

**BIZET****Informations démographiques**

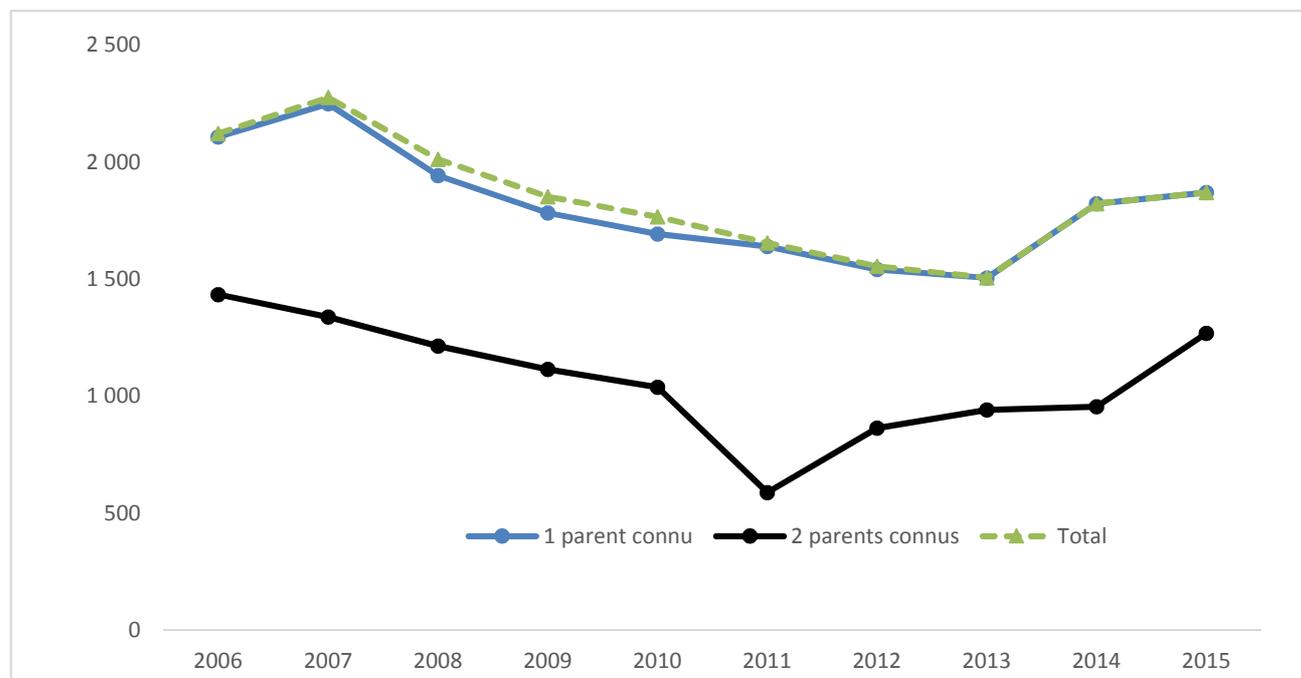
Période de naissance des femelles 2012 -2015

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	6 736
Nb pères différents	91
Nb max de descendants par père	126
Nb grands-pères paternels différents	53
Nb max de descendants par GPP	337
Nb mères différentes	3 519
Nb max de descendants par mère	9
Nb grands-pères maternels différents	180
Nb max de descendants par GPM	191
Nb d'animaux avec deux parents connus	4 031

Rapport 2 parents connus/total des femelles 60%

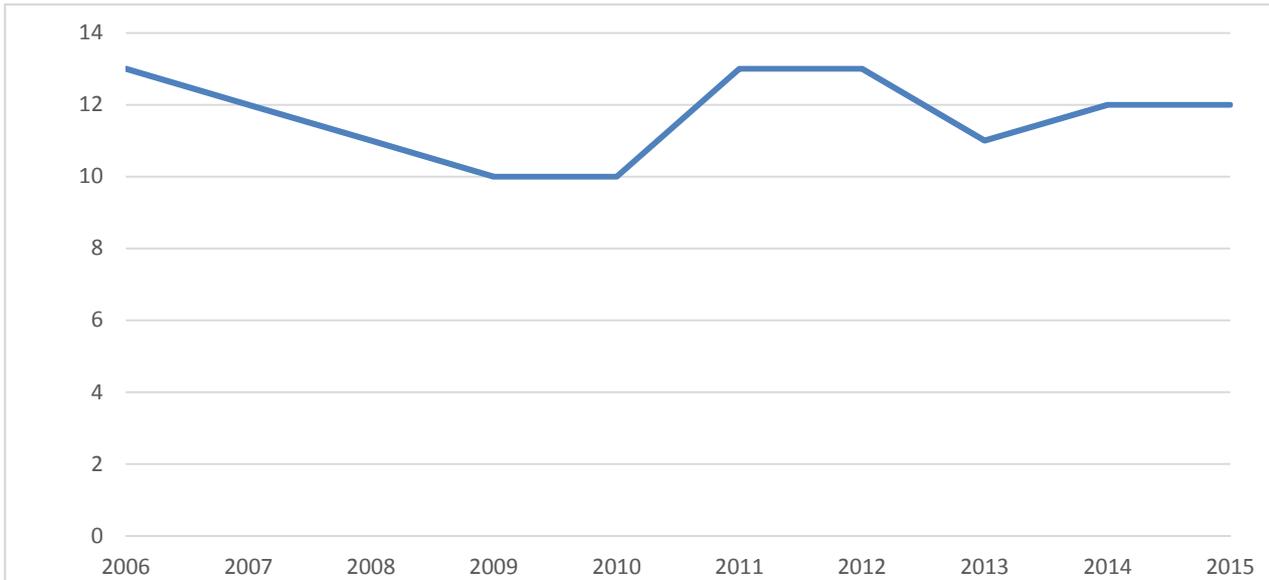
% femelles issues IA 0

**Evolution de la population femelle**

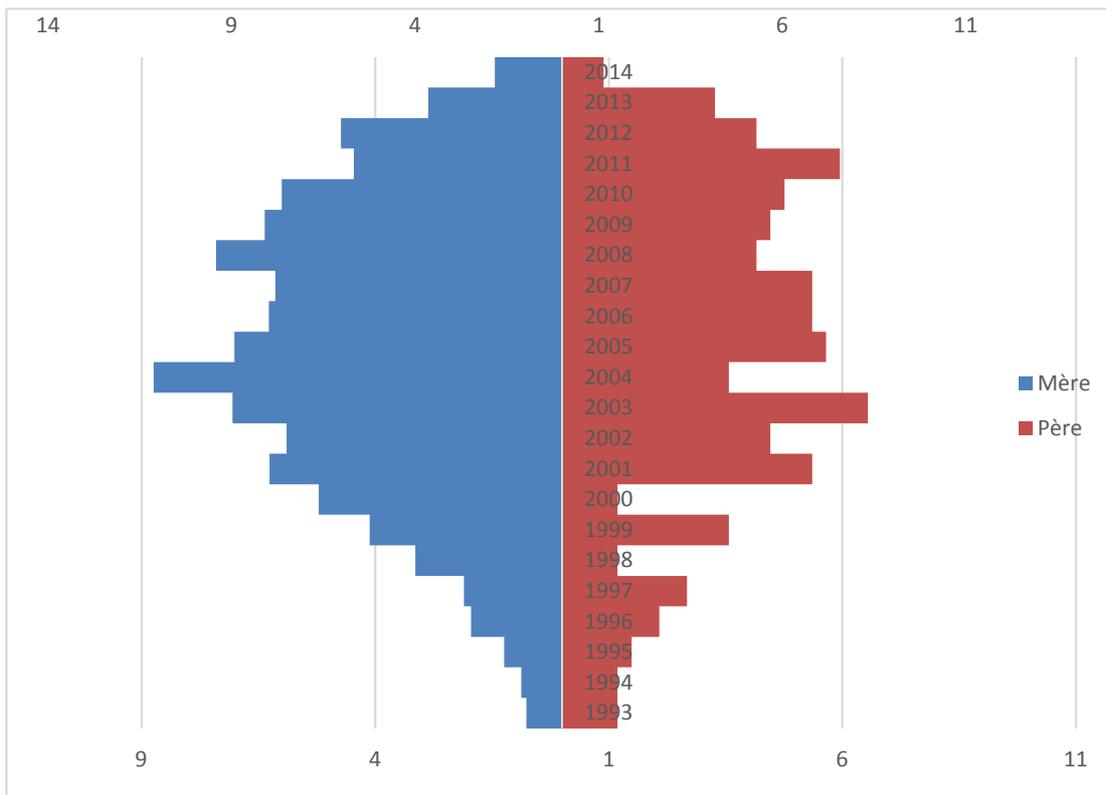
Croissance démographique ● -16

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

### Evolution du nombre de naisseurs



### Pyramide des âges de la population active femelle (%)



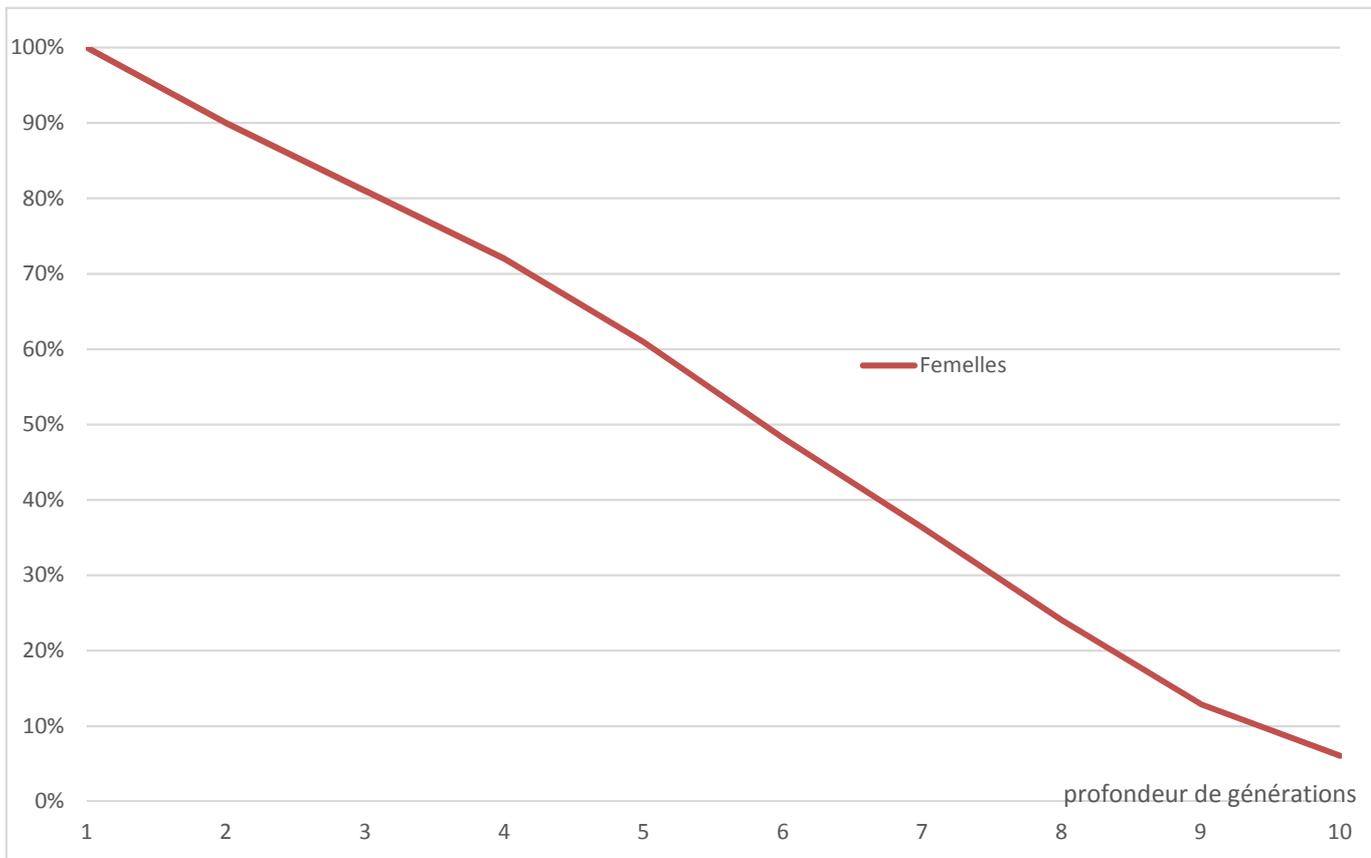
### Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,9
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,1
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,5
Moyenne 4 voies	3,9

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	4 031
Nb moyen de générations remontées	5,4
Nb moyen d'ancêtres connus	438
Nb maximum de générations remontées	19

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	2 772
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	203
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	82
Ratio Ae/Fe	40,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,8%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	30

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	15127027930134		M	1993	4,8%	4,8%	4,8%
2	15127027900050		M	1990	3,3%	3,3%	8,1%
3	15042243870569		M	1988	3,1%	3,1%	11,3%
4	15207300980149		M	1998	3,0%	3,0%	14,3%
5	32587281552		M	2008	3,6%	3,0%	17,2%
6	12044156000048		M	2000	2,6%	2,6%	19,8%
7	43258015840528		M	1985	3,5%	2,3%	22,1%
8	32587290949		M	2009	2,5%	1,9%	24,0%
9	15127027970069		M	1997	1,9%	1,9%	25,9%
10	32587281267		M	2008	2,0%	1,8%	27,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## **Probabilité d'identité des gènes**

Nombre de générations connues	5,4
Consanguinité moyenne (%)	0,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	1,3
Consanguinité des parents (%)	0,5
Parentés des parents (%)	0,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	201
Taille efficace (méthode démographique)	355

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### **Répartition de la consanguinité**

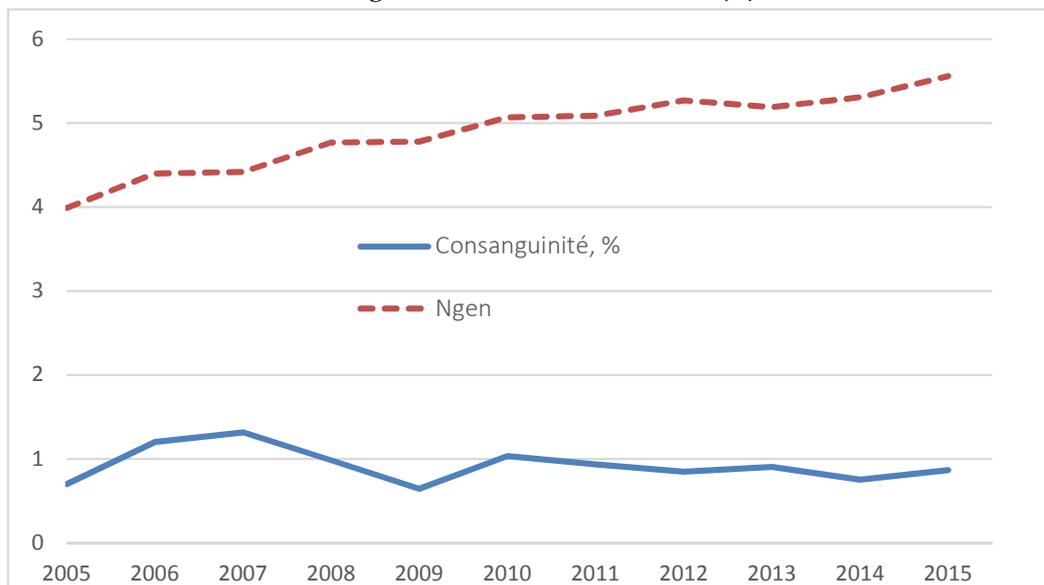
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	22,9%
entre 0 à 3,125% inclus	72,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	3,7%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,6%
entre 12,5% à 25% inclus	0,1%
plus de 25%	0,6%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	1,3%

### **Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)**

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,17



**BLANC DU MASSIF CENTRAL****Informations démographiques**

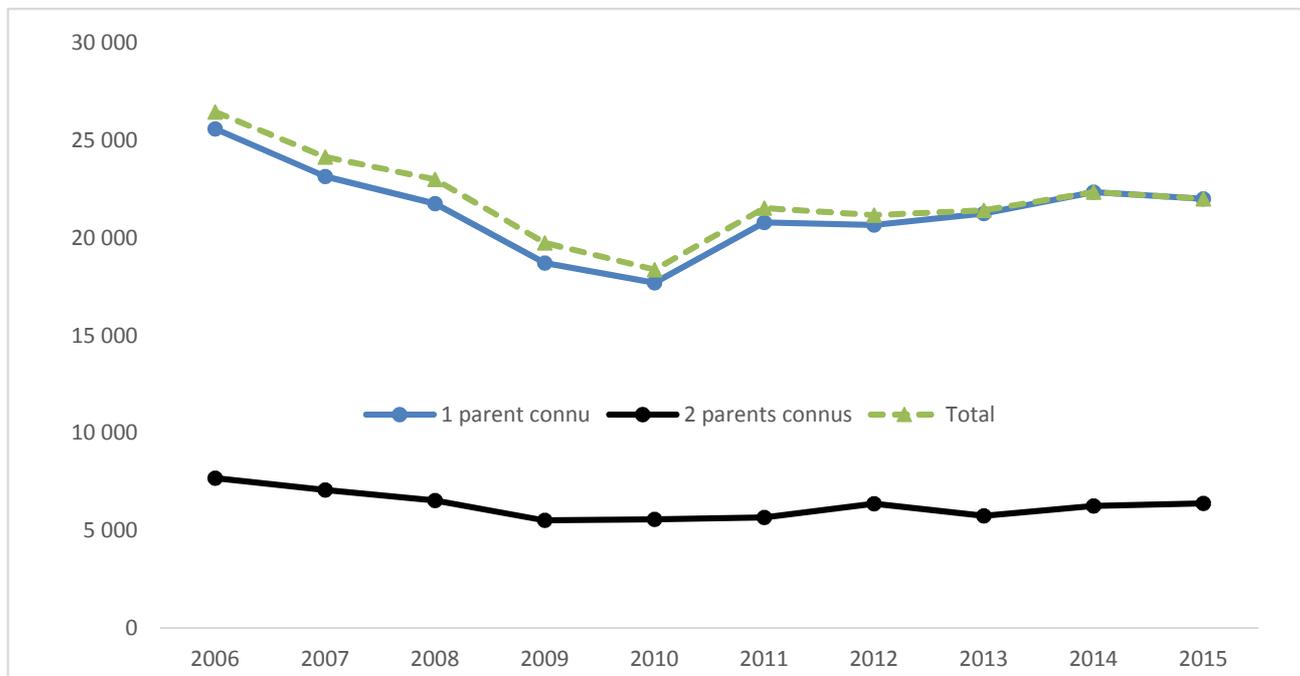
Période de naissance des femelles 2012 -2015

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	86 342	128
Nb pères différents	536	89
Nb max de descendants par père	572	7
Nb grands-pères paternels différents	238	74
Nb max de descendants par GPP	1 179	9
Nb mères différentes	38 087	127
Nb max de descendants par mère	11	2
Nb grands-pères maternels différents	913	74
Nb max de descendants par GPM	731	9
Nb d'animaux avec deux parents connus	24 841	128

\* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 29%

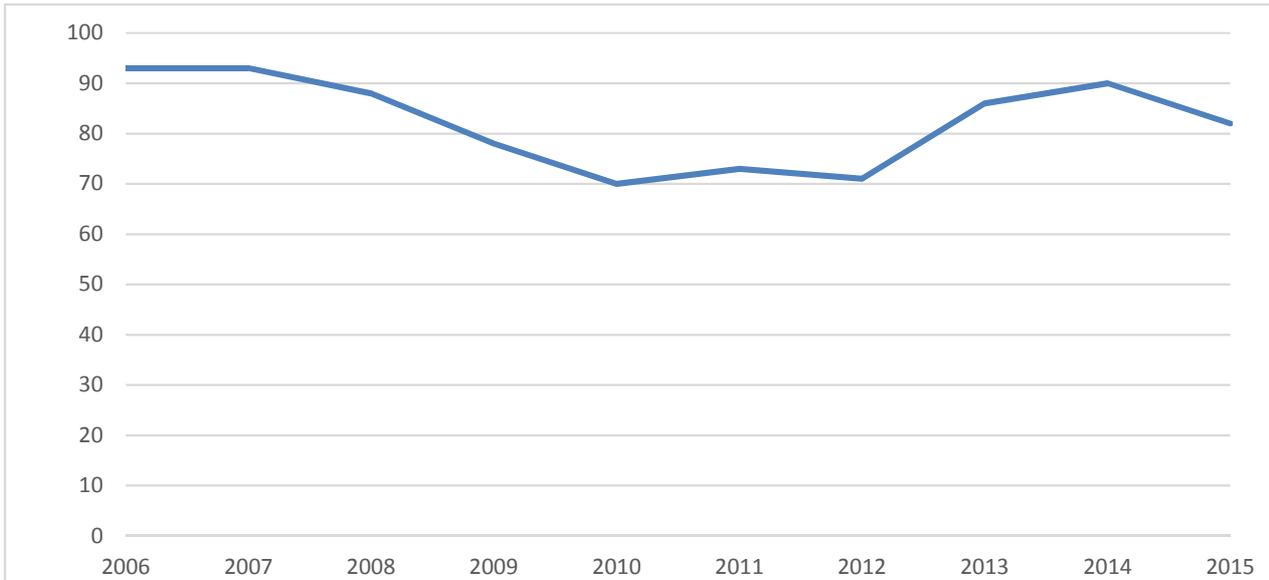
% femelles issues IA 15

**Evolution de la population femelle**

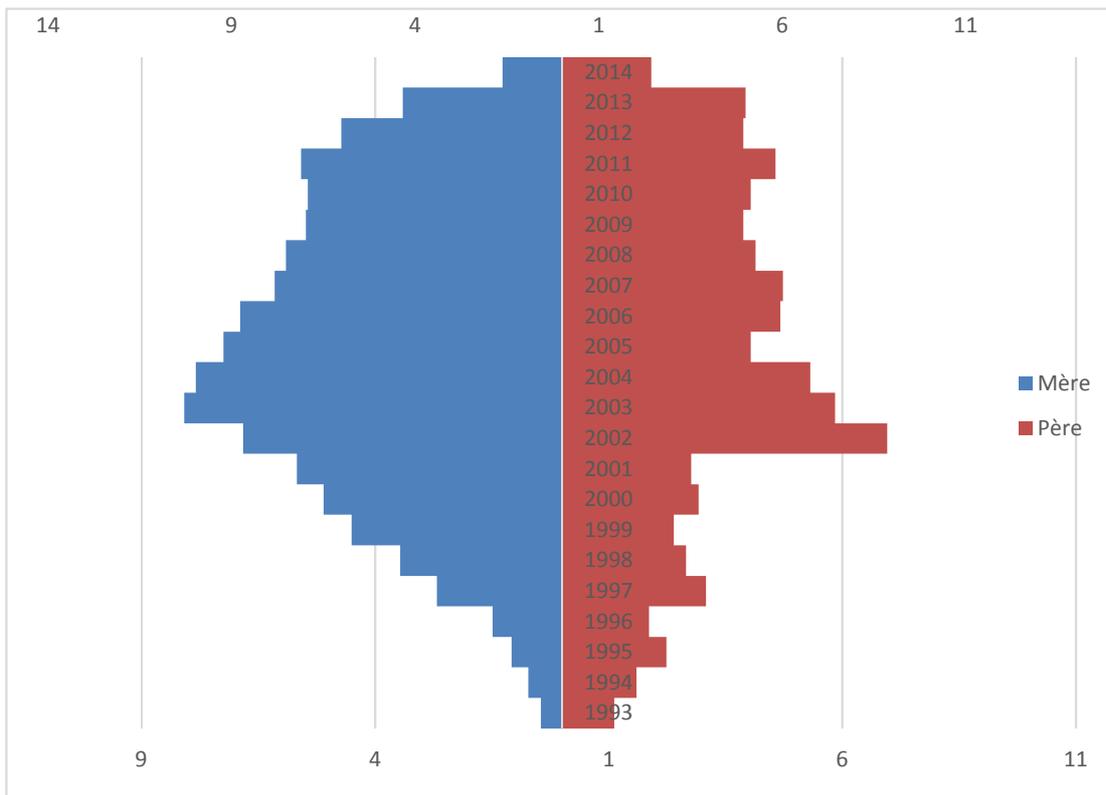
Croissance démographique ●-3

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

### Evolution du nombre de naisseurs



### Pyramide des âges de la population active femelle (%)



### Intervalle de générations des animaux reproducteurs

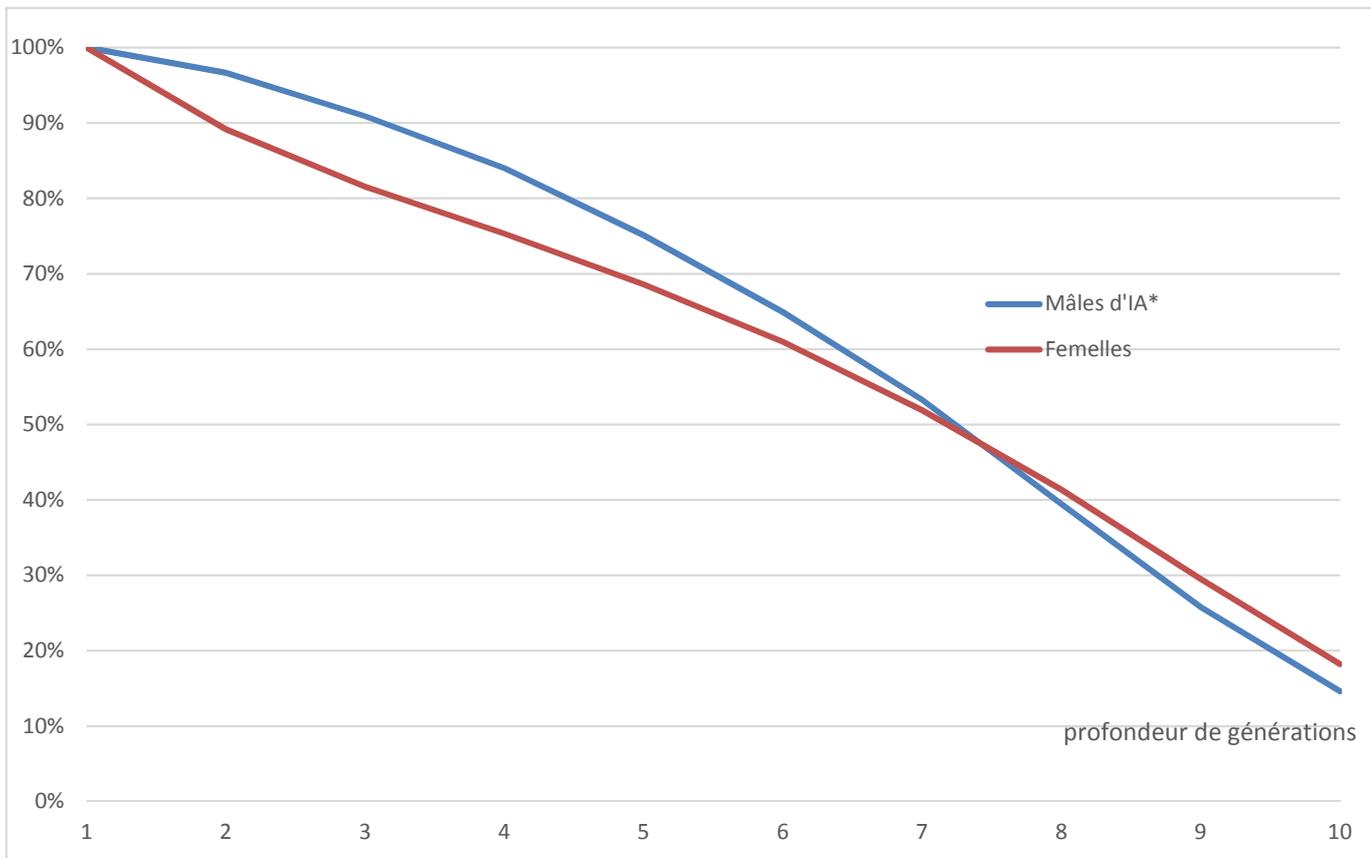
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,2
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,2
Moyenne 4 voies	3,6

