

BLANC BLEU**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2013 -2016

Femelles

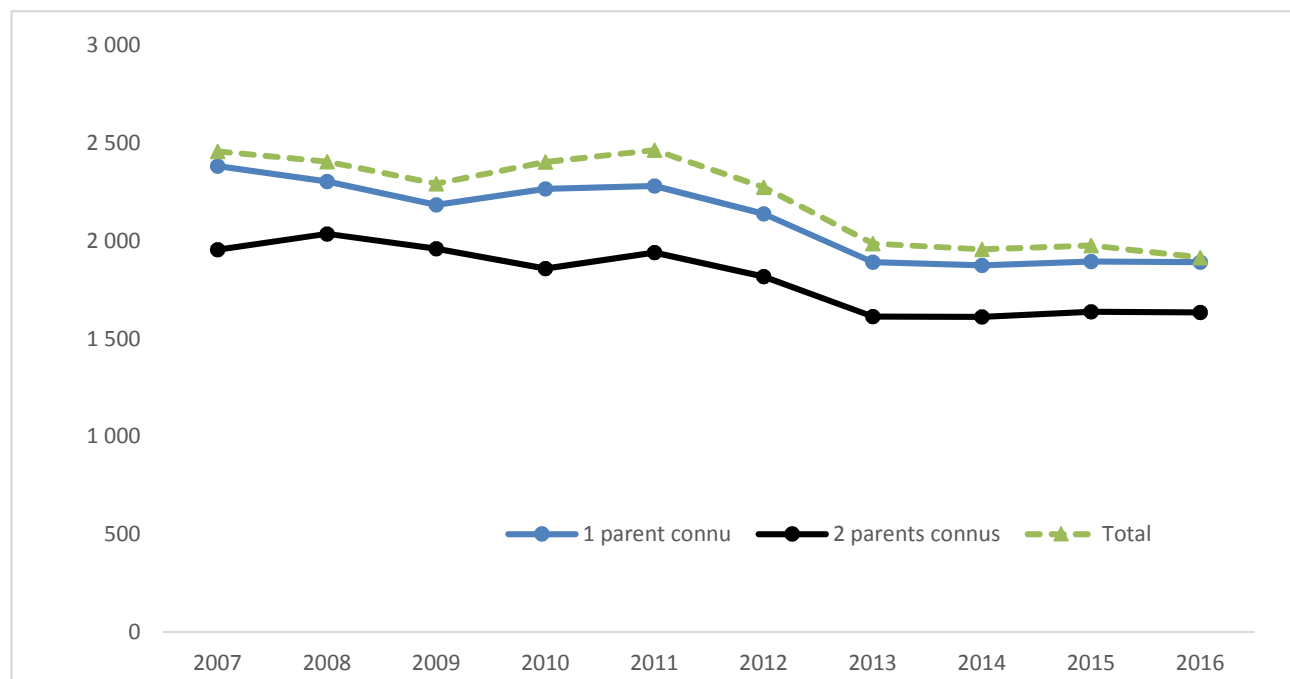
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	7 842	218
Nb pères différents	453	128
Nb max de descendants par père	279	7
Nb grands-pères paternels différents	194	87
Nb max de descendants par GPP	650	11
Nb mères différentes	5 701	205
Nb max de descendants par mère	16	3
Nb grands-pères maternels différents	608	87
Nb max de descendants par GPM	458	9
Nb d'animaux avec deux parents connus	6 505	218

