

Lacaune lait**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

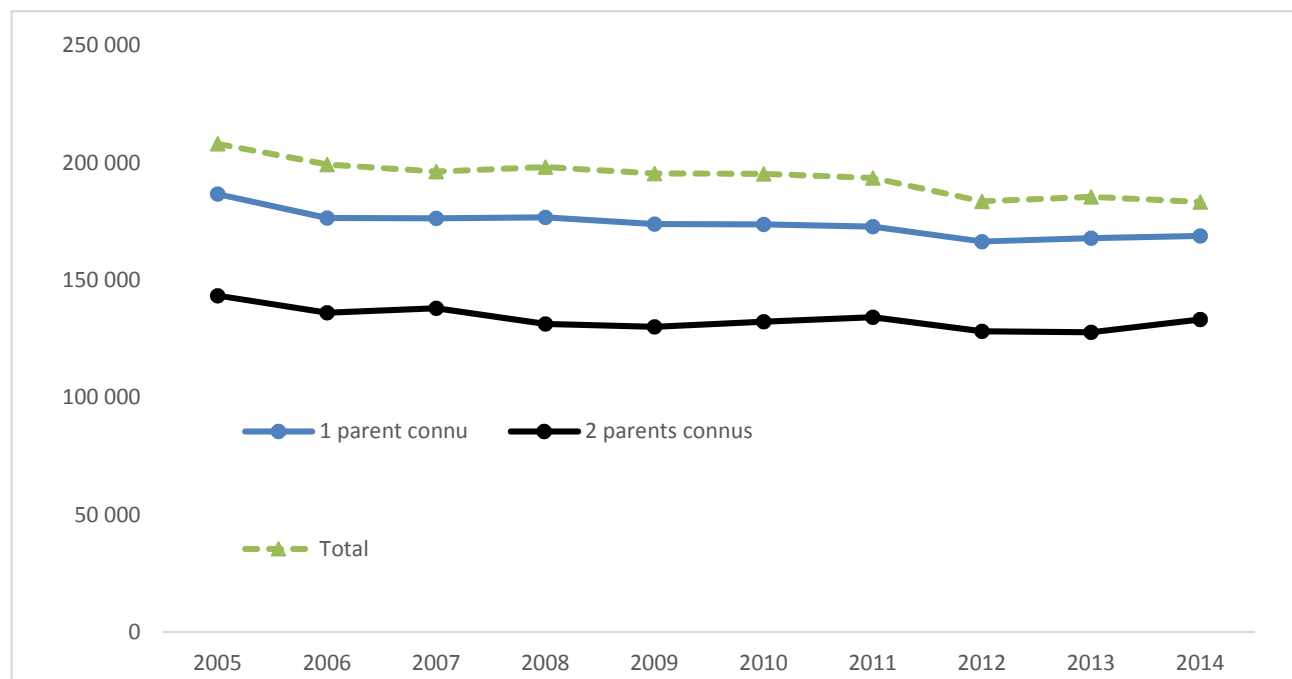
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	676 218	2 549
Nb pères différents	3 005	372
Nb max de descendants par père	2 869	40
Nb grands-pères paternels différents	421	214
Nb max de descendants par GPP	12 309	55
Nb mères différentes	418 935	2 312
Nb max de descendants par mère	9	4
Nb grands-pères maternels différents	6 168	214
Nb max de descendants par GPM	2 826	57
Nb d'animaux avec deux parents connus	523 741	2 504

