

BIZET**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

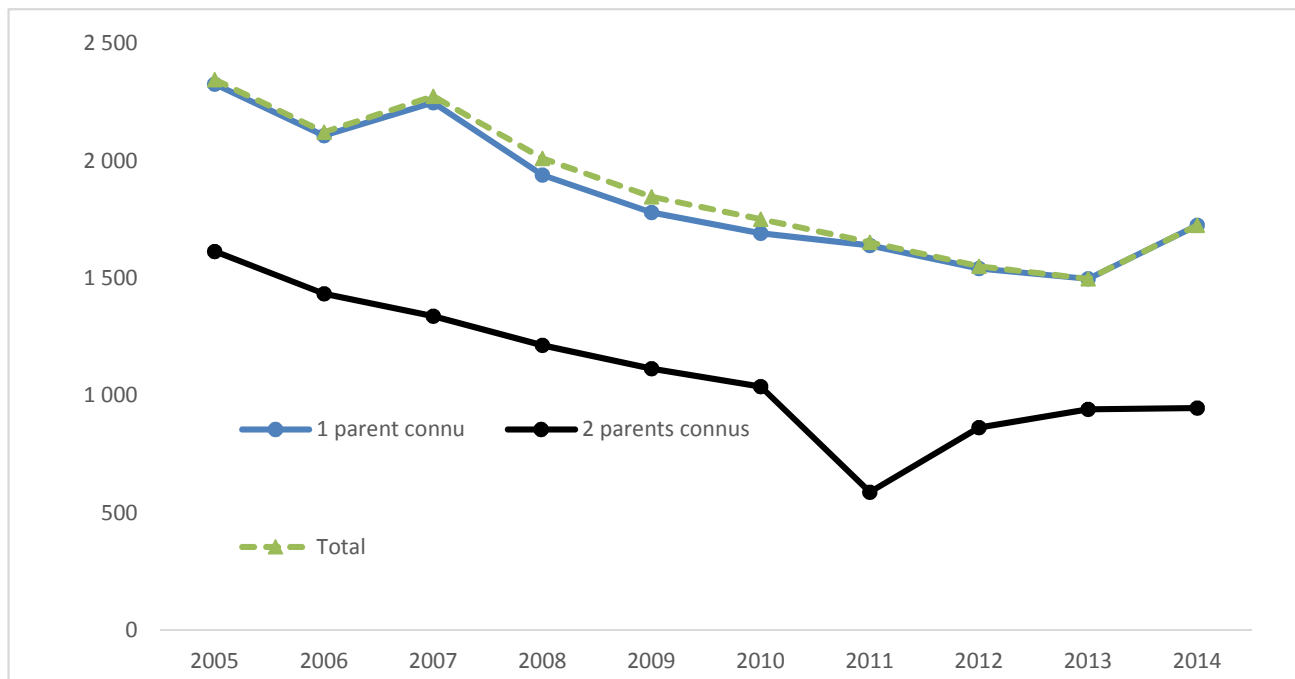
Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	6 406
Nb pères différents	80
Nb max de descendants par père	118
Nb grands-pères paternels différents	48
Nb max de descendants par GPP	296
Nb mères différentes	3 561
Nb max de descendants par mère	8
Nb grands-pères maternels différents	201
Nb max de descendants par GPM	173
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 342

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 52%

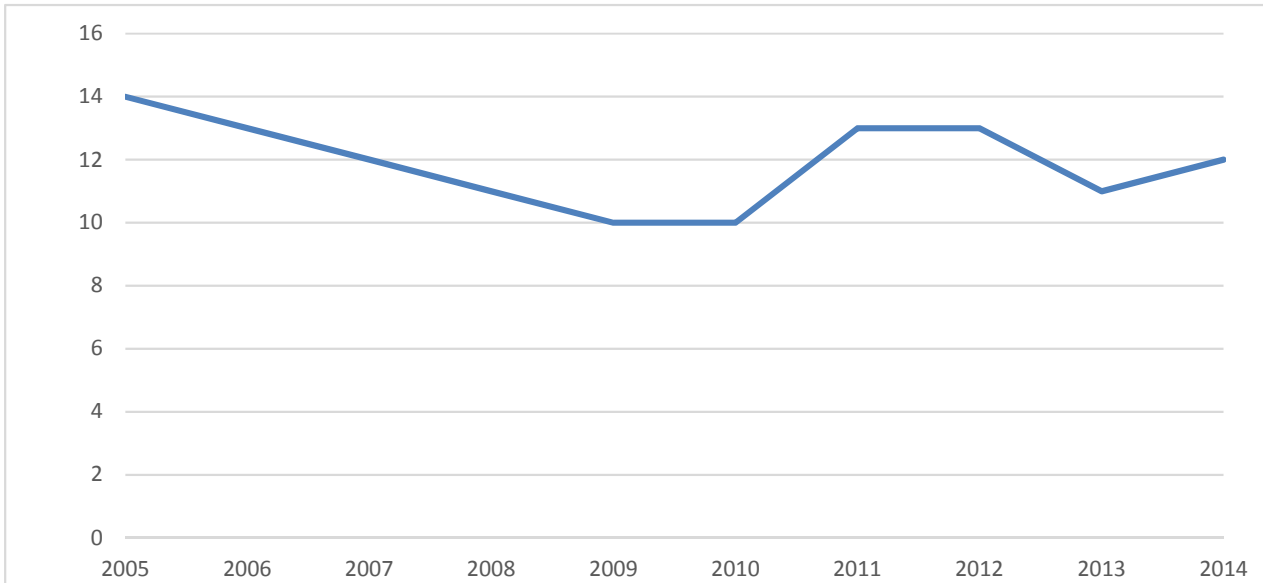
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

