

GASCONNE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2013 -2016

Femelles

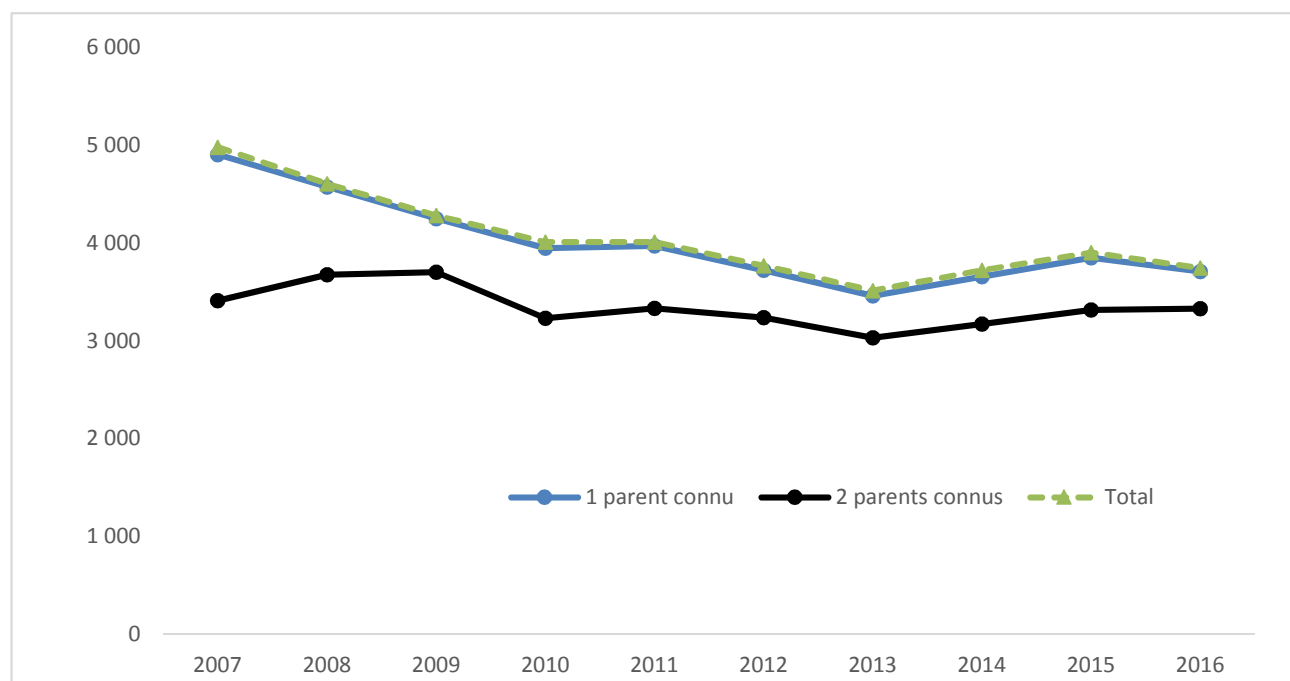
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	14 894	19
Nb pères différents	625	14
Nb max de descendants par père	253	3
Nb grands-pères paternels différents	249	11
Nb max de descendants par GPP	954	3
Nb mères différentes	9 359	18
Nb max de descendants par mère	8	2
Nb grands-pères maternels différents	1 069	11
Nb max de descendants par GPM	522	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	12 858	18

