

**Angora****Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2016 -2019

Femelles

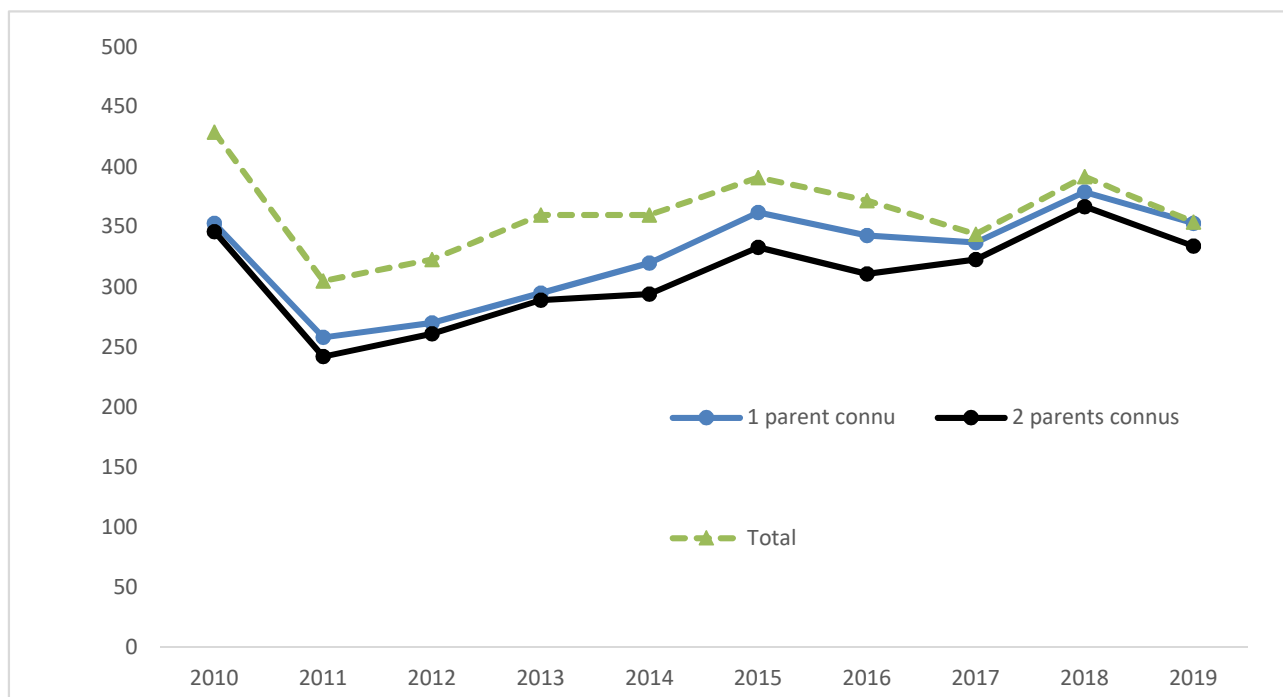
Mâles d'IA\*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	1 412	1
Nb pères différents	163	1
Nb max de descendants par père	56	1
Nb grands-pères paternels différents	77	1
Nb max de descendants par GPP	103	1
Nb mères différentes	896	1
Nb max de descendants par mère	7	1
Nb grands-pères maternels différents	174	1
Nb max de descendants par GPM	50	1
Nb d'animaux avec deux parents connus	1 335	1

\* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 91%

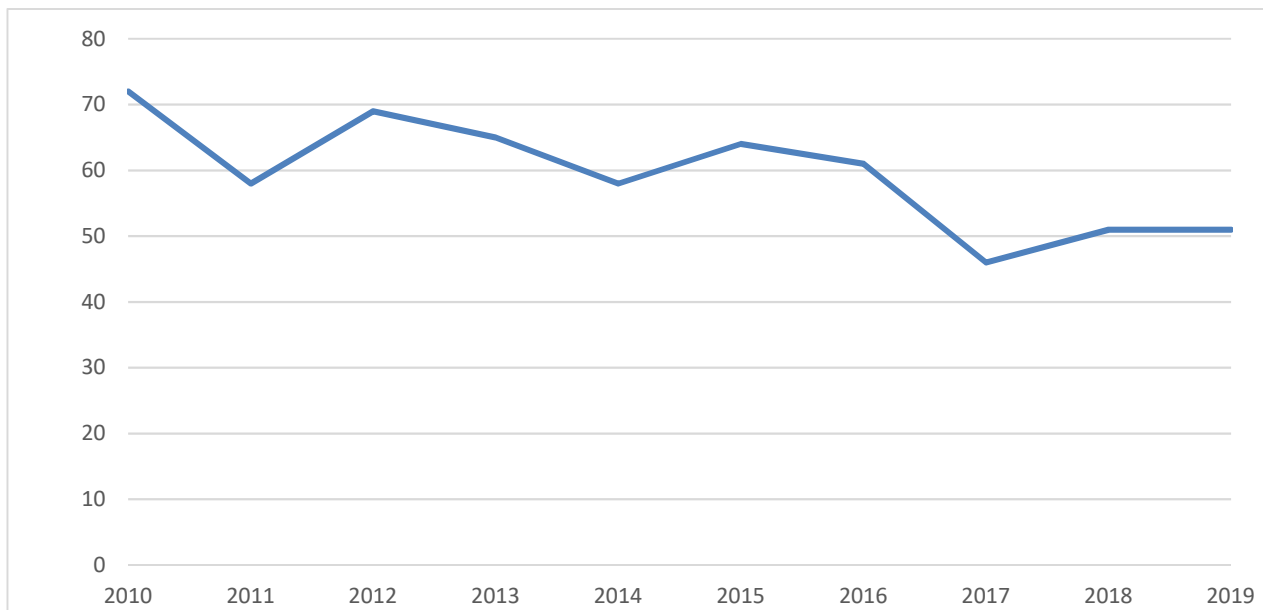
% femelles issues IA 1

**Evolution de la population femelle**

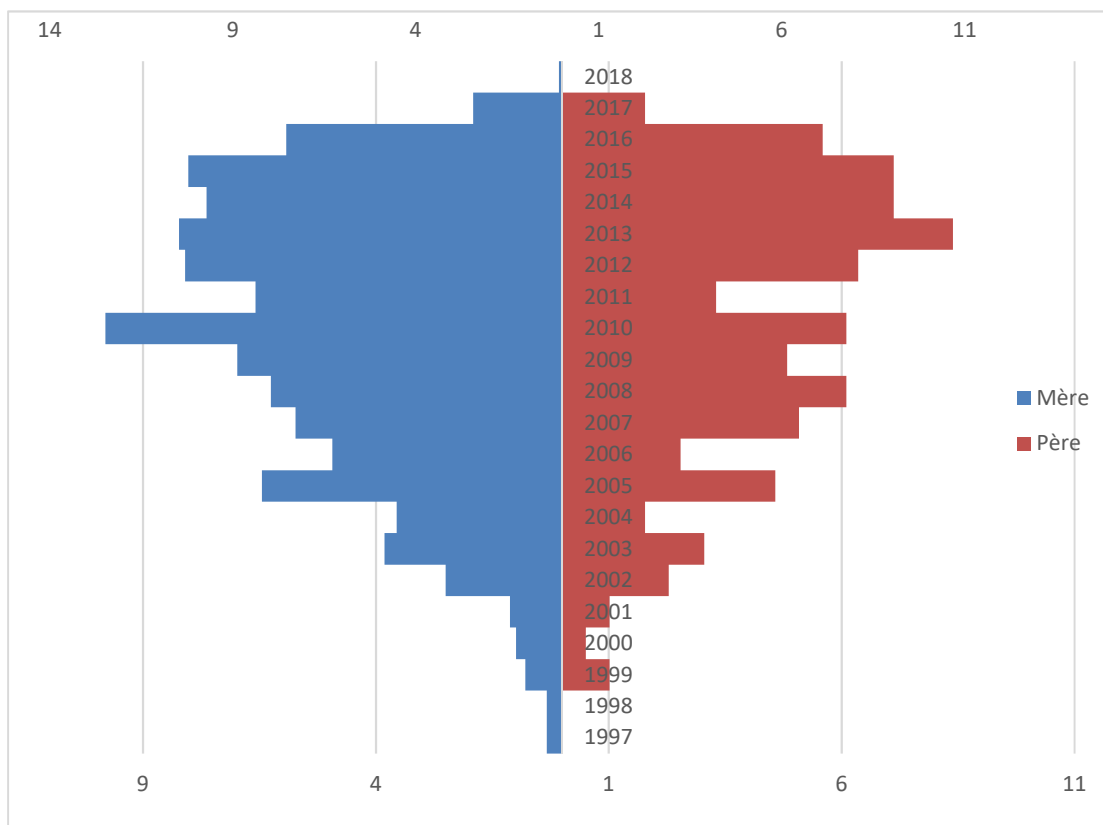
Croissance démographique ● 4

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

### Evolution du nombre de naisseurs



### Pyramide des âges de la population active femelle (%)



### Intervalle de générations des animaux reproducteurs

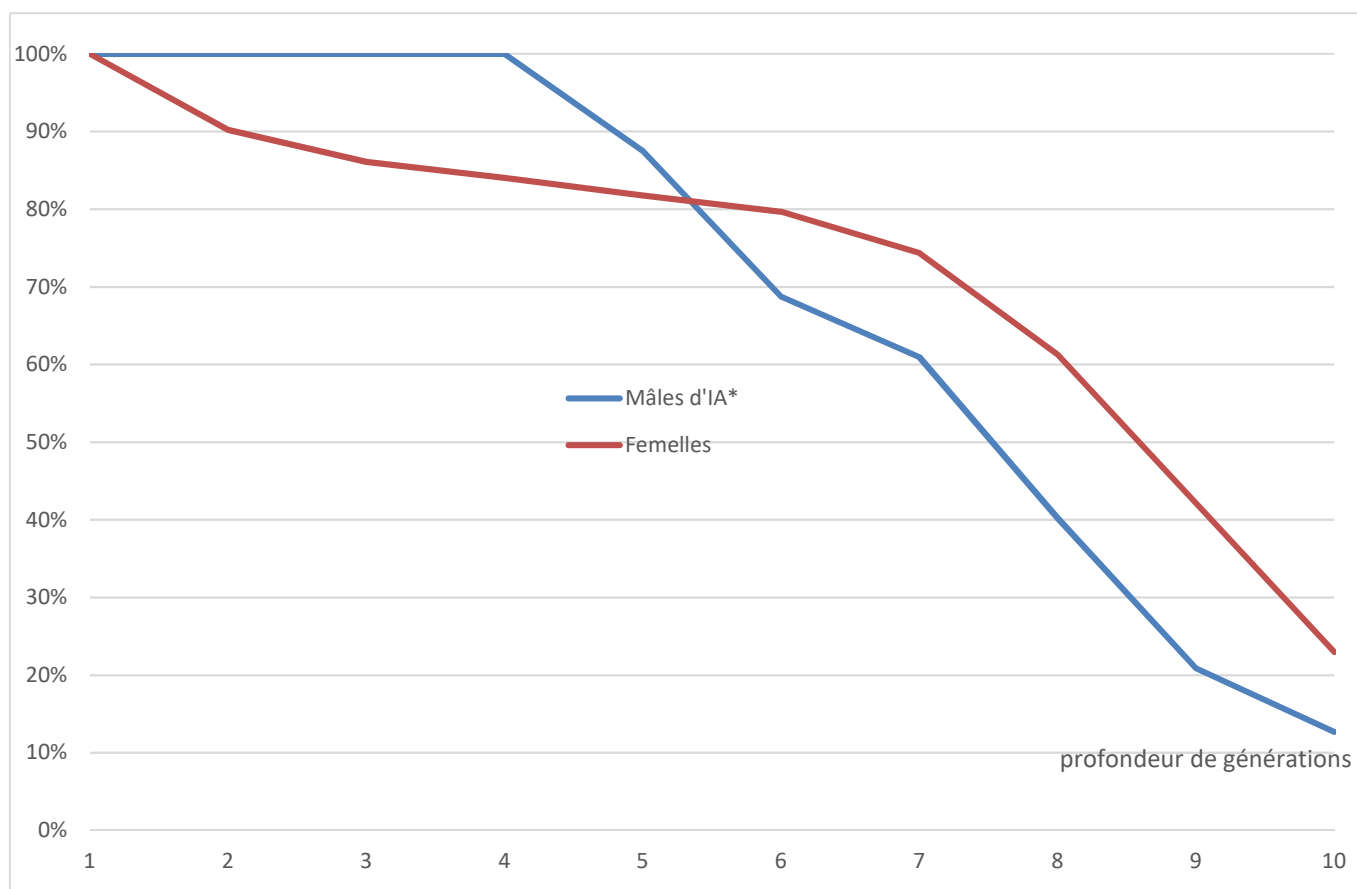
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,9
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,3
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,8
Moyenne 4 voies	4,2

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	1 335	1
Nb moyen de générations remontées	7,4	7,0
Nb moyen d'ancêtres connus	1 204	658
Nb maximum de générations remontées	17	13

\* père des femelles

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



## Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2016 -2019

Nombre de fondateurs	498
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	68
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	18