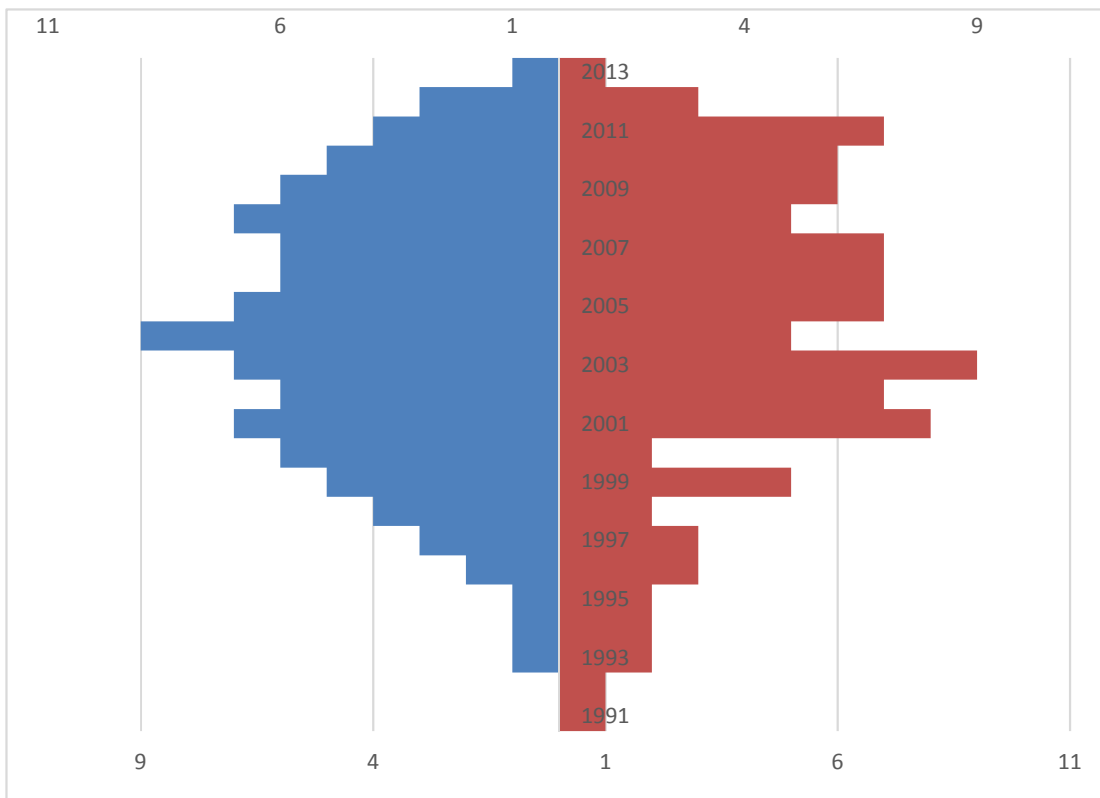
Croissance démographique ● -23

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

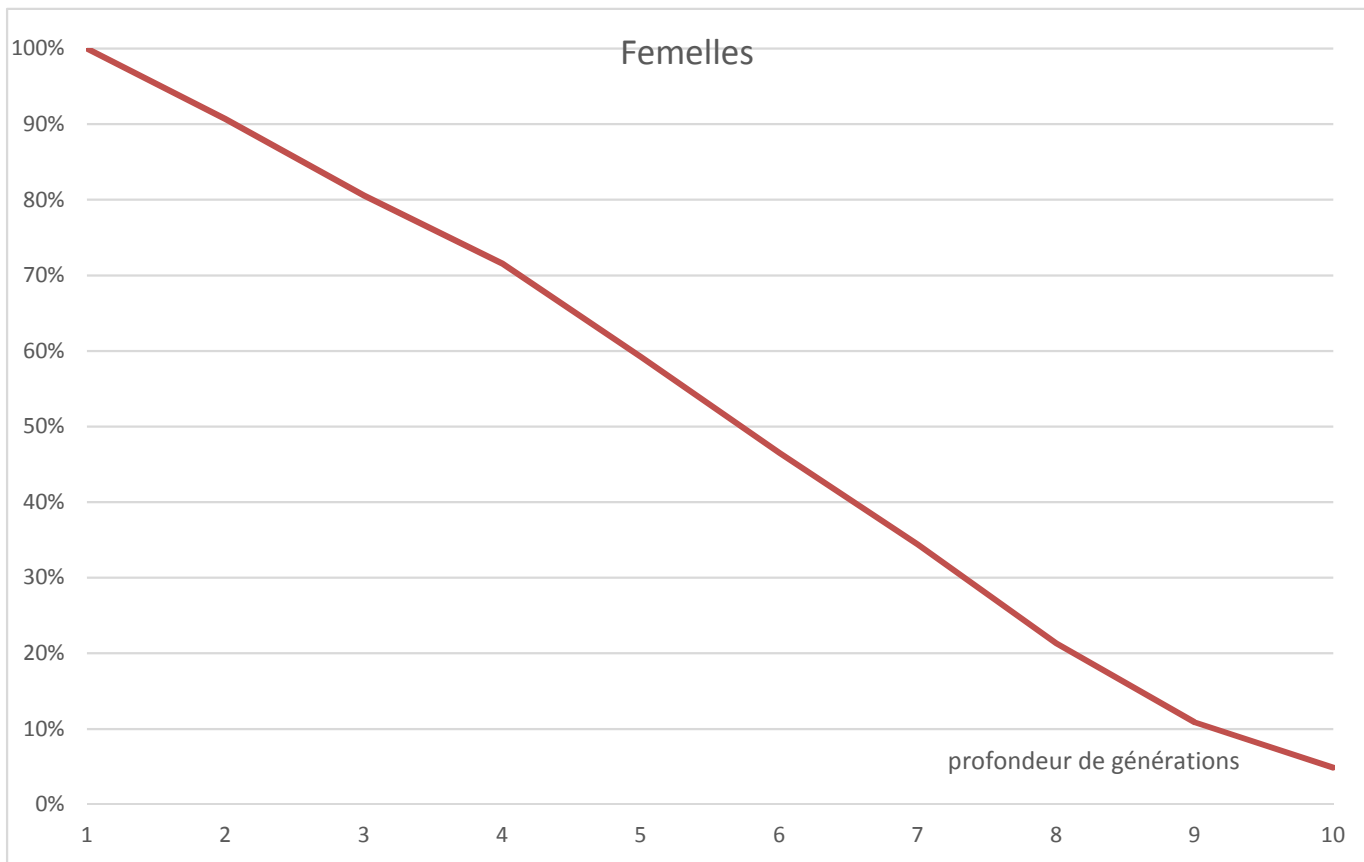
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,1
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,6
Moyenne 4 voies	4,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	3 342
Nb moyen de générations remontées	5,2
Nb moyen d'ancêtres connus	367
Nb maximum de générations remontées	18

