

Basco-Béarnaise**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

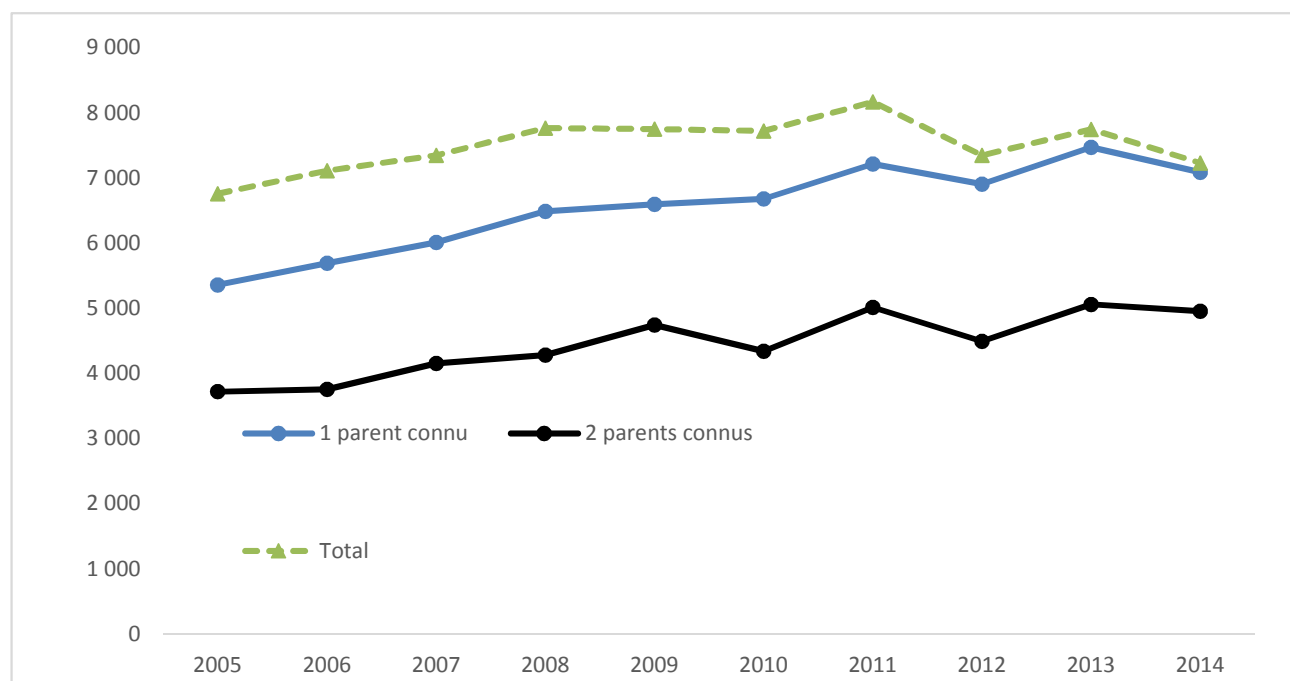
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	28 693	260
Nb pères différents	539	56
Nb max de descendants par père	498	20
Nb grands-pères paternels différents	97	32
Nb max de descendants par GPP	1 923	54
Nb mères différentes	18 618	232
Nb max de descendants par mère	10	3
Nb grands-pères maternels différents	881	32
Nb max de descendants par GPM	374	22
Nb d'animaux avec deux parents connus	19 535	260

