

ROUGE FLAMANDE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2013 -2016

Femelles

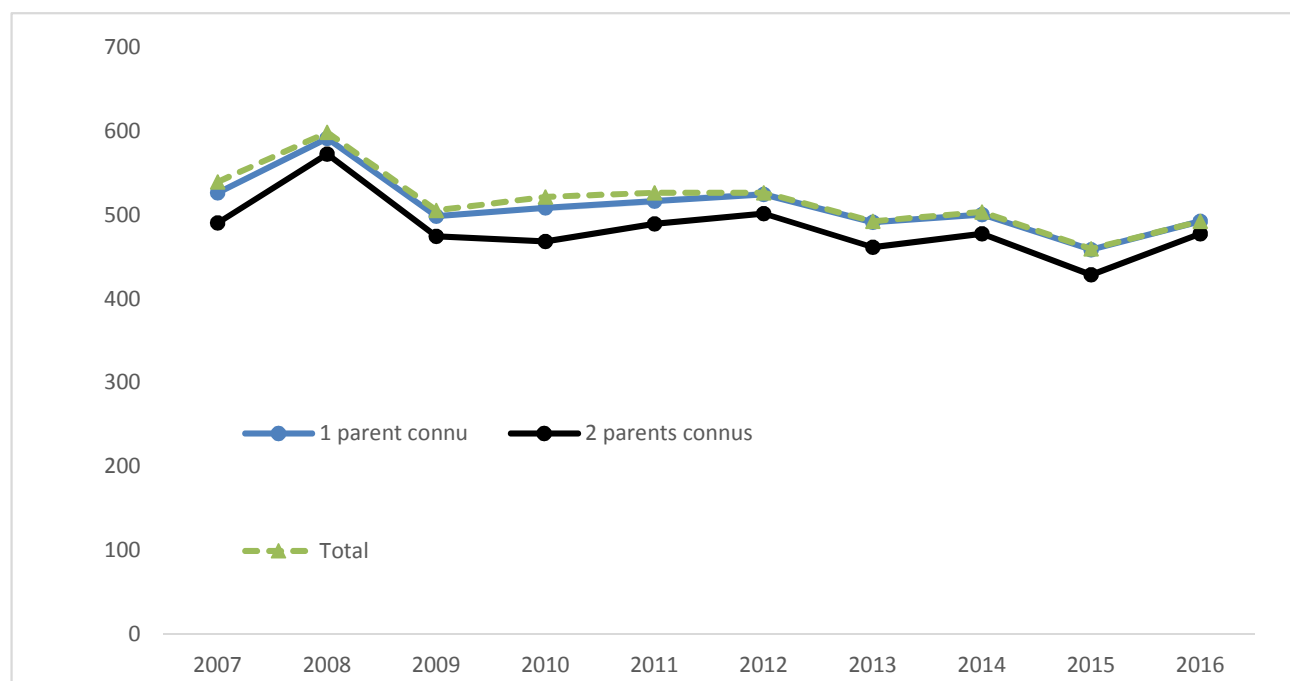
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	1 919	61
Nb pères différents	88	56
Nb max de descendants par père	152	2
Nb grands-pères paternels différents	66	46
Nb max de descendants par GPP	159	3
Nb mères différentes	1 369	58
Nb max de descendants par mère	4	2
Nb grands-pères maternels différents	96	46
Nb max de descendants par GPM	121	4
Nb d'animaux avec deux parents connus	1 821	61