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	2 573
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	185
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	78
Ratio Ae/Fe	42,3%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,8%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	28

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	15127027930134		M	1993	4,8%	4,8%	4,8%
2	15127027900050		M	1990	3,7%	3,7%	8,4%
3	15042243870569		M	1988	3,2%	3,2%	11,6%
4	15207300980149		M	1998	2,8%	2,8%	14,5%
5	12044156000048		M	2000	2,8%	2,8%	17,3%
6	32587281552		M	2008	3,1%	2,6%	19,9%
7	43258015840528		M	1985	3,7%	2,5%	22,3%
8	32636690176		M	2009	2,1%	2,1%	24,4%
9	15127027970069		M	1997	2,0%	2,0%	26,4%
10	32587270059		M	2007	2,1%	1,9%	28,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,2
Consanguinité moyenne (%)	0,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	1,4
Consanguinité des parents (%)	0,5
Parentés des parents (%)	0,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	190
Taille efficace (méthode démographique)	313

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

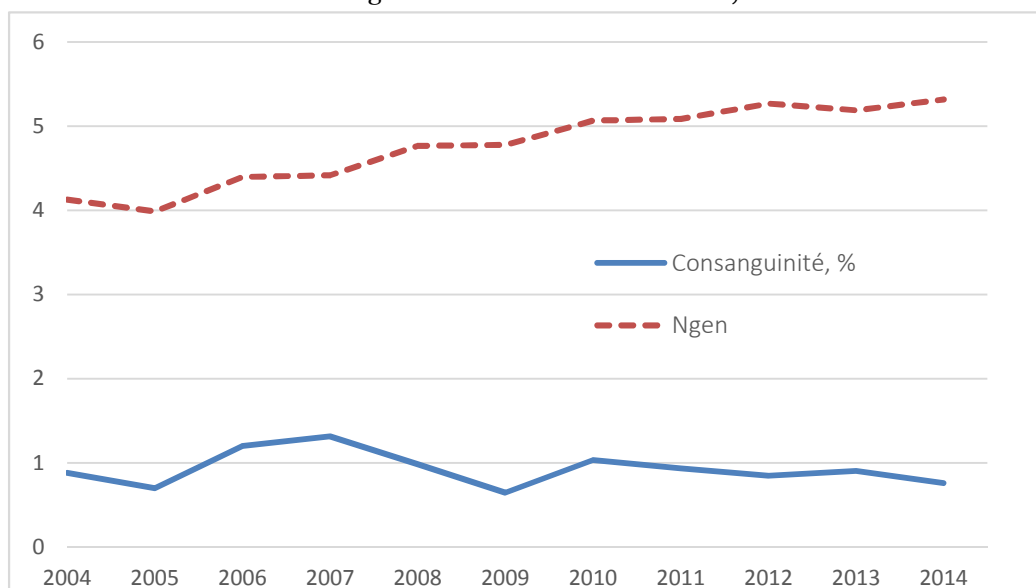
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	25,7%
entre 0 à 3,125% inclus	68,7%
entre 3,125% à 6,25% inclus	4,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,8%
entre 12,5% à 25% inclus	0,2%
plus de 25%	0,6%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	1,5%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-0,12



