

Saanen**Informations démographiques**

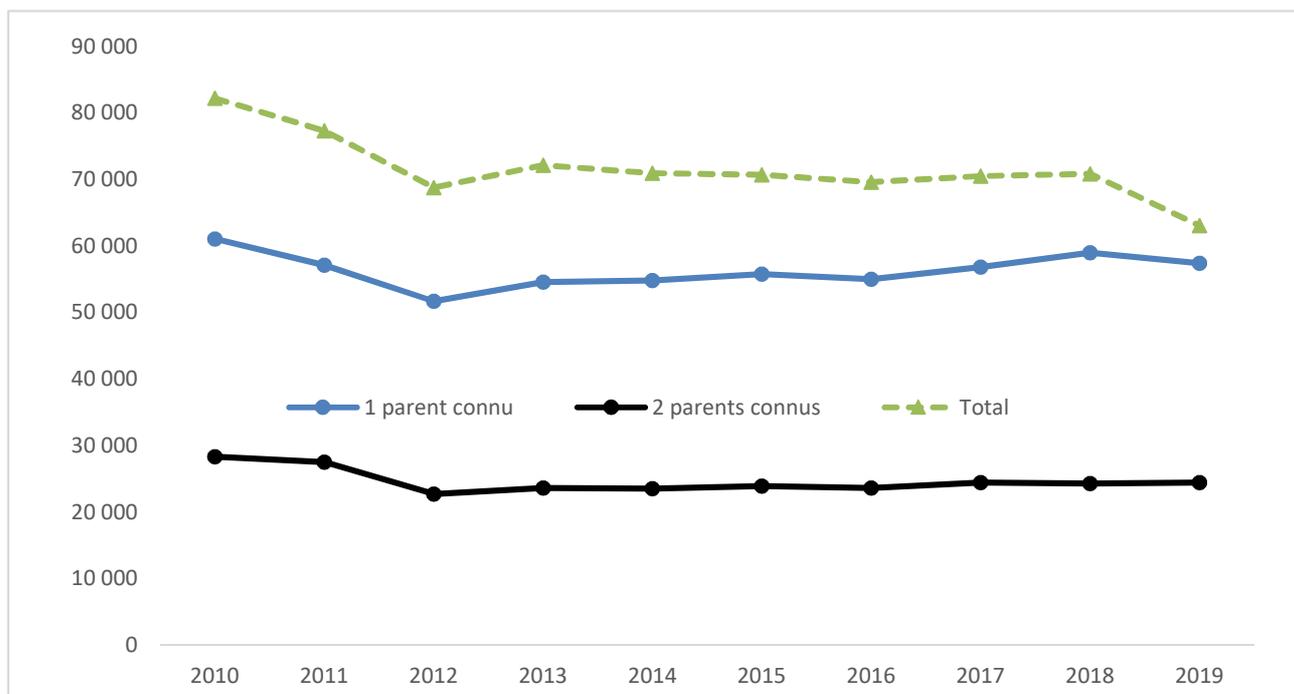
Période de naissance des femelles 2016 -2019

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	274 008	312
Nb pères différents	3 616	87
Nb max de descendants par père	1 037	9
Nb grands-pères paternels différents	416	56
Nb max de descendants par GPP	5 129	21
Nb mères différentes	131 635	295
Nb max de descendants par mère	11	2
Nb grands-pères maternels différents	5 353	56
Nb max de descendants par GPM	1 102	8
Nb d'animaux avec deux parents connus	96 749	312