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 93%

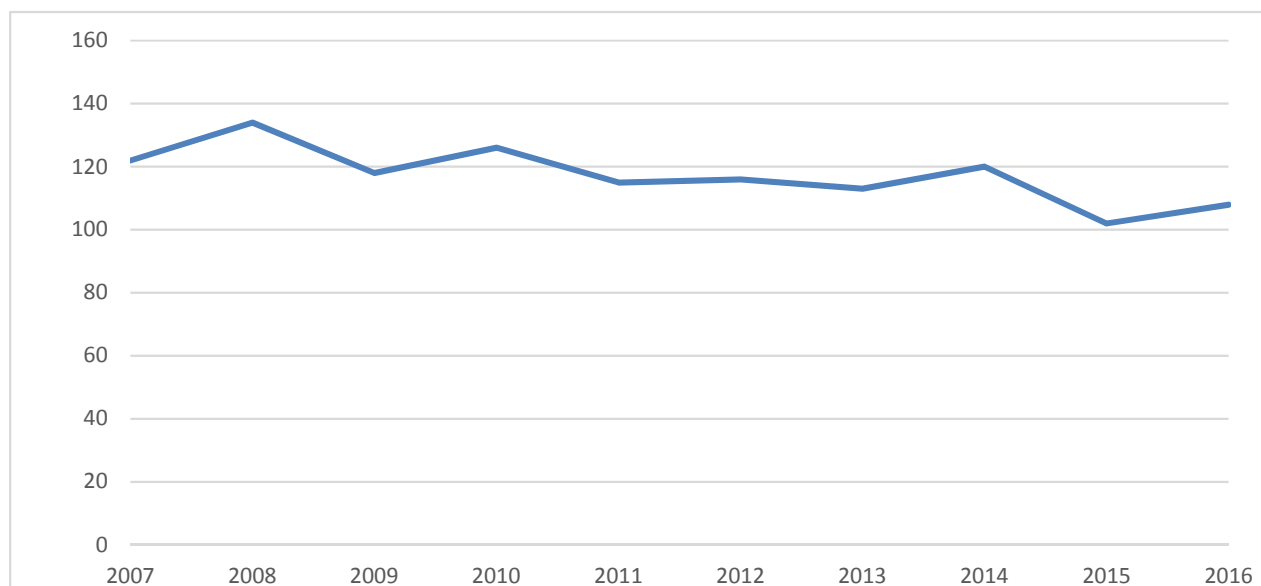
% femelles issues IA 80

Evolution de la population femelle

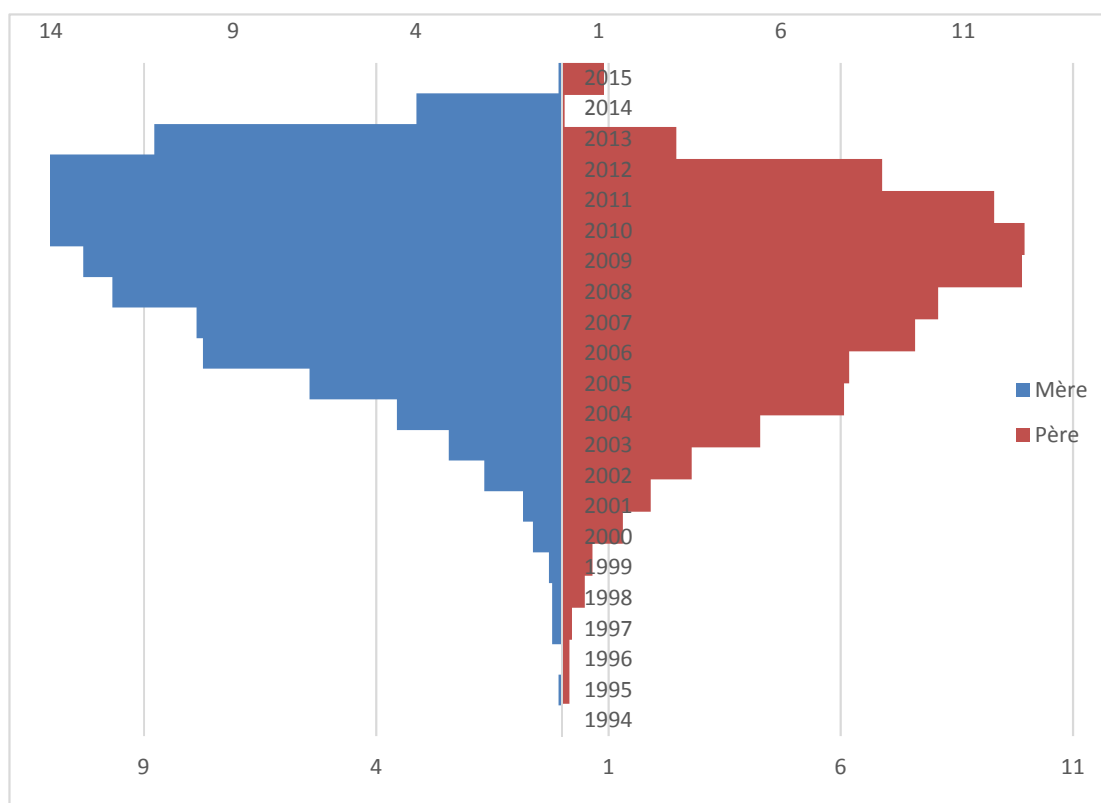
Croissance démographique 🟡-8

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

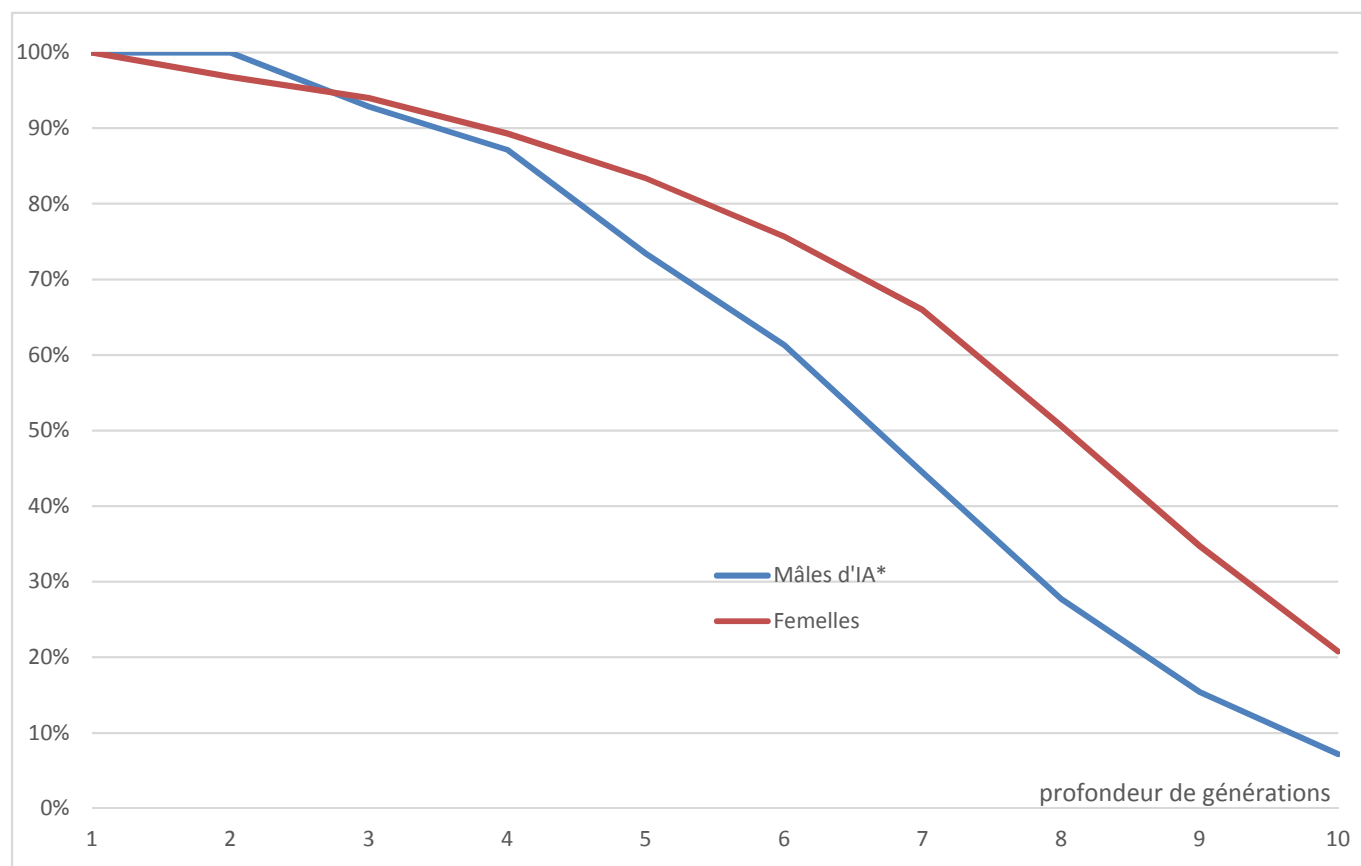
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	8,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	7,1
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,7
Moyenne 4 voies	6,4

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	1 821	61
Nb moyen de générations remontées	7,3	6,1
Nb moyen d'ancêtres connus	1 300	467
Nb maximum de générations remontées	20	15

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2013 -2016

Nombre de fondateurs	1 993
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	54
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	31
Ratio Ae/Fe	58,1%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	7,2%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	11

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR0000066009	UJANE	F	1964	7,2%	7,2%	7,2%
2	FR0000014273	NOIRO	M	1950	7,0%	7,0%	14,2%
3	FR5991005370	GAULOIS	M	1991	6,4%	5,9%	20,1%
4	FR6204103580	PEDRO	M	1999	6,1%	5,4%	25,4%
5	FR6275000374	LURON	M	1950	4,8%	4,6%	30,0%
6	FR0000066409	VEJANE	F	1965	4,7%	4,4%	34,4%
7	FRDK00031456	HV KJELD	M	1976	5,0%	4,2%	38,6%
8	FR5971001236	MIGNON	M	1950	4,5%	4,1%	42,7%
9	FR5987006345	COMIQUE	M	1987	4,3%	3,7%	46,4%
10	FR5997030232	NIMPRIS	M	1997	5,9%	3,3%	49,7%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,3
Consanguinité moyenne (%)	3,3
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,5
Parenté (%)	4,5
Consanguinité des parents (%)	2,8
Parentés des parents (%)	3,5
Taille efficace (méthode Cervantès)	80
Taille efficace (méthode démographique)	331

