

PARTHENAISE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2013 -2016

Femelles

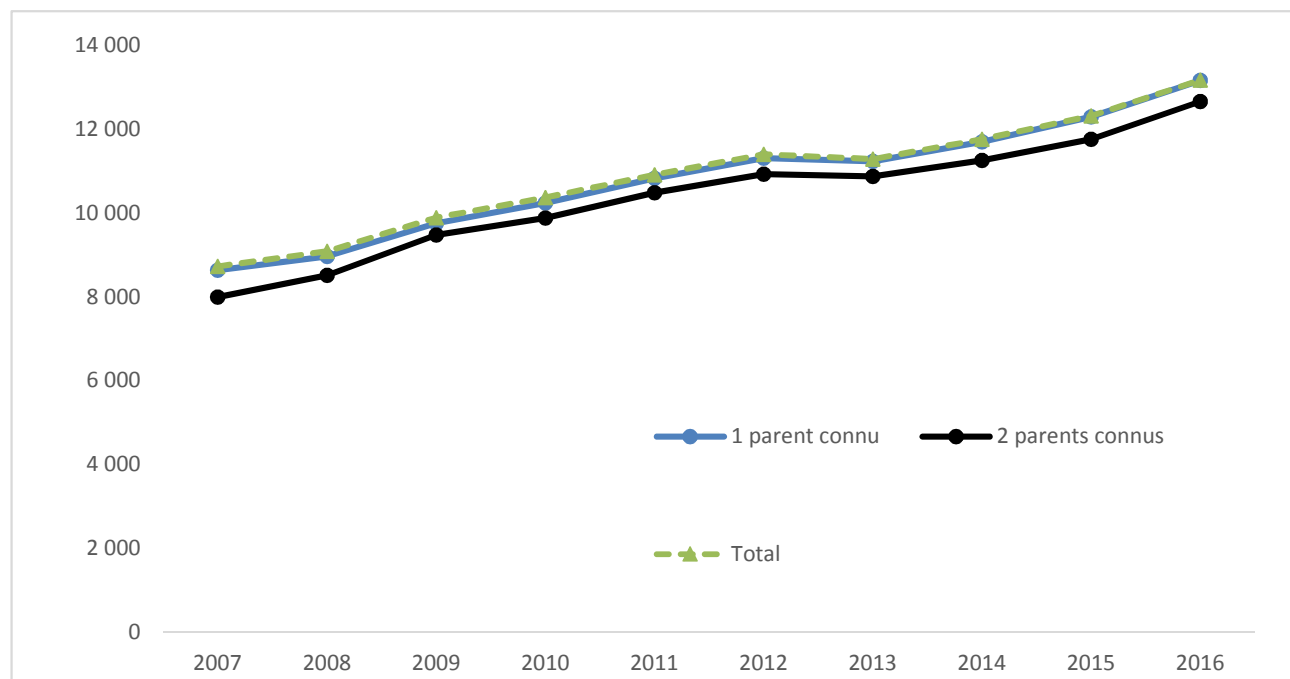
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	48 574	48
Nb pères différents	1 680	45
Nb max de descendants par père	1 632	3
Nb grands-pères paternels différents	578	41
Nb max de descendants par GPP	1 882	3
Nb mères différentes	31 747	48
Nb max de descendants par mère	13	1
Nb grands-pères maternels différents	2 299	41
Nb max de descendants par GPM	3 097	2
Nb d'animaux avec deux parents connus	46 587	48