BLANC DU MASSIF CENTRAL**Informations démographiques**

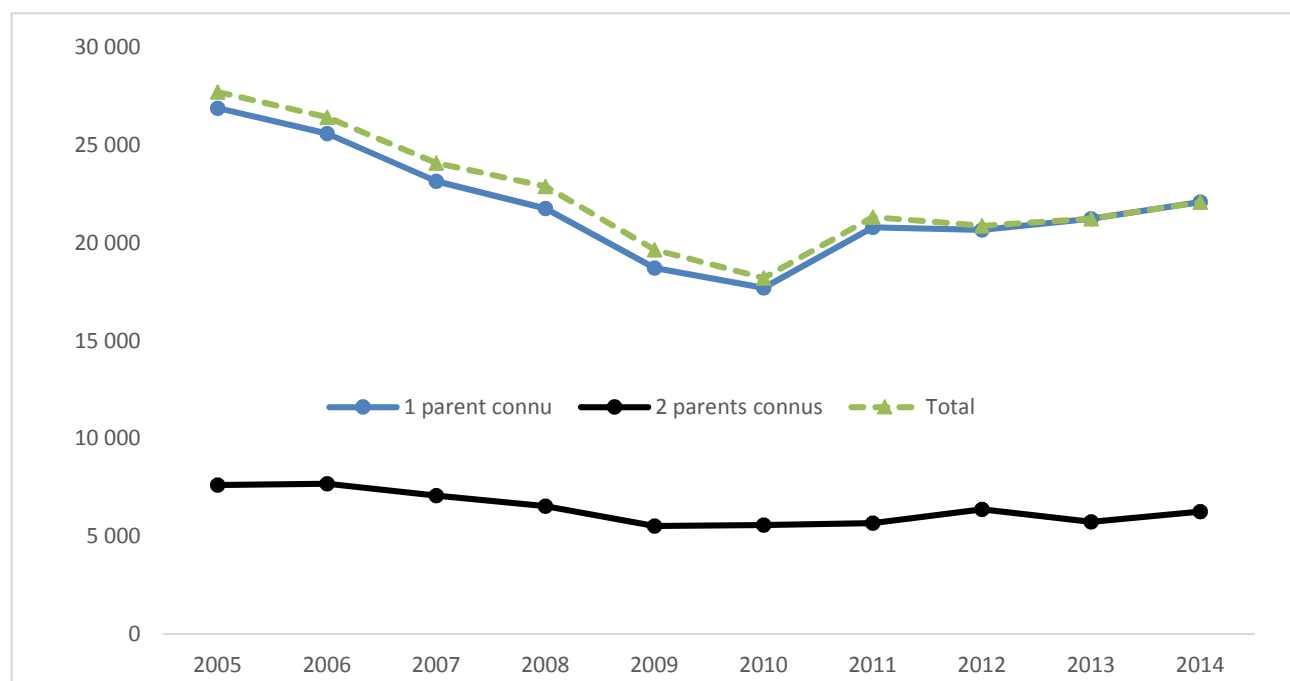
Période de naissance des femelles 2011 -2014

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	84 859	122
Nb pères différents	502	88
Nb max de descendants par père	454	5
Nb grands-pères paternels différents	231	76
Nb max de descendants par GPP	1 102	5
Nb mères différentes	37 376	120
Nb max de descendants par mère	11	2
Nb grands-pères maternels différents	927	76
Nb max de descendants par GPM	649	9
Nb d'animaux avec deux parents connus	24 126	122