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	24 841	128
Nb moyen de générations remontées	6,3	6,6
Nb moyen d'ancêtres connus	1 311	980
Nb maximum de générations remontées	21	19

\* père des femelles

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	17 206
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	404
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	136
Ratio Ae/Fe	33,8%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	2,8%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	56

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	15187062810508		M	1982	2,8%	2,8%	2,8%
2	43242008050054		M	2005	2,7%	2,6%	5,5%
3	15007001770555		M	1978	2,4%	2,4%	7,8%
4	15108060030053		M	2003	2,3%	2,3%	10,1%
5	23176860027		M	2006	2,2%	2,0%	12,1%
6	34253003030289		M	2003	2,1%	1,9%	14,0%
7	34522180264		M	2008	1,9%	1,8%	15,9%
8	35571380209		M	2008	2,1%	1,8%	17,7%
9	48081025990108		M	1999	1,8%	1,8%	19,5%
10	15187111820434		F	1982	2,0%	1,8%	21,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,3
Consanguinité moyenne (%)	0,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,3
Parenté (%)	0,8
Consanguinité des parents (%)	0,2
Parentés des parents (%)	0,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	407
Taille efficace (méthode démographique)	2 114

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### Répartition de la consanguinité

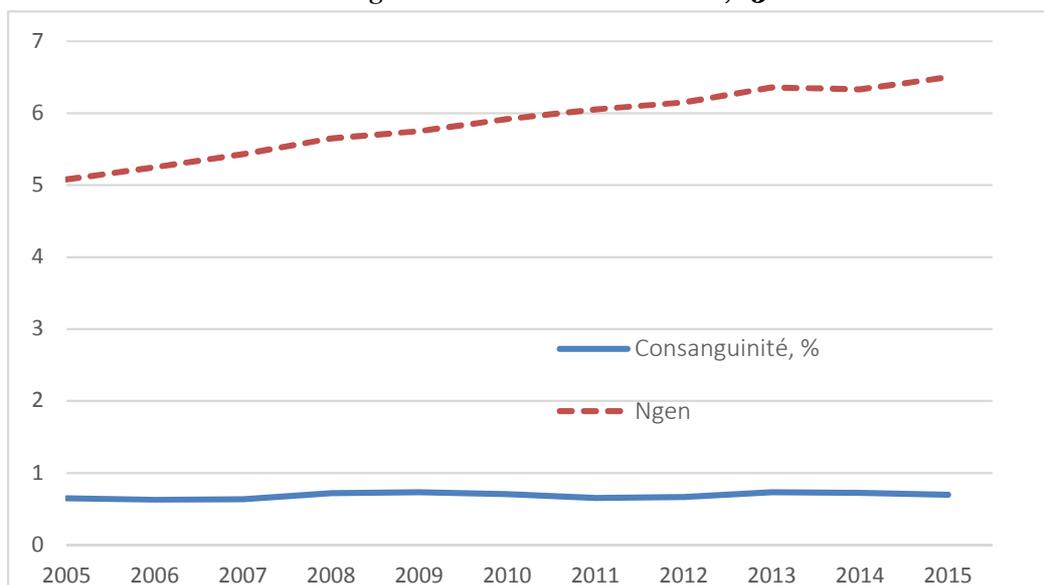
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	16,9%
entre 0 à 3,125% inclus	80,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	1,6%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,8%
entre 12,5% à 25% inclus	0,4%
plus de 25%	0,4%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	1,5%

### Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,05



**CAUSSES DU LOT****Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2012 -2015

Femelles

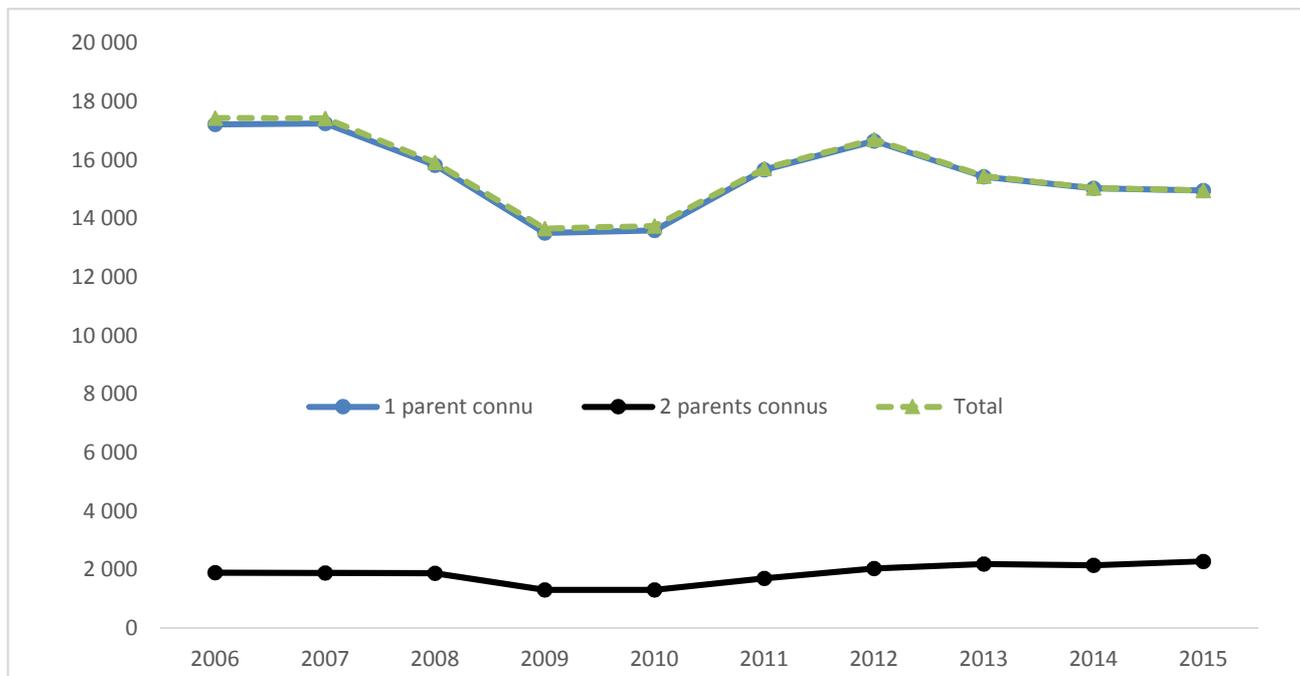
Mâles d'IA\*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	62 115	100
Nb pères différents	111	47
Nb max de descendants par père	418	9
Nb grands-pères paternels différents	52	37
Nb max de descendants par GPP	790	9
Nb mères différentes	28 481	97
Nb max de descendants par mère	10	2
Nb grands-pères maternels différents	239	37
Nb max de descendants par GPM	604	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	8 692	100

\* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 14%

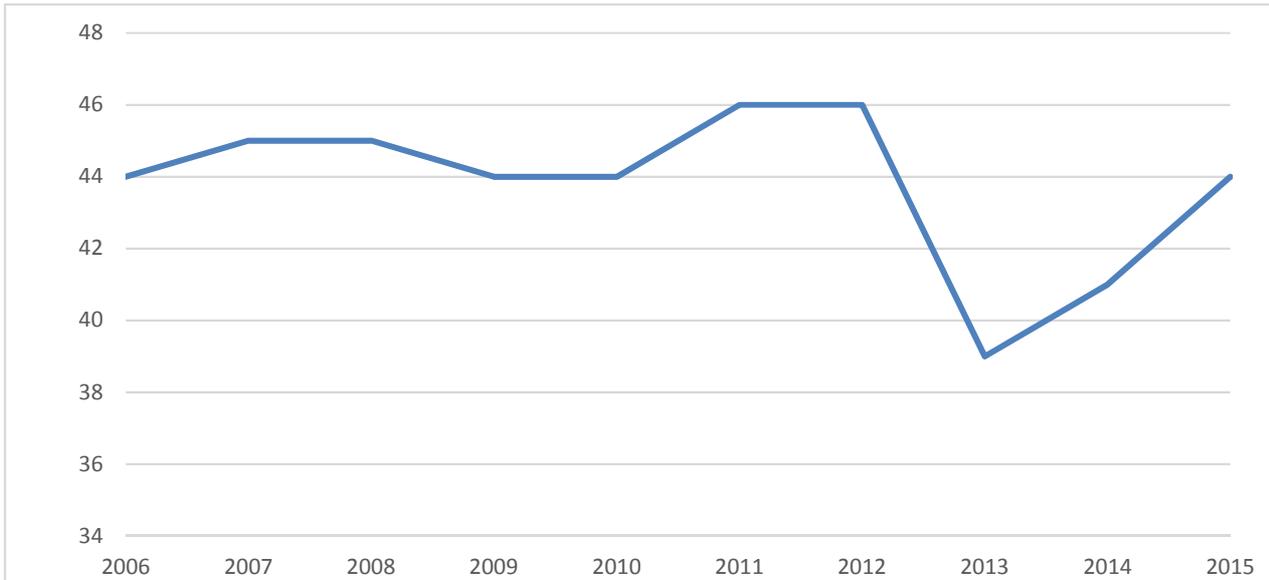
% femelles issues IA 14

**Evolution de la population femelle**

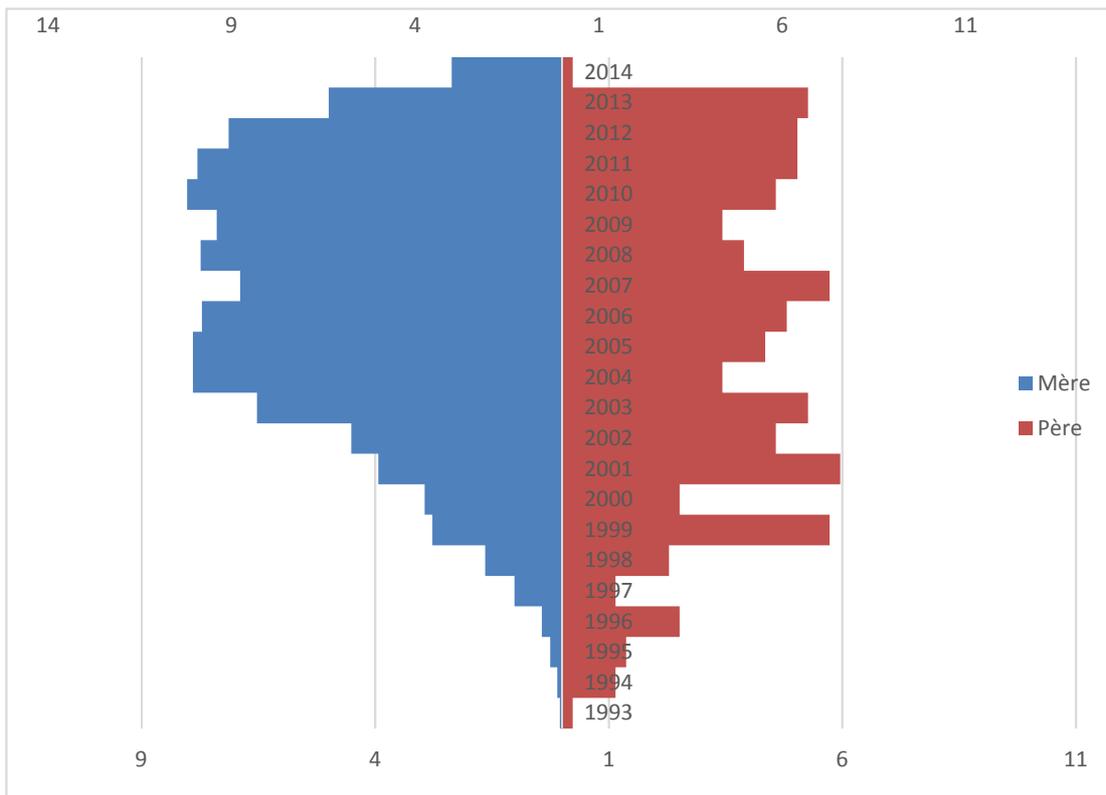
Croissance démographique ●○

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

### Evolution du nombre de naisseurs



### Pyramide des âges de la population active femelle (%)



### Intervalle de générations des animaux reproducteurs

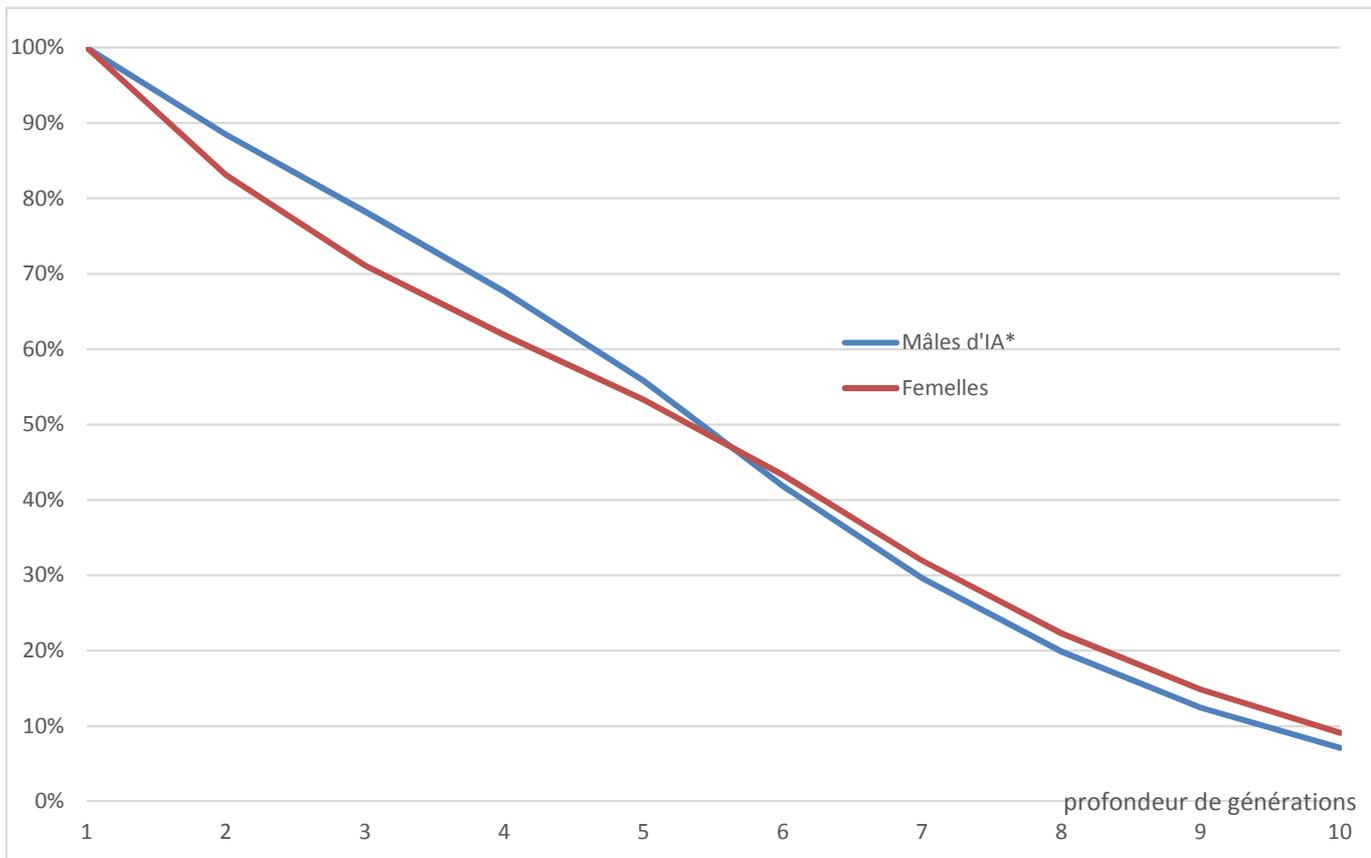
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,1
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,3
Moyenne 4 voies	3,9

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	8 692	100
Nb moyen de générations remontées	5,0	5,1
Nb moyen d'ancêtres connus	654	462
Nb maximum de générations remontées	19	17

\* père des femelles

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	13 167
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	524
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	95
Ratio Ae/Fe	18,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	3,7%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	40

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	46094032990562		M	2000	3,7%	3,7%	3,7%
2	34522070114		M	2007	3,6%	3,6%	7,3%
3	34530460020		M	2006	3,6%	3,6%	10,8%
4	34525160082		M	2006	3,1%	3,1%	14,0%
5	46018013940710		M	1995	3,1%	2,9%	16,9%
6	46003006860471		M	1987	2,5%	2,4%	19,3%
7	46204002930113		M	1994	2,6%	2,1%	21,4%
8	34518100196		M	2010	1,9%	1,9%	23,3%
9	34514070173		M	2007	2,1%	1,8%	25,1%
10	34522070097		M	2007	1,8%	1,7%	26,8%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## **Probabilité d'identité des gènes**

Nombre de générations connues	5,0
Consanguinité moyenne (%)	0,6
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	1,1
Consanguinité des parents (%)	0,2
Parentés des parents (%)	0,1
Taille efficace (méthode Cervantès)	239
Taille efficace (méthode démographique)	442

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### **Répartition de la consanguinité**

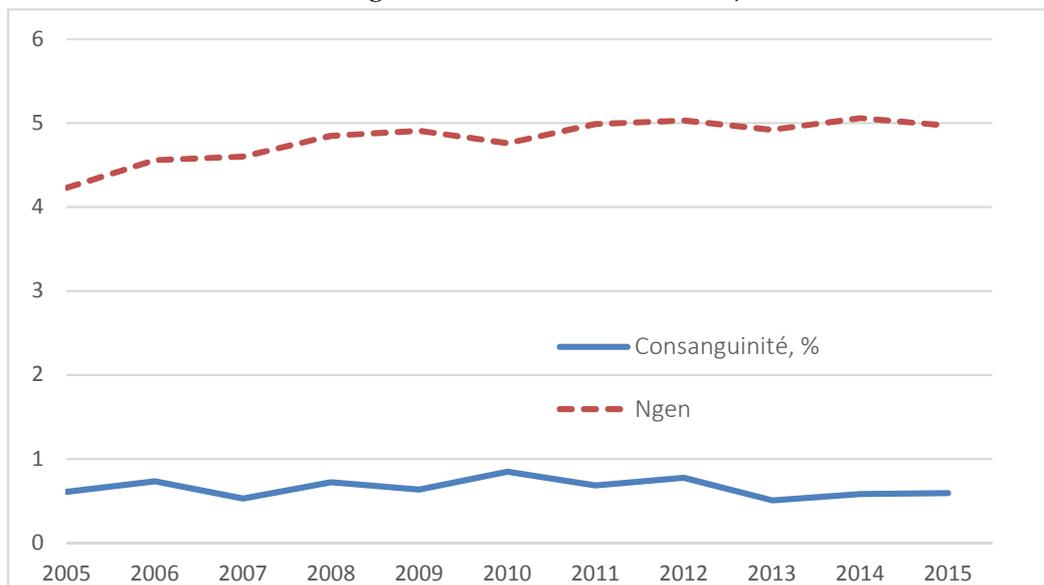
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	24,6%
entre 0 à 3,125% inclus	70,7%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,8%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,1%
entre 12,5% à 25% inclus	0,6%
plus de 25%	0,2%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	1,8%

### **Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)**

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

**-0,02**



**EST A LAINE MERINOS****Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2012 -2015

Femelles

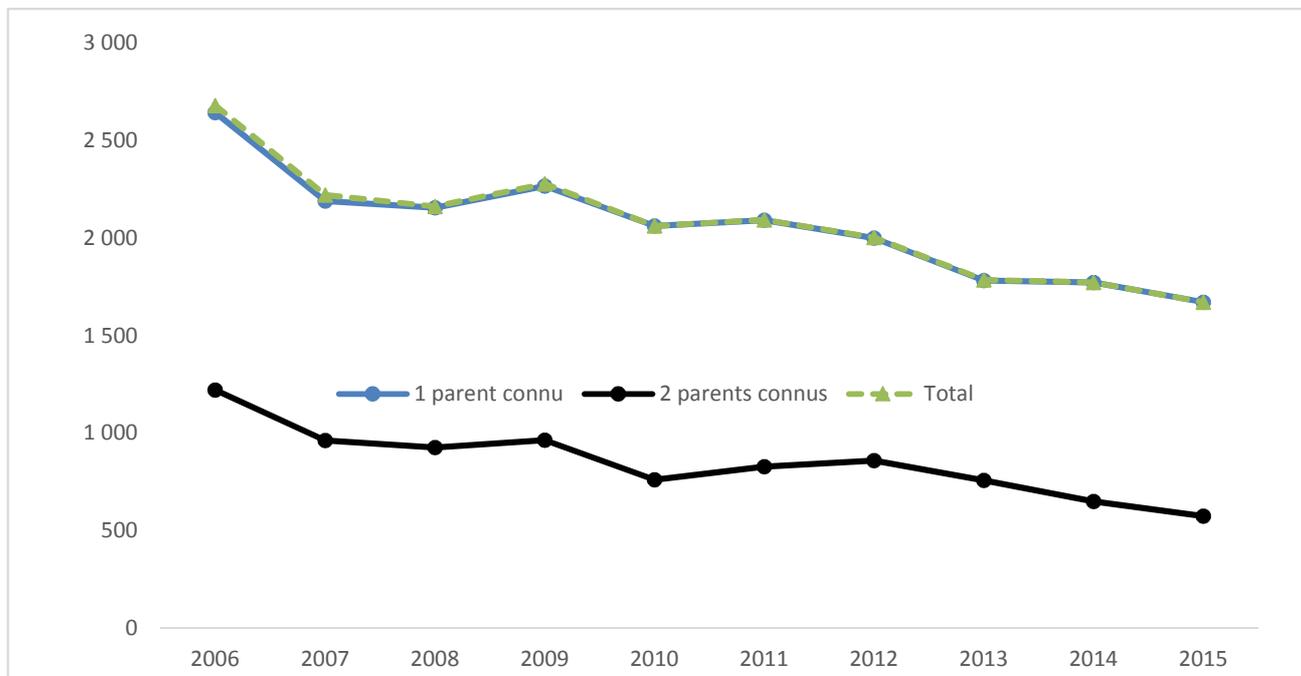
Mâles d'IA\*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	7 230	25
Nb pères différents	74	22
Nb max de descendants par père	168	2
Nb grands-pères paternels différents	44	18
Nb max de descendants par GPP	209	3
Nb mères différentes	3 434	24
Nb max de descendants par mère	9	1
Nb grands-pères maternels différents	170	18
Nb max de descendants par GPM	225	2
Nb d'animaux avec deux parents connus	2 845	24

\* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 39%

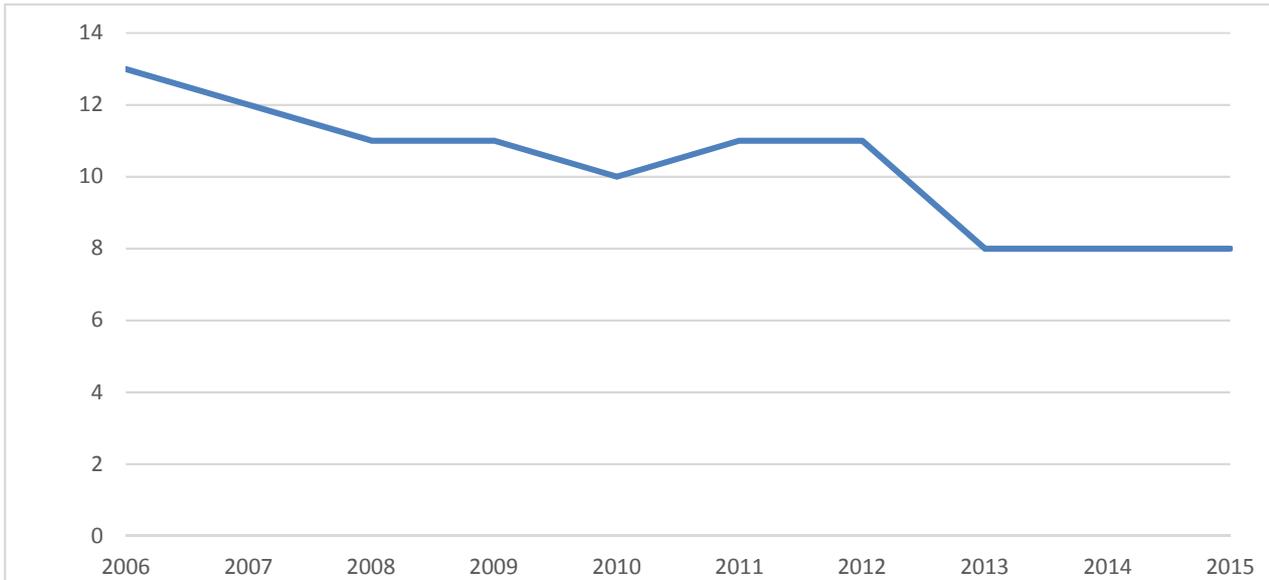
% femelles issues IA 12

**Evolution de la population femelle**

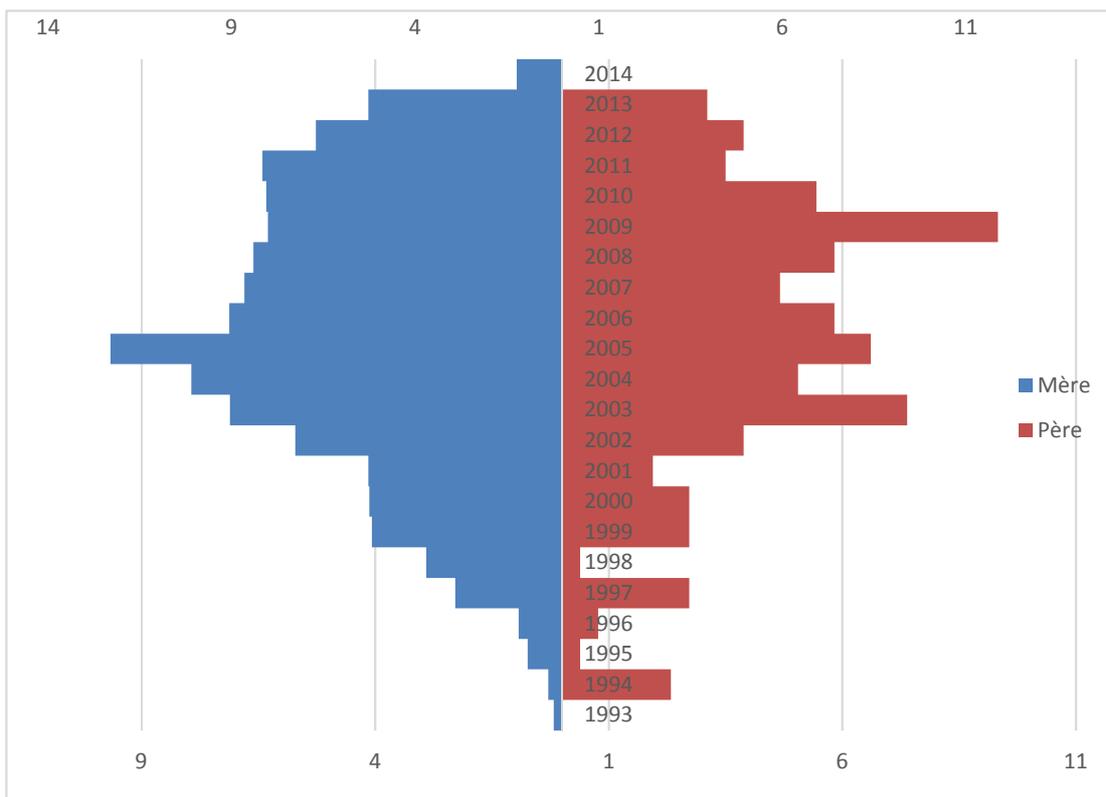
Croissance démographique ● -18

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

### Evolution du nombre de naisseurs



### Pyramide des âges de la population active femelle (%)



### Intervalle de générations des animaux reproducteurs

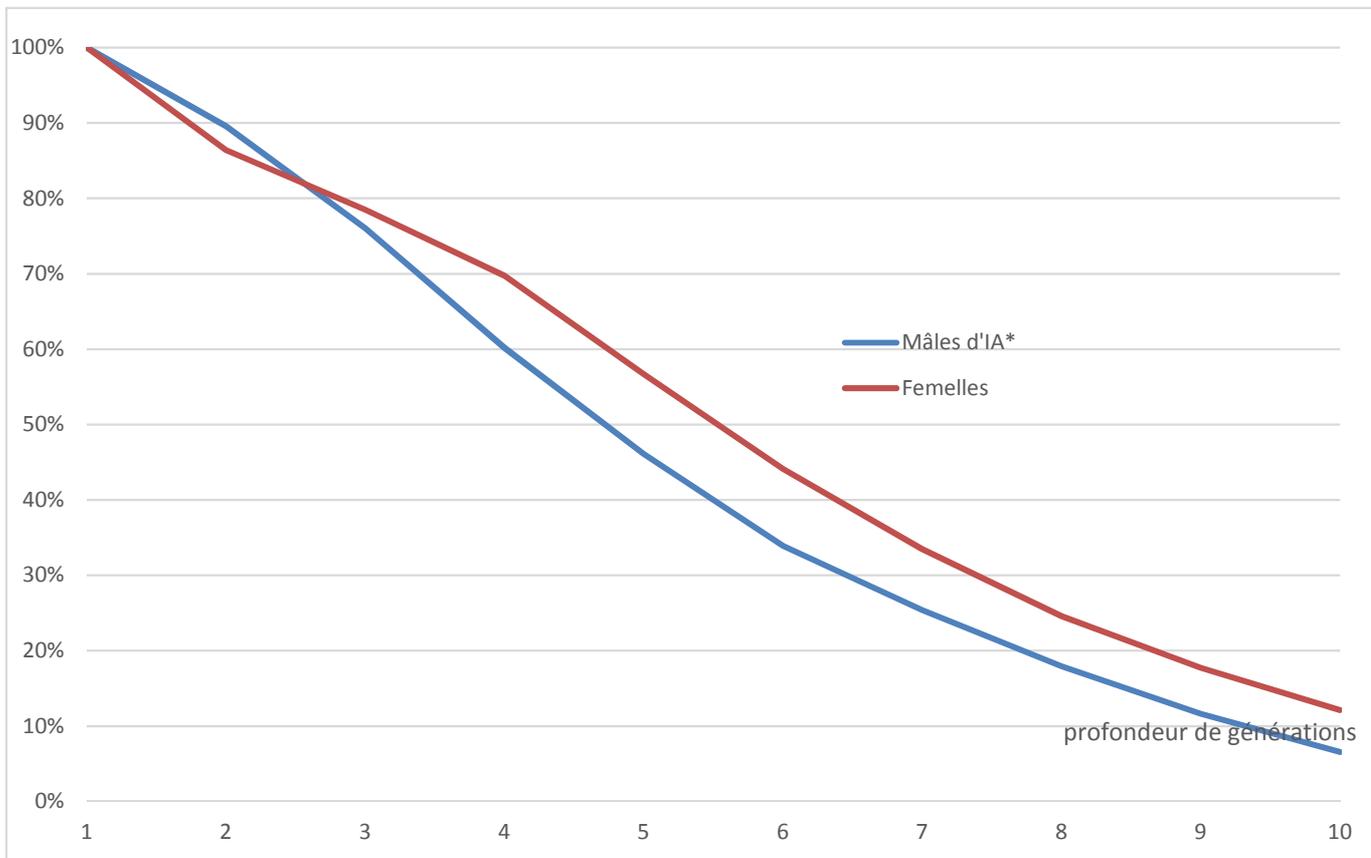
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,0
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,2
Moyenne 4 voies	3,7

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	2 845	24
Nb moyen de générations remontées	5,4	4,7
Nb moyen d'ancêtres connus	919	425
Nb maximum de générations remontées	19	16

\* père des femelles

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	2 215
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	139
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	57
Ratio Ae/Fe	40,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,3%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	21

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	39545560105		M	2006	5,3%	5,3%	5,3%
2	57383003050059		M	2005	5,3%	5,3%	10,6%
3	54435301970203		M	1997	4,9%	4,9%	15,5%
4	54498303910003		M	1991	4,6%	4,0%	19,5%
5	54329201040039		M	2004	3,7%	3,5%	23,0%
6	DE01080005050		M	2009	3,5%	3,5%	26,5%
7	57268011990352		M	1999	2,9%	2,5%	29,0%
8	39500480127		M	2008	2,4%	2,3%	31,2%
9	99077078970321		M	1997	2,3%	1,9%	33,2%
10	41022100026		M	2010	1,9%	1,7%	34,9%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## **Probabilité d'identité des gènes**

Nombre de générations connues	5,4
Consanguinité moyenne (%)	1,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,5
Parenté (%)	1,7
Consanguinité des parents (%)	0,6
Parentés des parents (%)	0,7
Taille efficace (méthode Cervantès)	156
Taille efficace (méthode démographique)	290

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### **Répartition de la consanguinité**

(% de la population entre 2 seuils)

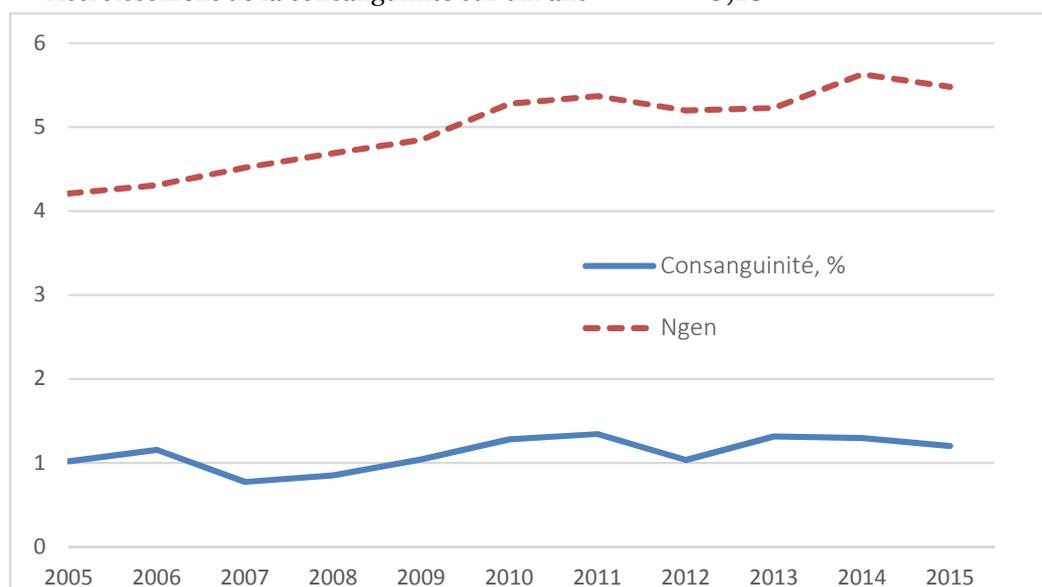
0% de consanguinité	18,3%
entre 0 à 3,125% inclus	72,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	5,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	3,0%
entre 12,5% à 25% inclus	1,1%
plus de 25%	0,3%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **4,4%**

### **Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)**

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

**0,18**



**GRIVETTE****Informations démographiques**

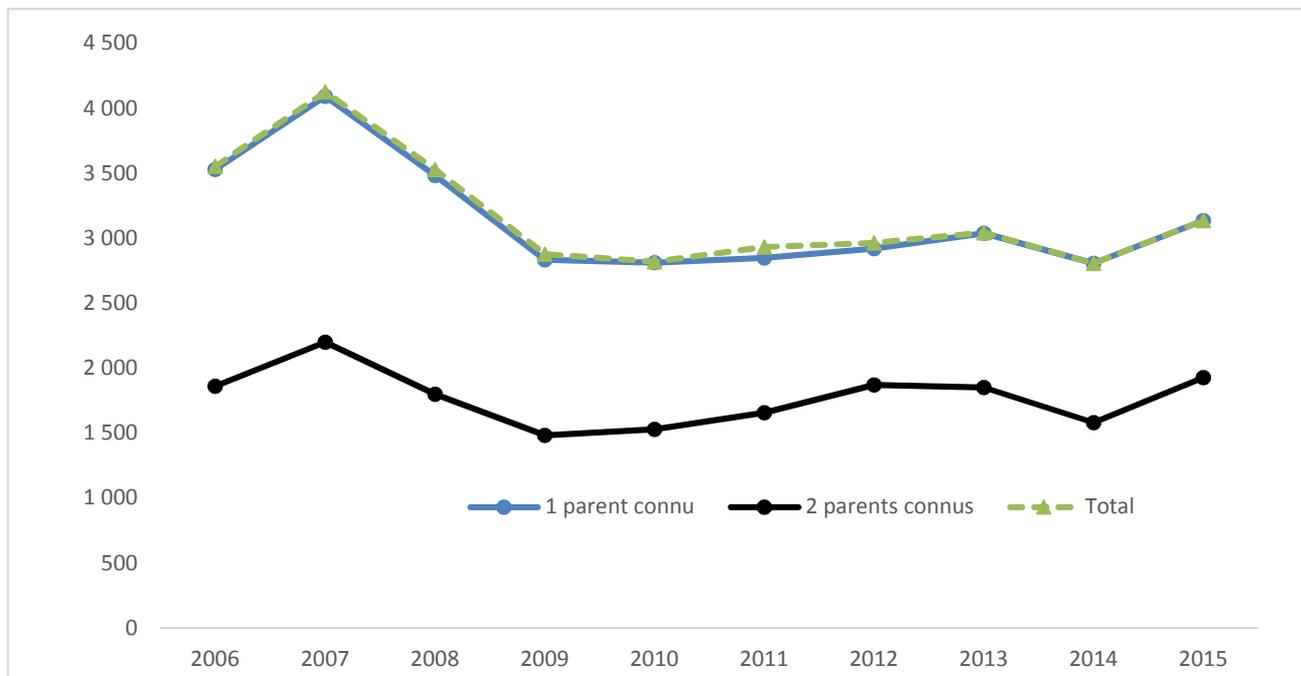
Période de naissance des femelles 2012 -2015

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	11 897
Nb pères différents	168
Nb max de descendants par père	153
Nb grands-pères paternels différents	84
Nb max de descendants par GPP	276
Nb mères différentes	5 329
Nb max de descendants par mère	11
Nb grands-pères maternels différents	266
Nb max de descendants par GPM	264
Nb d'animaux avec deux parents connus	7 233

Rapport 2 parents connus/total des femelles 61%

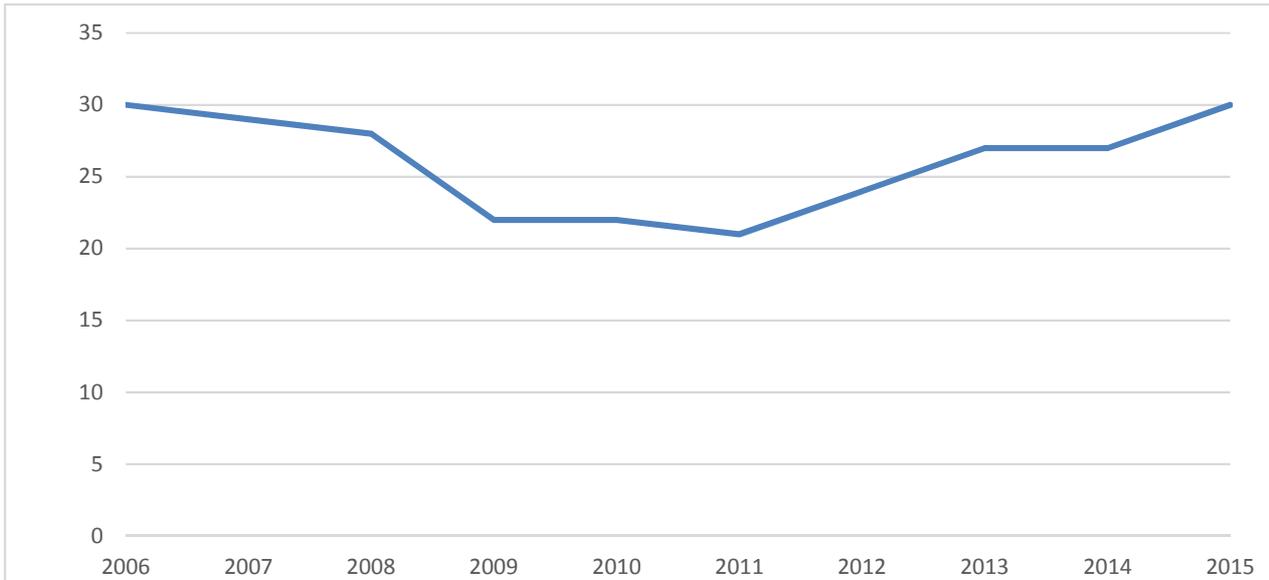
% femelles issues IA 0

**Evolution de la population femelle**

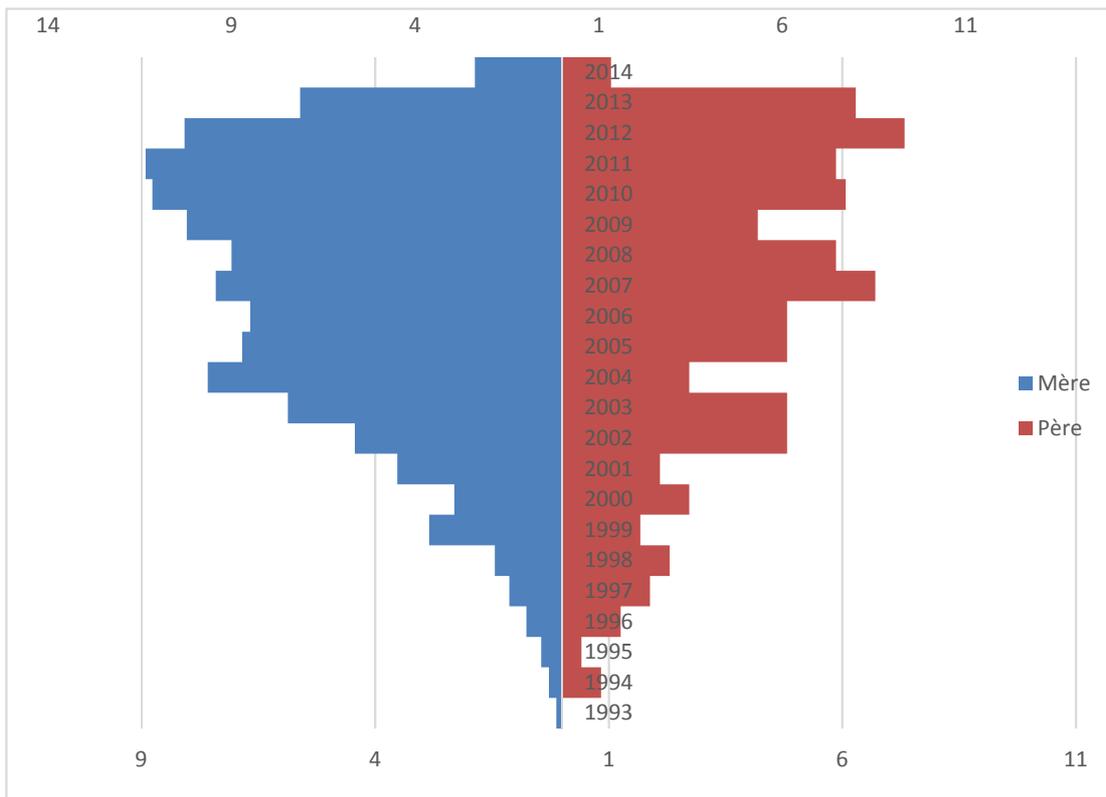
Croissance démographique ●-12

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

### Evolution du nombre de naisseurs



### Pyramide des âges de la population active femelle (%)



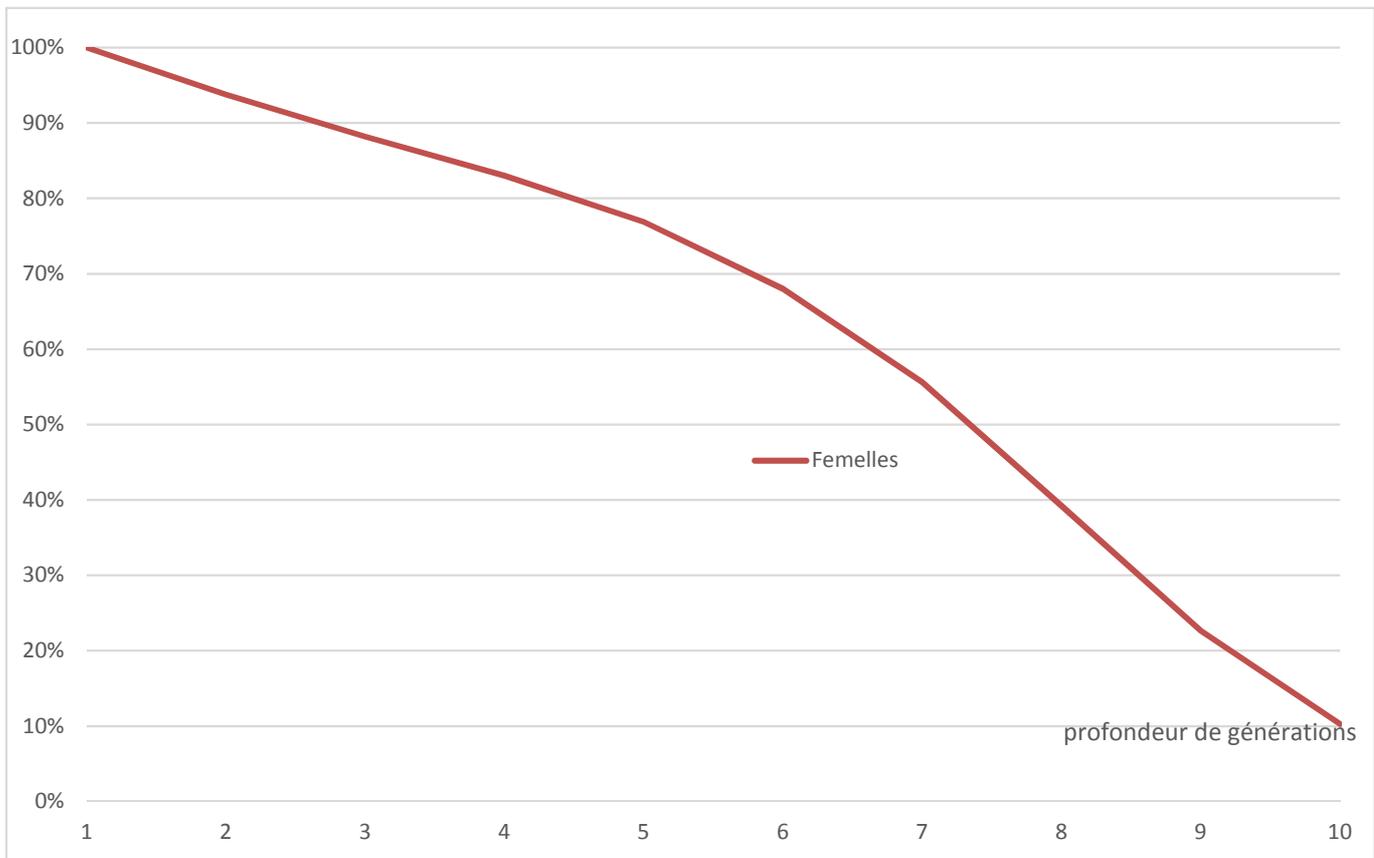
### Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,4
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,7
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,1
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,0
Moyenne 4 voies	3,3

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	7 233
Nb moyen de générations remontées	6,4
Nb moyen d'ancêtres connus	610
Nb maximum de générations remontées	20

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	3 430
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	320
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	81
Ratio Ae/Fe	25,3%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,6%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	31

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	69190080970232		M	1997	5,6%	5,6%	5,6%
2	63066116011180		M	2002	4,2%	3,7%	9,3%
3	11107005000598		M	2000	3,3%	3,3%	12,5%
4	38517007020273		M	2003	2,5%	2,5%	15,0%
5	69187271950155		M	1996	5,0%	2,2%	17,3%
6	48552360095		M	2006	2,1%	2,1%	19,3%
7	42329254990805		F	2000	1,9%	1,9%	21,2%
8	69014260920392		M	1993	1,8%	1,8%	23,1%
9	69190115020751		M	2002	1,8%	1,8%	24,8%
10	69190080010013		M	2001	1,7%	1,7%	26,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## **Probabilité d'identité des gènes**

