

VOSGIENNE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2013 -2016

Femelles

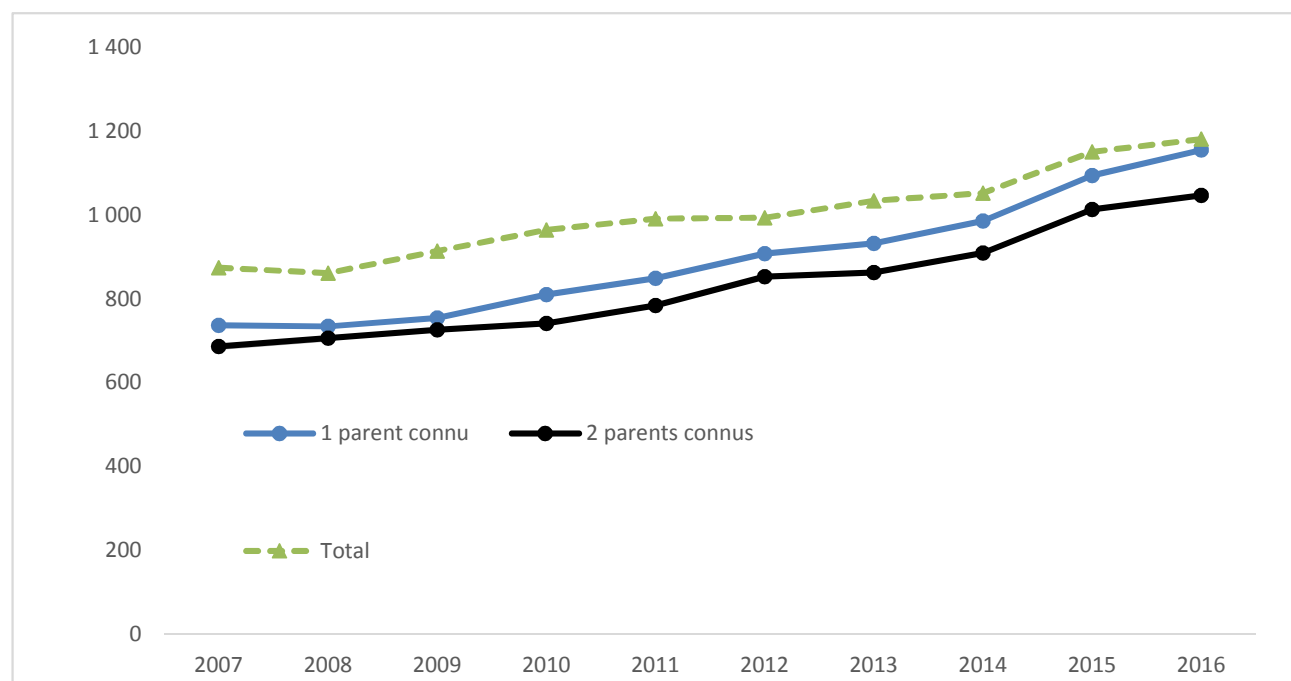
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	4 152	61
Nb pères différents	120	41
Nb max de descendants par père	331	3
Nb grands-pères paternels différents	56	35
Nb max de descendants par GPP	451	6
Nb mères différentes	2 822	54
Nb max de descendants par mère	6	3
Nb grands-pères maternels différents	117	35
Nb max de descendants par GPM	299	7
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 817	61