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 28%

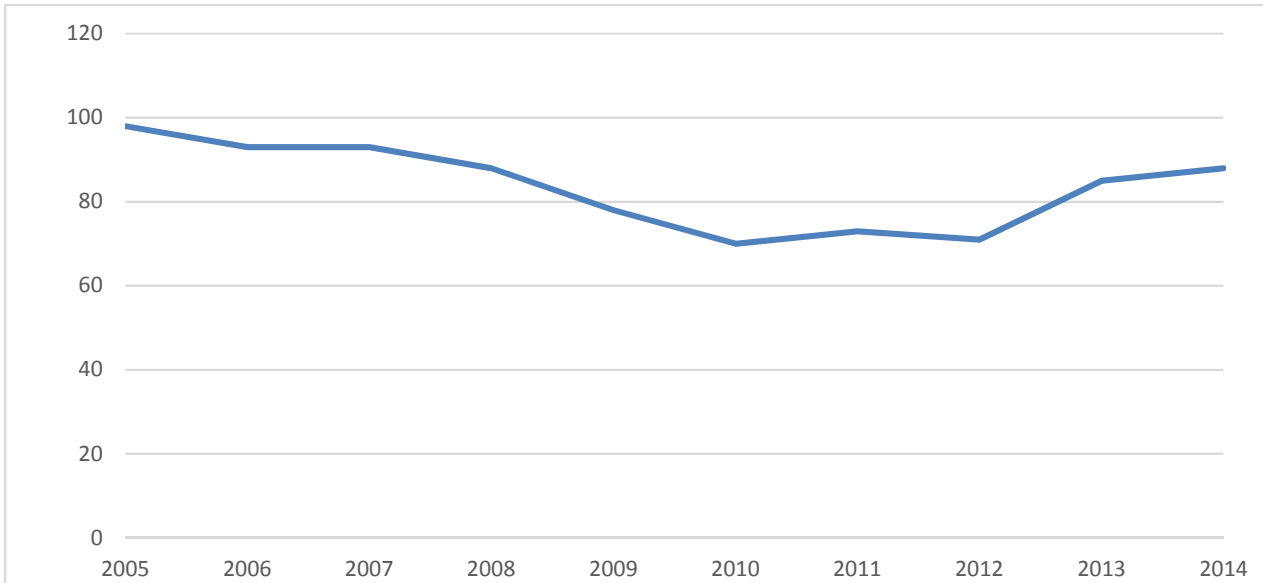
% femelles issues IA 14

Evolution de la population femelle

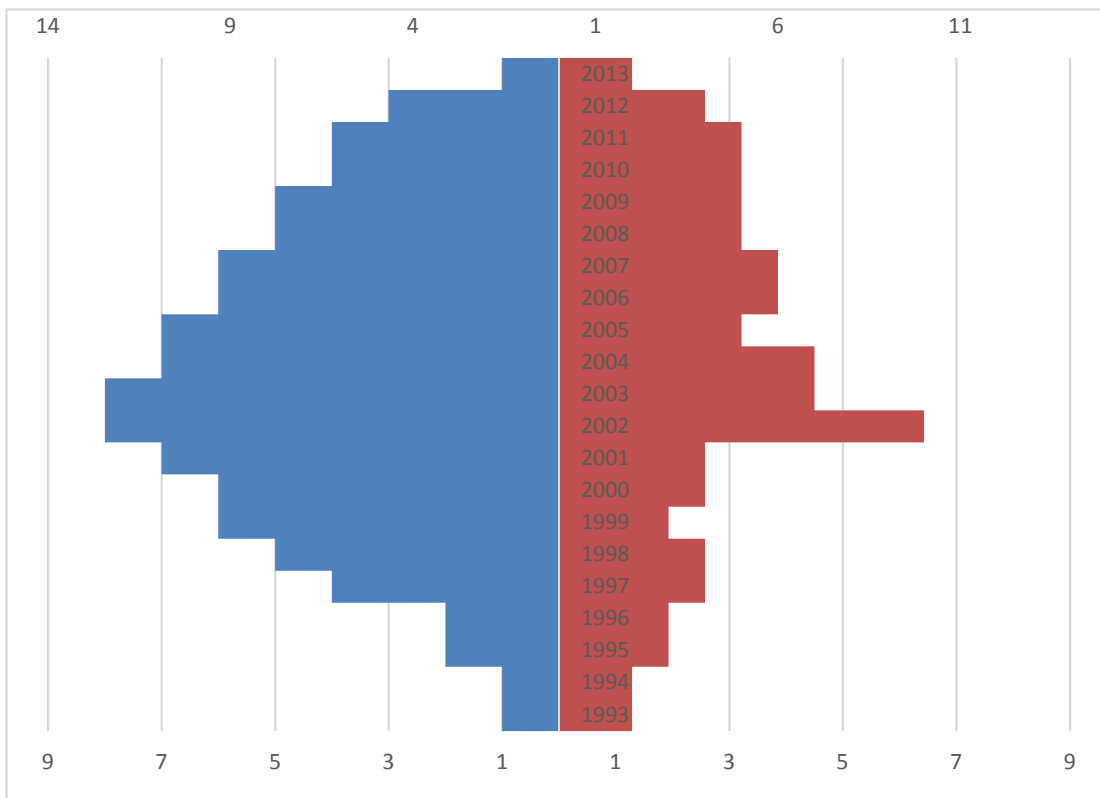
Croissance démographique ● -14

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

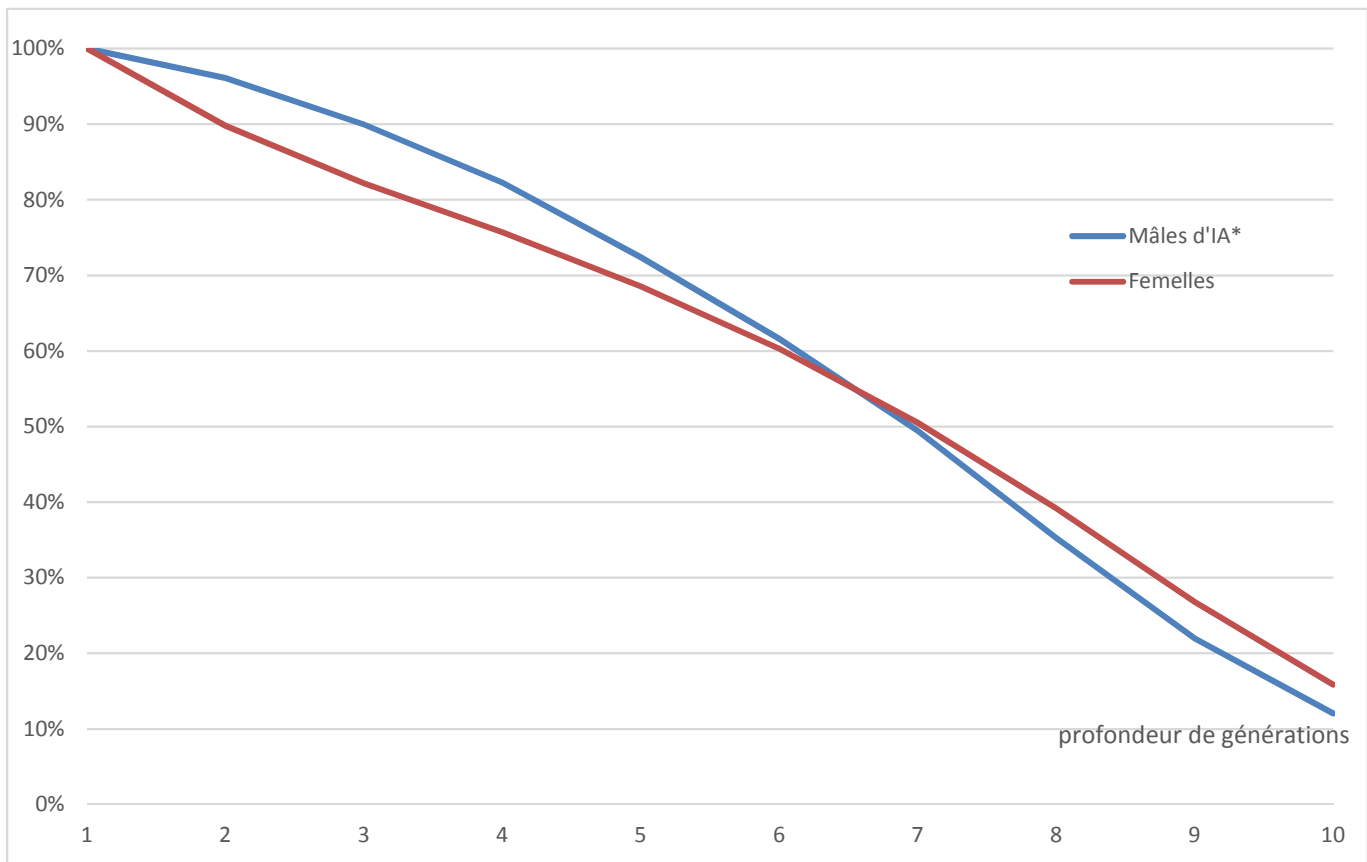
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,2
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,3
Moyenne 4 voies	3,6

