

Alpine**Informations démographiques**

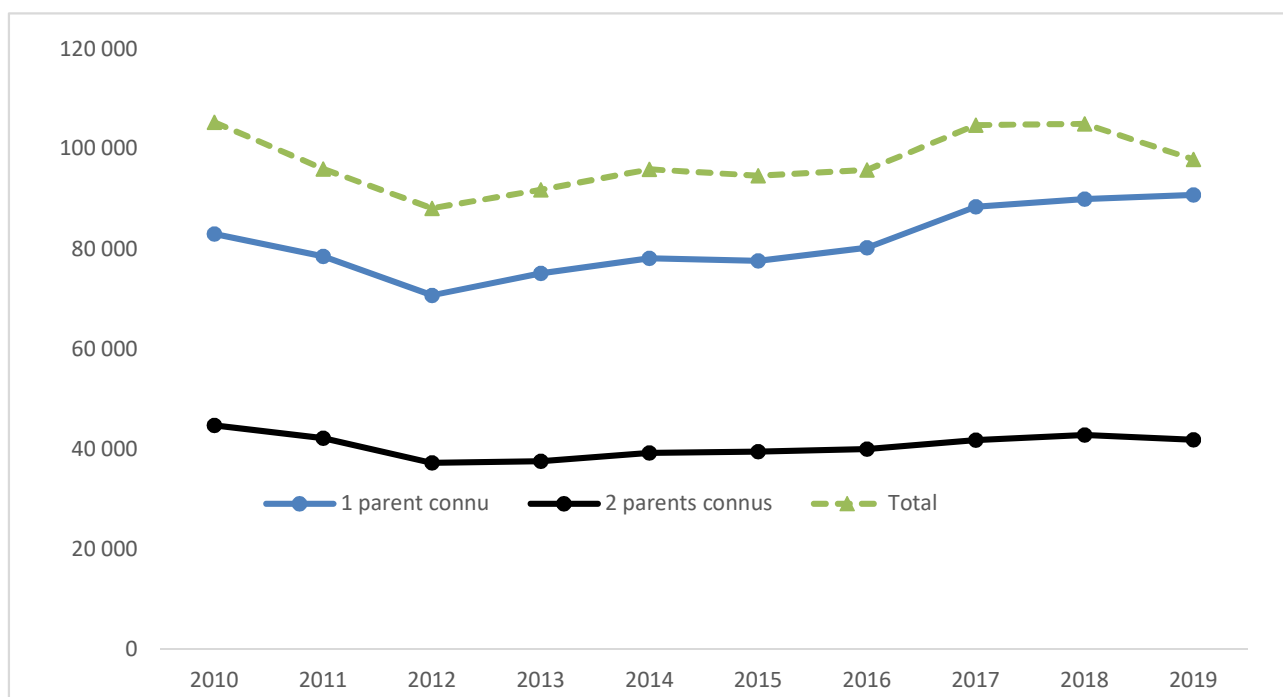
Période de naissance des femelles 2016 -2019

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	403 362	417
Nb pères différents	5 737	112
Nb max de descendants par père	1 588	15
Nb grands-pères paternels différents	542	74
Nb max de descendants par GPP	15 126	24
Nb mères différentes	200 225	388
Nb max de descendants par mère	10	3
Nb grands-pères maternels différents	8 472	74
Nb max de descendants par GPM	2 710	21
Nb d'animaux avec deux parents connus	166 552	417