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 86%

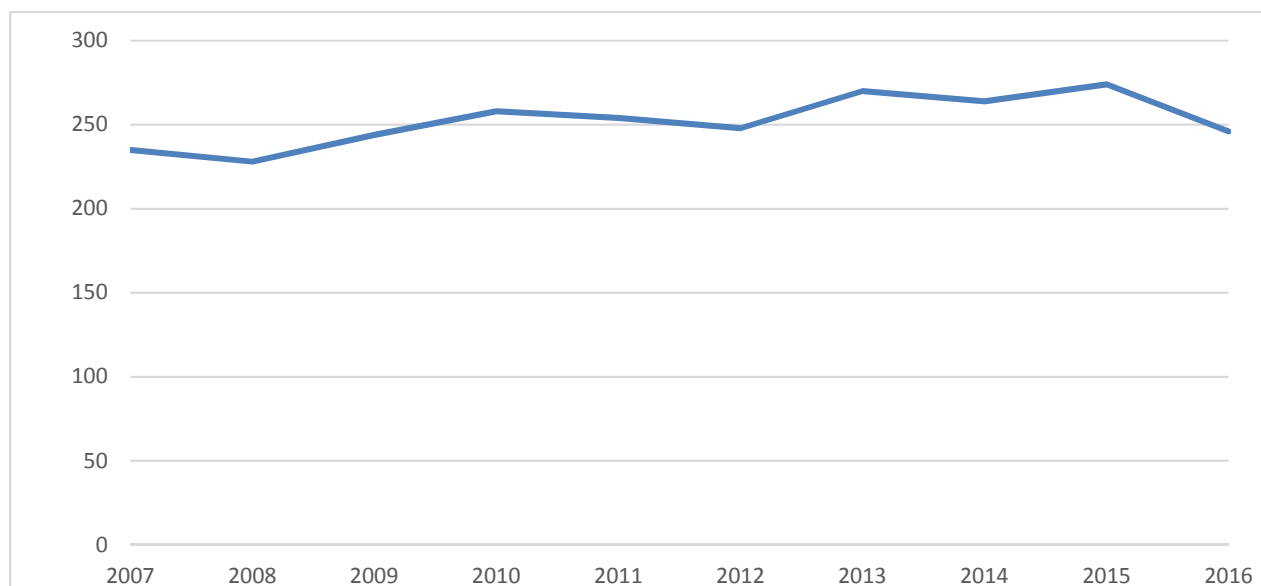
% femelles issues IA 83

Evolution de la population femelle

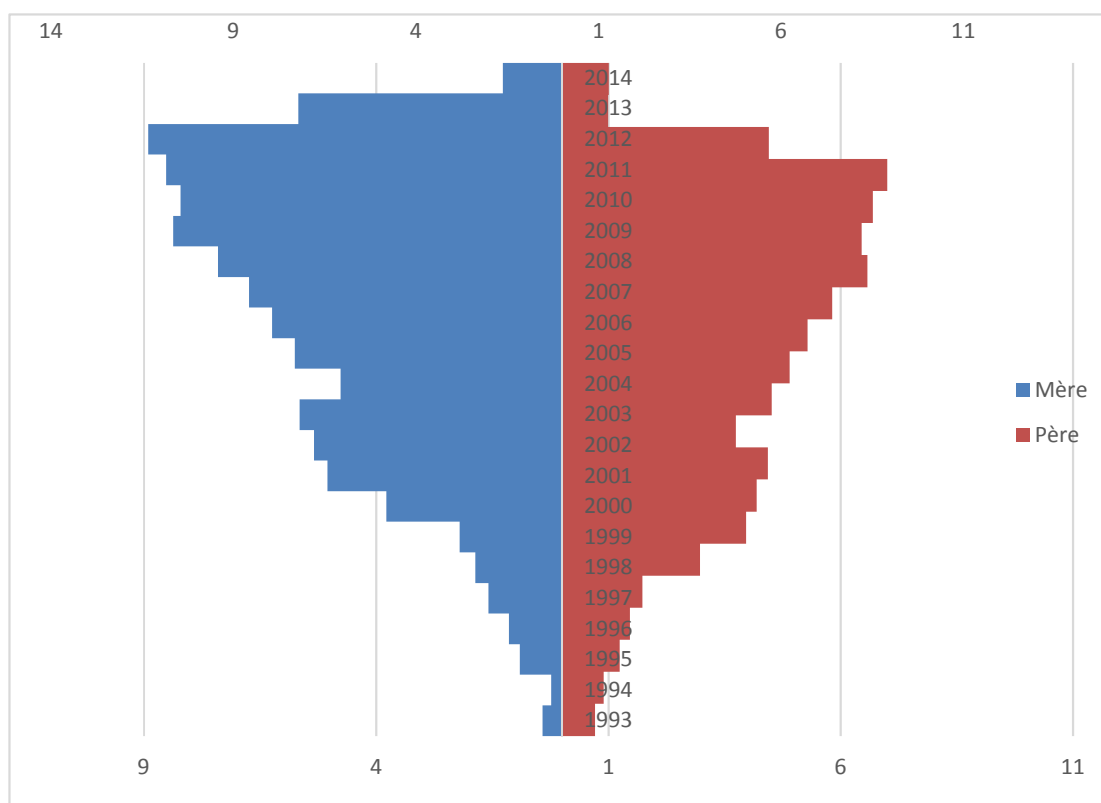
Croissance démographique ●18

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

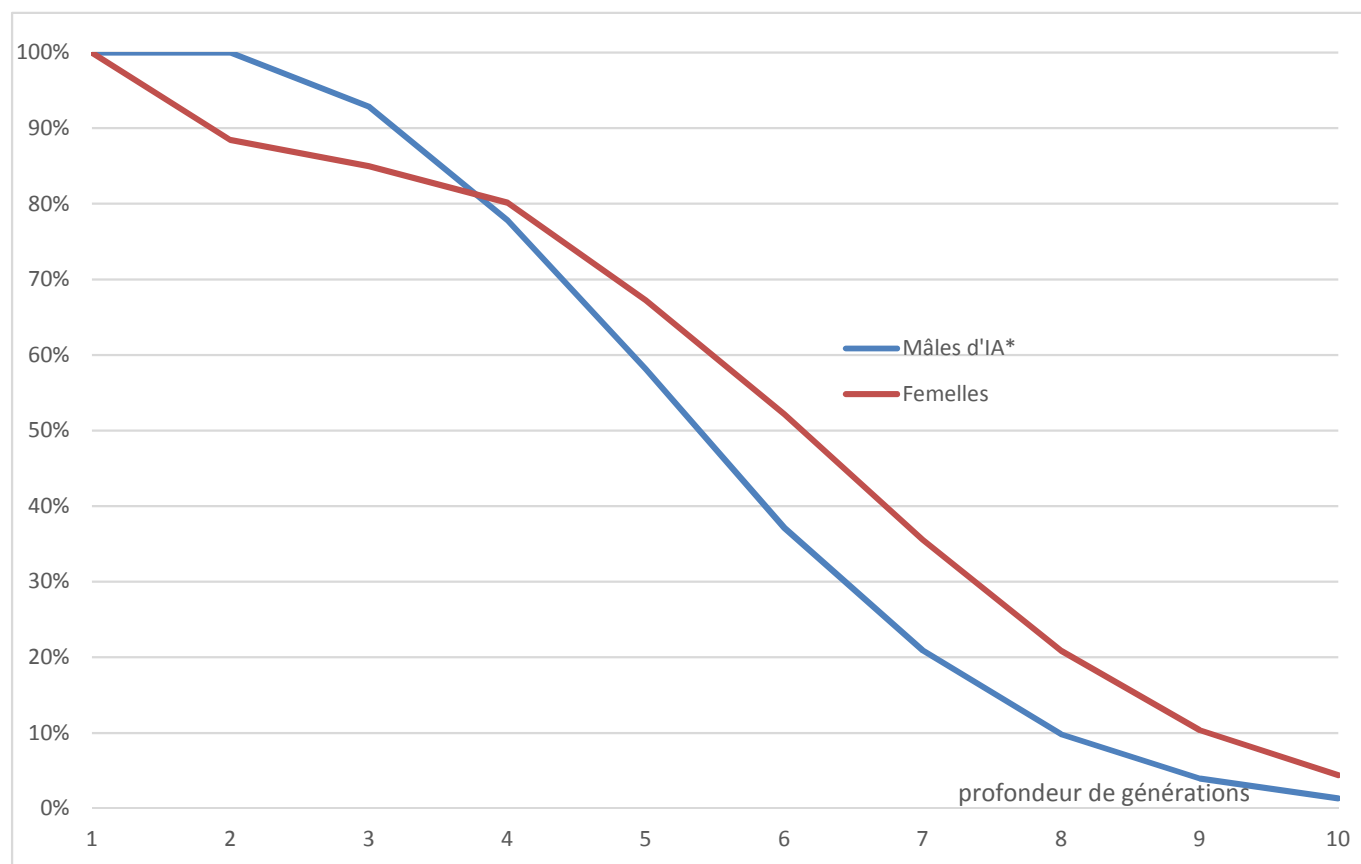
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	8,5
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	8,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	6,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,7
Moyenne 4 voies	7,3

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	3 817	61
Nb moyen de générations remontées	5,5	5,0
Nb moyen d'ancêtres connus	348	169
Nb maximum de générations remontées	20	15

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2013 -2016

Nombre de fondateurs	2 765
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	68
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	22
Ratio Ae/Fe	32,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	10,4%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	8

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR6890006028	FILOU	M	1990	10,4%	10,4%	10,4%
2	FR6872120106	OCHINO	M	1972	10,3%	10,3%	20,6%
3	FR8879007335	POMPON	M	1979	9,2%	9,2%	29,9%
4	FR7082009773	TIRELIRE	F	1982	7,7%	7,7%	37,6%
5	FR8892005687	HERBERT	M	1992	5,5%	4,2%	41,8%
6	FR6878006726	OMAR	M	1978	7,7%	3,8%	45,6%
7	FR6701501385	#REF!	F	1978	3,7%	3,7%	49,3%
8	FR6891006059	GASTON	M	1991	2,5%	2,5%	51,8%
9	FR6887006061	CESAR	M	1987	7,7%	2,5%	54,3%
10	FR6882200612	TROUDIE	F	1982	2,4%	2,4%	56,7%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,5
Consanguinité moyenne (%)	2,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,7
Parenté (%)	4,7
Consanguinité des parents (%)	2,0
Parentés des parents (%)	2,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	59
Taille efficace (méthode démographique)	460