Nombre de générations connues	6,4
Consanguinité moyenne (%)	0,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	1,4
Consanguinité des parents (%)	0,4
Parentés des parents (%)	0,7
Taille efficace (méthode Cervantès)	230
Taille efficace (méthode démographique)	651

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### **Répartition de la consanguinité**

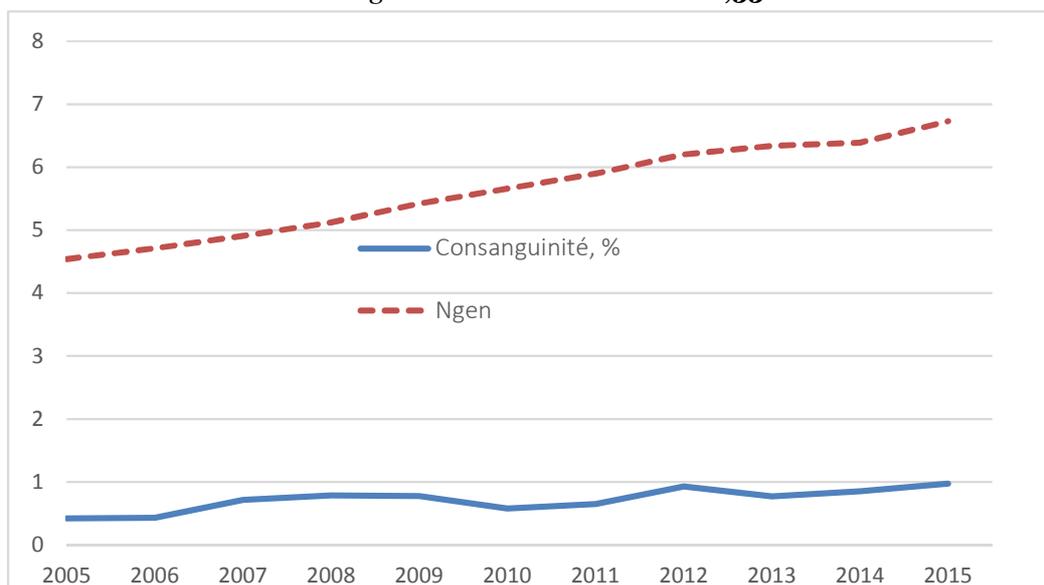
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	14,4%
entre 0 à 3,125% inclus	83,7%
entre 3,125% à 6,25% inclus	1,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,2%
entre 12,5% à 25% inclus	0,1%
plus de 25%	0,6%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	0,9%

### **Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)**

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,55



**LACAUNE VIANDE****Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2012 -2015

Femelles

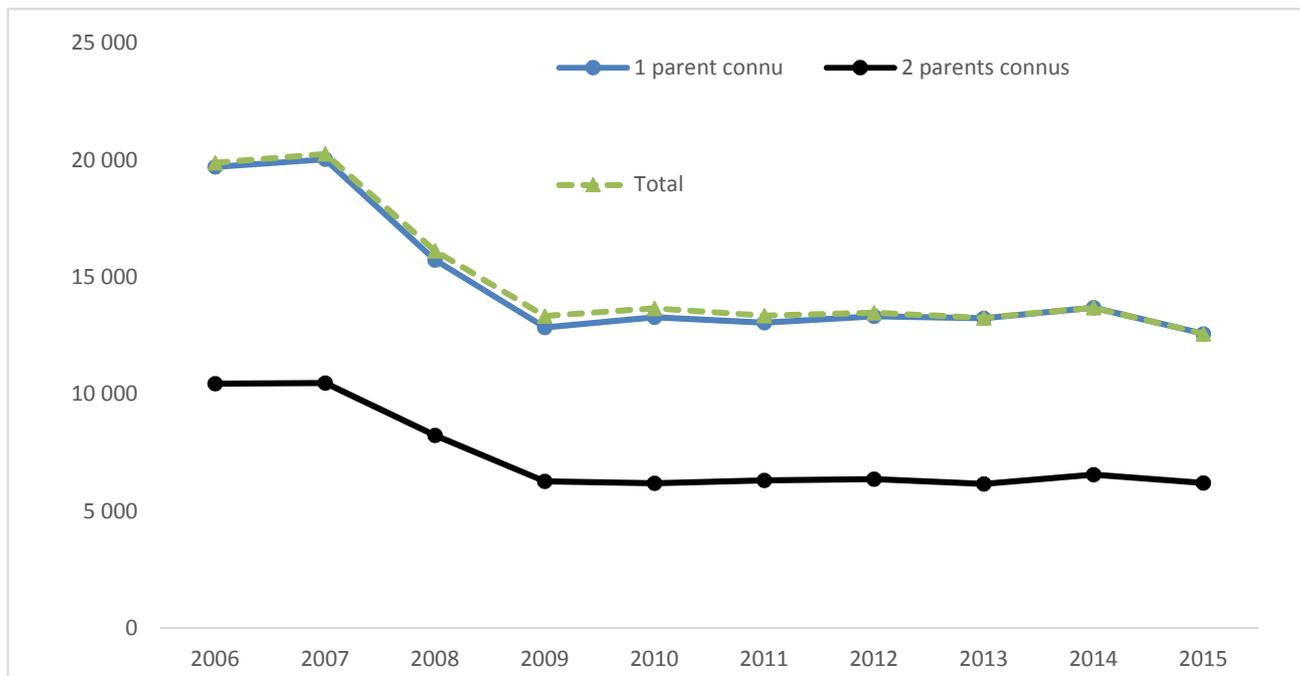
Mâles d'IA\*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	52 878	206
Nb pères différents	313	96
Nb max de descendants par père	937	15
Nb grands-pères paternels différents	134	72
Nb max de descendants par GPP	1 623	16
Nb mères différentes	20 442	194
Nb max de descendants par mère	13	2
Nb grands-pères maternels différents	674	72
Nb max de descendants par GPM	1 108	10
Nb d'animaux avec deux parents connus	25 330	205

\* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 48%

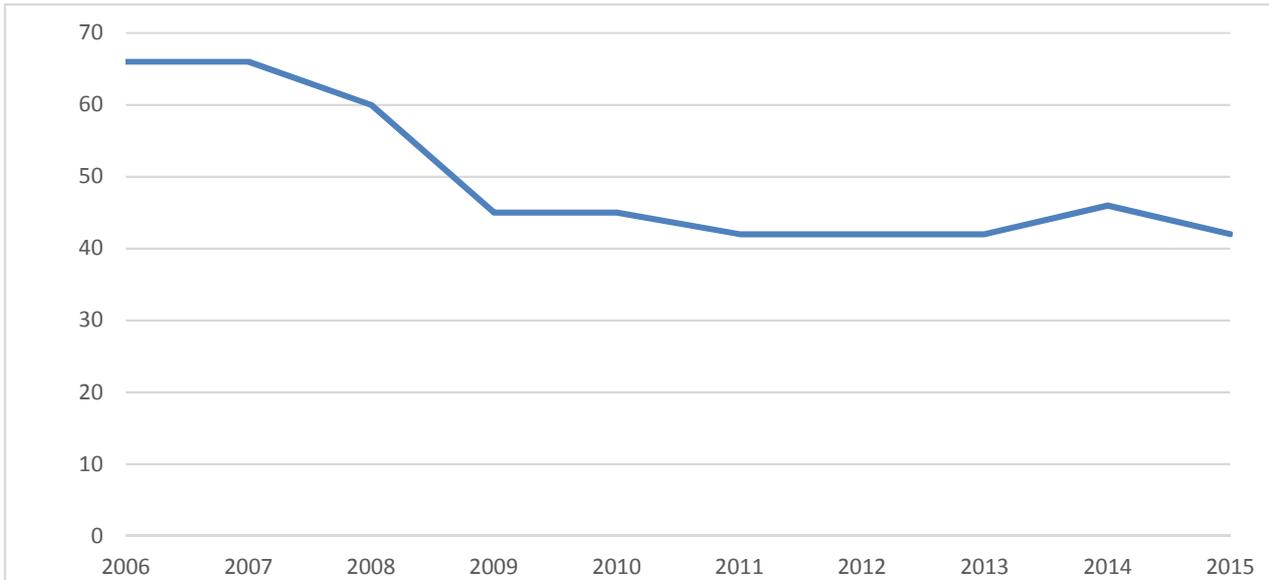
% femelles issues IA 41

**Evolution de la population femelle**

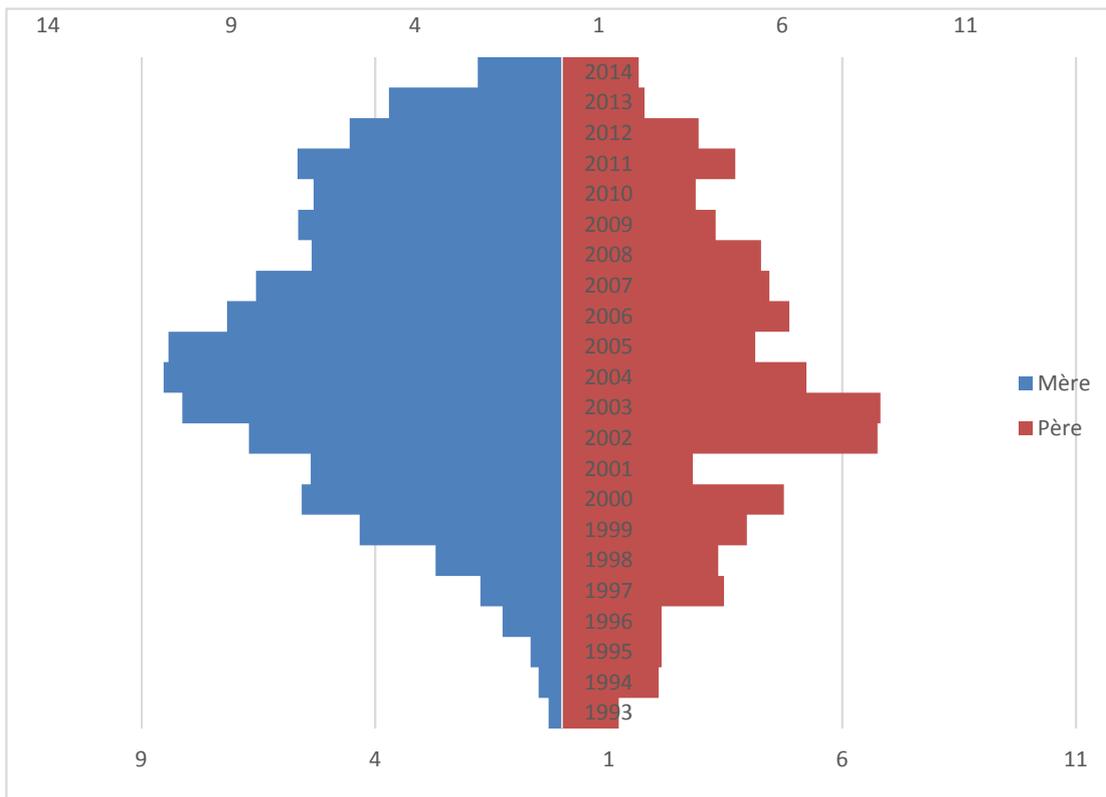
Croissance démographique ●-20

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

### Evolution du nombre de naisseurs



### Pyramide des âges de la population active femelle (%)



### Intervalle de générations des animaux reproducteurs

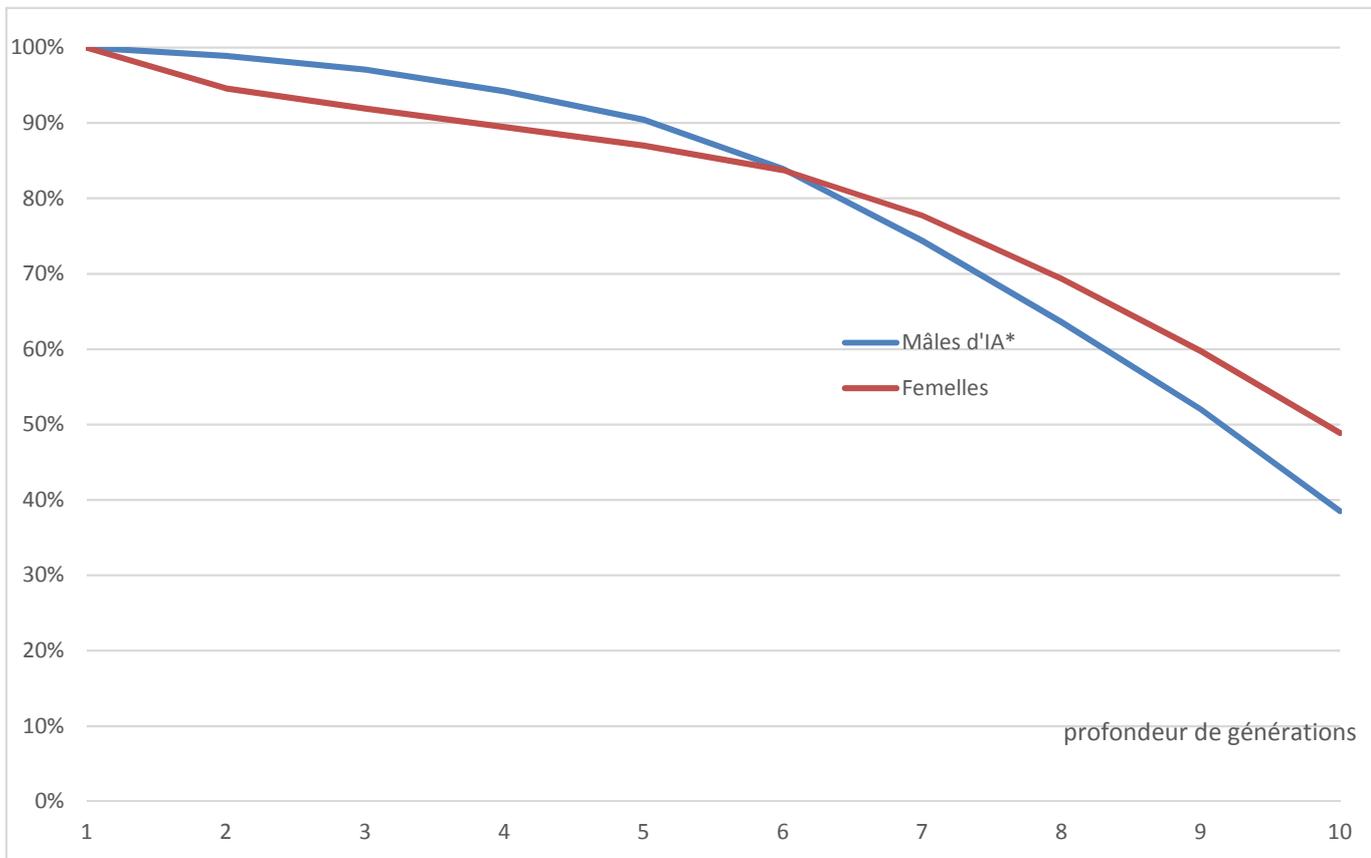
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	4,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,1
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,9
Moyenne 4 voies	3,9

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	25 330	205
Nb moyen de générations remontées	8,8	8,4
Nb moyen d'ancêtres connus	5 737	3 133
Nb maximum de générations remontées	24	22

\* père des femelles

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	7 938
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	238
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	62
Ratio Ae/Fe	26,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	6,0%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	24

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	12194081950068		M	1995	6,0%	6,0%	6,0%
2	81299230000094		M	2000	4,5%	4,5%	10,5%
3	12199294900029		M	1990	4,3%	4,3%	14,7%
4	55000170003		M	2007	4,0%	3,5%	18,3%
5	12199294950079		M	1995	3,1%	3,1%	21,3%
6	81266181030151		M	2003	3,7%	3,0%	24,3%
7	81266191030269		M	2003	2,8%	2,4%	26,8%
8	12169025900004		M	1990	2,4%	2,2%	28,9%
9	12255104830124		M	1983	3,7%	2,2%	31,1%
10	12194081820214		M	1982	2,4%	2,0%	33,1%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## **Probabilité d'identité des gènes**

Nombre de générations connues	8,8
Consanguinité moyenne (%)	1,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,4
Parenté (%)	2,0
Consanguinité des parents (%)	1,3
Parentés des parents (%)	0,9
Taille efficace (méthode Cervantès)	225
Taille efficace (méthode démographique)	1 233

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### **Répartition de la consanguinité**

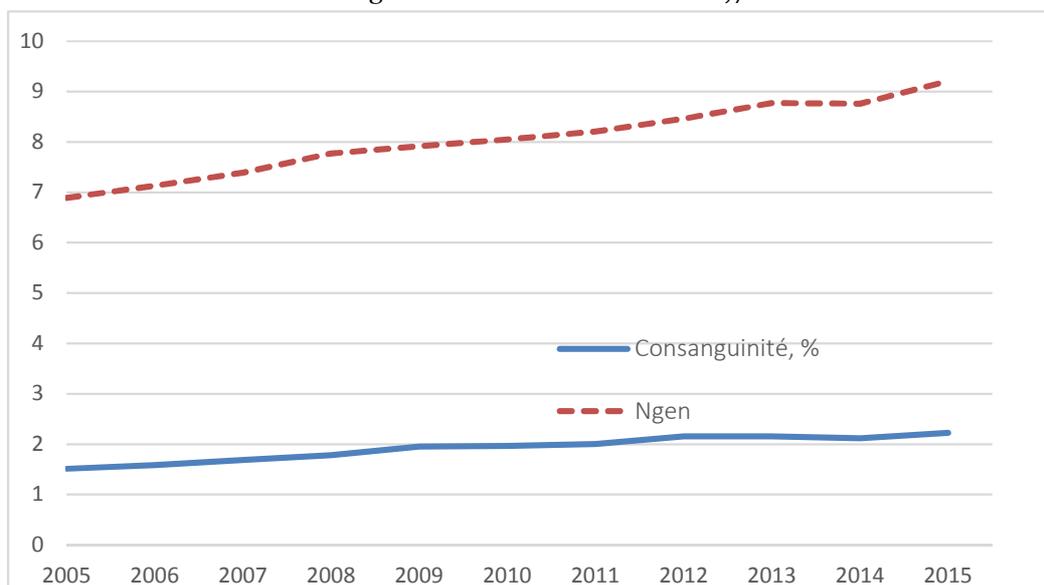
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	5,3%
entre 0 à 3,125% inclus	82,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	10,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,6%
entre 12,5% à 25% inclus	0,6%
plus de 25%	0,2%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	2,4%

### **Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)**

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,71



**LIMOUSINE****Informations démographiques**

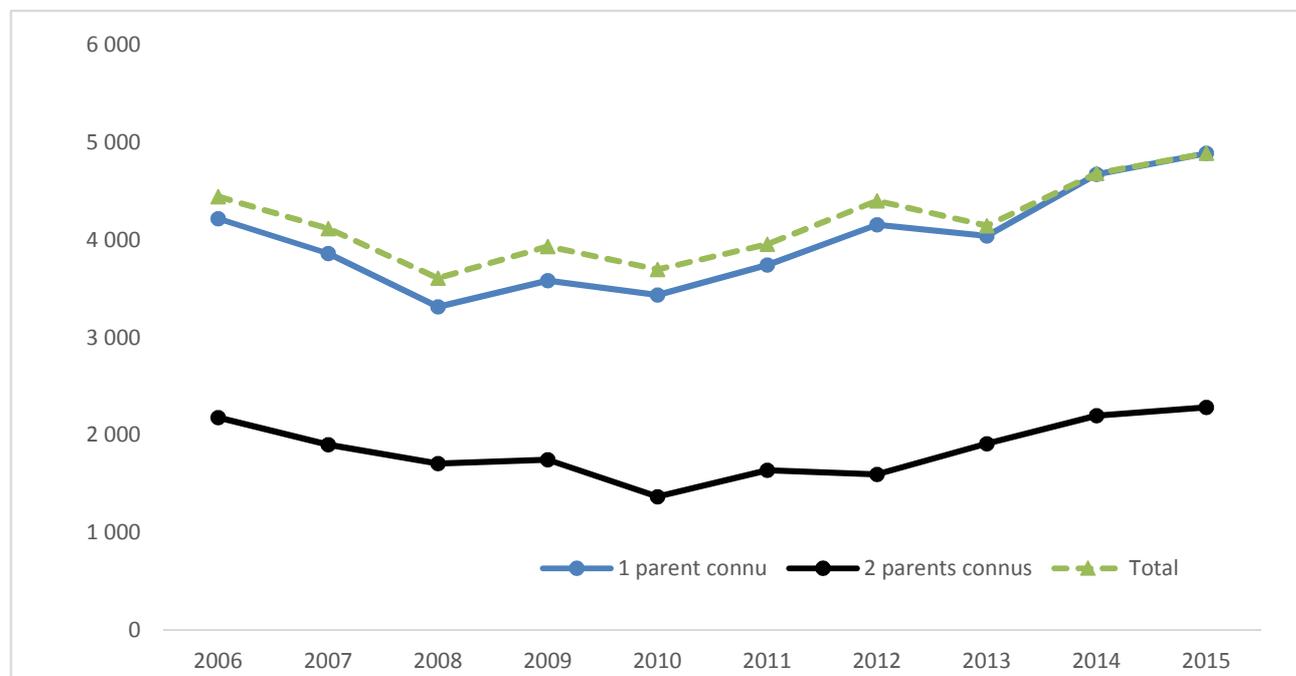
Période de naissance des femelles 2012 -2015

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	17 756	16
Nb pères différents	190	16
Nb max de descendants par père	201	1
Nb grands-pères paternels différents	77	14
Nb max de descendants par GPP	856	2
Nb mères différentes	9 789	16
Nb max de descendants par mère	8	1
Nb grands-pères maternels différents	280	14
Nb max de descendants par GPM	190	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	7 997	16

\* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 44%

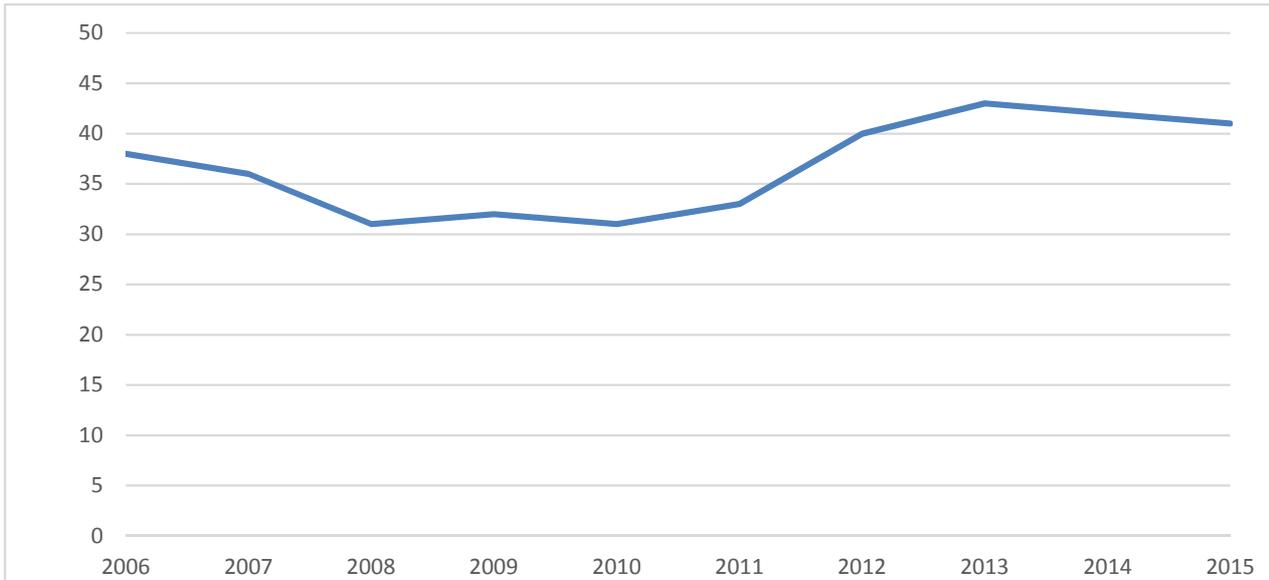
% femelles issues IA 6

**Evolution de la population femelle**

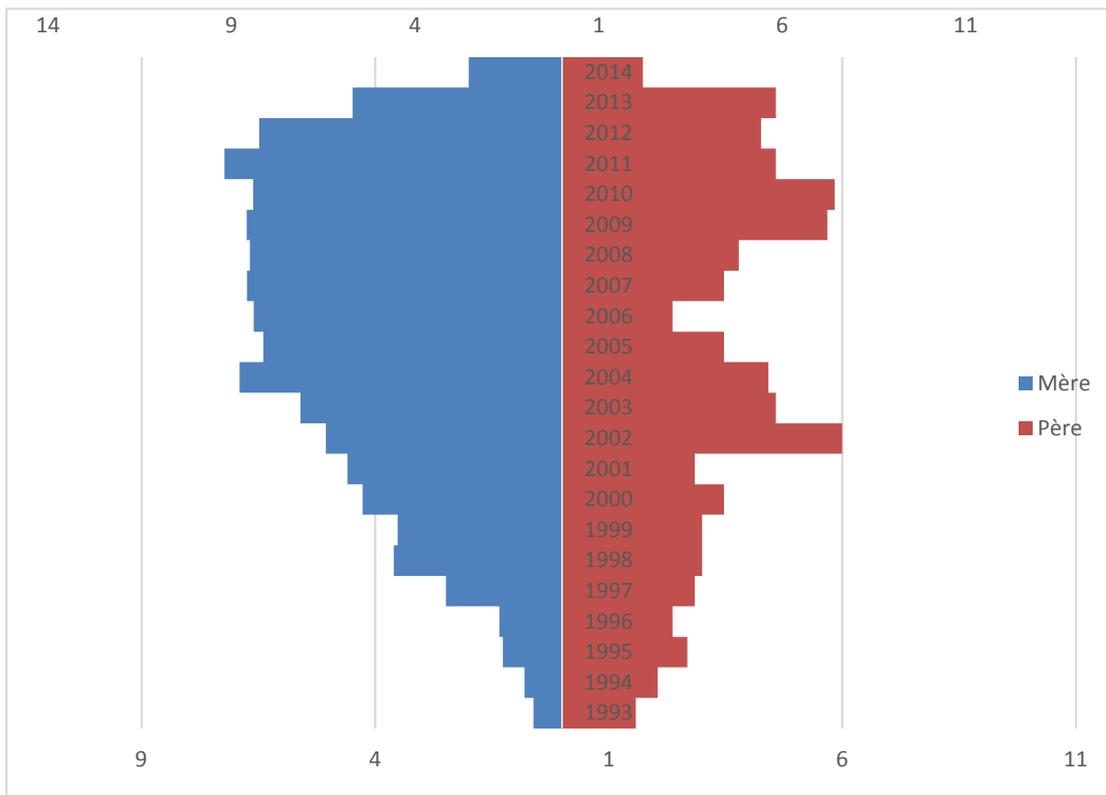
Croissance démographique ●11

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

## Evolution du nombre de naisseurs



## Pyramide des âges de la population active femelle (%)



## Intervalle de générations des animaux reproducteurs

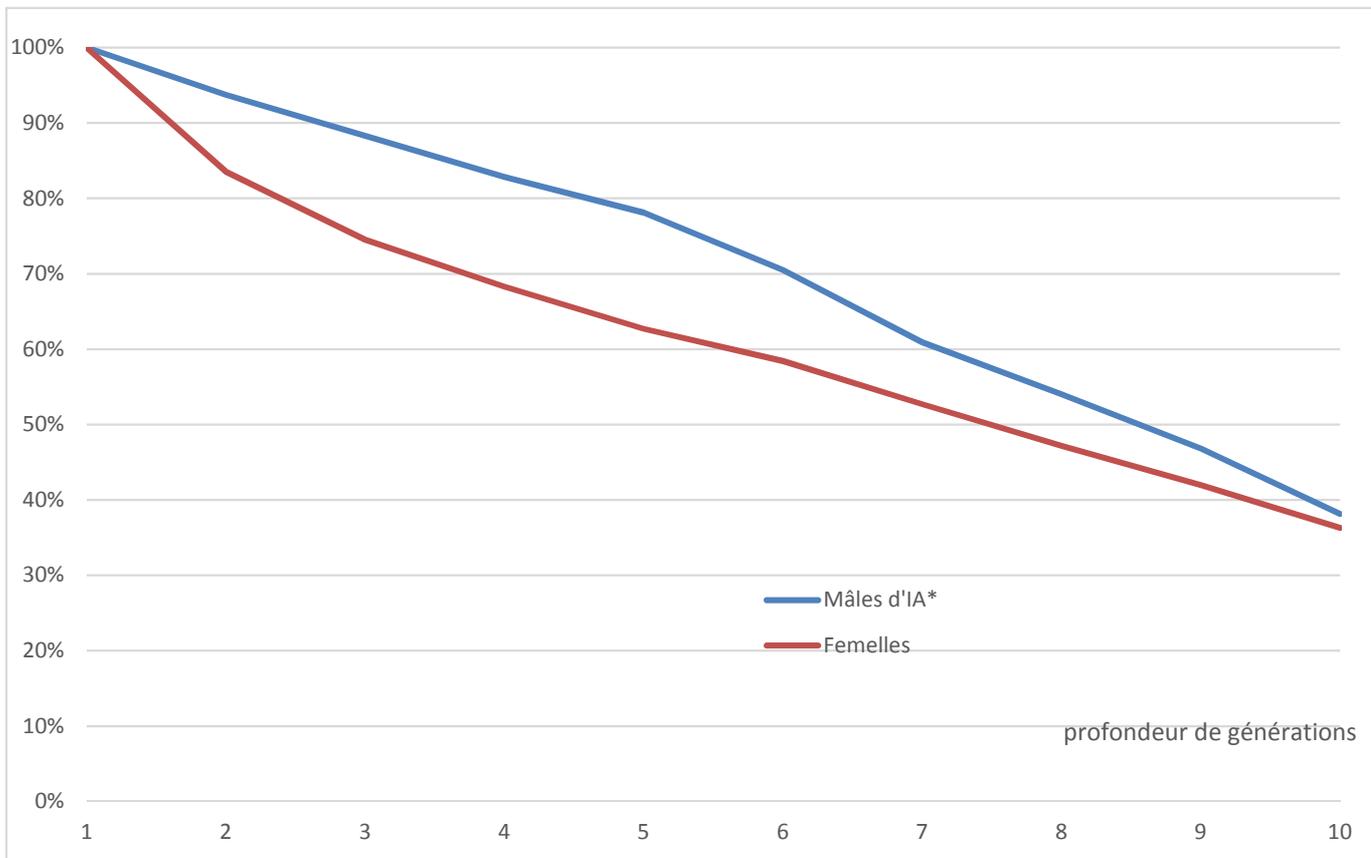
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,4
Moyenne 4 voies	4,1

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	7 997	16
Nb moyen de générations remontées	7,0	7,7
Nb moyen d'ancêtres connus	7 092	4 801
Nb maximum de générations remontées	25	22

\* père des femelles

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	6 021
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	267
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	84
Ratio Ae/Fe	31,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,3%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	35

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	23090163820062		M	1982	5,3%	5,3%	5,3%
2	20557473046		M	2007	4,8%	4,5%	9,8%
3	23090163770263		M	1978	3,5%	3,3%	13,0%
4	19164129980010		M	1998	3,1%	2,8%	15,8%
5	23090171900343		M	1991	3,8%	2,3%	18,1%
6	23090212860185		M	1987	2,6%	2,1%	20,3%
7	19164123050117		M	2005	2,4%	1,9%	22,2%
8	19164114910647		M	1992	4,7%	1,8%	23,9%
9	23081303030012		M	2003	2,1%	1,5%	25,5%
10	19164129040055		M	2004	1,8%	1,5%	27,0%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## **Probabilité d'identité des gènes**

Nombre de générations connues	7,0
Consanguinité moyenne (%)	2,4
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,7
Parenté (%)	1,6
Consanguinité des parents (%)	0,9
Parentés des parents (%)	0,5
Taille efficace (méthode Cervantès)	222
Taille efficace (méthode démographique)	746

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### **Répartition de la consanguinité**

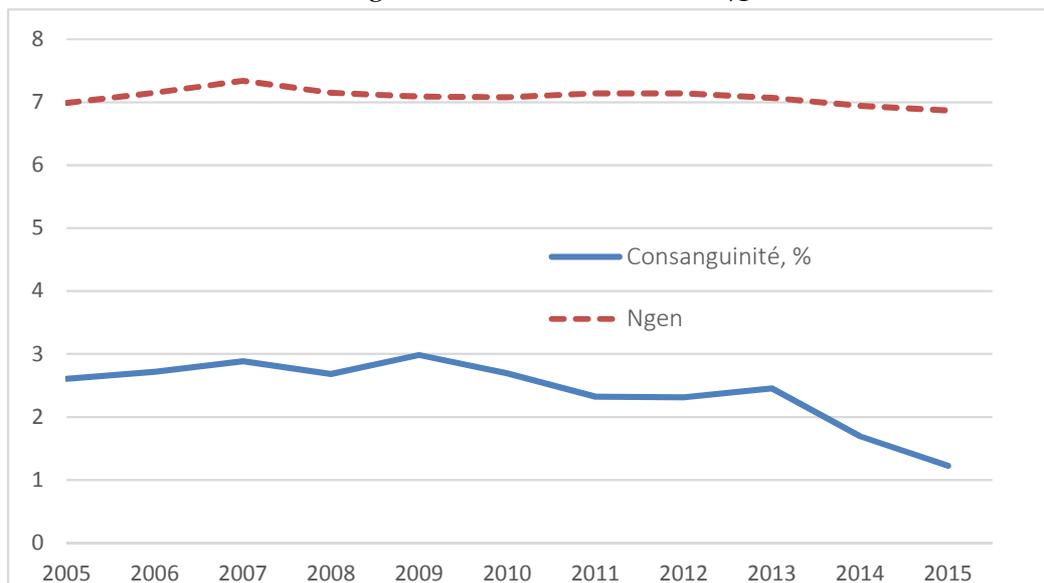
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	12,4%
entre 0 à 3,125% inclus	68,7%
entre 3,125% à 6,25% inclus	10,9%
entre 6,25% à 12,5% inclus	4,5%
entre 12,5% à 25% inclus	2,2%
plus de 25%	1,2%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	8,0%

### **Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)**

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

**-1,38**



**MERINOS D'ARLES****Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2012 -2015

Femelles

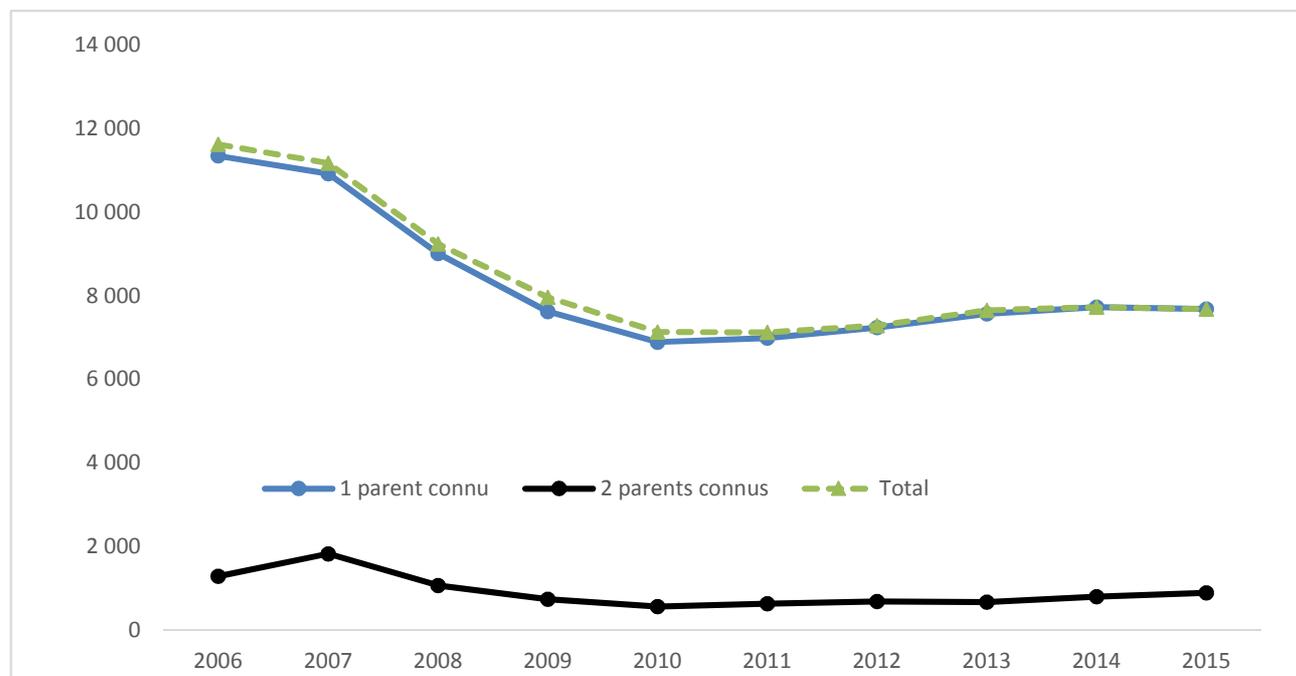
Mâles d'IA\*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	30 240	9
Nb pères différents	161	8
Nb max de descendants par père	211	2
Nb grands-pères paternels différents	67	7
Nb max de descendants par GPP	217	2
Nb mères différentes	16 318	9
Nb max de descendants par mère	8	1
Nb grands-pères maternels différents	280	7
Nb max de descendants par GPM	115	1
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 062	9

\* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 10%

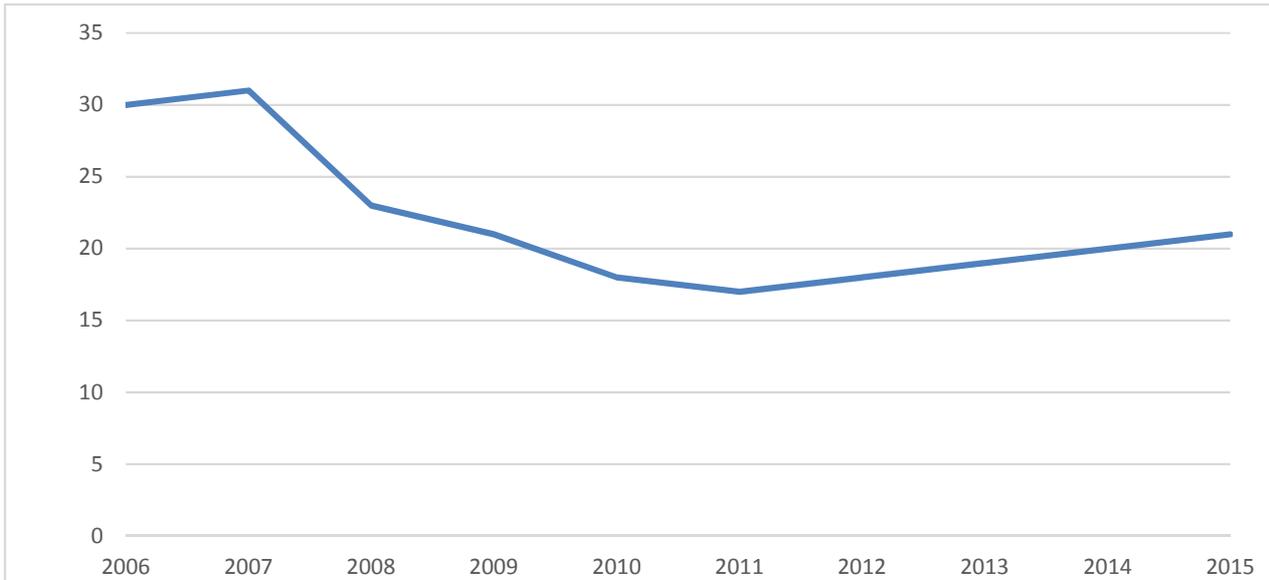
% femelles issues IA 2

**Evolution de la population femelle**

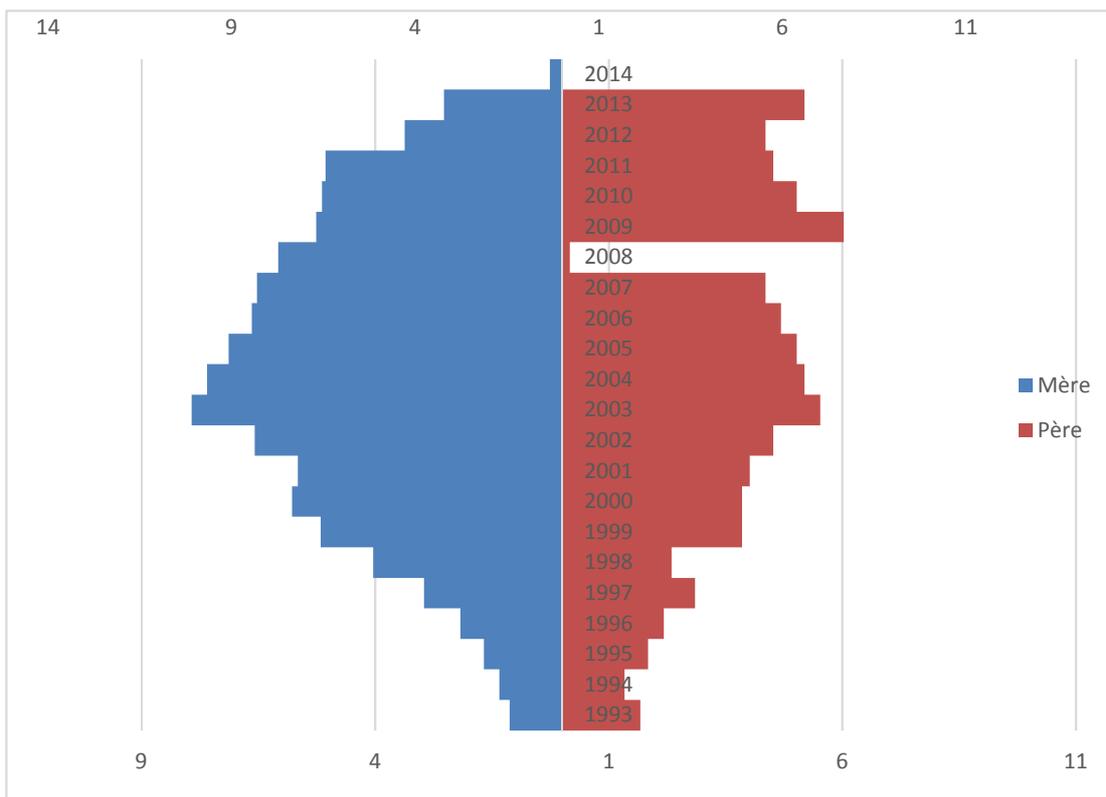
Croissance démographique ● -20

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

### Evolution du nombre de naisseurs



### Pyramide des âges de la population active femelle (%)



### Intervalle de générations des animaux reproducteurs

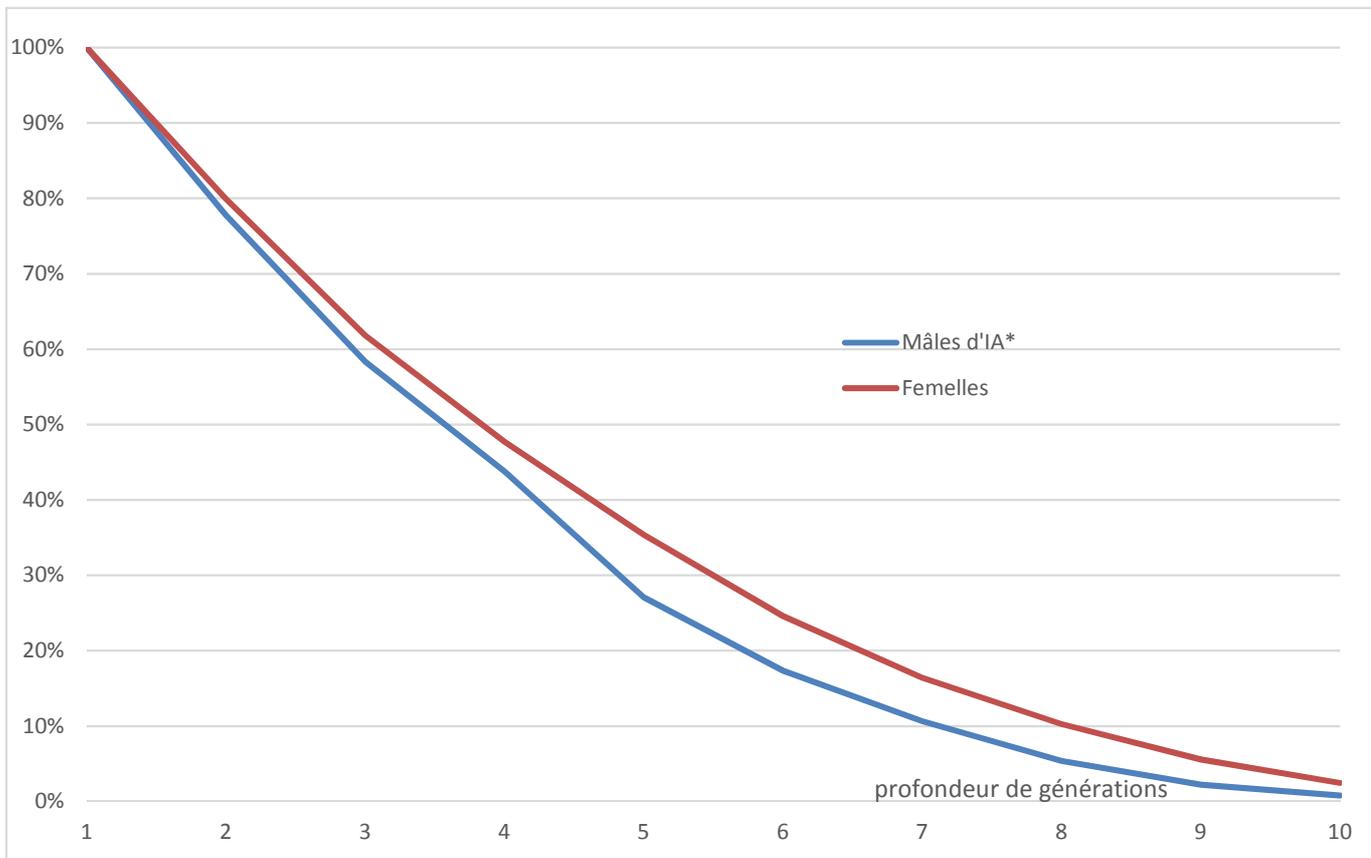
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,5
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,7
Moyenne 4 voies	4,4

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	3 062	9
Nb moyen de générations remontées	3,9	3,4
Nb moyen d'ancêtres connus	175	87
Nb maximum de générations remontées	15	12

\* père des femelles

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	6 313
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	659
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	137
Ratio Ae/Fe	20,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	74

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	17000591047		M	2010	4,9%	4,9%	4,9%
2	12550090708		M	2010	3,3%	3,3%	8,2%
3	17000591051		M	2010	2,5%	2,5%	10,6%
4	56513111011		M	2012	1,7%	1,7%	12,3%
5	12550080706		M	2009	1,5%	1,5%	13,8%
6	13097746006274		M	2001	1,4%	1,4%	15,2%
7	17000582026		M	2009	1,3%	1,3%	16,5%
8	17033560309		M	2007	1,3%	1,3%	17,8%
9	13103001041189		M	2005	1,1%	1,1%	18,8%
10	17033590301		M	2010	1,1%	1,1%	19,9%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## **Probabilité d'identité des gènes**

Nombre de générations connues	3,9
Consanguinité moyenne (%)	0,4
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,1
Parenté (%)	0,5
Consanguinité des parents (%)	0,1
Parentés des parents (%)	0,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	357
Taille efficace (méthode démographique)	638

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### **Répartition de la consanguinité**

(% de la population entre 2 seuils)

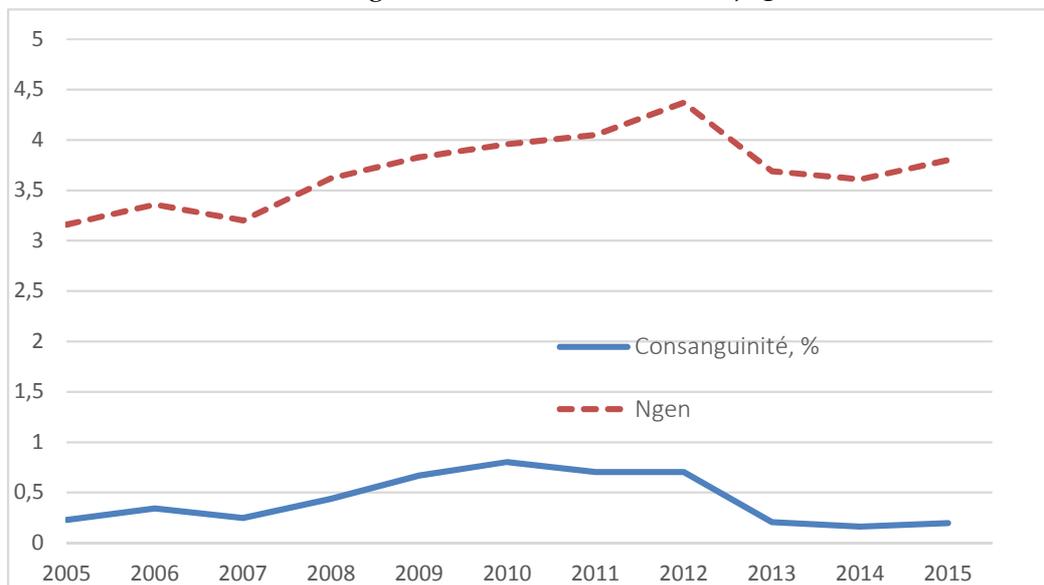
0% de consanguinité	57,3%
entre 0 à 3,125% inclus	38,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,9%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,2%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **1,5%**

