

PRIM'HOLSTEIN**Informations démographiques**

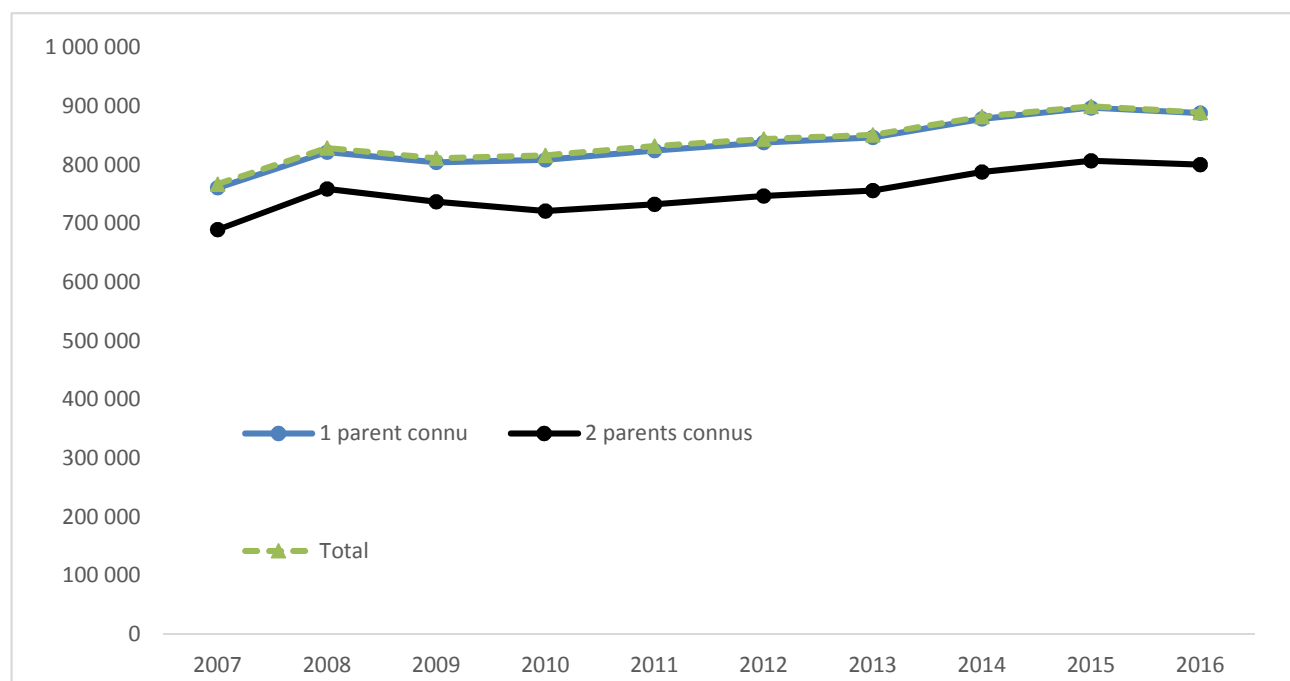
Période de naissance des femelles 2013 -2016

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	3 524 776	4 861
Nb pères différents	21 169	924
Nb max de descendants par père	47 713	186
Nb grands-pères paternels différents	2 857	336
Nb max de descendants par GPP	180 399	400
Nb mères différentes	2 565 828	3 879
Nb max de descendants par mère	45	11
Nb grands-pères maternels différents	37 104	336
Nb max de descendants par GPM	92 366	383
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 152 987	4 861