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

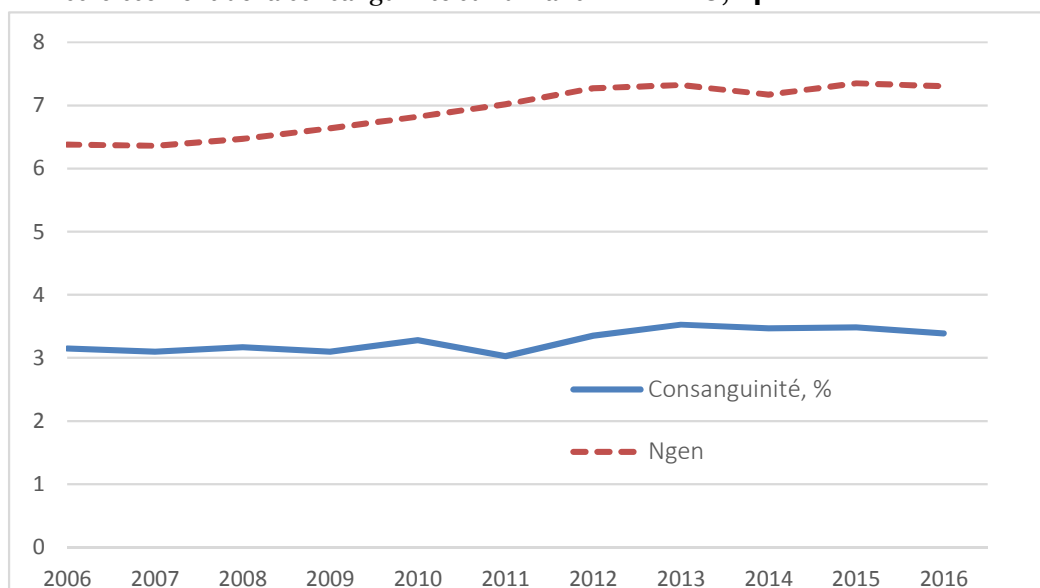
0% de consanguinité	8,3%
entre 0 à 3,125% inclus	44,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	39,7%
entre 6,25% à 12,5% inclus	6,8%
entre 12,5% à 25% inclus	0,9%
plus de 25%	0,2%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 7,8%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

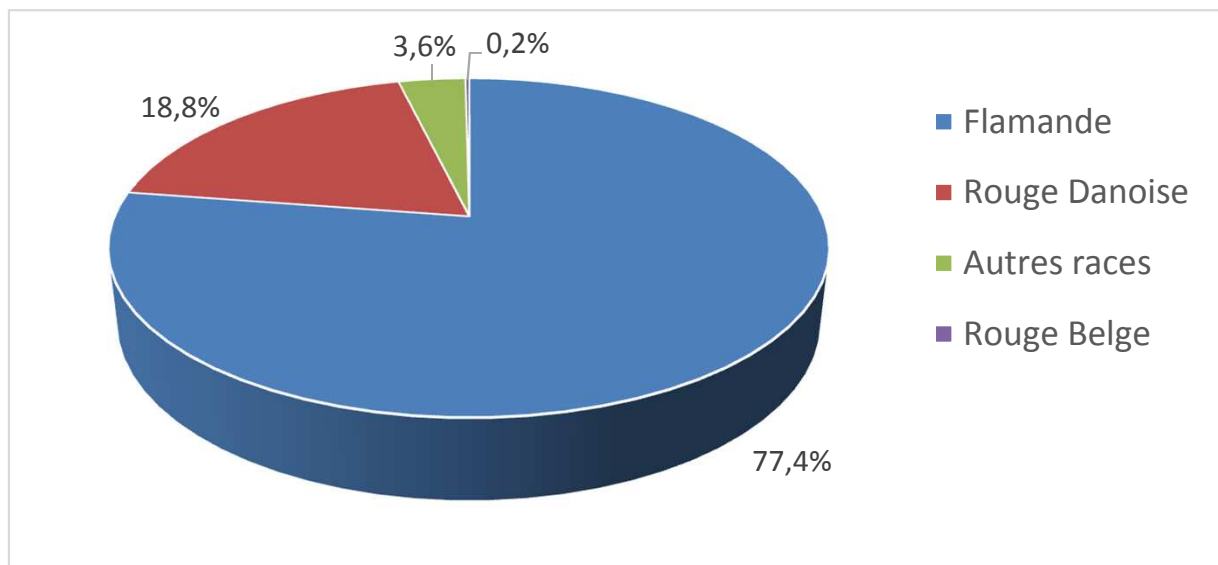
0,24



Gènes étrangers

Composition de la population femelle

2013 -2016



Evolution des gènes étrangers **(population femelle)**

