

Manech Tête Rousse**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

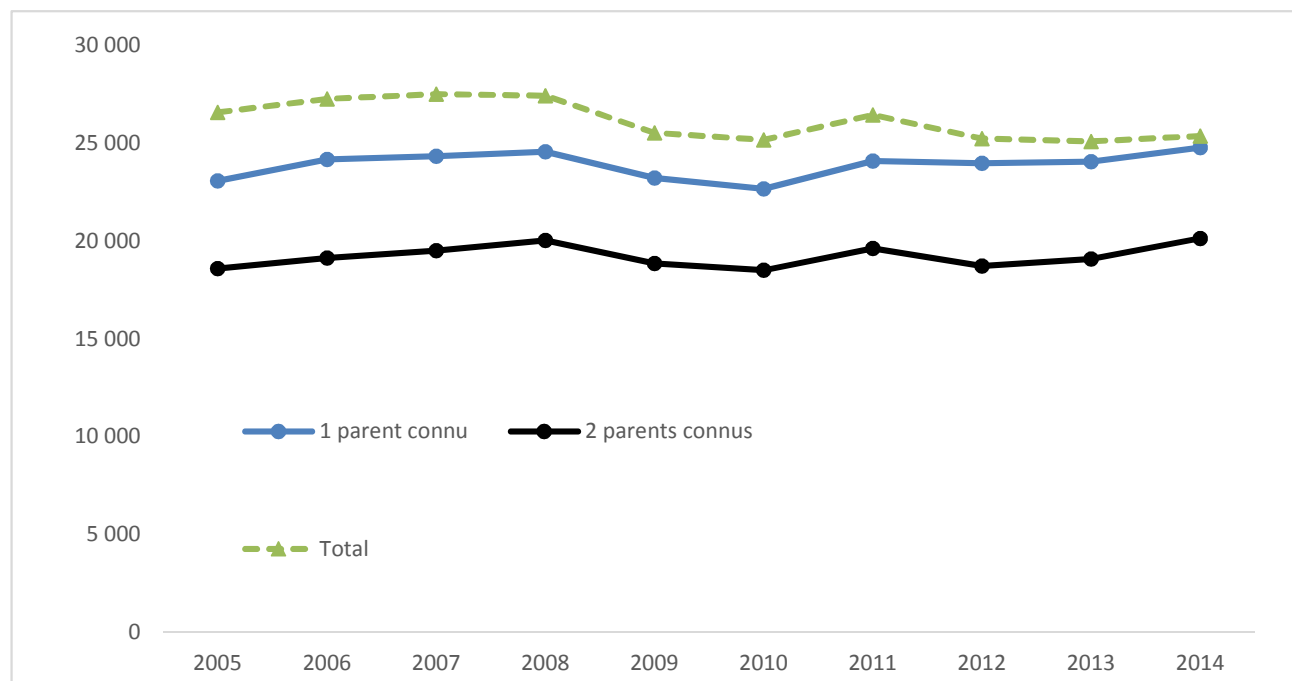
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	96 963	823
Nb pères différents	1 645	137
Nb max de descendants par père	697	32
Nb grands-pères paternels différents	232	75
Nb max de descendants par GPP	4 280	92
Nb mères différentes	61 143	745
Nb max de descendants par mère	9	6
Nb grands-pères maternels différents	2 936	75
Nb max de descendants par GPM	734	32
Nb d'animaux avec deux parents connus	77 615	820