### **Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)**

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

**-0,03**



**NOIR DU VELAY****Informations démographiques**

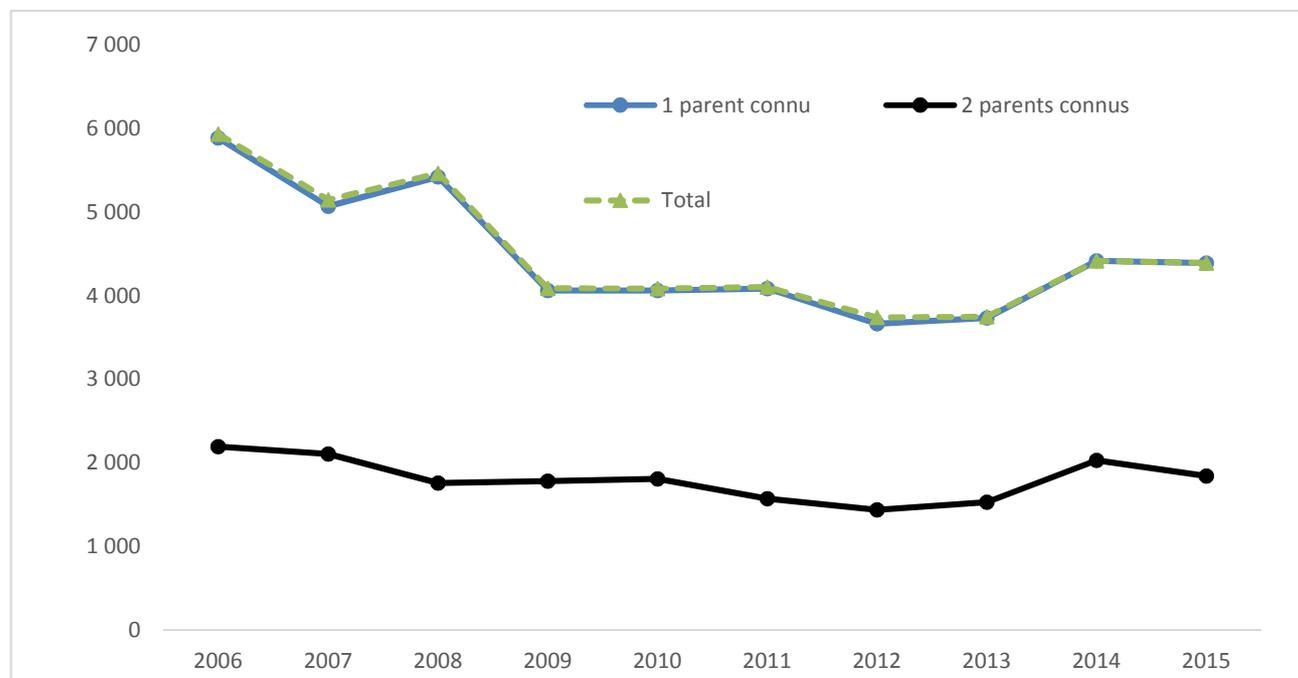
Période de naissance des femelles 2012 -2015

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	16 219
Nb pères différents	124
Nb max de descendants par père	364
Nb grands-pères paternels différents	65
Nb max de descendants par GPP	613
Nb mères différentes	6 745
Nb max de descendants par mère	12
Nb grands-pères maternels différents	243
Nb max de descendants par GPM	274
Nb d'animaux avec deux parents connus	6 856

Rapport 2 parents connus/total des femelles 42%

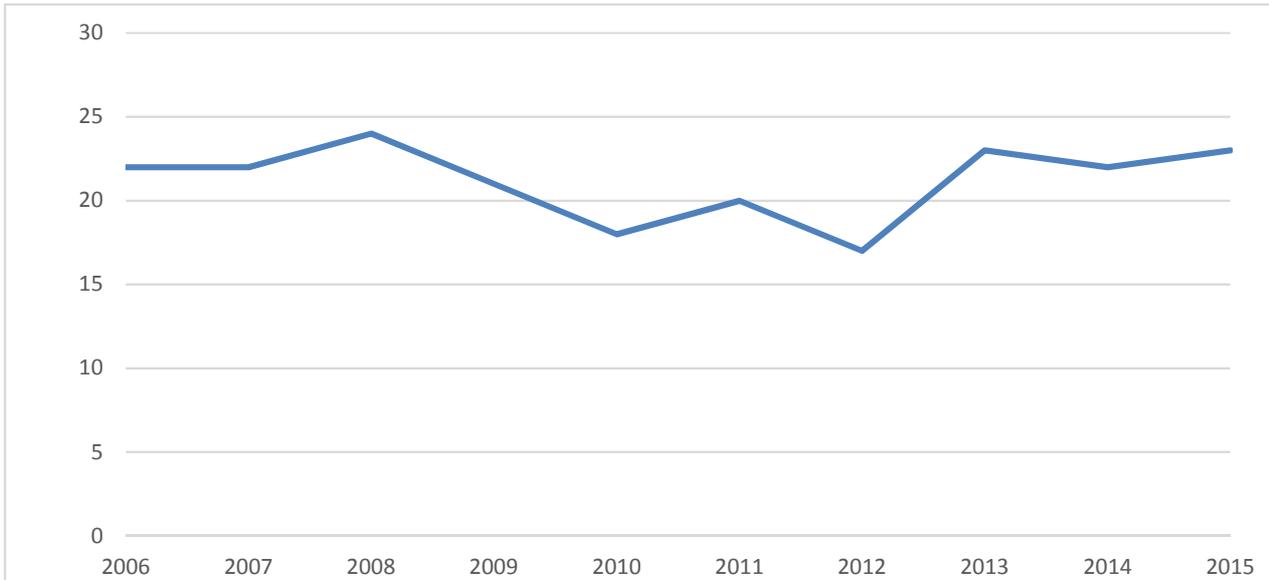
% femelles issues IA 0

**Evolution de la population femelle**

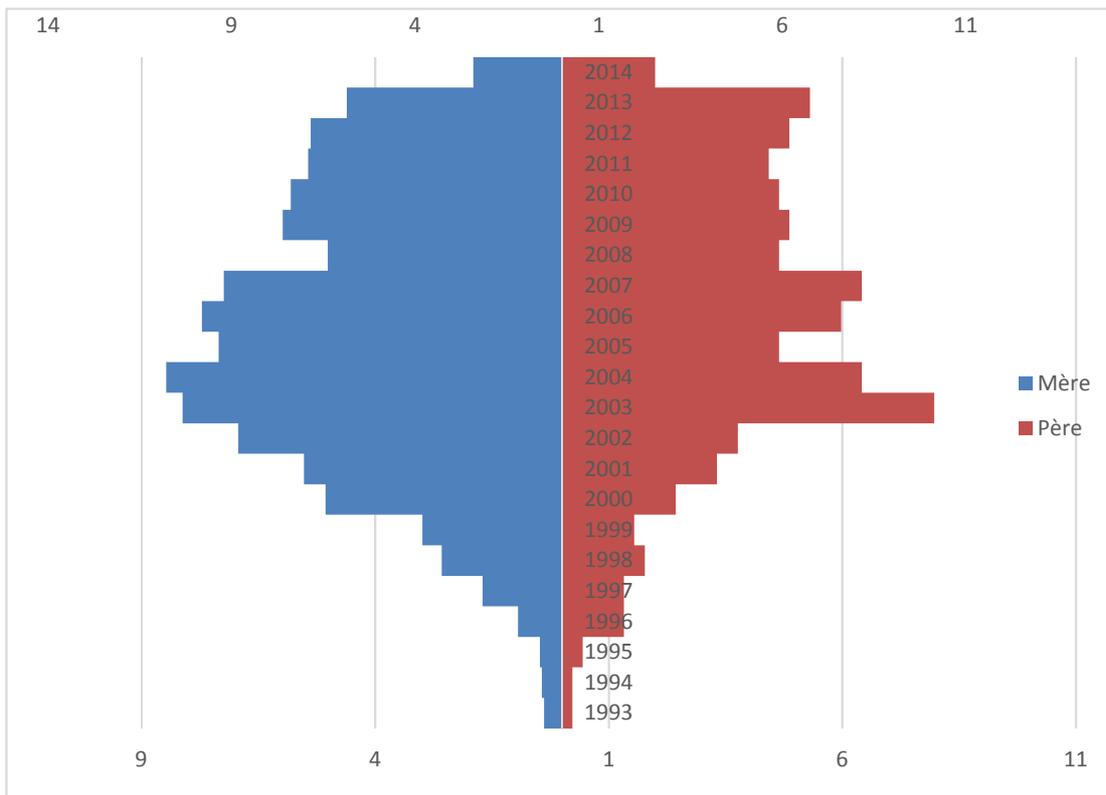
Croissance démographique ● -17

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

### Evolution du nombre de naisseurs



### Pyramide des âges de la population active femelle (%)



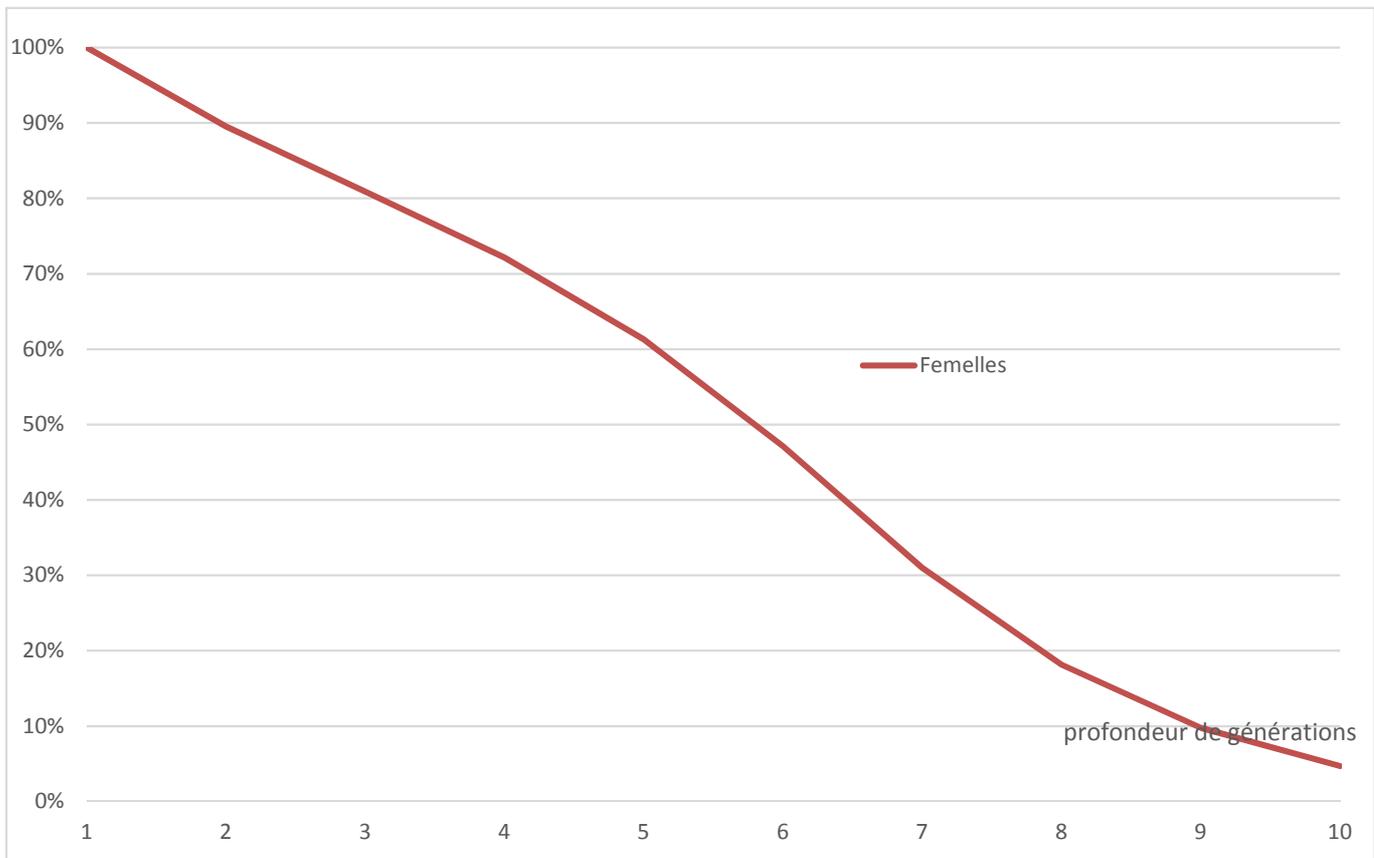
### Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,5
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,9
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,0
Moyenne 4 voies	3,2

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	6 856
Nb moyen de générations remontées	5,2
Nb moyen d'ancêtres connus	372
Nb maximum de générations remontées	29

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	5 943
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	448
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	107
Ratio Ae/Fe	23,9%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	3,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	41

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	43135134000005		M	2000	3,9%	3,9%	3,9%
2	32561790053		M	2009	3,3%	3,3%	7,2%
3	43143012040017		M	2004	2,8%	2,8%	10,0%
4	32504480023		M	2008	2,6%	2,6%	12,6%
5	32561700010		M	2010	2,2%	2,2%	14,8%
6	43135170050117		M	2005	2,2%	2,2%	17,0%
7	32533680057		M	2008	2,4%	2,1%	19,1%
8	43055033980183		M	1998	1,9%	1,9%	21,0%
9	43135170050116		M	2005	2,2%	1,6%	22,6%
10	43143012040002		M	2004	2,1%	1,6%	24,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## **Probabilité d'identité des gènes**

Nombre de générations connues	5,2
Consanguinité moyenne (%)	0,5
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,1
Parenté (%)	1,0
Consanguinité des parents (%)	0,2
Parentés des parents (%)	0,4
Taille efficace (méthode Cervantès)	263
Taille efficace (méthode démographique)	487

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### **Répartition de la consanguinité**

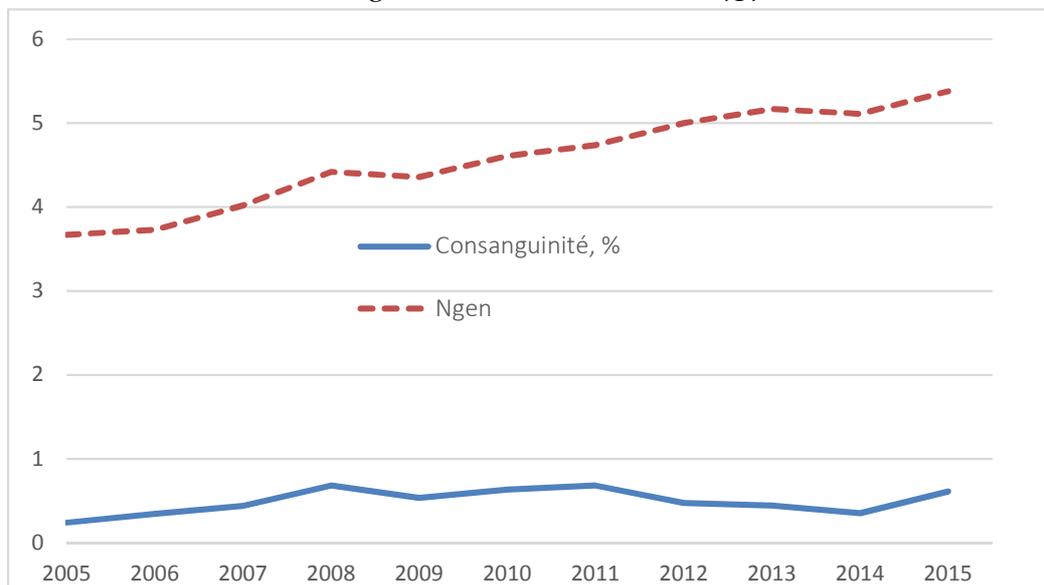
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	37,2%
entre 0 à 3,125% inclus	61,4%
entre 3,125% à 6,25% inclus	0,3%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,2%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,6%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	1,1%

### **Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)**

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

**0,37**



**PREALPES DU SUD****Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2012 -2015

Femelles

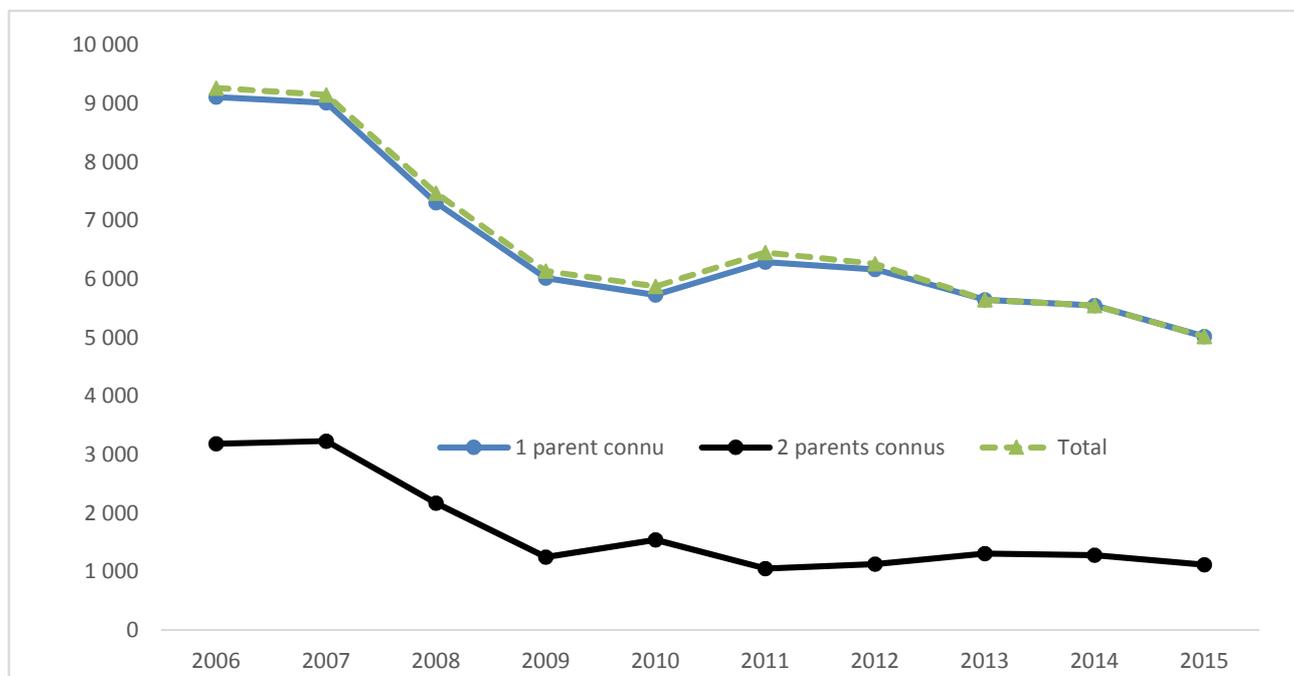
Mâles d'IA\*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	22 377	13
Nb pères différents	172	10
Nb max de descendants par père	166	2
Nb grands-pères paternels différents	73	10
Nb max de descendants par GPP	273	2
Nb mères différentes	11 712	13
Nb max de descendants par mère	9	1
Nb grands-pères maternels différents	410	10
Nb max de descendants par GPM	138	1
Nb d'animaux avec deux parents connus	4 833	13

\* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 21%

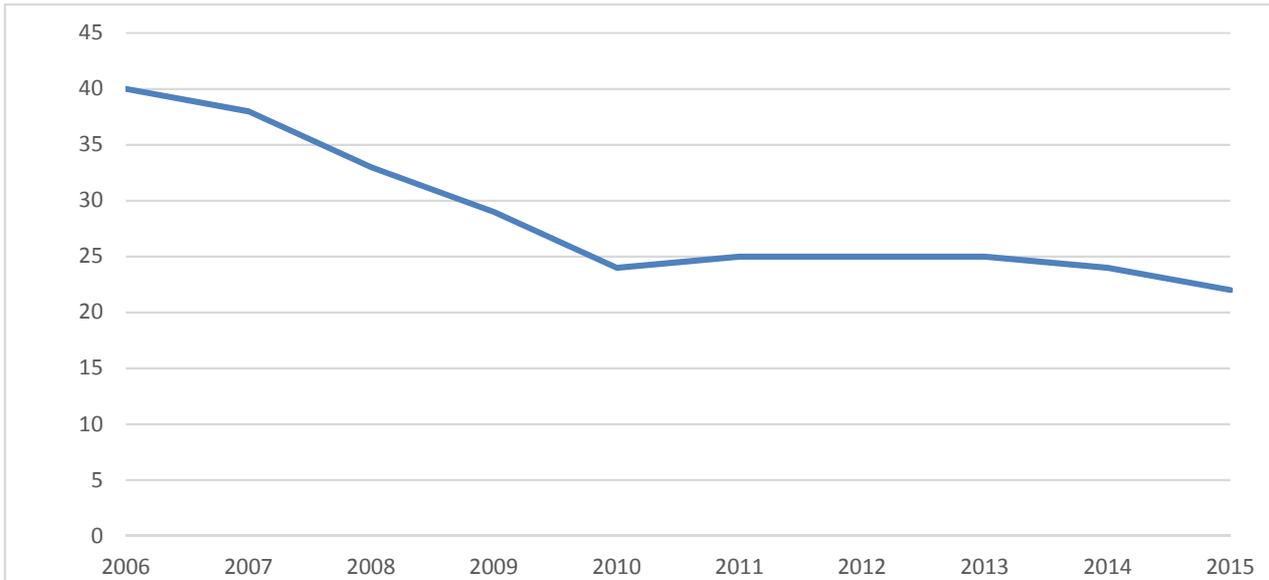
% femelles issues IA 3

**Evolution de la population femelle**

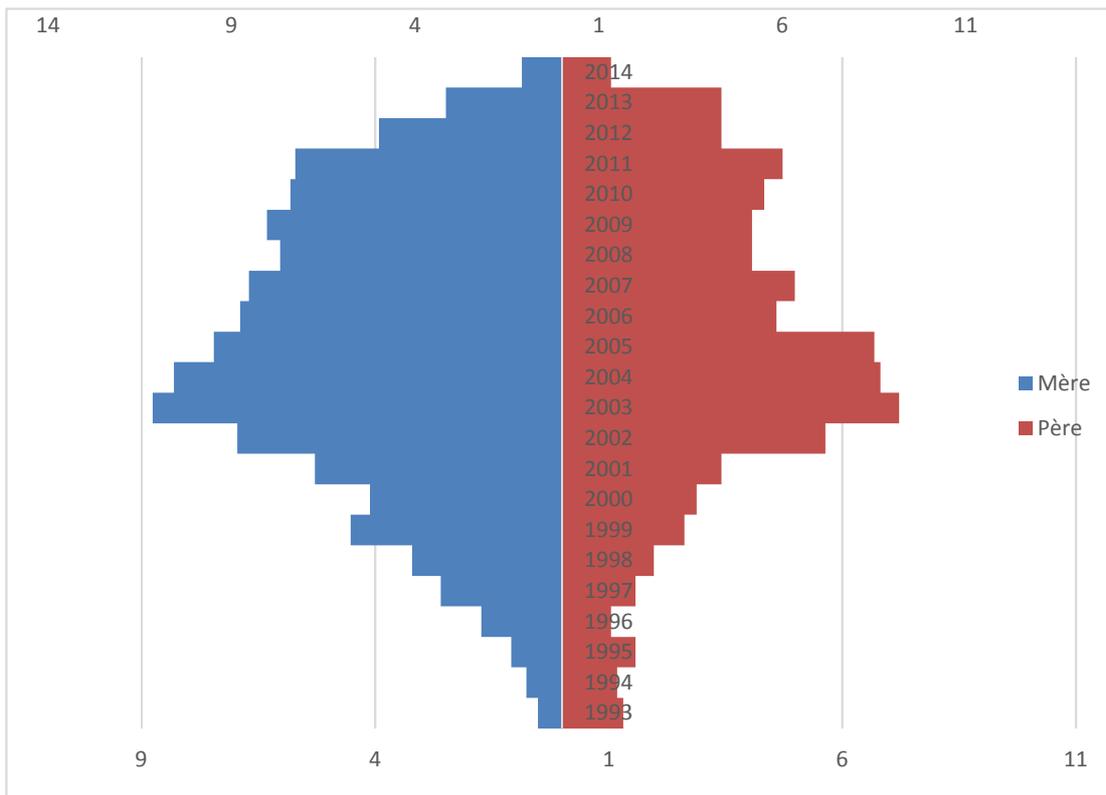
Croissance démographique ● -24

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

## Evolution du nombre de naisseurs



## Pyramide des âges de la population active femelle (%)



## Intervalle de générations des animaux reproducteurs

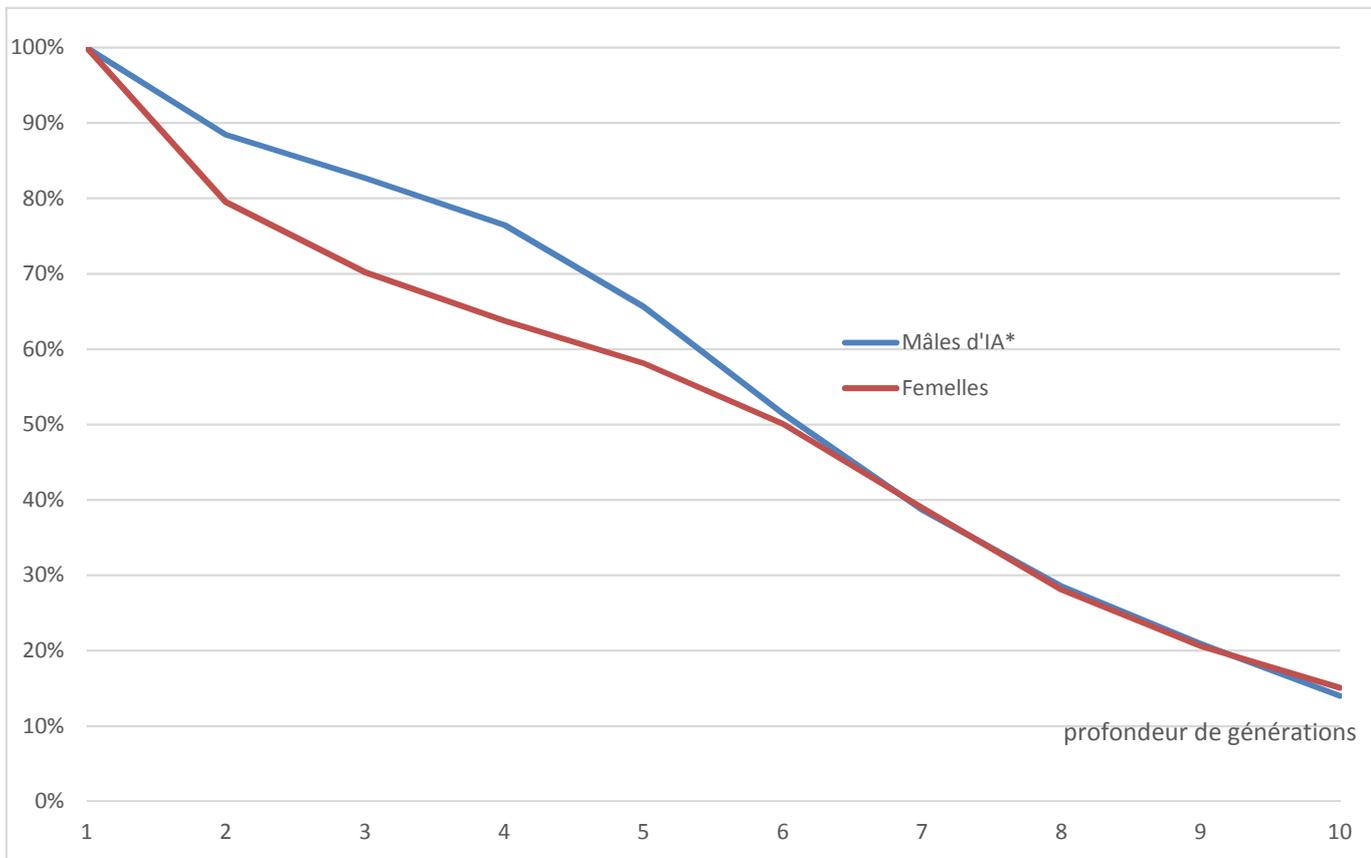
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,1
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,5
Moyenne 4 voies	4,0