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 96%

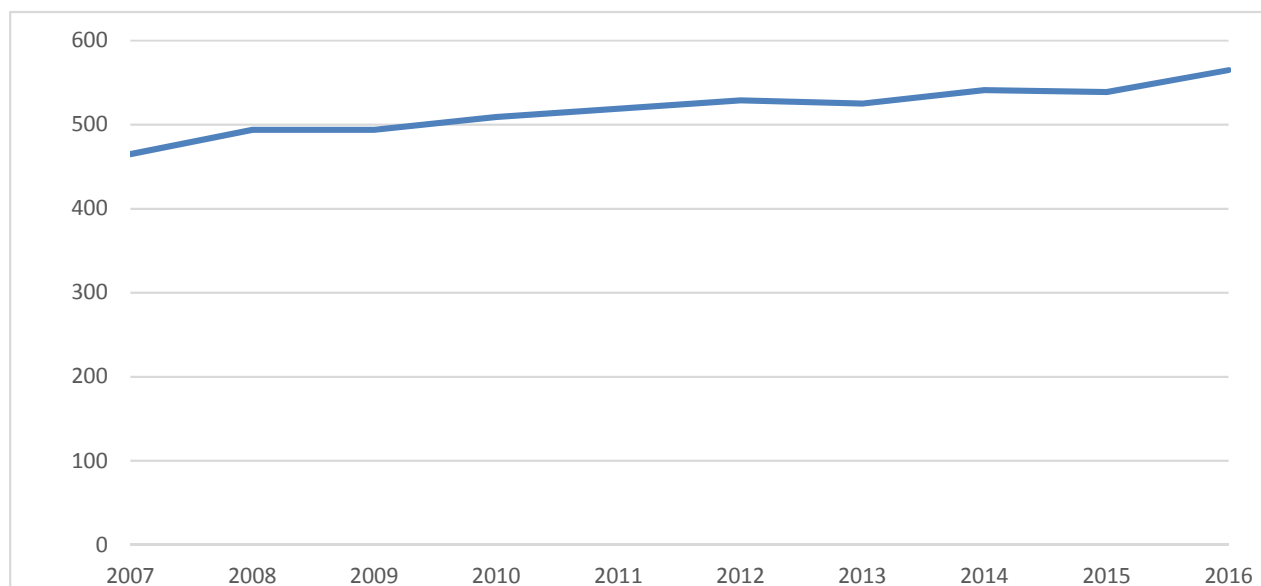
% femelles issues IA 26

Evolution de la population femelle

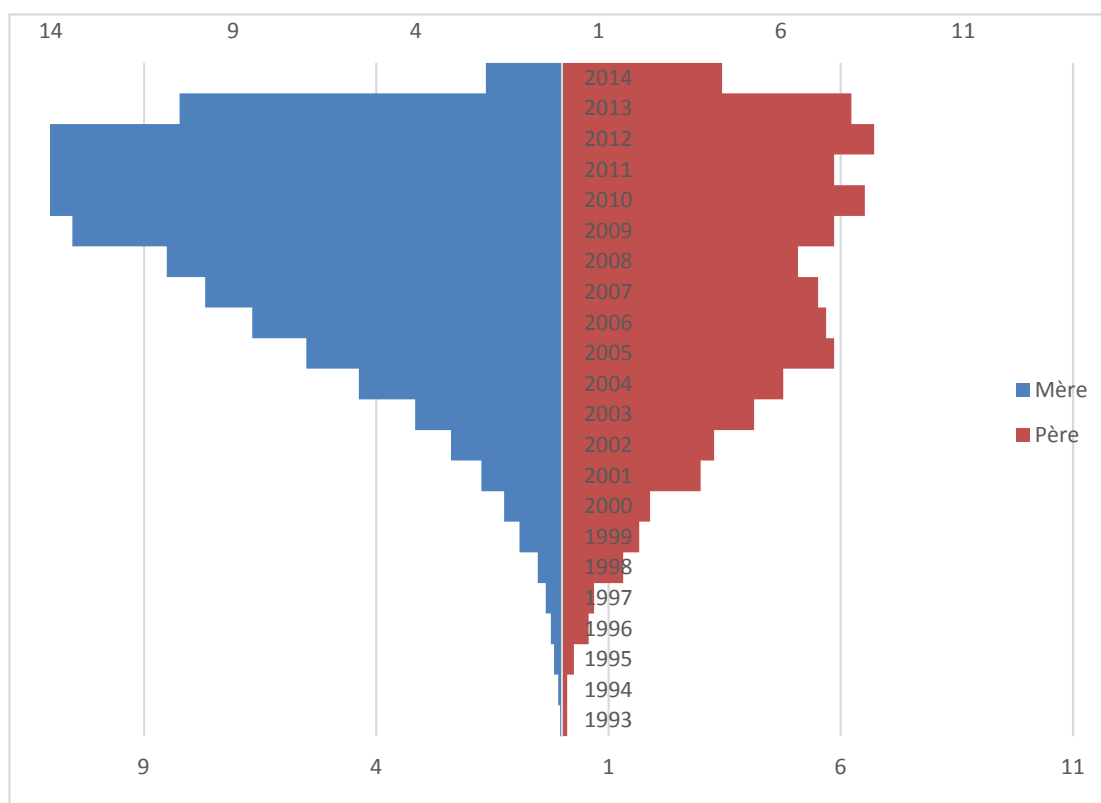
Croissance démographique ● 22

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

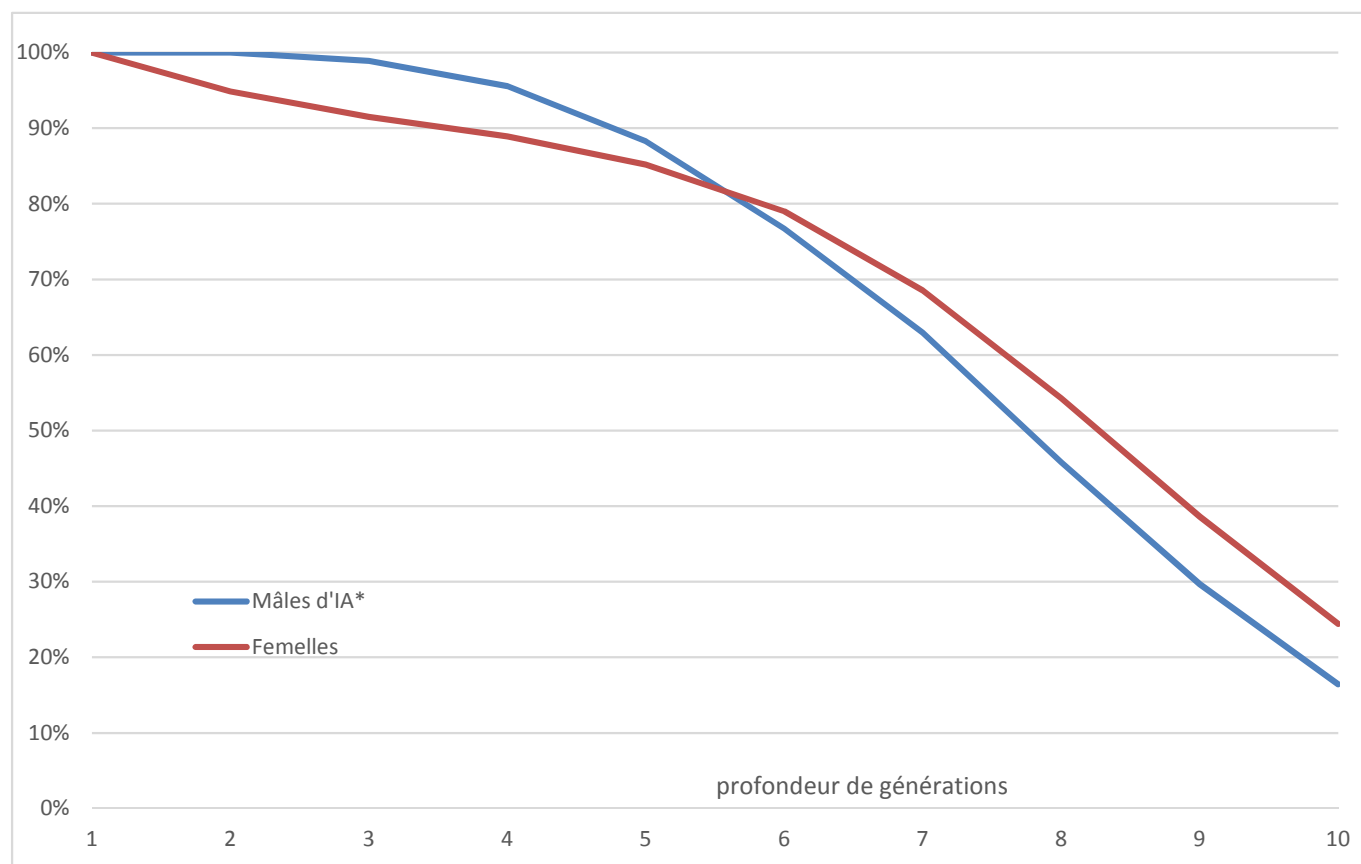
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,0
Moyenne 4 voies	5,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	46 562	48
Nb moyen de générations remontées	7,5	7,3
Nb moyen d'ancêtres connus	1 684	1 049
Nb maximum de générations remontées	22	19

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2013 -2016

Nombre de fondateurs	11 739
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	196
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	80
Ratio Ae/Fe	40,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,1%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	29

**Détail des ancêtres les plus importants
de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR7991004851	GRILLON	M	1991	4,1%	4,1%	4,1%
2	FR7989003629	ECUSSON	M	1989	3,9%	3,9%	8,1%
3	FR7903520279	TURBO	M	2002	3,7%	3,7%	11,7%
4	FR7984001884	VELODROME	M	1984	3,5%	3,3%	15,0%
5	FR7949950013	POTIRON	M	1999	3,0%	3,0%	18,0%
6	FR7978001955	ORATEUR	M	1978	2,6%	2,5%	20,5%
7	FR7992001275	HANNETON	M	1992	2,5%	2,5%	23,0%
8	FR7993002772	INDIVIDUE	M	1993	2,2%	2,1%	25,1%
9	FR7990002137	FESTIVAL	M	1990	2,0%	2,0%	27,0%
10	FR7981001624	SABOT	M	1981	2,3%	1,9%	29,0%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,5
Consanguinité moyenne (%)	1,2
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,3
Parenté (%)	1,3
Consanguinité des parents (%)	0,9
Parentés des parents (%)	1,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	293
Taille efficace (méthode démographique)	6 382

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	12,0%
entre 0 à 3,125% inclus	82,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	3,8%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,2%
entre 12,5% à 25% inclus	0,5%
plus de 25%	0,4%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 2,1%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans 0,4