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 83%

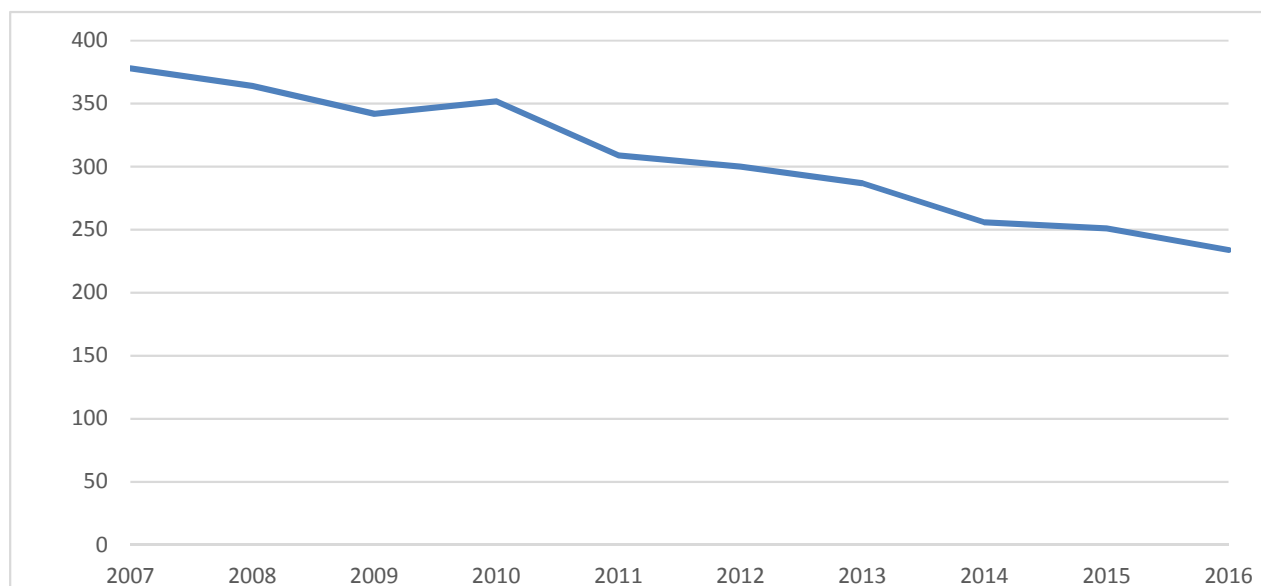
% femelles issues IA 55

Evolution de la population femelle

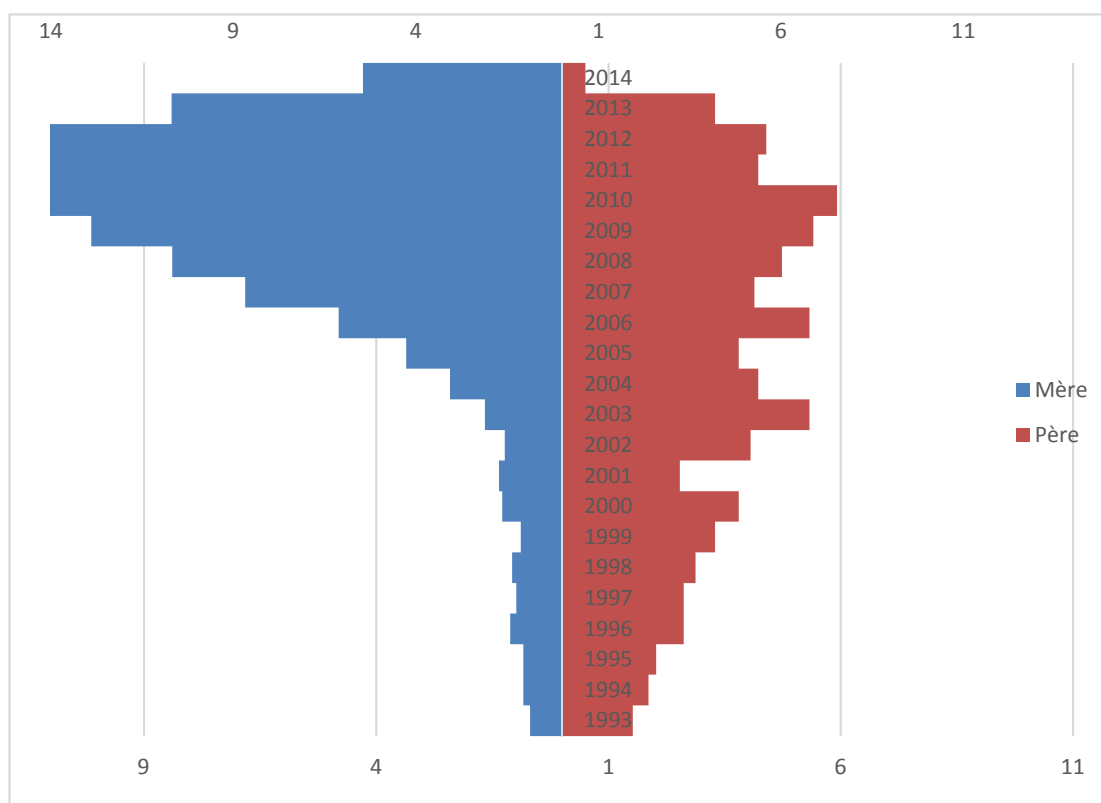
Croissance démographique ●-16

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

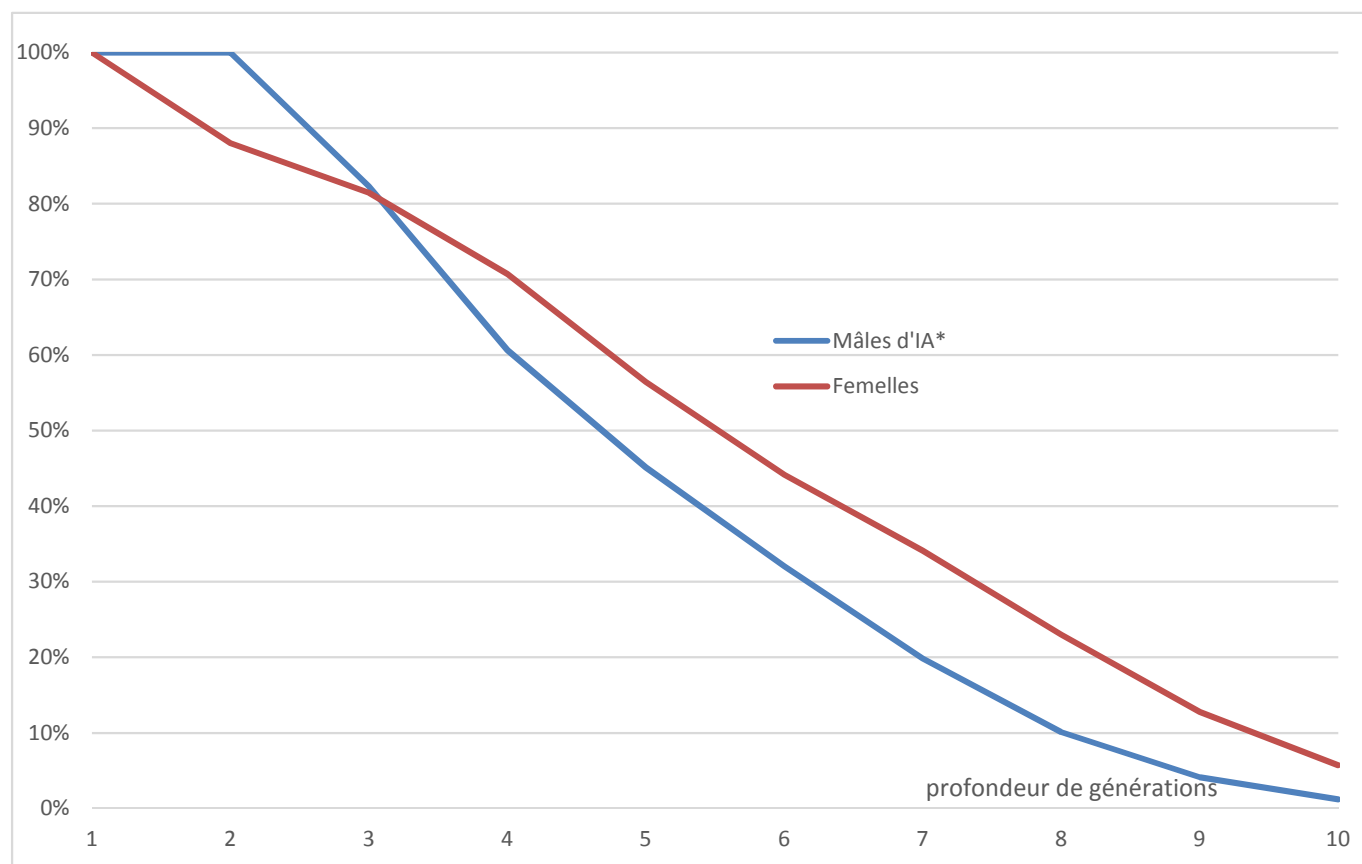
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,2
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,2
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,1
Moyenne 4 voies	4,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	6 439	218
Nb moyen de générations remontées	5,2	4,6
Nb moyen d'ancêtres connus	397	147
Nb maximum de générations remontées	24	13

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2013 -2016

Nombre de fondateurs	9 838
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	155
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	65
Ratio Ae/Fe	41,9%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,7%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	28

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FRB856016210	OPTICIEN	M	1985	5,7%	5,7%	5,7%