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 86%

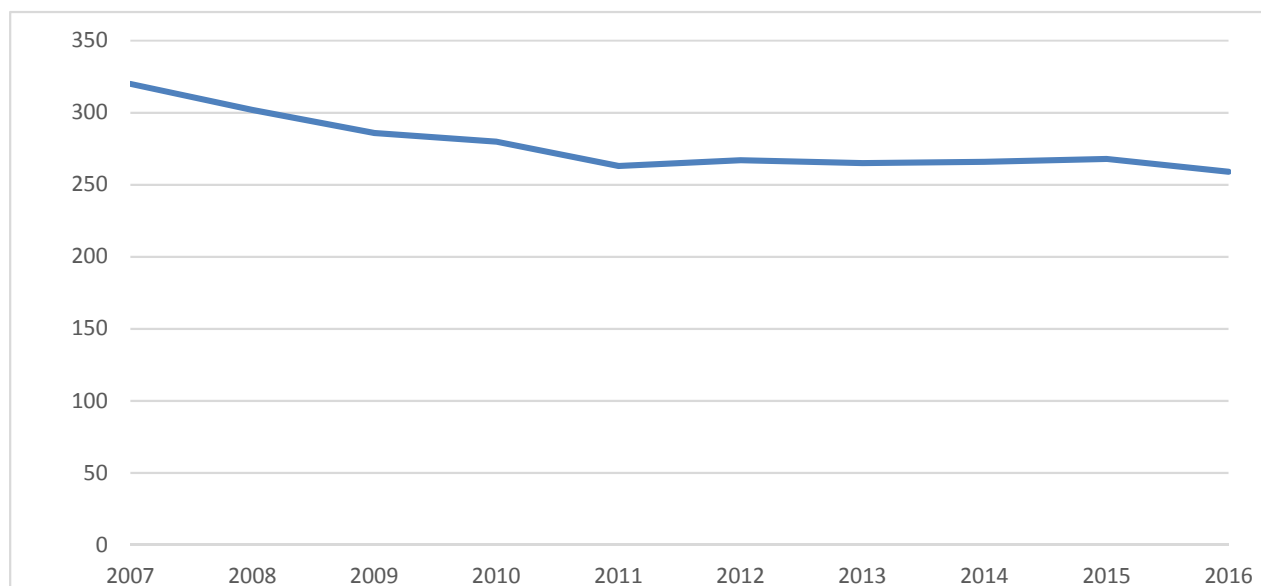
% femelles issues IA 13

Evolution de la population femelle

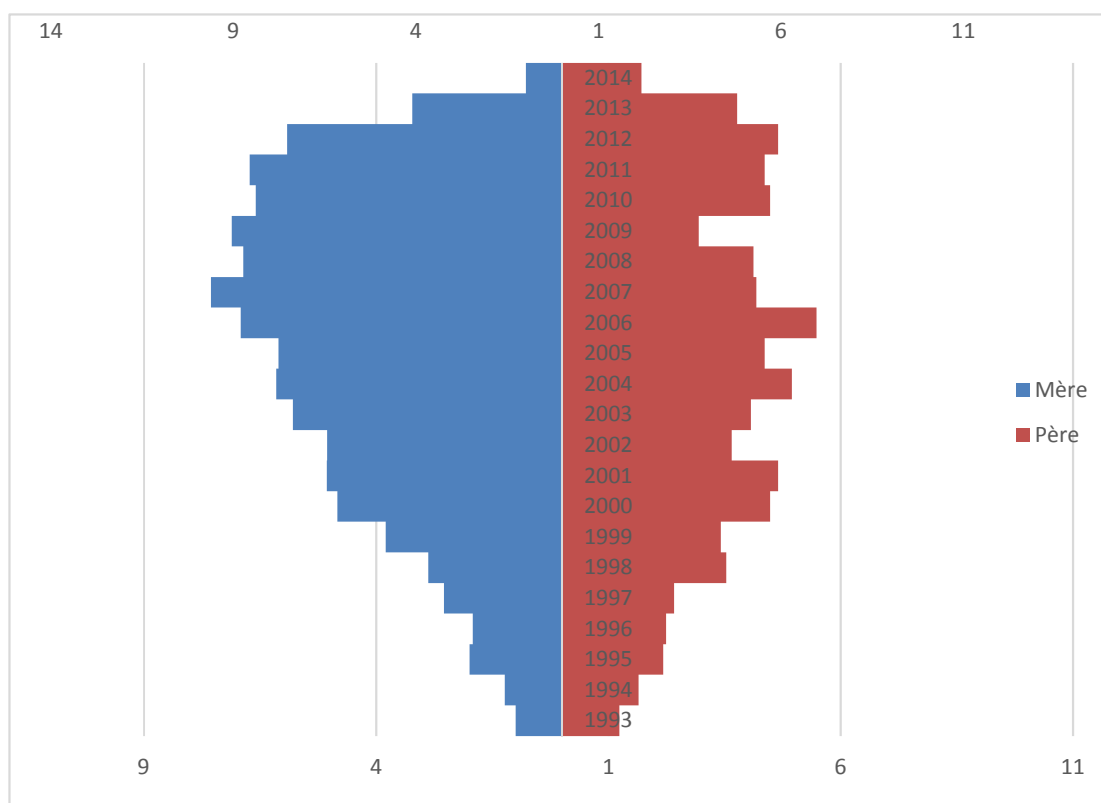
Croissance démographique ●-15

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

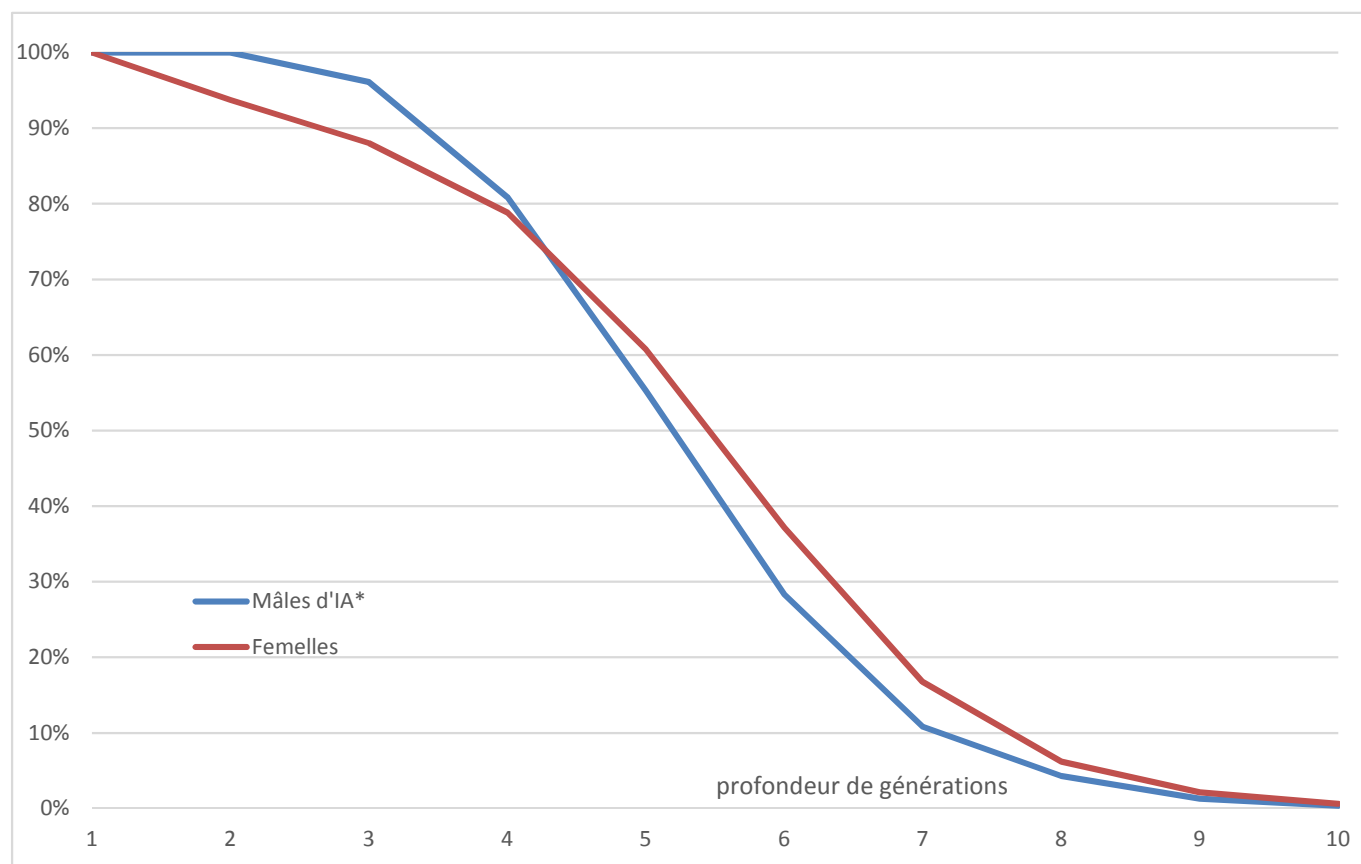
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,4
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,5
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	7,2
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	6,6
Moyenne 4 voies	6,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	12 856	18
Nb moyen de générations remontées	4,8	4,8
Nb moyen d'ancêtres connus	130	100
Nb maximum de générations remontées	19	13

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2013 -2016

Nombre de fondateurs	6 945
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	207
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	84
Ratio Ae/Fe	40,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	6,4%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	53