Ratio Ae/Fe	27,1%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	16,9%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	8

### Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	0903897051	97051	M	1997	16,9%	16,9%	16,9%
2	8102997016	97016	M	1997	11,1%	11,1%	28,0%
3	4918590001	90001	M	1990	6,2%	6,2%	34,2%
4	8102994047	94047	M	1994	4,7%	4,7%	38,9%
5	4401589001	89001	M	1989	4,2%	4,2%	43,1%
6	4401588007	88007	F	1988	2,7%	2,7%	45,8%
7	2275999011	99011	F	1999	2,4%	2,4%	48,2%
8	4401597007	97007	F	1997	3,1%	2,4%	50,5%
9	8102996082	96082	M	1996	2,2%	2,2%	52,7%
10	6501990003	90003	F	1990	2,0%	2,0%	54,8%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,4
Consanguinité moyenne (%)	5,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	1,4
Parenté (%)	4,9
Consanguinité des parents (%)	5,1
Parentés des parents (%)	3,5
Taille efficace (méthode Cervantès)	78
Taille efficace (méthode démographique)	552

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	15,5%
entre 0 à 3,125% inclus	22,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	26,3%
entre 6,25% à 12,5% inclus	26,3%
entre 12,5% à 25% inclus	8,3%
plus de 25%	1,6%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **36,2%**

### Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

**-0,03**