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 41%

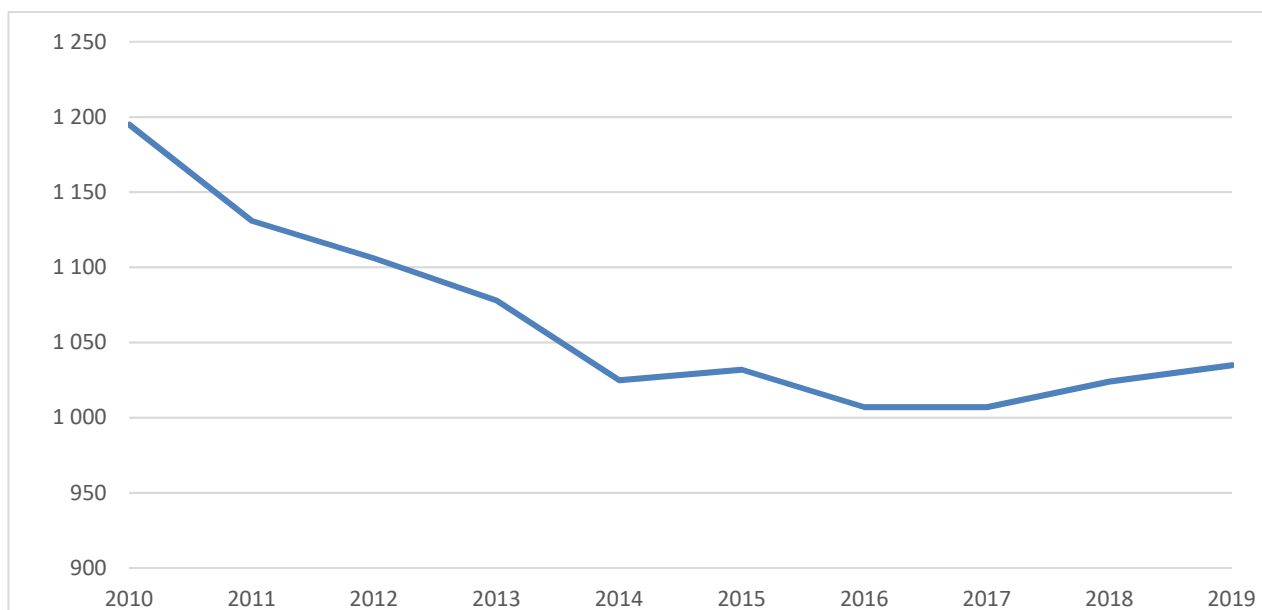
% femelles issues IA 21

Evolution de la population femelle

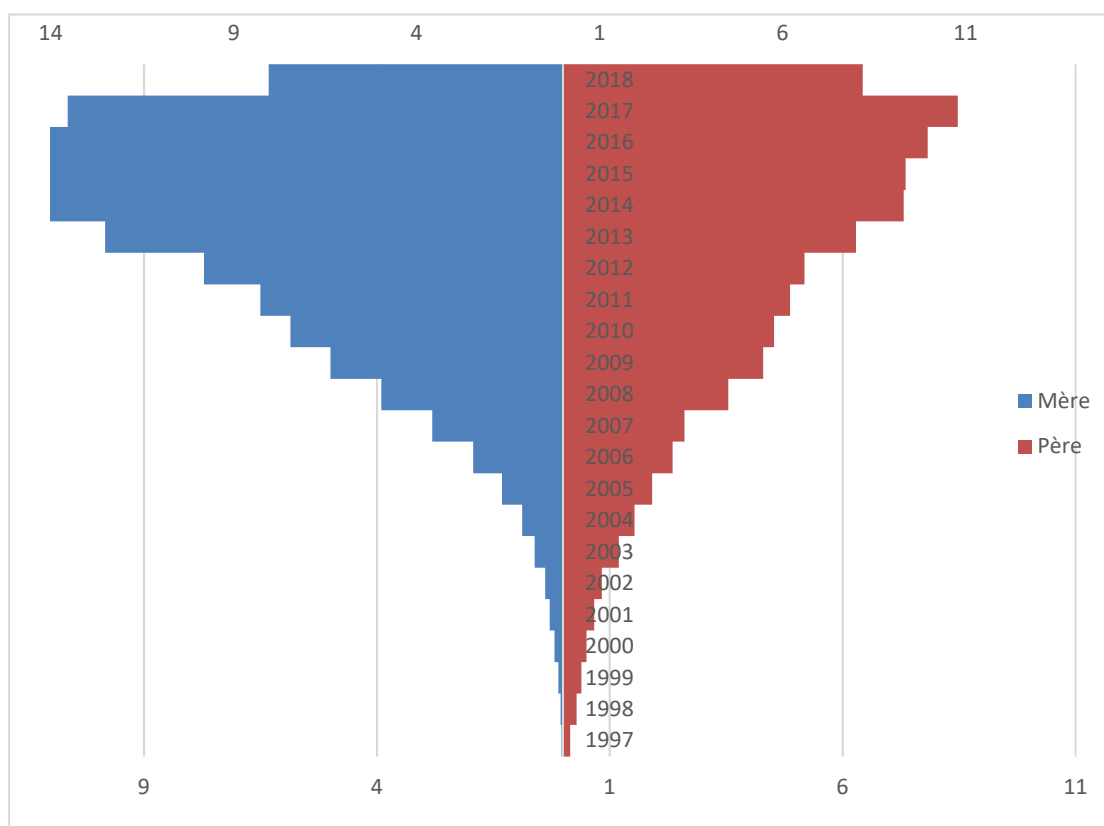
Croissance démographique ● 4

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

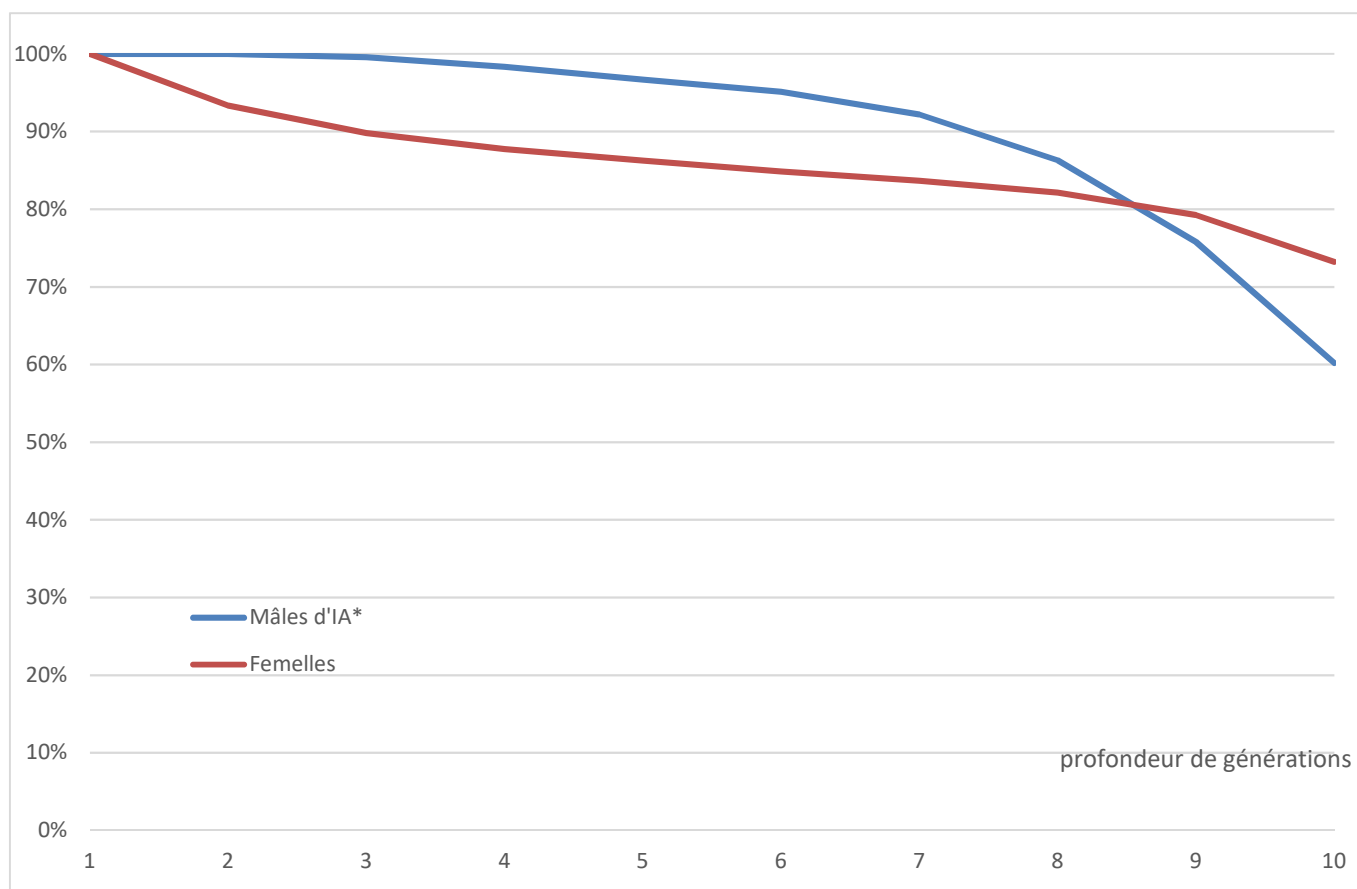
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,3
Moyenne 4 voies	4,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	166 387	417
Nb moyen de générations remontées	10,3	10,0
Nb moyen d'ancêtres connus	19 398	8 075
Nb maximum de générations remontées	31	27

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2016 -2019

Nombre de fondateurs	60 741
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	179
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	40
Ratio Ae/Fe	22,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	10,5%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	16

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR3704379003	P306PIRATE	M	1979	10,5%	10,5%	10,5%
2	FR7953582008	T317TANGO	M	1982	5,0%	5,0%	15,5%
3	FR7978286154	BAZAN	M	1986	4,6%	4,6%	20,0%
4	FR53709570240	CHILI	M	2007	4,9%	3,8%	23,8%
5	FR7930990076	FANTOME	M	1990	4,6%	3,5%	27,2%
6	FR7965680021	R312RAPHAË	M	1980	3,3%	3,1%	30,4%
7	FR7997292016	HAVANE	M	1992	3,7%	3,1%	33,4%
8	FR7981080005	RENARDE	F	1980	3,2%	3,0%	36,5%
9	FR7910386134	B310BIBAR	M	1986	2,5%	2,2%	38,7%
10	FR3711582038	TRAPPE	F	1982	2,2%	2,1%	40,8%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	10,3
Consanguinité moyenne (%)	2,8
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,38
Parenté (%)	2,8
Consanguinité des parents (%)	1,4
Parentés des parents (%)	1,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	190
Taille efficace (méthode démographique)	22 309

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité (% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	8,3%
entre 0 à 3,125% inclus	59,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	28,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	3,2%
entre 12,5% à 25% inclus	0,7%
plus de 25%	0,4%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 4,2%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans **0,28**