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 64%

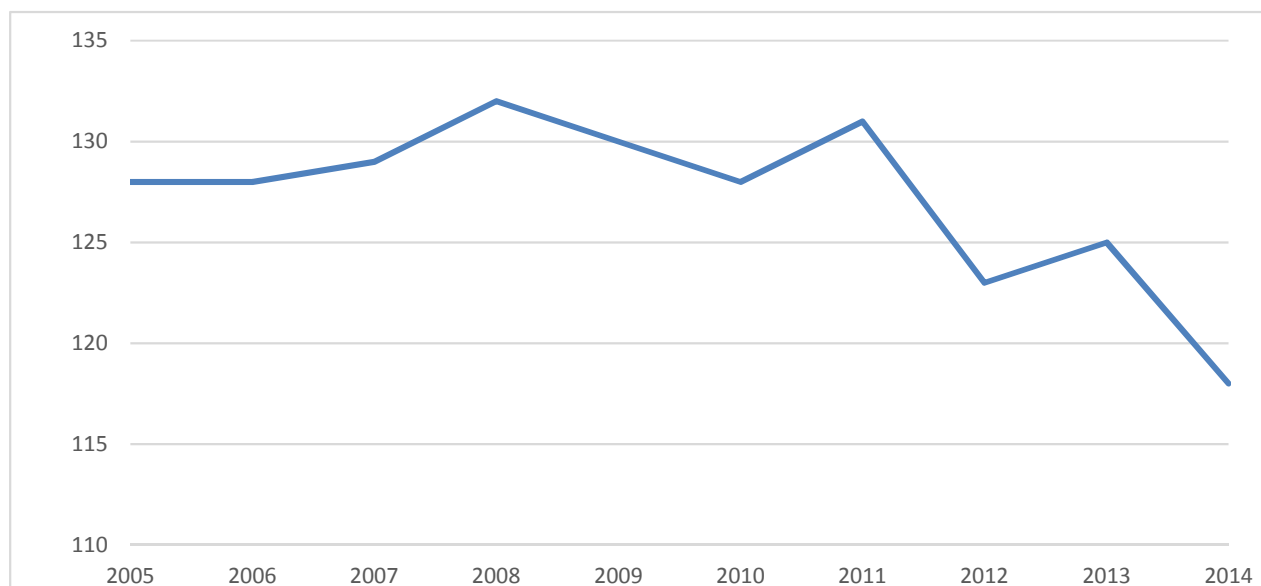
% femelles issues IA 58

Evolution de la population femelle

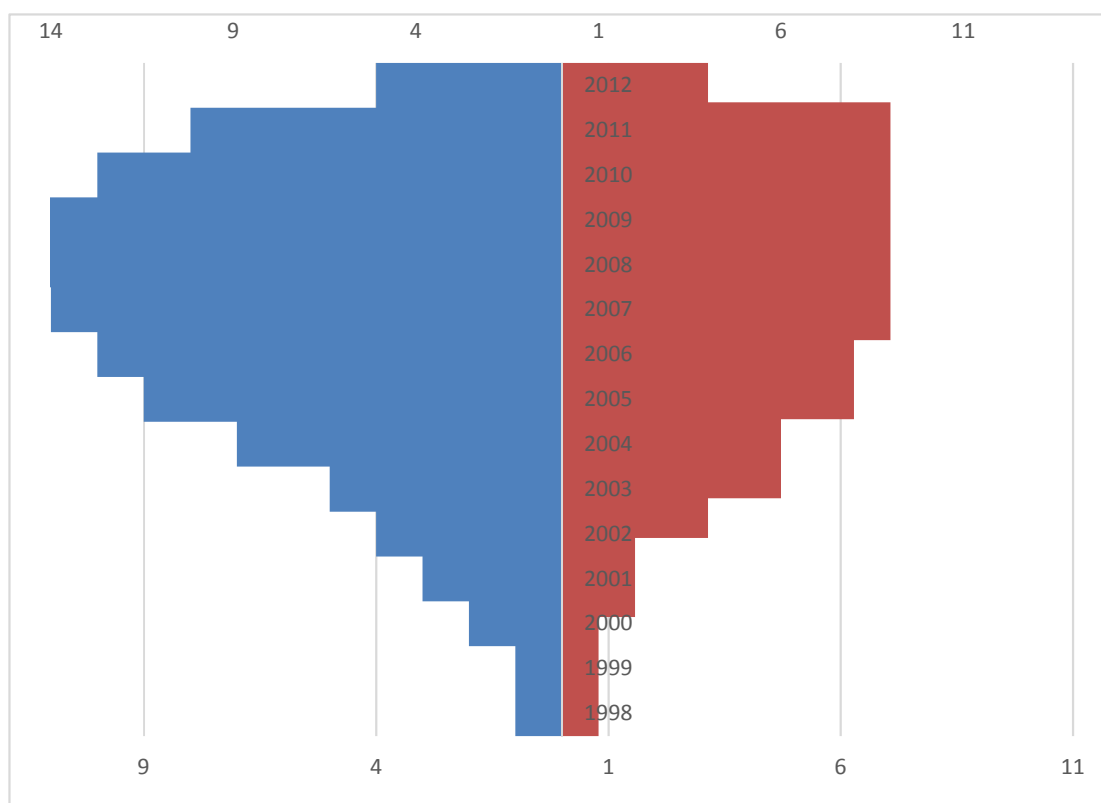
Croissance démographique ●4

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

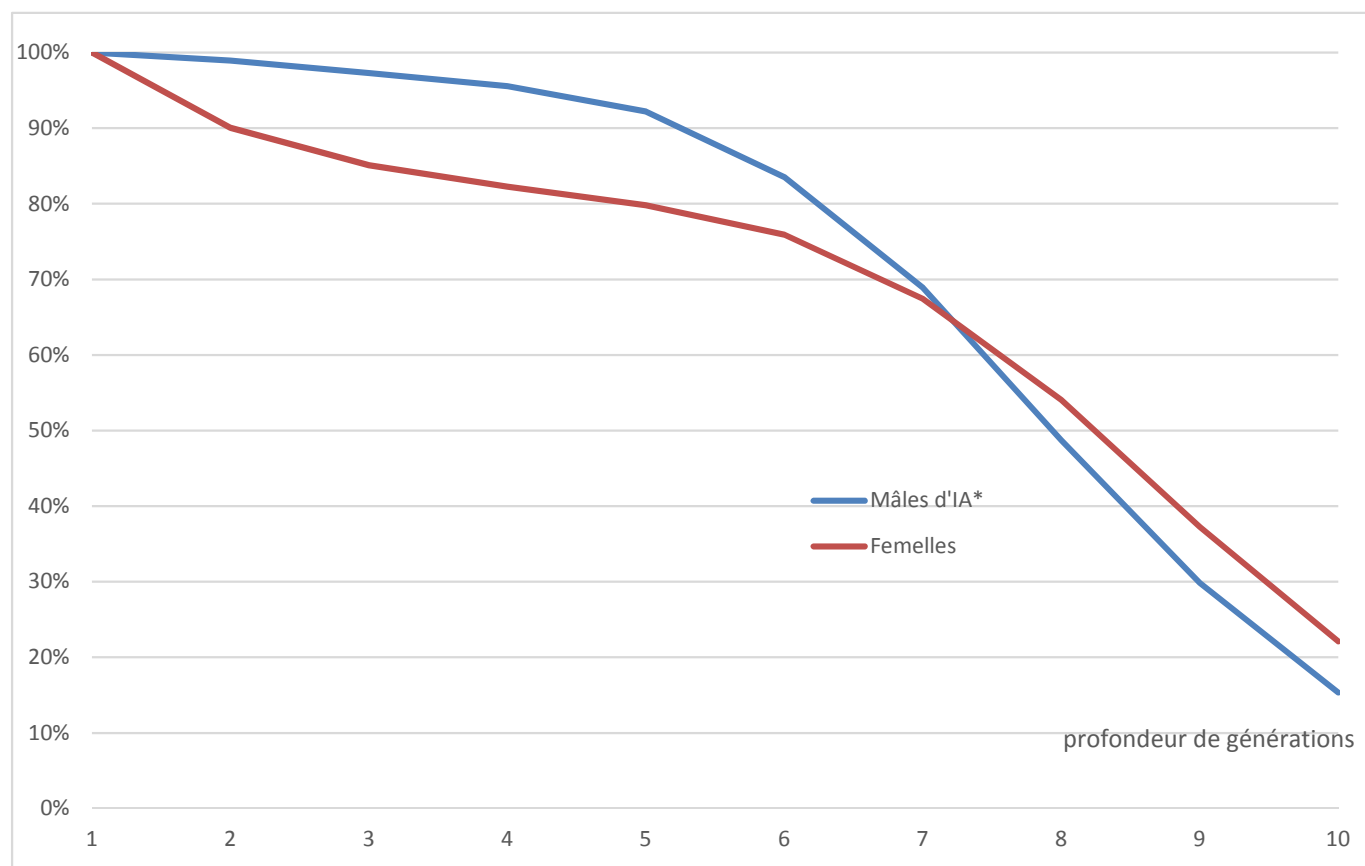
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	4,4
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,0
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,0
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,4
Moyenne 4 voies	3,9

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	19 535	260
Nb moyen de générations remontées	7,1	7,4
Nb moyen d'ancêtres connus	1 384	943
Nb maximum de générations remontées	20	18

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	12 129
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	100
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	28
Ratio Ae/Fe	28,0%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	11,8%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	10

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	64000771840060		M	1984	11,8%	11,8%	11,8%
2	64000867880049		M	1988	8,0%	8,0%	19,8%
3	00000822760097		M	1976	6,1%	6,1%	25,8%
4	64000899990424		M	1999	6,5%	5,8%	31,6%
5	64000821850087		M	1985	4,7%	4,7%	36,3%
6	64000860020622		M	2002	6,0%	3,9%	40,2%
7	64000919990426		M	1999	4,1%	3,4%	43,5%
8	64000041840001		M	1984	4,2%	2,7%	46,3%
9	64000841810041		F	1981	3,5%	2,7%	48,9%
10	64000845800034		F	1980	5,1%	2,3%	51,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,1
Consanguinité moyenne (%)	2,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,1
Parenté (%)	3,7
Consanguinité des parents (%)	1,7
Parentés des parents (%)	1,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	96
Taille efficace (méthode démographique)	2 095

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	16,6%
entre 0 à 3,125% inclus	41,8%
entre 3,125% à 6,25% inclus	38,3%
entre 6,25% à 12,5% inclus	3,1%
entre 12,5% à 25% inclus	0,2%
plus de 25%	0,1%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **3,3%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,98