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	24 126	122
Nb moyen de générations remontées	6,2	6,3
Nb moyen d'ancêtres connus	1 093	800
Nb maximum de générations remontées	20	18

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	15 965
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	387
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	138
Ratio Ae/Fe	35,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	2,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	56

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	15187062810508		M	1982	2,9%	2,9%	2,9%
2	43242008050054		M	2005	2,5%	2,5%	5,4%
3	15007001770555		M	1978	2,4%	2,4%	7,8%
4	24392056960088		M	1996	2,3%	2,3%	10,1%
5	48072001020310		M	2002	2,0%	2,0%	12,1%
6	15187111820434		F	1982	2,1%	2,0%	14,0%
7	48101004910263		M	1991	2,2%	1,8%	15,9%
8	48081025990108		M	1999	1,8%	1,8%	17,6%
9	34253003030289		M	2003	2,0%	1,7%	19,4%
10	43261011980008		M	1998	1,8%	1,6%	20,9%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,2
Consanguinité moyenne (%)	0,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,3
Parenté (%)	0,8
Consanguinité des parents (%)	0,2
Parentés des parents (%)	0,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	413
Taille efficace (méthode démographique)	1 981

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

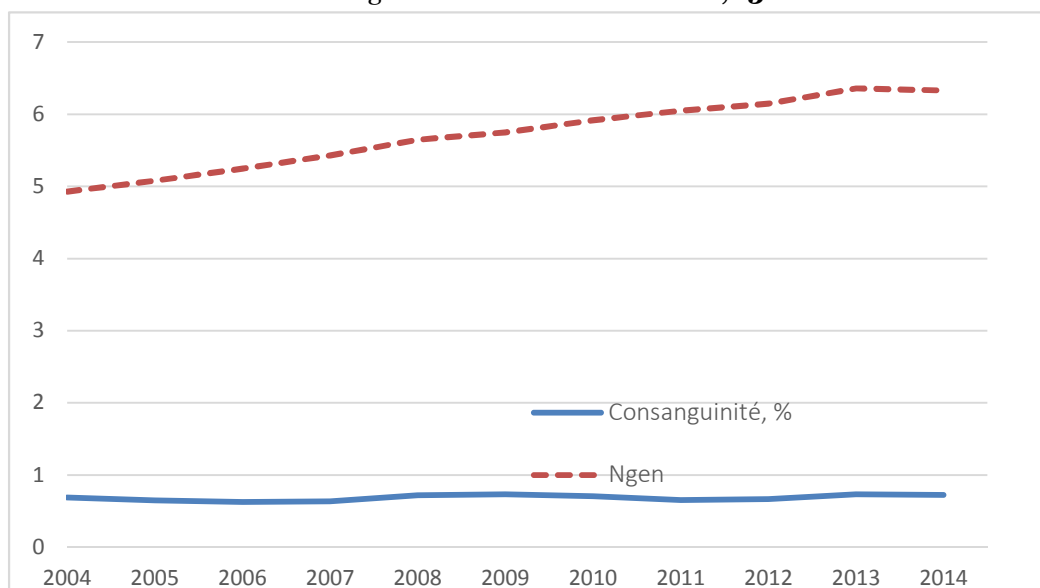
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	17,2%
entre 0 à 3,125% inclus	79,6%
entre 3,125% à 6,25% inclus	1,7%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,7%
entre 12,5% à 25% inclus	0,4%
plus de 25%	0,4%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	1,5%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,03



CAUSSES DU LOT**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

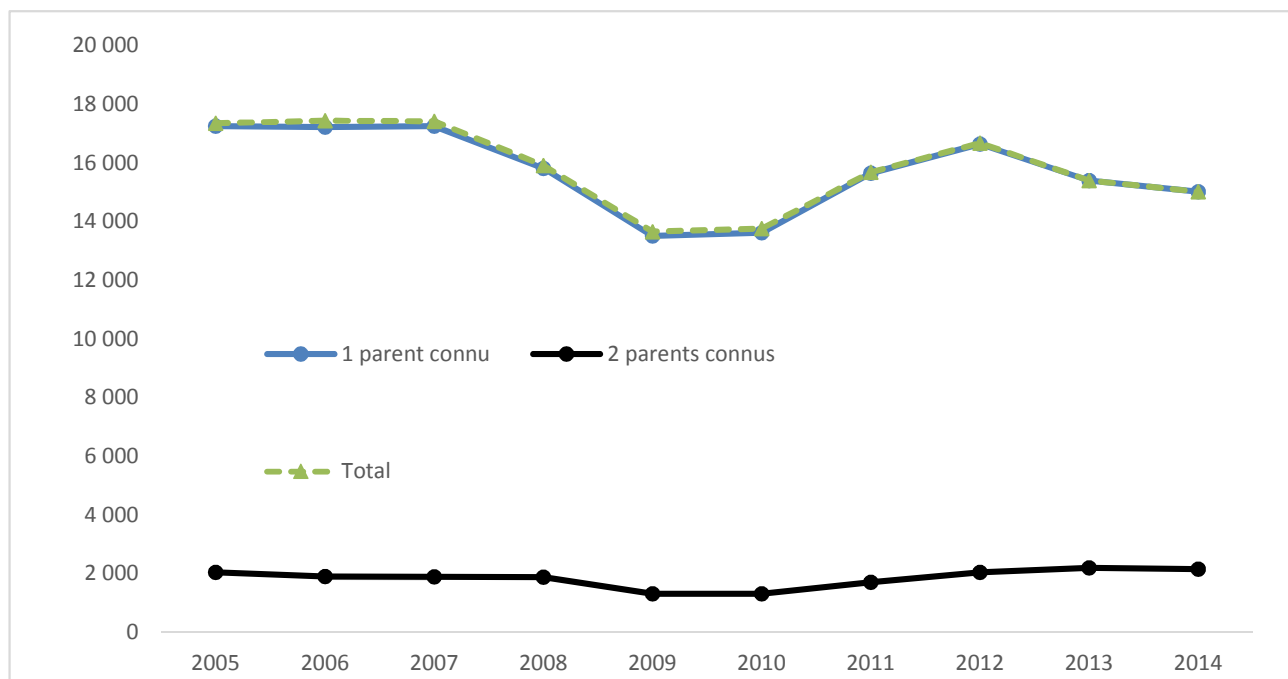
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	62 723	97
Nb pères différents	105	49
Nb max de descendants par père	449	6
Nb grands-pères paternels différents	53	39
Nb max de descendants par GPP	730	8
Nb mères différentes	28 358	94
Nb max de descendants par mère	10	3
Nb grands-pères maternels différents	240	39
Nb max de descendants par GPM	572	4
Nb d'animaux avec deux parents connus	8 107	97