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

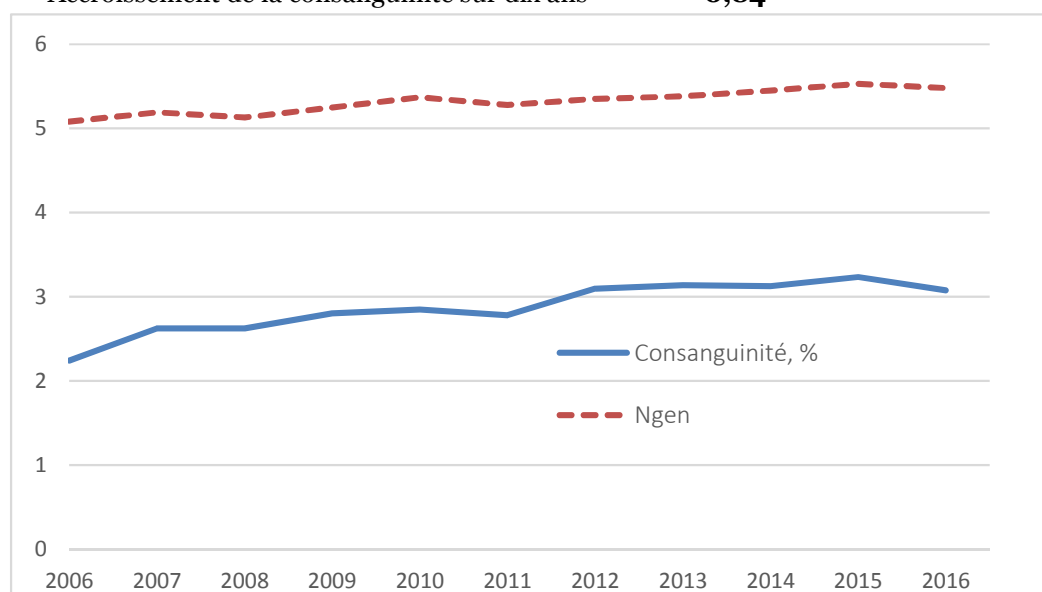
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	18,5%
entre 0 à 3,125% inclus	39,3%
entre 3,125% à 6,25% inclus	33,9%
entre 6,25% à 12,5% inclus	7,5%
entre 12,5% à 25% inclus	0,7%
plus de 25%	0,1%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **8,3%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

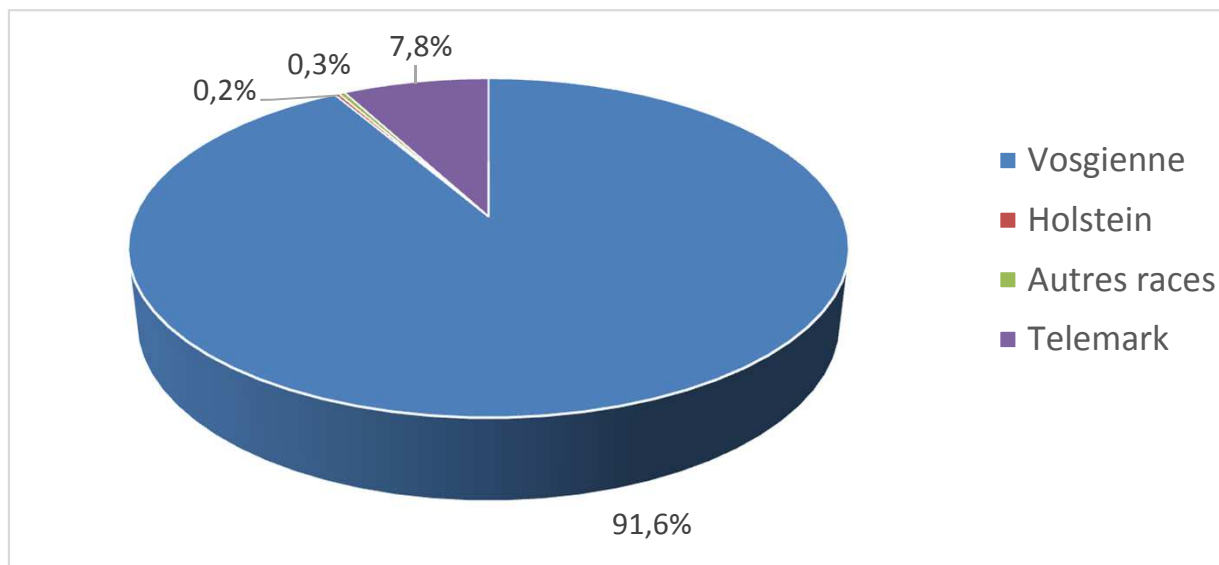
Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,84

Gènes étrangers

Composition de la population femelle

2013 -2016



Evolution des gènes étrangers **(population femelle)**