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	4 833	13
Nb moyen de générations remontées	5,4	5,8
Nb moyen d'ancêtres connus	1 235	876
Nb maximum de générations remontées	20	17

\* père des femelles

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	5 710
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	391
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	107
Ratio Ae/Fe	27,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,8%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	48

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	26047363930542		M	1994	5,8%	5,8%	5,8%
2	26228031890117		M	1989	5,5%	2,6%	8,4%
3	07181006940616		M	1995	2,4%	2,4%	10,8%
4	12529490631		M	2010	2,6%	2,3%	13,1%
5	24008860413		M	2006	1,8%	1,6%	14,7%
6	05117022990270		M	1999	1,6%	1,6%	16,3%
7	26321666890136		M	1989	1,5%	1,5%	17,8%
8	12529400521		M	2011	1,6%	1,5%	19,3%
9	05117022020532		M	2003	1,4%	1,4%	20,7%
10	13650680313		M	2008	1,4%	1,4%	22,1%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## **Probabilité d'identité des gènes**

Nombre de générations connues	5,4
Consanguinité moyenne (%)	1,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,4
Parenté (%)	0,9
Consanguinité des parents (%)	0,3
Parentés des parents (%)	0,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	307
Taille efficace (méthode démographique)	678

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### **Répartition de la consanguinité**

(% de la population entre 2 seuils)

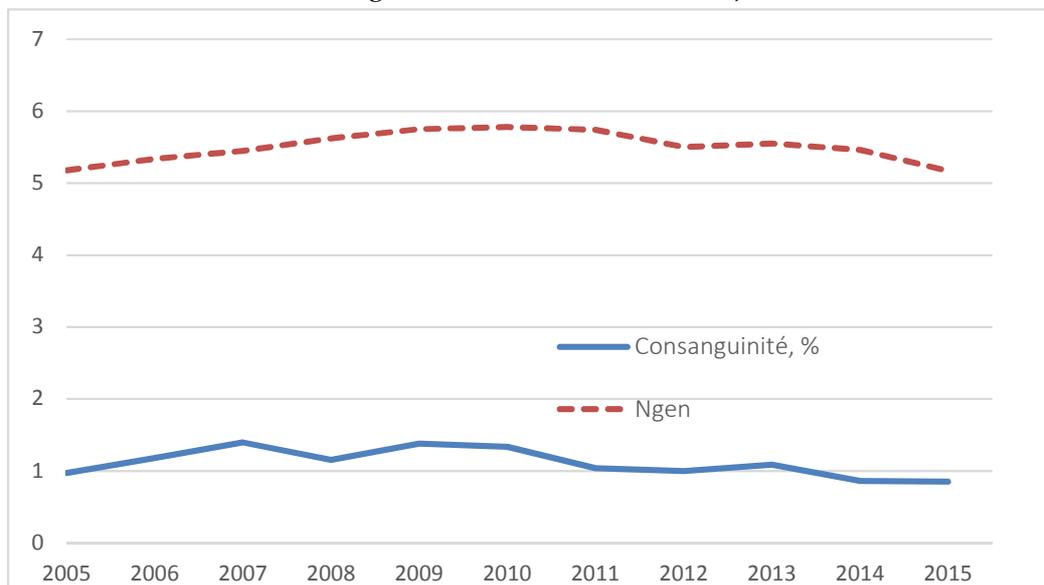
0% de consanguinité	16,5%
entre 0 à 3,125% inclus	75,4%
entre 3,125% à 6,25% inclus	4,9%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,8%
entre 12,5% à 25% inclus	0,8%
plus de 25%	0,5%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	3,1%
---	------

### **Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)**

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-0,12



**RAVA****Informations démographiques**

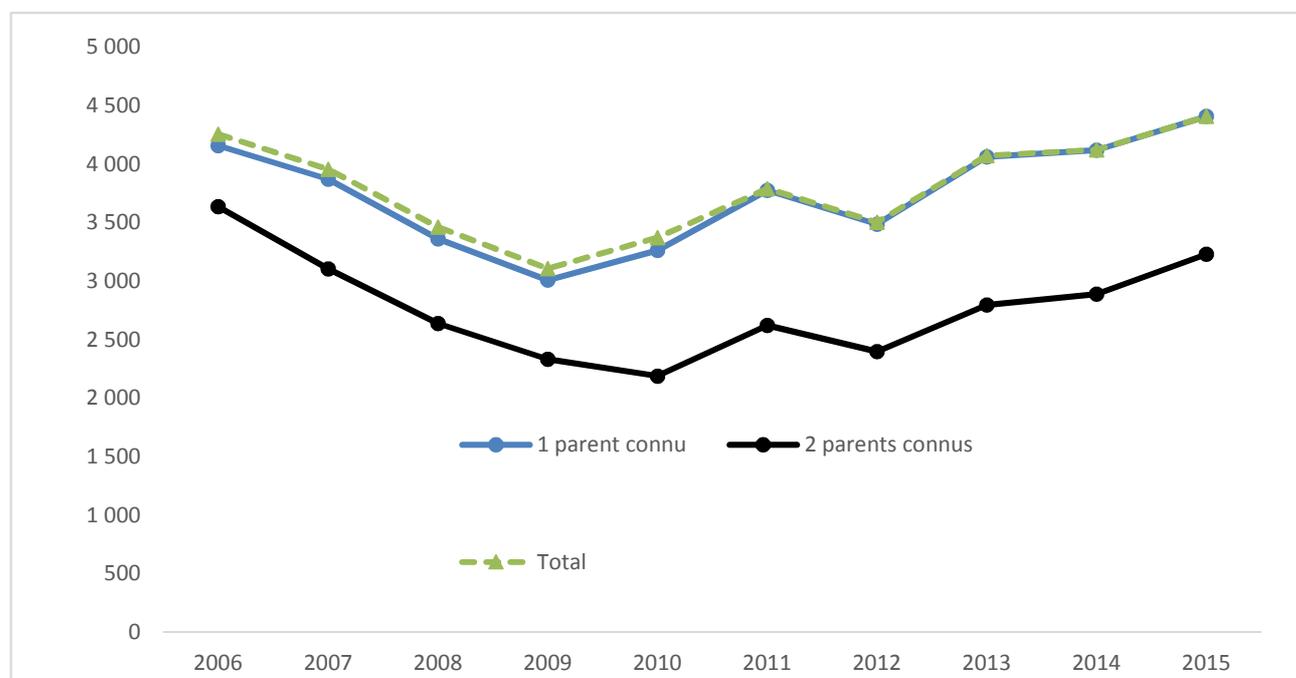
Période de naissance des femelles 2012 -2015

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	16 078
Nb pères différents	169
Nb max de descendants par père	265
Nb grands-pères paternels différents	89
Nb max de descendants par GPP	955
Nb mères différentes	7 871
Nb max de descendants par mère	11
Nb grands-pères maternels différents	298
Nb max de descendants par GPM	526
Nb d'animaux avec deux parents connus	11 320

Rapport 2 parents connus/total des femelles 70%

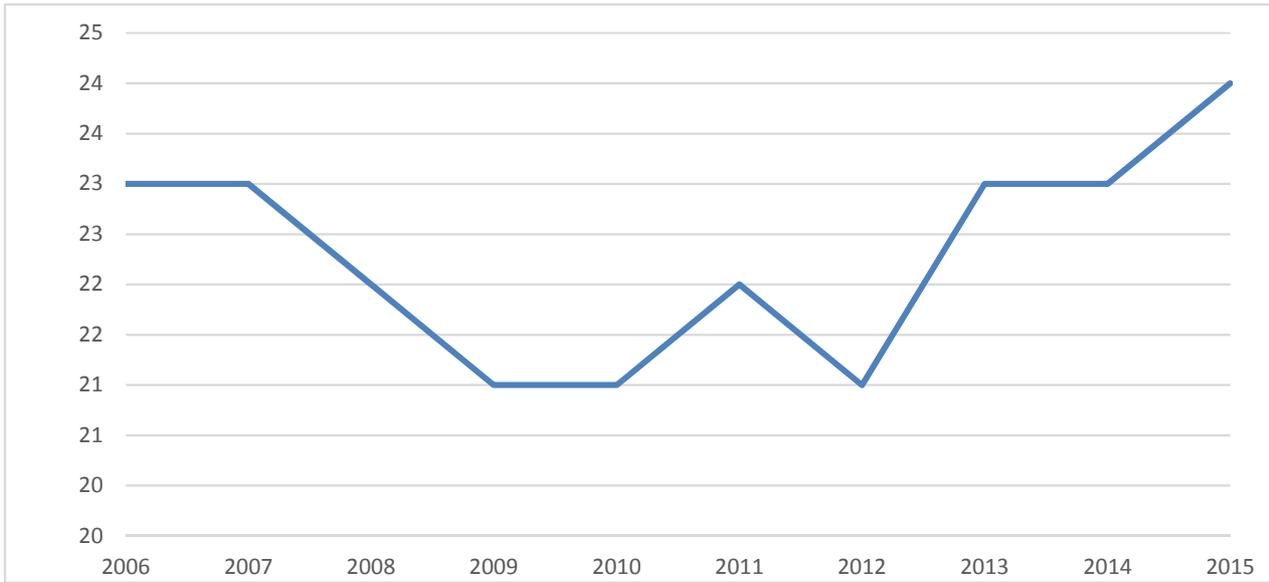
% femelles issues IA 0

**Evolution de la population femelle**

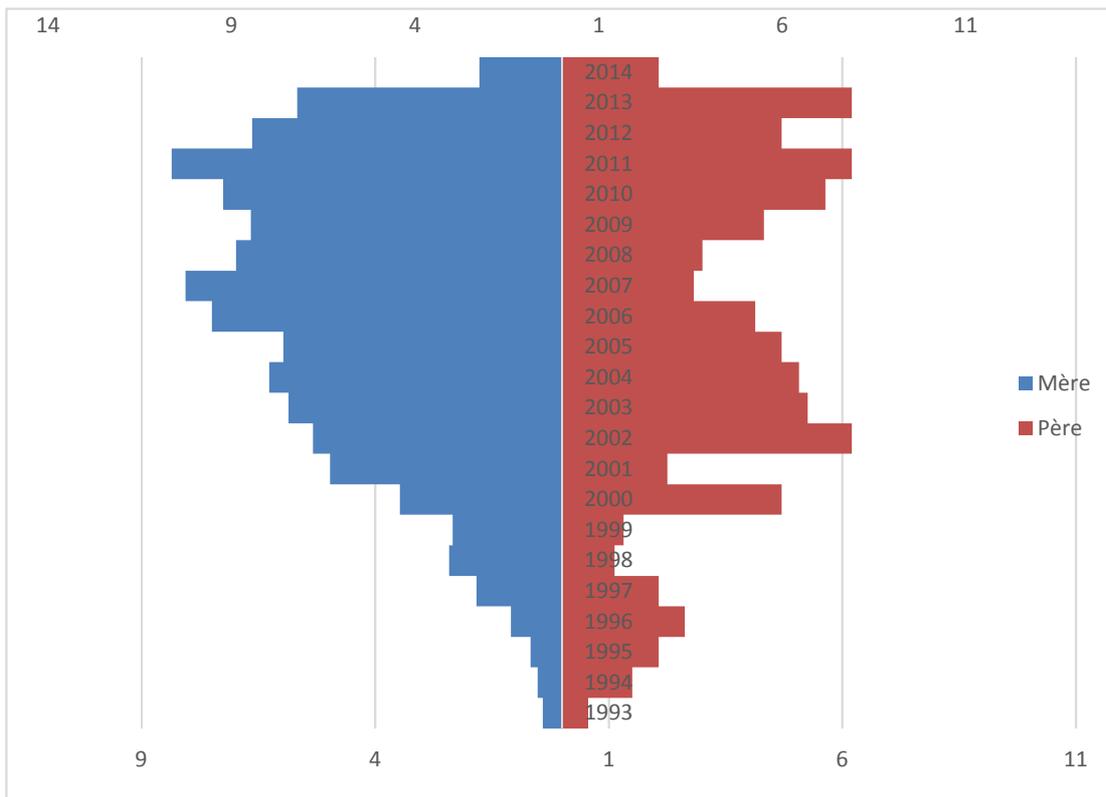
Croissance démographique ●10

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

### Evolution du nombre de naisseurs



### Pyramide des âges de la population active femelle (%)



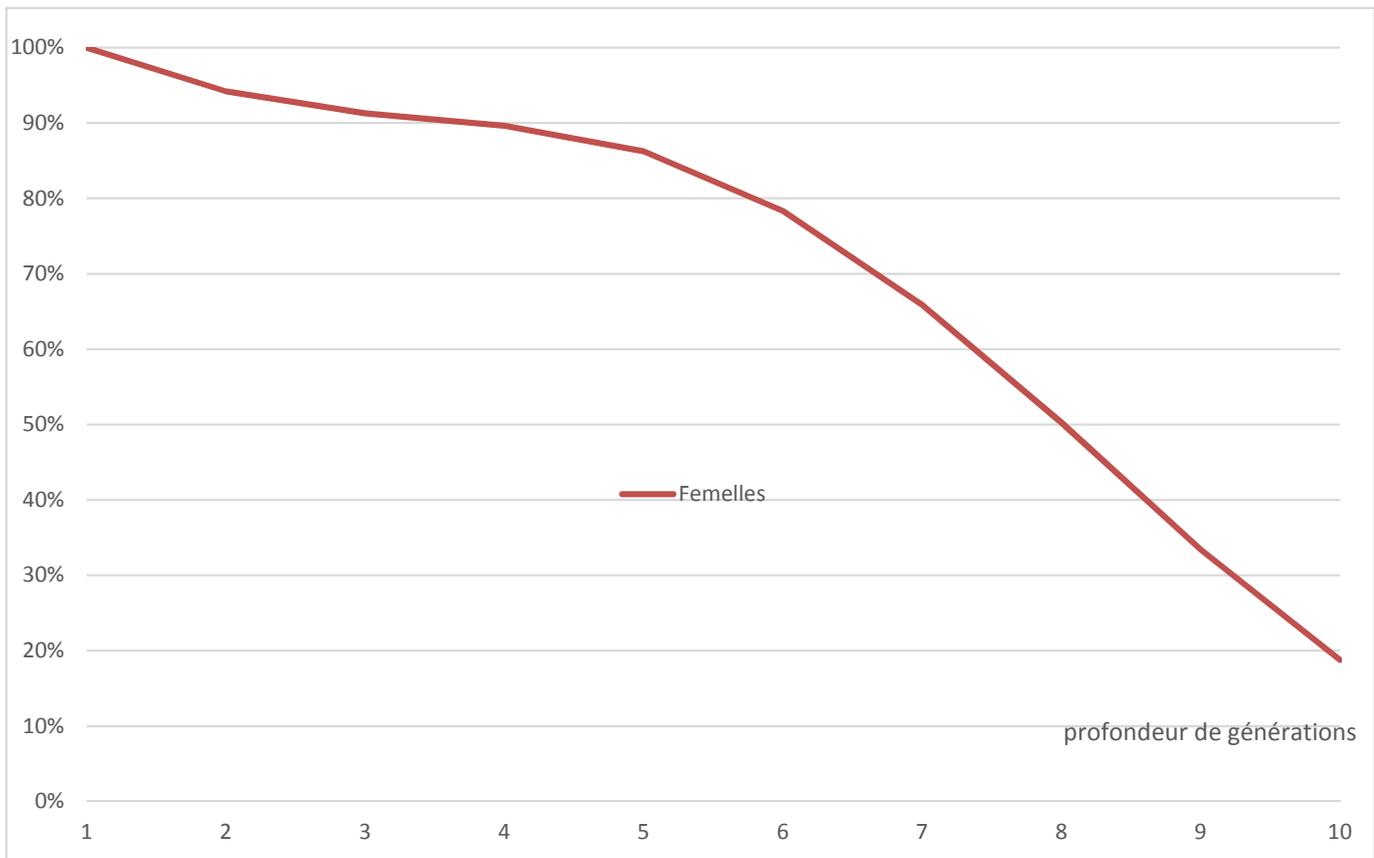
### Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	4,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,7
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,2
Moyenne 4 voies	4,1

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	11 320
Nb moyen de générations remontées	7,2
Nb moyen d'ancêtres connus	1 128
Nb maximum de générations remontées	23

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	3 525
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	148
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	48
Ratio Ae/Fe	32,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	7,1%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	18

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	63024063820693		M	1983	7,1%	7,1%	7,1%
2	63259016870620		M	1988	5,9%	5,9%	13,1%
3	63259016050046		M	2005	5,8%	4,9%	18,0%
4	63123034960105		M	1996	6,4%	4,0%	22,0%
5	63395022030733		M	2003	3,7%	3,0%	25,0%
6	63395022870429		F	1988	2,8%	2,8%	27,7%
7	63085131000590		M	2000	2,7%	2,5%	30,3%
8	63395022900044		M	1990	2,5%	2,5%	32,7%
9	63055176910071		M	1991	3,3%	2,4%	35,1%
10	63395022890215		M	1989	2,3%	2,3%	37,4%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## **Probabilité d'identité des gènes**

Nombre de générations connues	7,2
Consanguinité moyenne (%)	1,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	2,4
Consanguinité des parents (%)	1,1
Parentés des parents (%)	1,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	153
Taille efficace (méthode démographique)	662

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### **Répartition de la consanguinité**

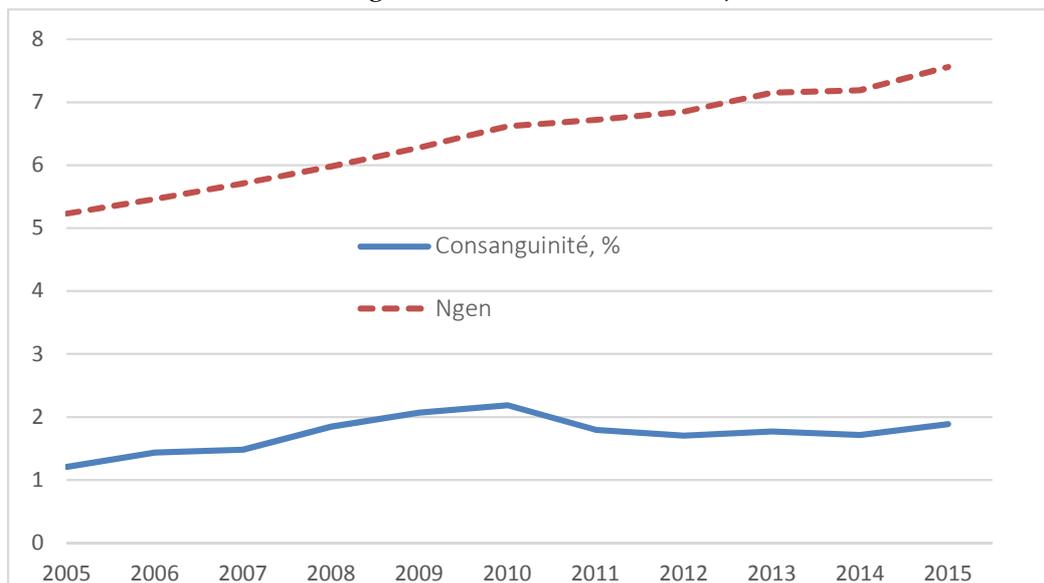
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	7,2%
entre 0 à 3,125% inclus	83,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	7,5%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,9%
entre 12,5% à 25% inclus	0,4%
plus de 25%	0,9%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	2,2%

### **Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)**

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,68



**ROMANE****Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2012 -2015

Femelles

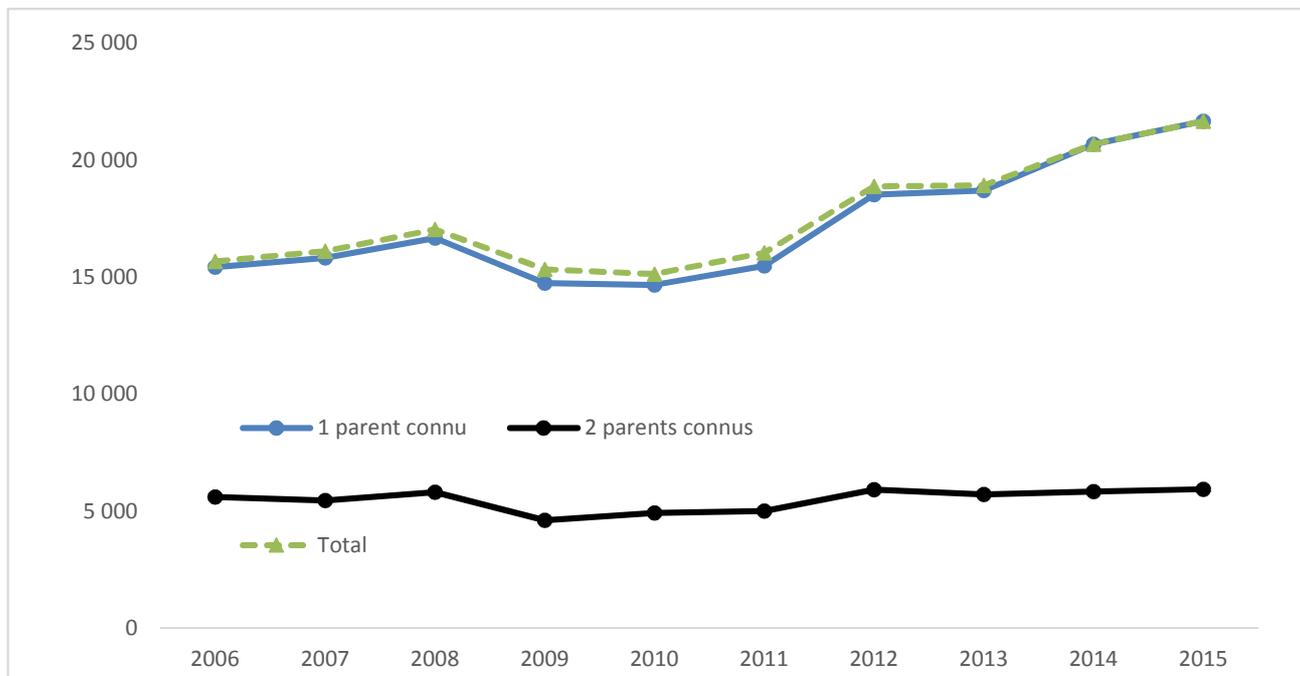
Mâles d'IA\*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	79 580	80
Nb pères différents	510	63
Nb max de descendants par père	325	3
Nb grands-pères paternels différents	244	59
Nb max de descendants par GPP	591	4
Nb mères différentes	30 100	79
Nb max de descendants par mère	14	2
Nb grands-pères maternels différents	896	59
Nb max de descendants par GPM	515	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	23 437	80

\* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 29%

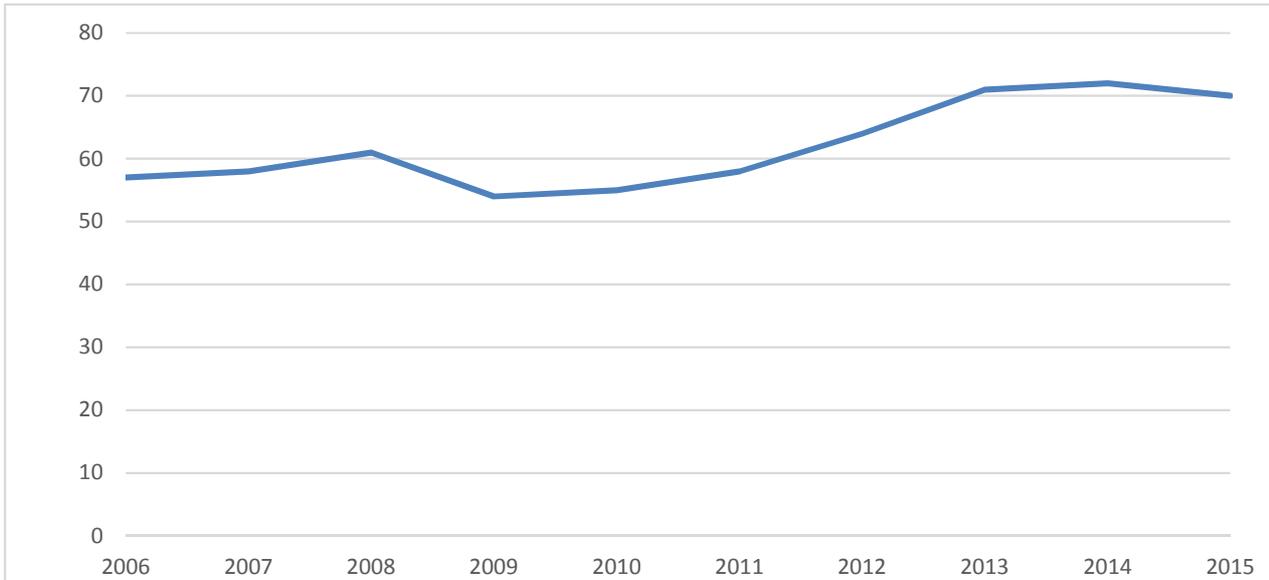
% femelles issues IA 10

**Evolution de la population femelle**

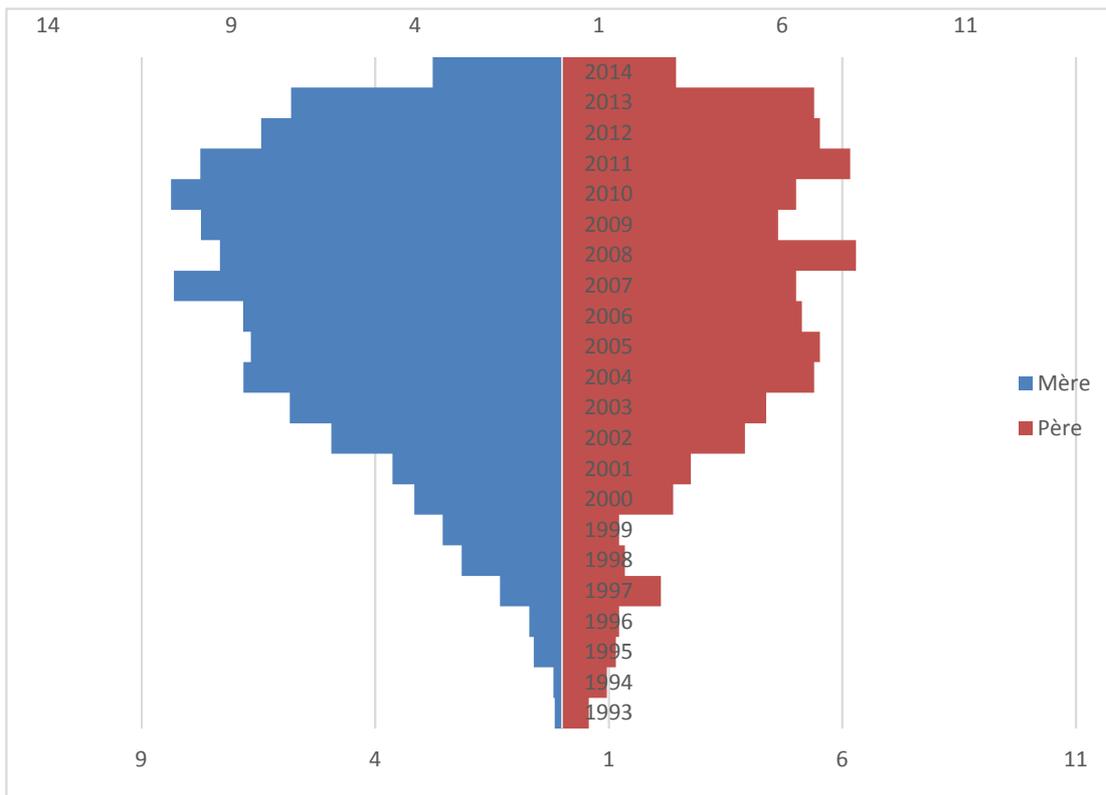
Croissance démographique ● 21

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

### Evolution du nombre de naisseurs



### Pyramide des âges de la population active femelle (%)



### Intervalle de générations des animaux reproducteurs

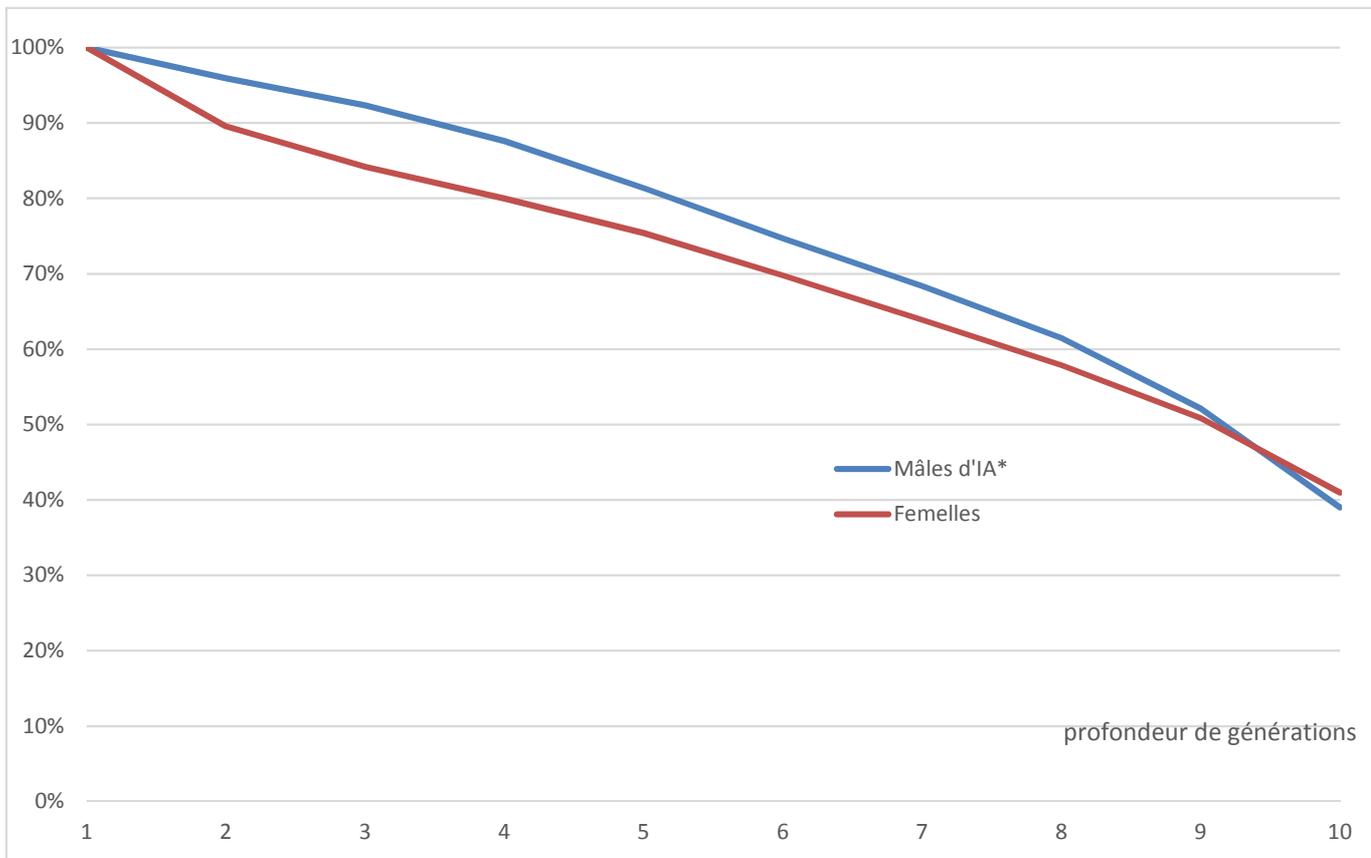
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,7
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,2
Moyenne 4 voies	3,4

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	23 437	80
Nb moyen de générations remontées	7,7	8,0
Nb moyen d'ancêtres connus	3 776	2 842
Nb maximum de générations remontées	23	20

\* père des femelles

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	10 973
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	251
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	145
Ratio Ae/Fe	57,9%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	3,7%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	67

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	18174901970855		M	1997	3,7%	3,7%	3,7%
2	18174901970650		M	1997	3,6%	3,6%	7,2%
3	18174901763049		M	1976	3,0%	2,6%	9,8%
4	18174901920482		M	1992	2,0%	1,8%	11,6%
5	18174901970554		M	1997	1,7%	1,7%	13,3%
6	18174901941063		M	1994	1,3%	1,3%	14,5%
7	18174901010960		M	2001	1,3%	1,3%	15,8%
8	18174901753111		M	1974	1,4%	1,1%	16,9%
9	18018900891205		M	1989	1,0%	1,0%	17,9%
10	18174901950786		F	1995	1,1%	1,0%	19,0%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## **Probabilité d'identité des gènes**

Nombre de générations connues	7,7
Consanguinité moyenne (%)	0,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	0,9
Consanguinité des parents (%)	0,4
Parentés des parents (%)	0,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	429
Taille efficace (méthode démographique)	2 006

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### **Répartition de la consanguinité**

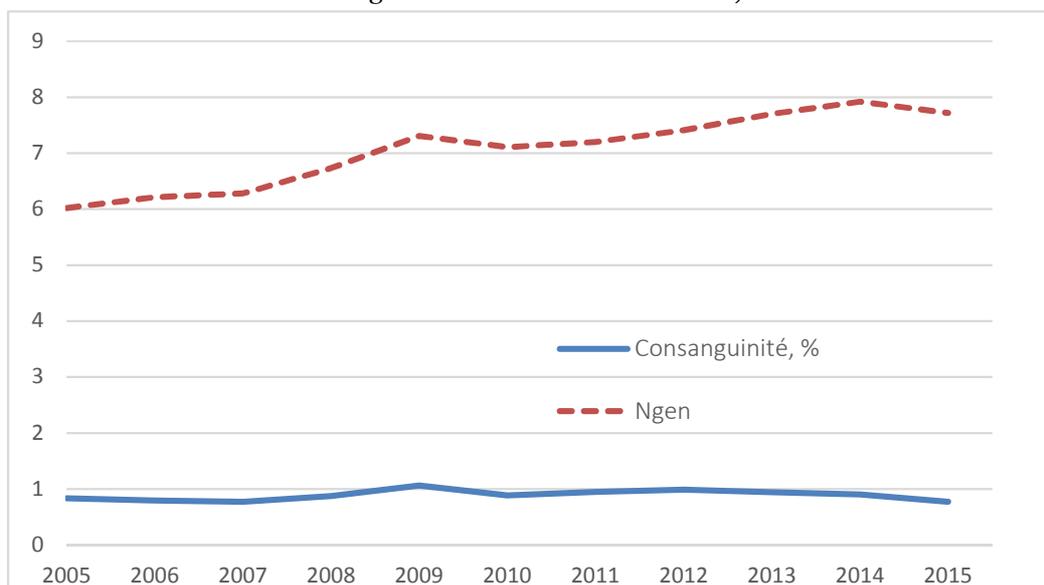
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	15,1%
entre 0 à 3,125% inclus	80,8%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,7%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,8%
entre 12,5% à 25% inclus	0,2%
plus de 25%	0,3%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	1,4%

### **Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)**

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-0,06



**TARASCONNAISE****Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2012 -2015

Femelles

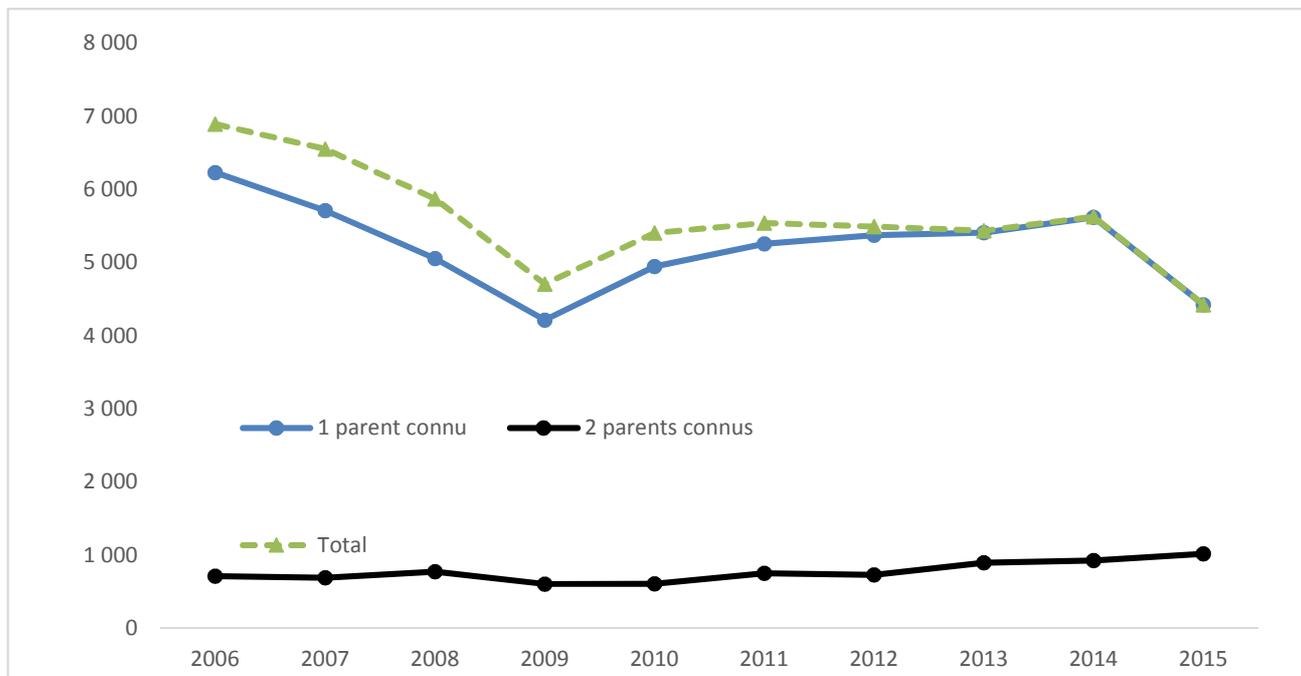
Mâles d'IA\*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	20 835	24
Nb pères différents	146	21
Nb max de descendants par père	115	2
Nb grands-pères paternels différents	47	16
Nb max de descendants par GPP	342	2
Nb mères différentes	12 347	22
Nb max de descendants par mère	9	2
Nb grands-pères maternels différents	206	16
Nb max de descendants par GPM	135	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 575	24

\* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 17%

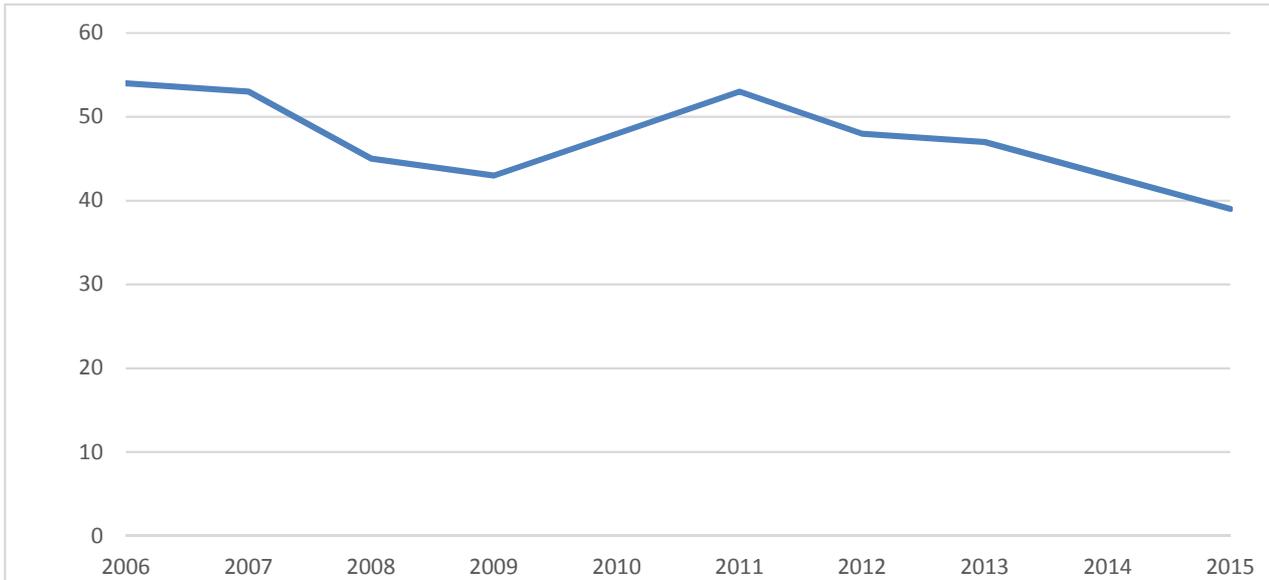
% femelles issues IA 5

**Evolution de la population femelle**

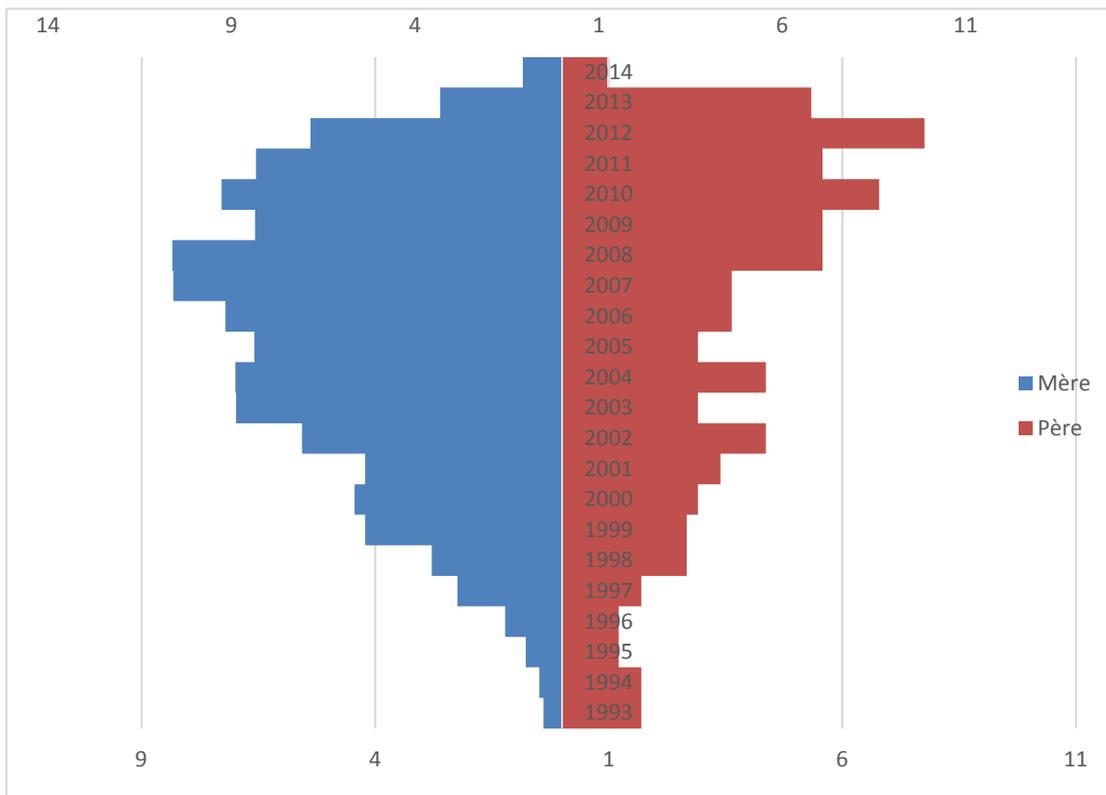
Croissance démographique ● -10

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

### Evolution du nombre de naisseurs



### Pyramide des âges de la population active femelle (%)



### Intervalle de générations des animaux reproducteurs

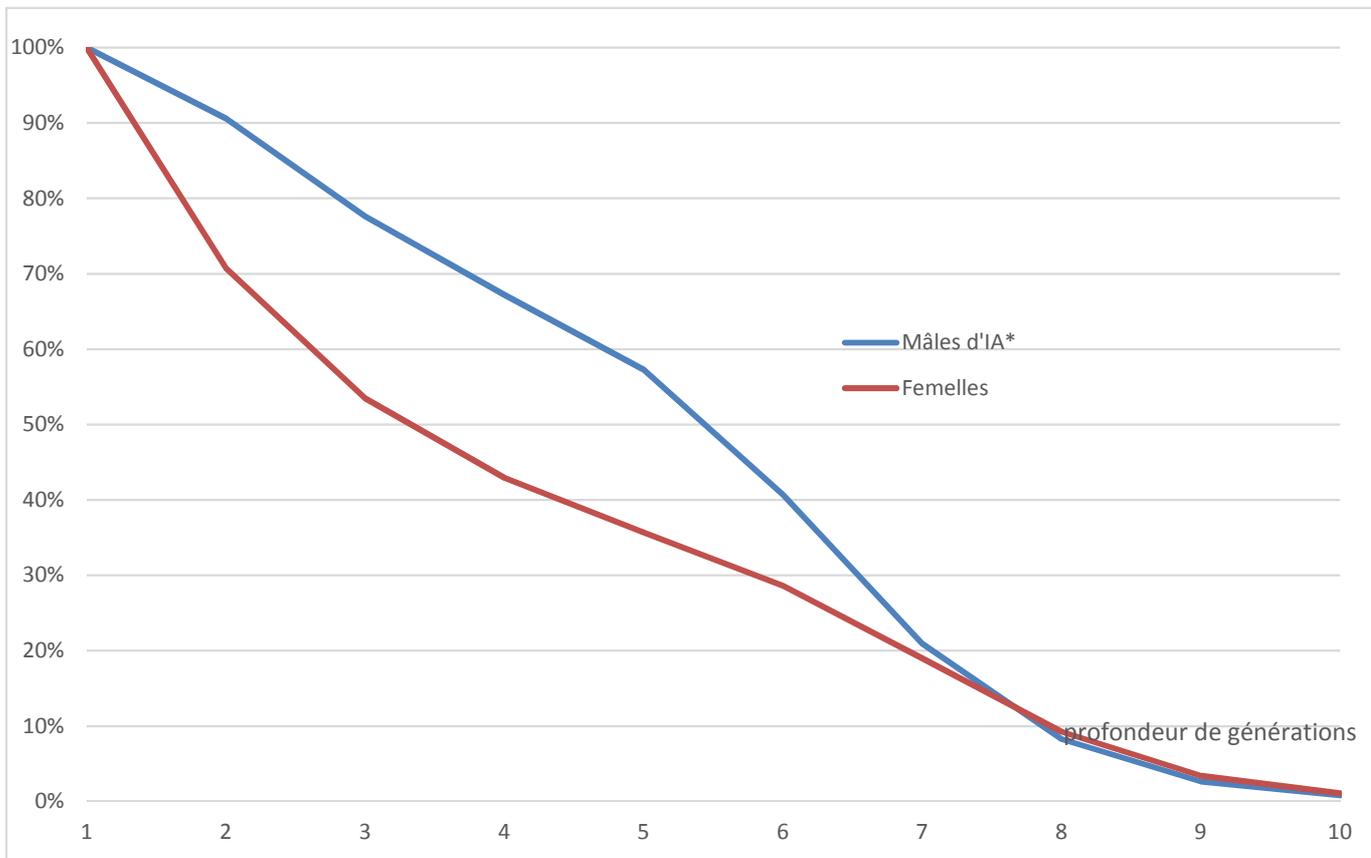
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,7
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,5
Moyenne 4 voies	3,6

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	3 575	24
Nb moyen de générations remontées	3,6	4,7
Nb moyen d'ancêtres connus	137	148
Nb maximum de générations remontées	15	13

\* père des femelles

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	4 344
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	285
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	116
Ratio Ae/Fe	40,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,0%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	58

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	31123001920019		M	1992	5,0%	5,0%	5,0%
2	14534970062		M	2007	3,4%	3,4%	8,4%
3	09138014880053		M	1988	3,1%	3,1%	11,5%
4	14574690079		M	2009	2,7%	2,1%	13,6%
5	14532810286		M	2011	1,7%	1,7%	15,3%
6	26659090187		M	2009	2,1%	1,7%	17,0%
7	26657300126		M	2010	1,8%	1,6%	18,6%
8	14583000120		M	2010	1,7%	1,5%	20,0%
9	09206009990057		M	1999	1,5%	1,2%	21,3%
10	14574680167		M	2008	1,5%	1,2%	22,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## **Probabilité d'identité des gènes**

Nombre de générations connues	3,6
Consanguinité moyenne (%)	0,8
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,0
Parenté (%)	0,8
Consanguinité des parents (%)	0,1
Parentés des parents (%)	0,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	253
Taille efficace (méthode démographique)	577

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### **Répartition de la consanguinité**

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	58,7%
entre 0 à 3,125% inclus	37,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	1,8%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,1%
entre 12,5% à 25% inclus	0,9%
plus de 25%	0,4%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	2,3%

### **Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)**

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,21