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 35%

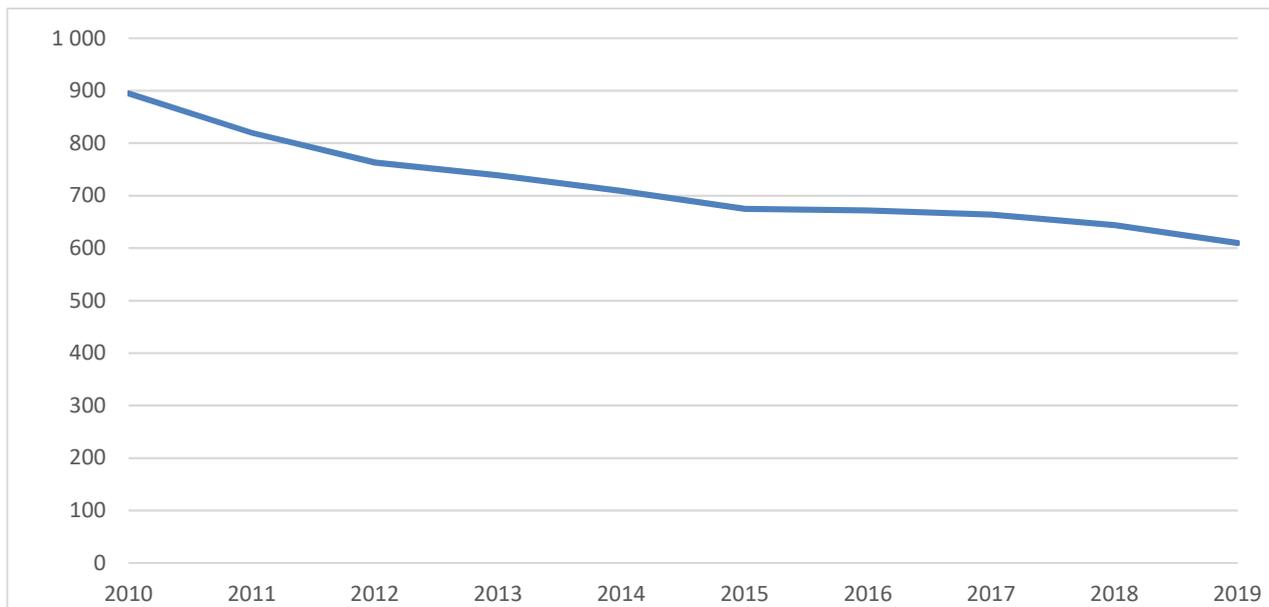
% femelles issues IA 18

Evolution de la population femelle

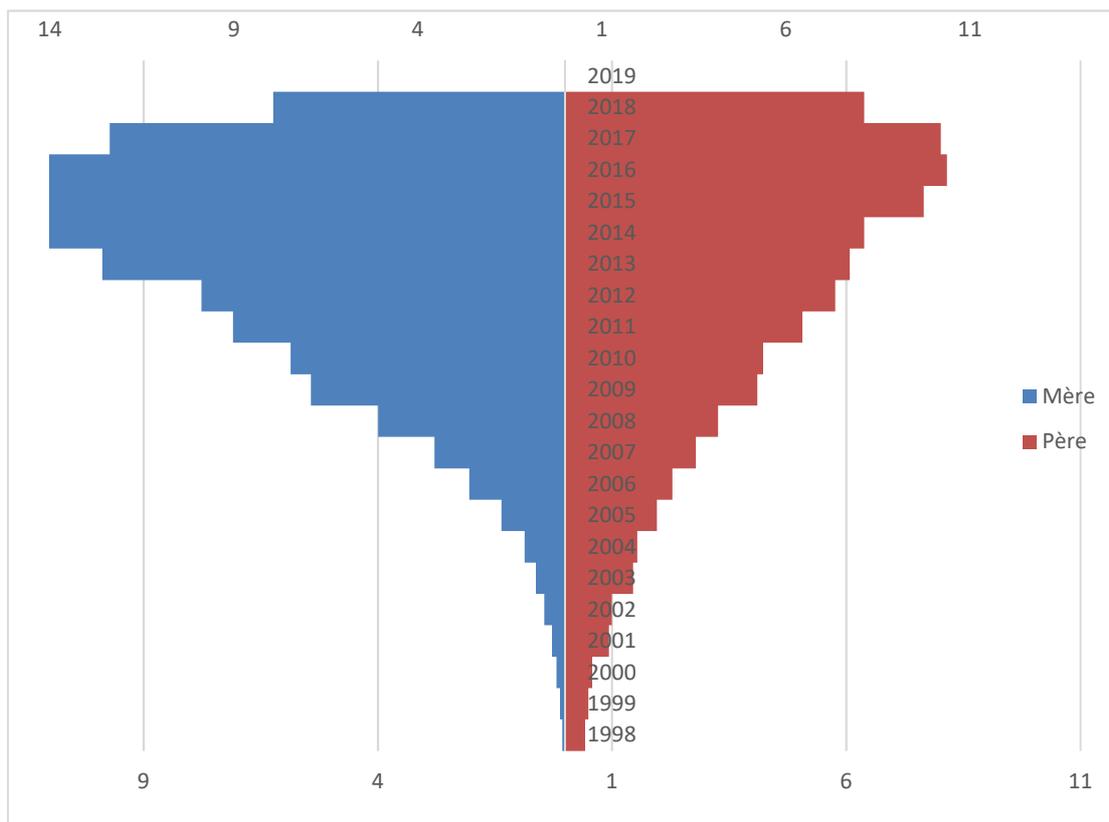
Croissance démographique ●-7

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

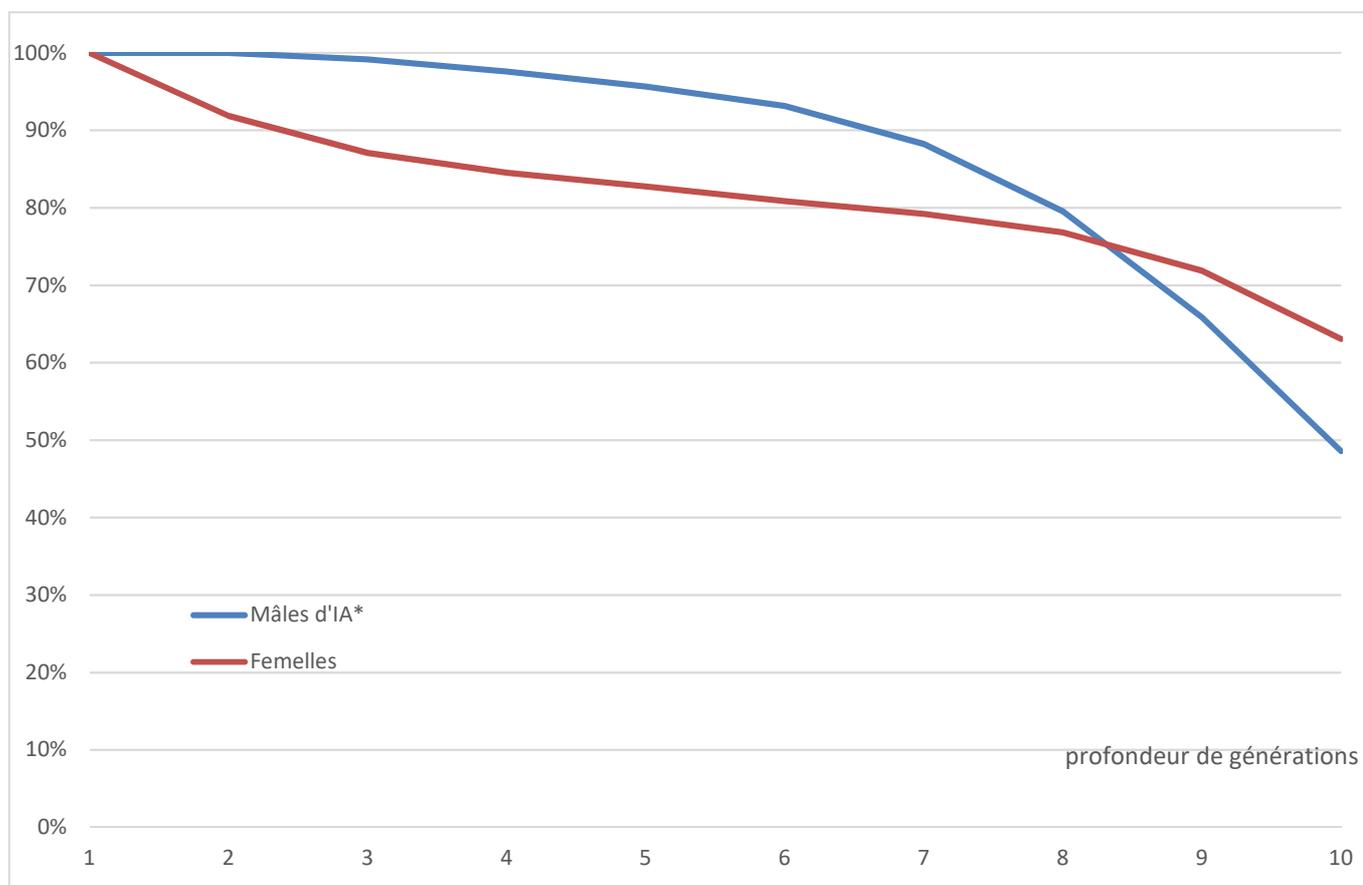
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,9
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,2
Moyenne 4 voies	4,1

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	96 535	312
Nb moyen de générations remontées	9,4	9,3
Nb moyen d'ancêtres connus	12 495	4 982
Nb maximum de générations remontées	30	24

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2016 -2019

Nombre de fondateurs	46 762
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	83
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	39
Ratio Ae/Fe	46,8%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	8,7%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	15

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR7955994029	JUMP	M	1994	8,7%	8,7%	8,7%
2	FR7905887002	COLLARO	M	1987	7,3%	7,3%	16,0%
3	FR8601275062	LYS	M	1975	6,9%	5,9%	21,9%
4	FR7941890040	FRANCK	M	1990	5,1%	4,7%	26,7%
5	FR9900170256	MIXER	M	1970	6,1%	3,7%	30,4%
6	FR7979982038	T321TAPIOC	M	1982	5,9%	3,5%	33,8%
7	FR9900271277	GOODSON JA	M	1971	4,4%	2,9%	36,7%
8	FR8618890050	FUSAIN	M	1990	2,4%	2,3%	39,0%
9	FR7944484018	VETERAN	M	1984	3,4%	2,1%	41,1%
10	FR7961896019	MERVEILLEU	M	1996	3,4%	2,0%	43,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	9,4
Consanguinité moyenne (%)	3,4
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,41
Parenté (%)	3,2
Consanguinité des parents (%)	1,5
Parentés des parents (%)	0,9
Taille efficace (méthode Cervantès)	149
Taille efficace (méthode démographique)	14 077

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité (% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	10,7%
entre 0 à 3,125% inclus	36,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	46,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	6,0%
entre 12,5% à 25% inclus	0,9%
plus de 25%	0,5%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **7,4%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans **0,11**