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 89%

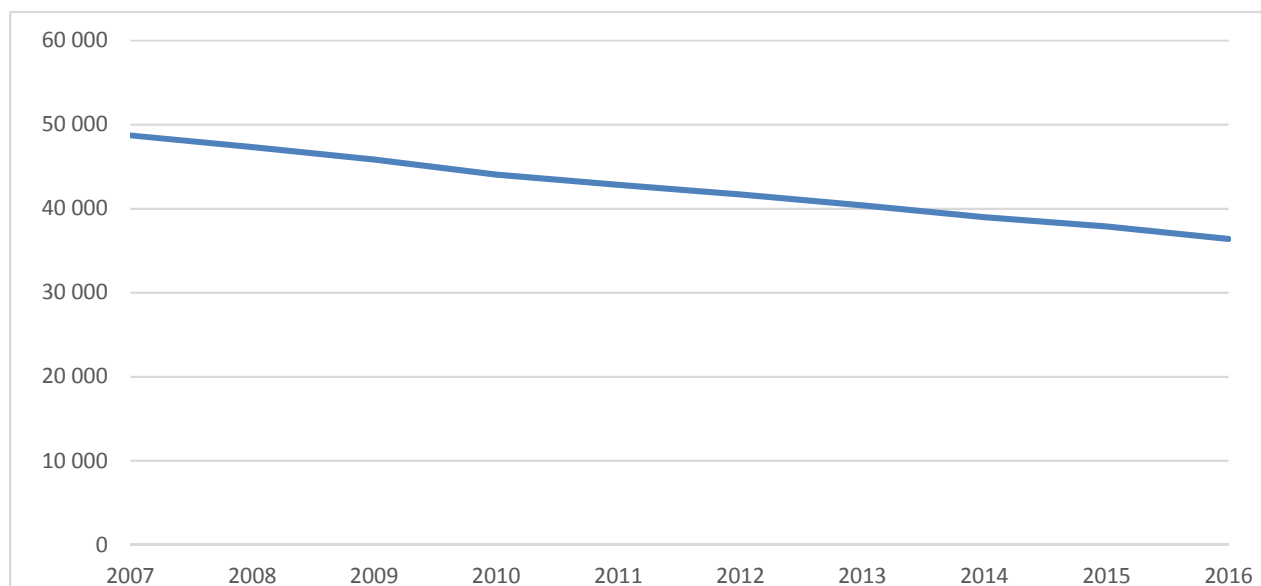
% femelles issues IA 84

Evolution de la population femelle

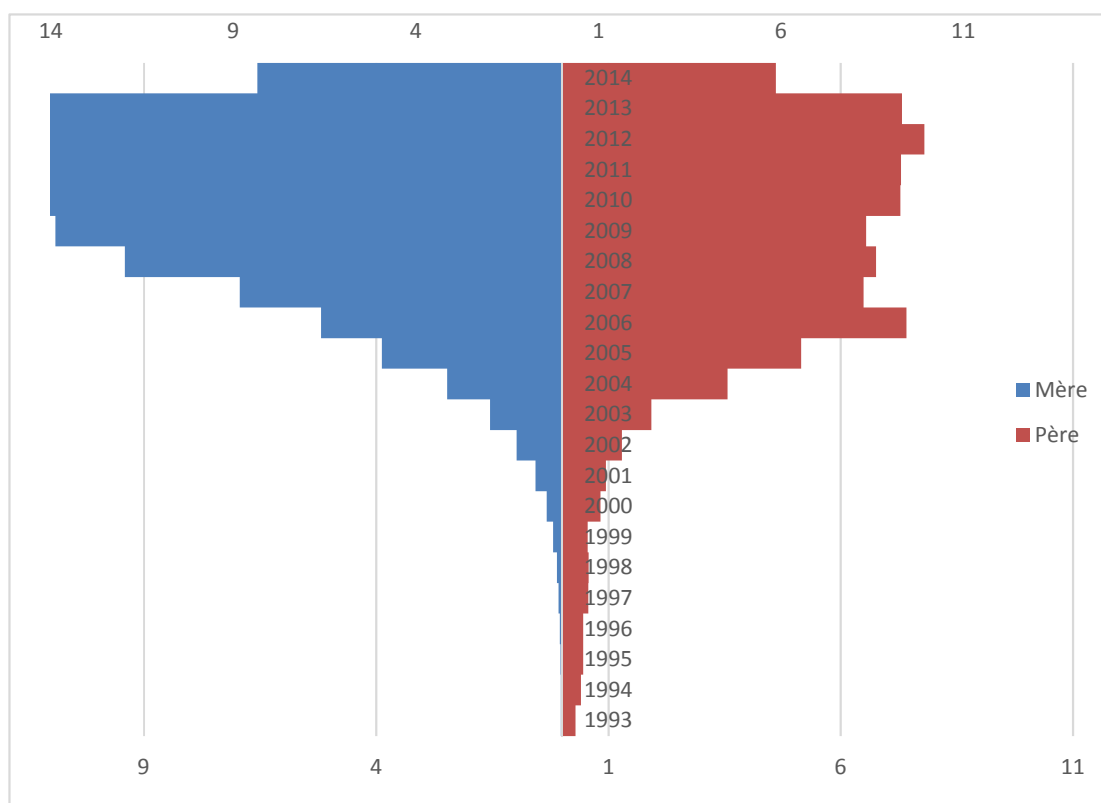
Croissance démographique ●8

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

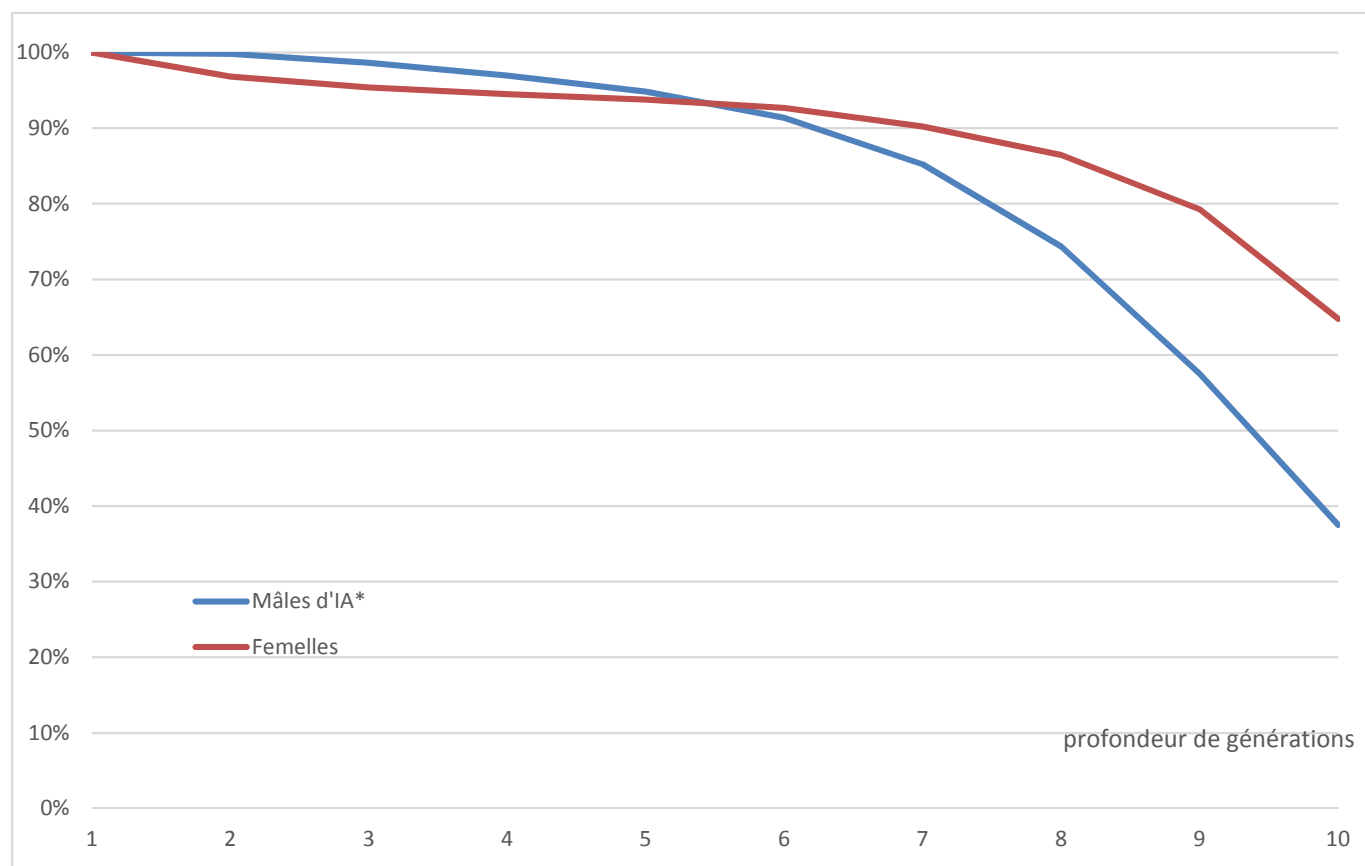
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	7,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	6,7
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,2
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,1
Moyenne 4 voies	5,5

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	3 145 699	4 861
Nb moyen de générations remontées	9,7	8,7
Nb moyen d'ancêtres connus	4 861	2 196
Nb maximum de générations remontées	29	22

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2013 -2016

Nombre de fondateurs	824 693
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	83
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	20
Ratio Ae/Fe	24,0%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	12,7%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	8