2	BE160620310	EMPIRE	M	2003	5,6%	5,3%	11,0%
3	FRB869000050	GALOPEUR	M	1984	5,2%	4,9%	15,9%
4	FRB949017900	FAUSTO	M	1994	3,9%	3,9%	19,8%
5	FRB966022050	ARTABAN	M	1996	3,4%	3,1%	22,9%
6	BE000260657802	GERMINAL	M	2004	3,1%	2,2%	25,2%
7	BE000460782801	PANACHE	M	2008	2,7%	2,2%	27,3%
8	BE000726549605	BENHUR	M	2009	2,8%	2,1%	29,4%
9	FRB936012930	BRUEGEL	M	1993	3,0%	1,9%	31,4%
10	BE000455118727	HUMAINE	F	2004	2,3%	1,9%	33,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,2
Consanguinité moyenne (%)	1,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,3
Parenté (%)	1,6
Consanguinité des parents (%)	0,9
Parentés des parents (%)	0,9
Taille efficace (méthode Cervantès)	174
Taille efficace (méthode démographique)	1 679

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	30,6%
entre 0 à 3,125% inclus	62,7%
entre 3,125% à 6,25% inclus	5,2%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,0%
entre 12,5% à 25% inclus	0,4%
plus de 25%	0,1%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 1,5%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,18