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 70%

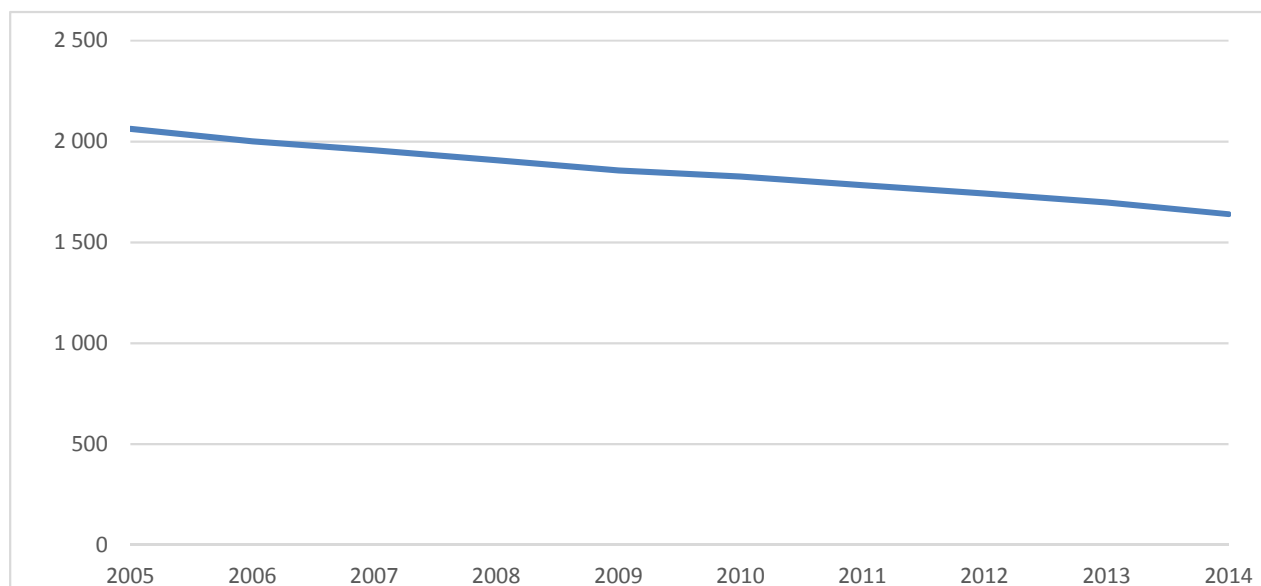
% femelles issues IA 77

Evolution de la population femelle

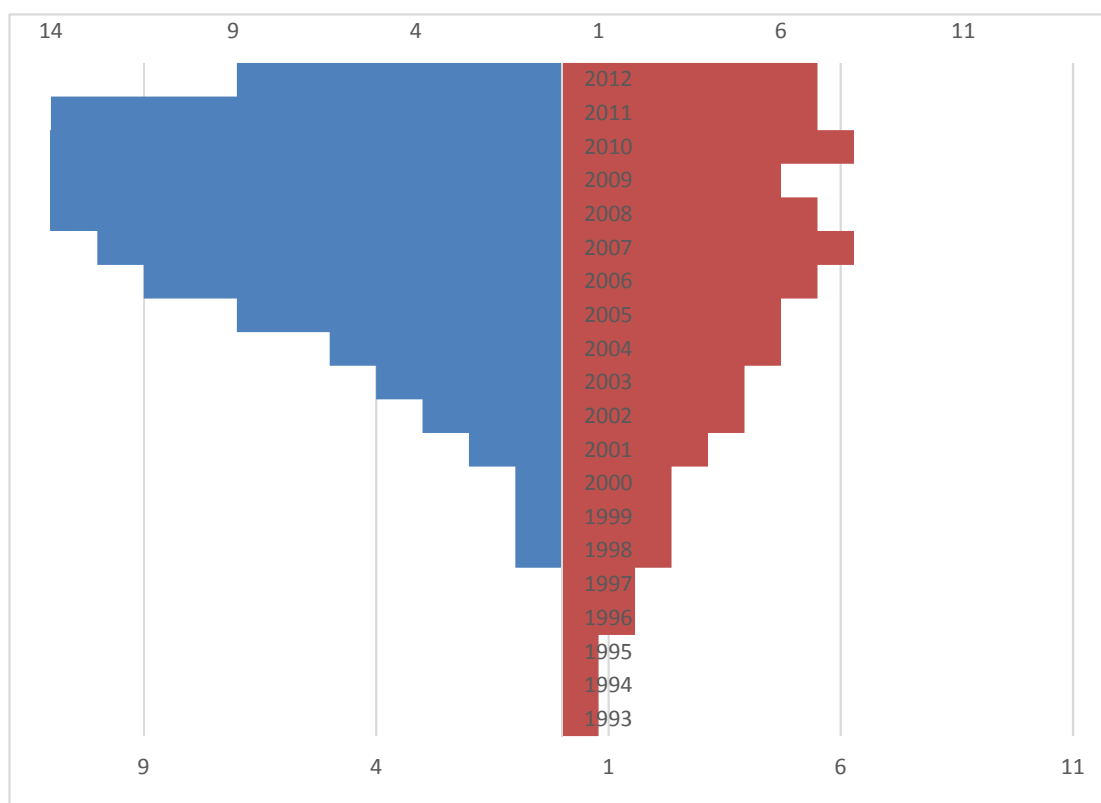
Croissance démographique 🟡-6

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

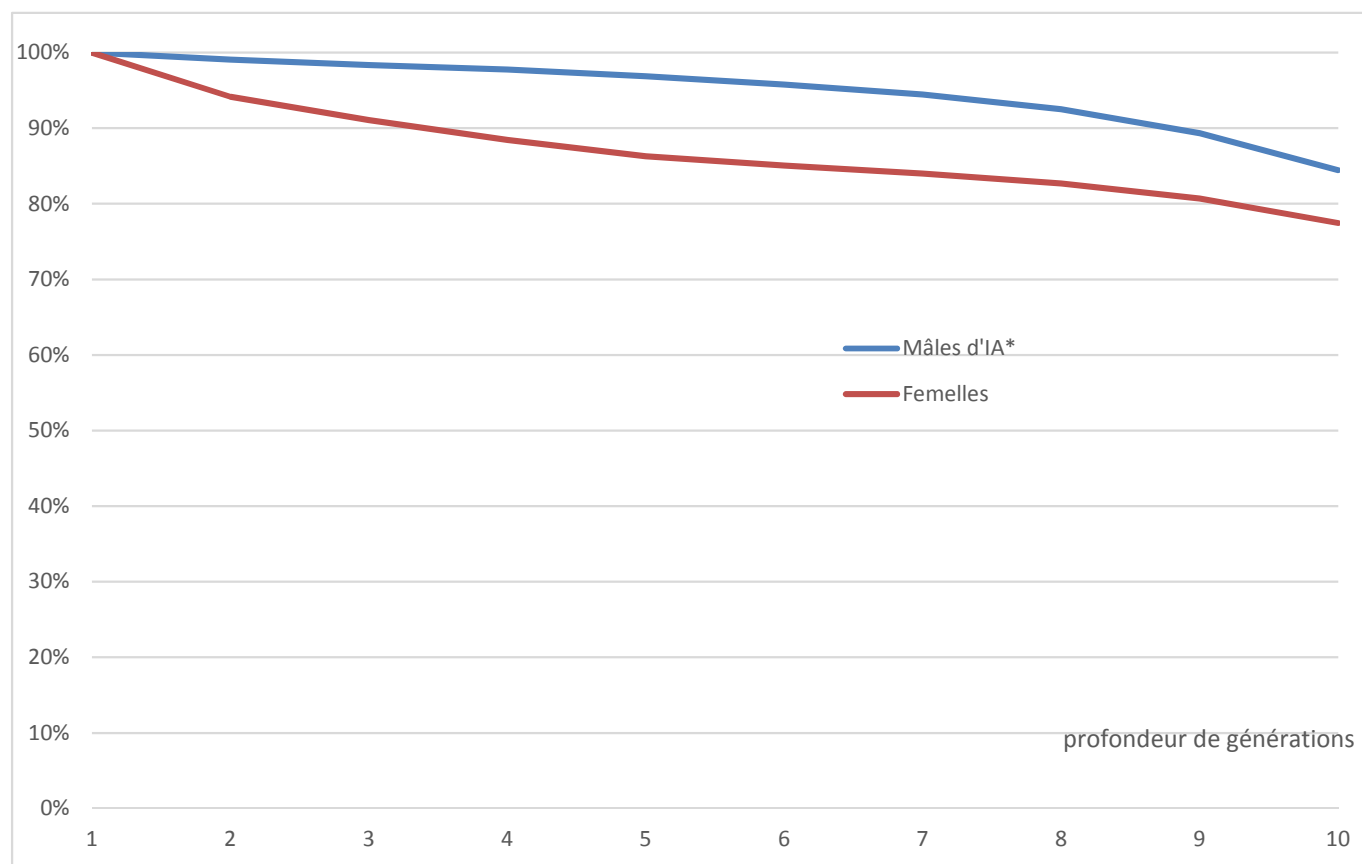
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,5
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,2
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,8
Moyenne 4 voies	3,6

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	523 741	2 504
Nb moyen de générations remontées	11,5	12,1
Nb moyen d'ancêtres connus	52 017	39 707
Nb maximum de générations remontées	30	29

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	191 685
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	175
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	69
Ratio Ae/Fe	39,5%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	6,6%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	30

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	00000018650008		M	1965	6,6%	6,6%	6,6%
2	00000123620032		M	1962	5,4%	5,4%	12,0%
3	00000003610064		M	1961	3,4%	3,4%	15,3%
4	00000128700080		M	1970	2,7%	2,7%	18,0%
5	12000263780555		M	1978	2,8%	2,2%	20,2%
6	00000040730152		M	1973	3,9%	2,2%	22,4%
7	81000187920218		M	1992	2,5%	2,0%	24,4%
8	12000185770502		M	1977	2,1%	1,8%	26,2%
9	12000040770451		M	1977	2,6%	1,7%	28,0%
10	12000040890205		M	1989	2,4%	1,6%	29,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	11,5
Consanguinité moyenne (%)	2,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,1
Parenté (%)	1,7
Consanguinité des parents (%)	1,6
Parentés des parents (%)	1,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	333
Taille efficace (méthode démographique)	11 934

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	12,8%
entre 0 à 3,125% inclus	67,6%
entre 3,125% à 6,25% inclus	18,8%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,6%
entre 12,5% à 25% inclus	0,1%
plus de 25%	0,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 0,7%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

1,07