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FRUS01491007	ELEVATION	M	1965	12,7%	12,7%	12,7%
2	FRUS01427381	CHIEF	M	1962	11,9%	11,9%	24,6%
3	FRUS01667366	BELL	M	1974	9,2%	9,2%	33,8%
4	FRGB00598172	SHOTTLE	M	1999	6,3%	4,2%	38,0%
5	FRU122358313	O-MAN JUST	M	1998	7,1%	4,2%	42,2%
6	FRUS06781299	ROSEVIVIAN	F	1966	4,1%	3,5%	45,7%
7	FRUS01929410	BLACKSTAR	M	1983	6,1%	3,3%	49,0%
8	FRCD00383622	AEROSTAR	M	1985	6,4%	3,0%	52,0%
9	FR5694028588	JOCKO BESN	M	1994	5,0%	2,8%	54,8%
10	FRUS01806201	NED BOY	M	1979	3,2%	2,8%	57,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	9,7
Consanguinité moyenne (%)	4,3
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	5,0
Consanguinité des parents (%)	3,7
Parentés des parents (%)	3,8
Taille efficace (méthode Cervantès)	96
Taille efficace (méthode démographique)	83 983

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	4,8%
entre 0 à 3,125% inclus	14,5%
entre 3,125% à 6,25% inclus	71,6%
entre 6,25% à 12,5% inclus	8,9%
entre 12,5% à 25% inclus	0,1%
plus de 25%	0,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 9,1%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

1,15