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR1140029030	RELIEF	M	2000	6,4%	6,4%	6,4%
2	FR0904916416	COURNIER	M	1987	4,8%	4,8%	11,2%
3	FR1109402256	EVEQUE	M	1989	3,1%	3,1%	14,2%
4	FR1146019610	BLACK	M	2006	2,9%	2,9%	17,2%
5	FR0904312798	CACHOU	M	1987	2,4%	2,4%	19,6%
6	FR3116341797	ANEMONE	F	1985	2,0%	2,0%	21,6%
7	FR6506203674	ULSTER	M	2003	2,1%	1,9%	23,5%
8	FR1141039380	SULTAN	M	2001	1,8%	1,8%	25,3%
9	FR1140008933	REVOLVER	M	2000	1,9%	1,6%	26,9%
10	FR0900100565	RODIN	M	2000	1,1%	1,1%	28,0%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	4,8
Consanguinité moyenne (%)	1,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,8
Parenté (%)	0,9
Consanguinité des parents (%)	0,6
Parentés des parents (%)	0,5
Taille efficace (méthode Cervantès)	269
Taille efficace (méthode démographique)	2 343

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	44,3%
entre 0 à 3,125% inclus	48,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	3,7%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,7%
entre 12,5% à 25% inclus	1,6%
plus de 25%	0,6%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **3,9%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,64