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 76%

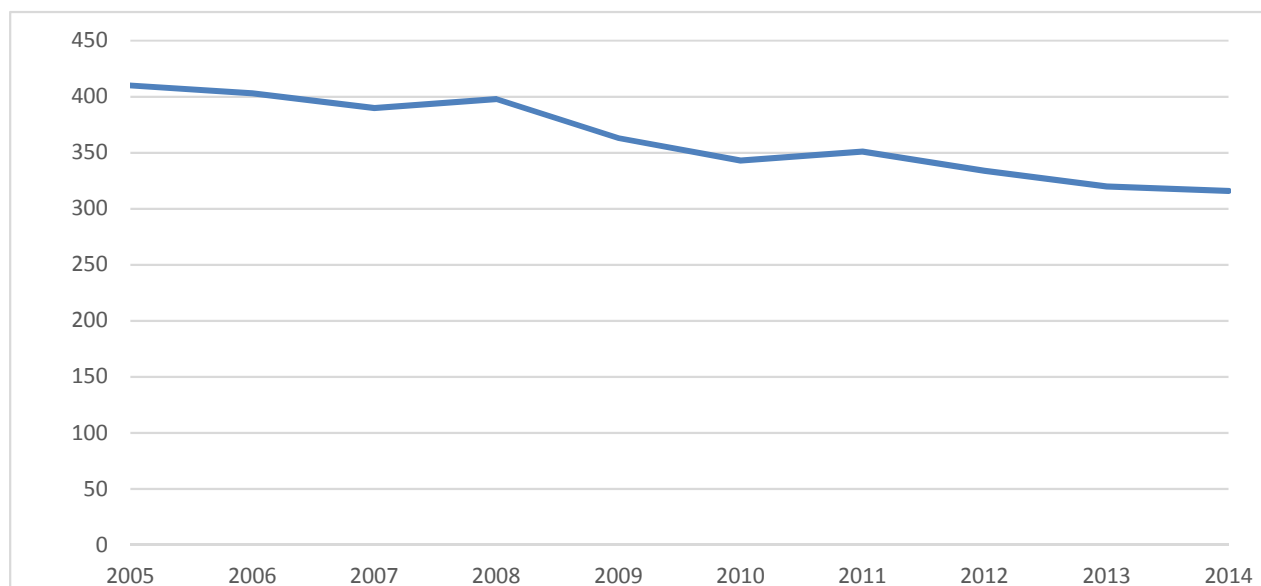
% femelles issues IA 70

Evolution de la population femelle

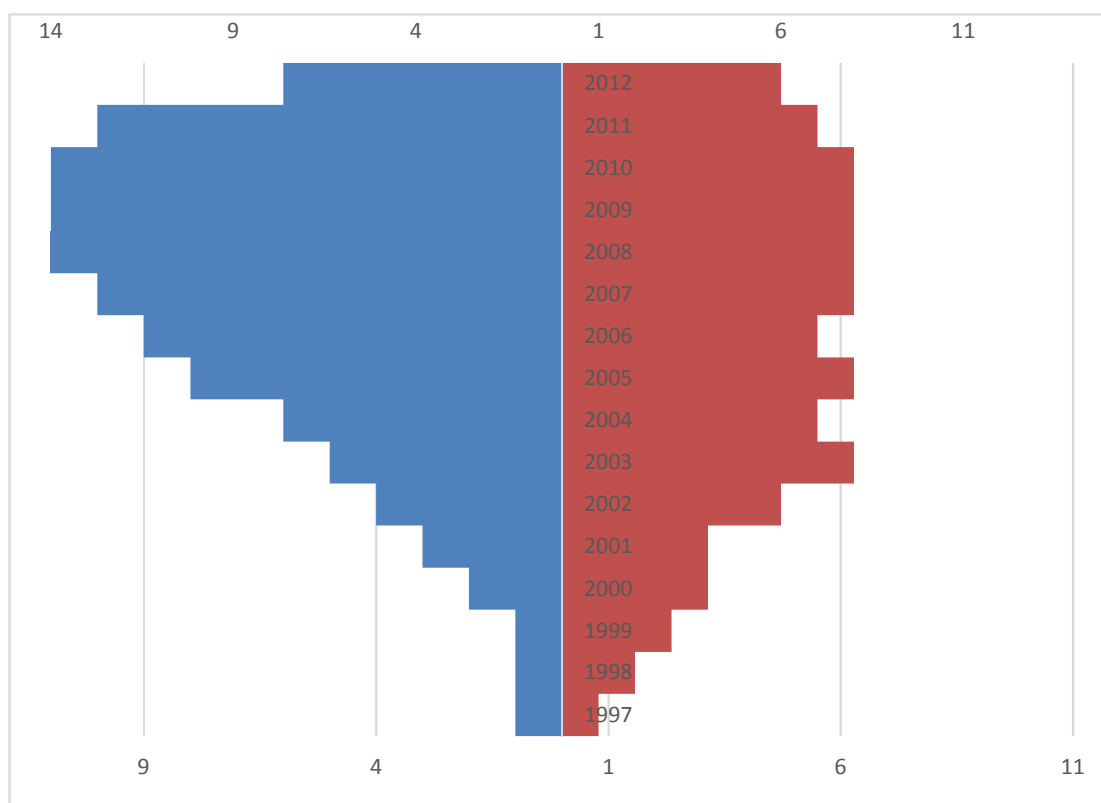
Croissance démographique ●-5

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

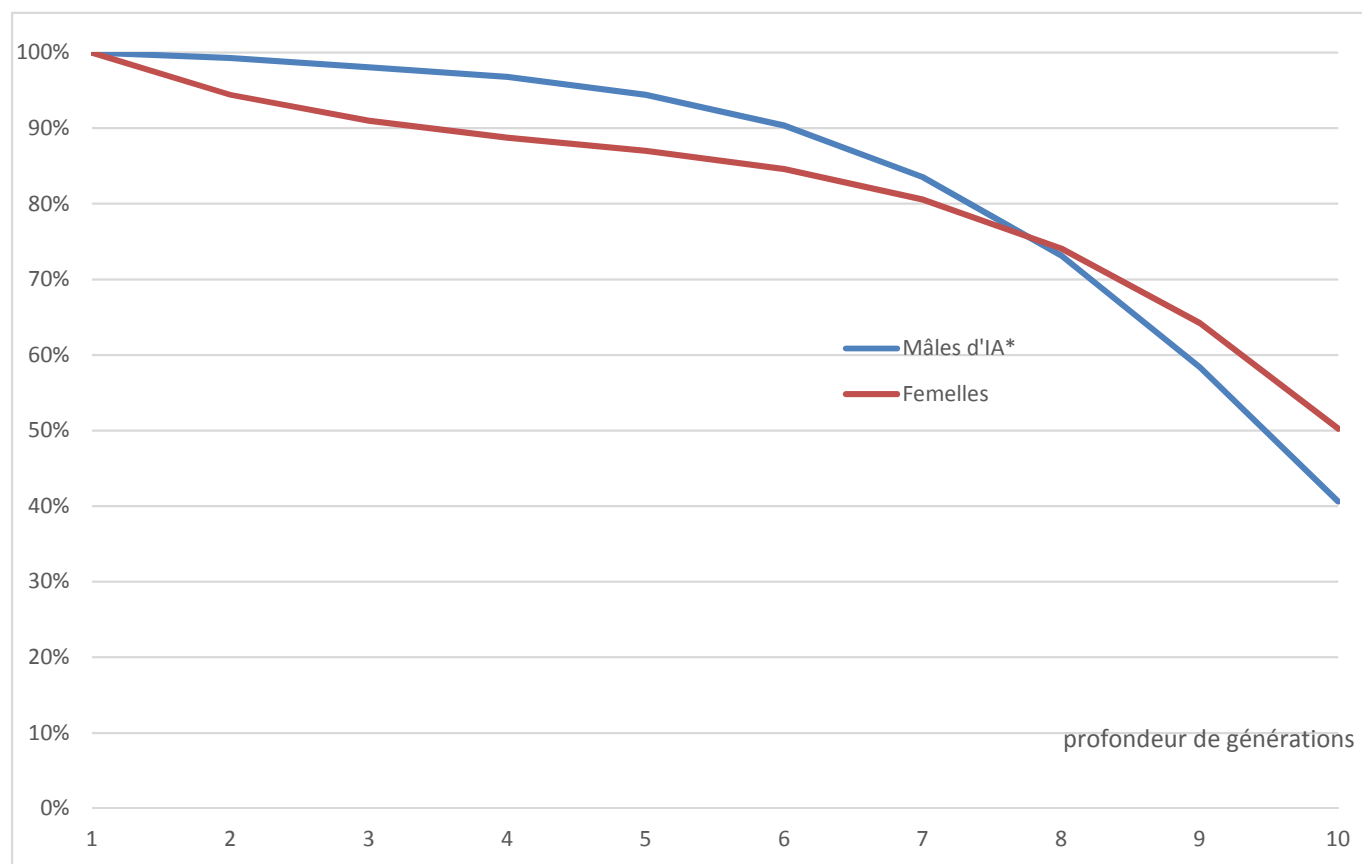
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,2
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,9
Moyenne 4 voies	3,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	77 615	820
Nb moyen de générations remontées	8,8	8,8
Nb moyen d'ancêtres connus	4 673	2 891
Nb maximum de générations remontées	25	23

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	28 042
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	157
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	37
Ratio Ae/Fe	23,4%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	10,7%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	15

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	64000713780133		M	1978	10,7%	10,7%	10,7%
2	64000015930519		M	1993	5,9%	5,5%	16,2%
3	64000252950572		M	1995	5,6%	5,3%	21,5%
4	64000015870268		M	1987	4,7%	4,7%	26,2%
5	64000028010308		M	2001	3,5%	3,3%	29,5%
6	64000016890568		M	1989	4,8%	3,1%	32,6%
7	00000778700036		M	1970	4,9%	3,0%	35,6%
8	64000765900312		M	1990	3,1%	2,3%	38,0%
9	64000765870199		M	1987	2,6%	2,3%	40,2%
10	64000297980232		M	1998	3,0%	2,2%	42,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	8,8
Consanguinité moyenne (%)	2,3
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,1
Parenté (%)	2,9
Consanguinité des parents (%)	1,9
Parentés des parents (%)	1,8
Taille efficace (méthode Cervantès)	152
Taille efficace (méthode démographique)	6 408

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	11,1%
entre 0 à 3,125% inclus	65,6%
entre 3,125% à 6,25% inclus	22,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,9%
entre 12,5% à 25% inclus	0,2%
plus de 25%	0,1%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 1,2%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,91

