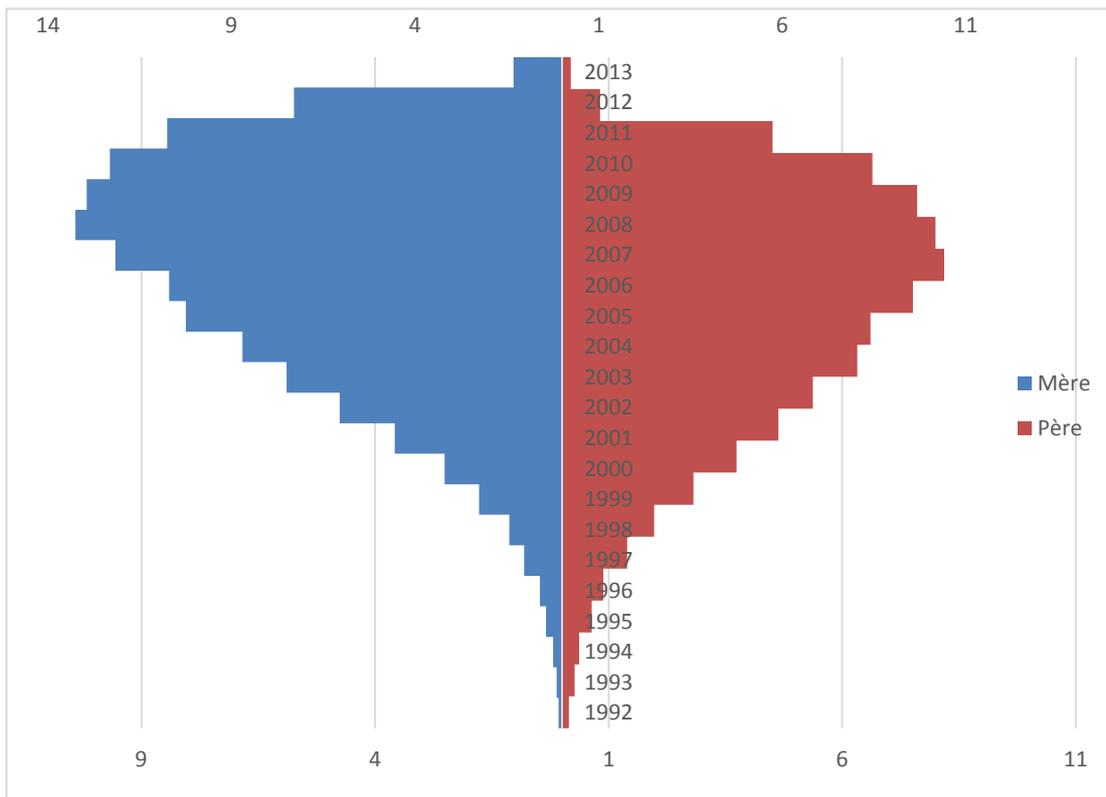
Croissance démographique ●1

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

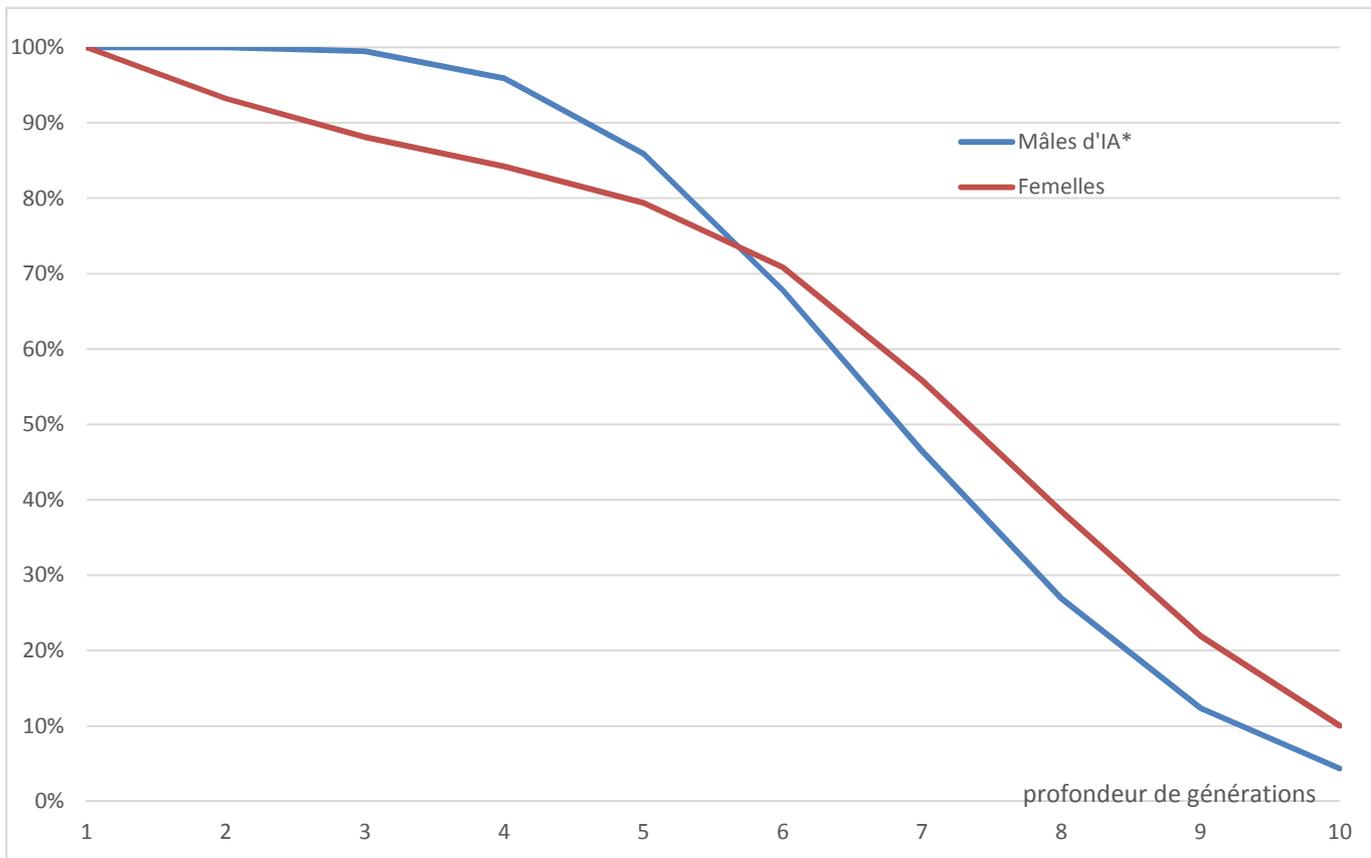
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	9,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	8,2
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	6,2
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,2
Moyenne 4 voies	7,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	42 968	164
Nb moyen de générations remontées	6,5	6,4
Nb moyen d'ancêtres connus	601	364
Nb maximum de générations remontées	21	14

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	17 853
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	37
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	13
Ratio Ae/Fe	36,9%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	20,5%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	5

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR3870004548	INGENIEUR	M	1970	20,5%	20,5%	20,5%
2	FR0000003056	BIZARE	M	1963	10,1%	10,1%	30,5%
3	FR0000002989	BICHON	M	1963	9,2%	9,2%	39,8%
4	FR7480003420	REVEUR	M	1980	8,1%	8,1%	47,9%
5	FR7477000368	NAUTILUS	M	1977	8,4%	4,2%	52,1%
6	FR00000022574	ARGENTINE	F	1962	3,5%	3,5%	55,5%
7	FR0000002985	AMIENS	M	1962	3,5%	3,5%	59,0%
8	FR7490021582	FESTIN	M	1990	8,0%	3,0%	62,0%
9	FR7478015778	OREILLE	F	1978	2,6%	2,3%	64,3%
10	FR7481004242	SIRENE	F	1981	3,7%	1,9%	66,1%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,5
Consanguinité moyenne (%)	4,4
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,4
Parenté (%)	6,3
Consanguinité des parents (%)	3,5
Parentés des parents (%)	4,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	51
Taille efficace (méthode démographique)	3 380

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	17,9%
entre 0 à 3,125% inclus	14,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	39,2%
entre 6,25% à 12,5% inclus	28,1%
entre 12,5% à 25% inclus	0,6%
plus de 25%	0,1%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **28,8%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans **2,14**