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 13%

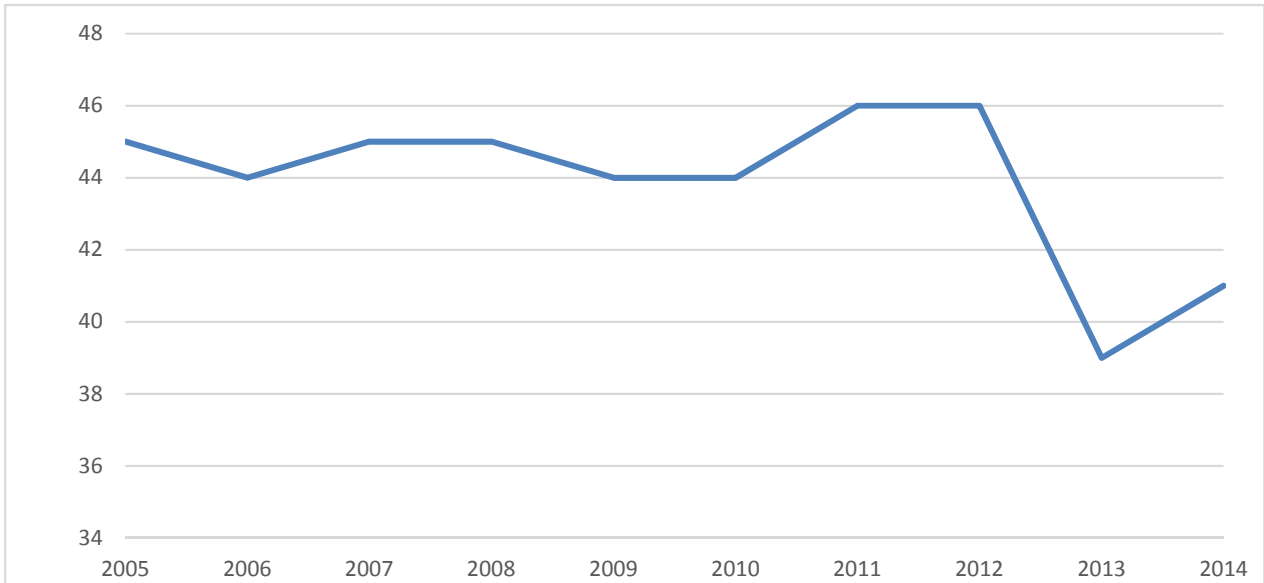
% femelles issues IA 13

Evolution de la population femelle

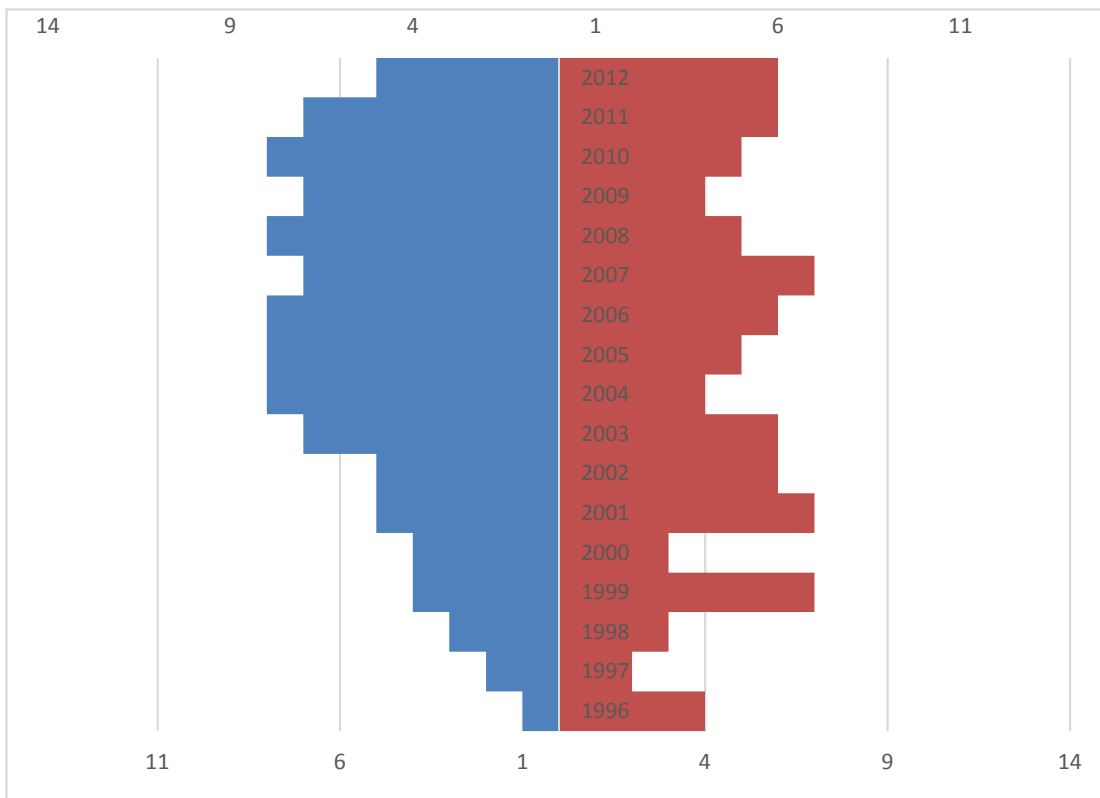
Croissance démographique ●-6

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

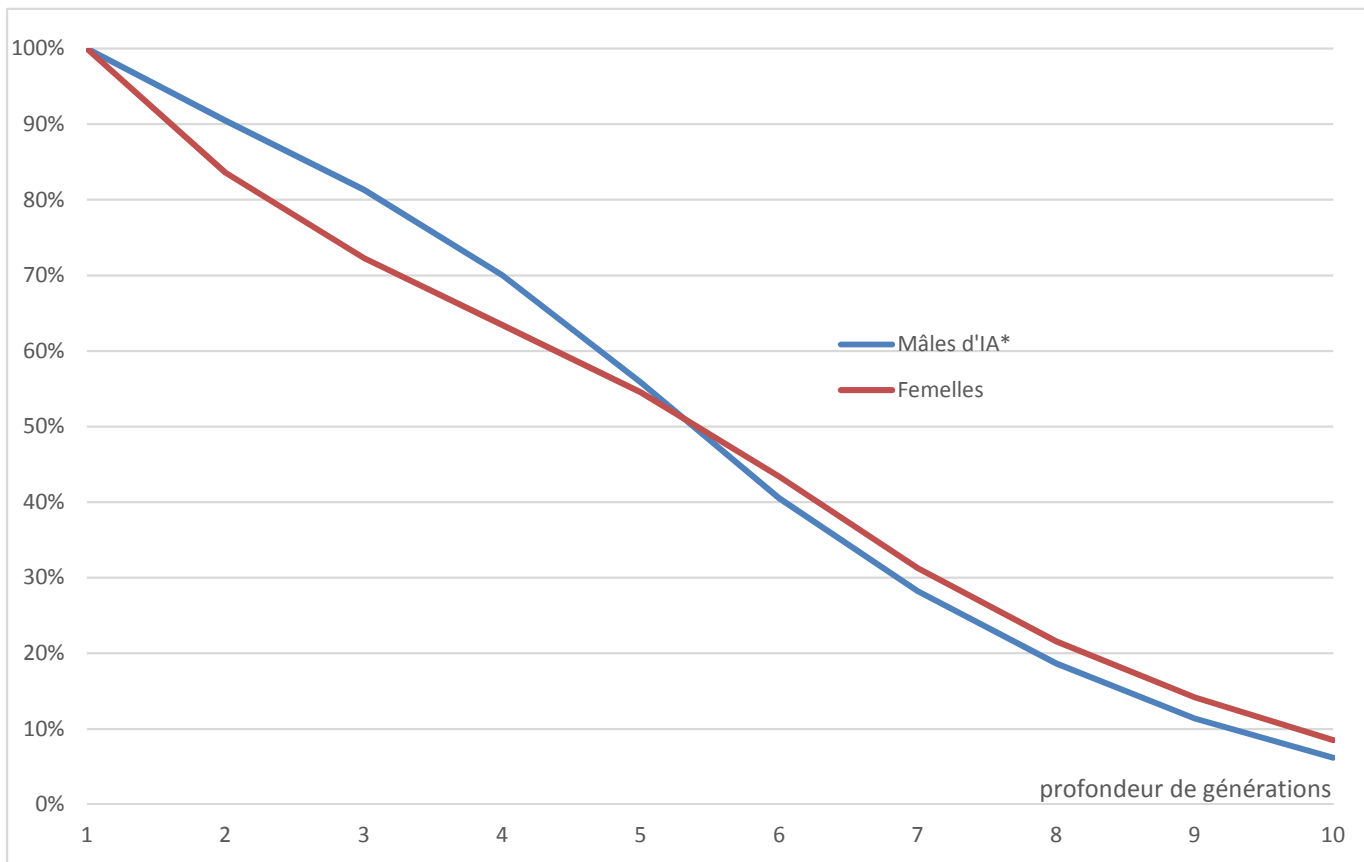
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,4
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,3
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,3
Moyenne 4 voies	3,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	8 107	97
Nb moyen de générations remontées	5,0	5,1
Nb moyen d'ancêtres connus	586	398
Nb maximum de générations remontées	19	17

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	12 257
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	498
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	92
Ratio Ae/Fe	18,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,2%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	37

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	46094032990562	M	2000	4,2%	4,2%	4,2%
2	34525160082	M	2006	3,7%	3,7%	7,9%
3	34530460020	M	2006	3,5%	3,5%	11,3%
4	46018013940710	M	1995	3,1%	3,1%	14,4%
5	46003006860471	M	1987	2,9%	2,7%	17,1%
6	46204002930113	M	1994	2,8%	2,6%	19,8%
7	34522070114	M	2007	2,7%	2,2%	21,9%
8	46144002870157	M	1988	2,4%	1,9%	23,9%
9	46275023910367	M	1992	2,7%	1,7%	25,6%
10	34555460068	M	2006	2,2%	1,6%	27,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,0
Consanguinité moyenne (%)	0,6
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	1,1
Consanguinité des parents (%)	0,2
Parentés des parents (%)	0,1
Taille efficace (méthode Cervantès)	233
Taille efficace (méthode démographique)	418

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

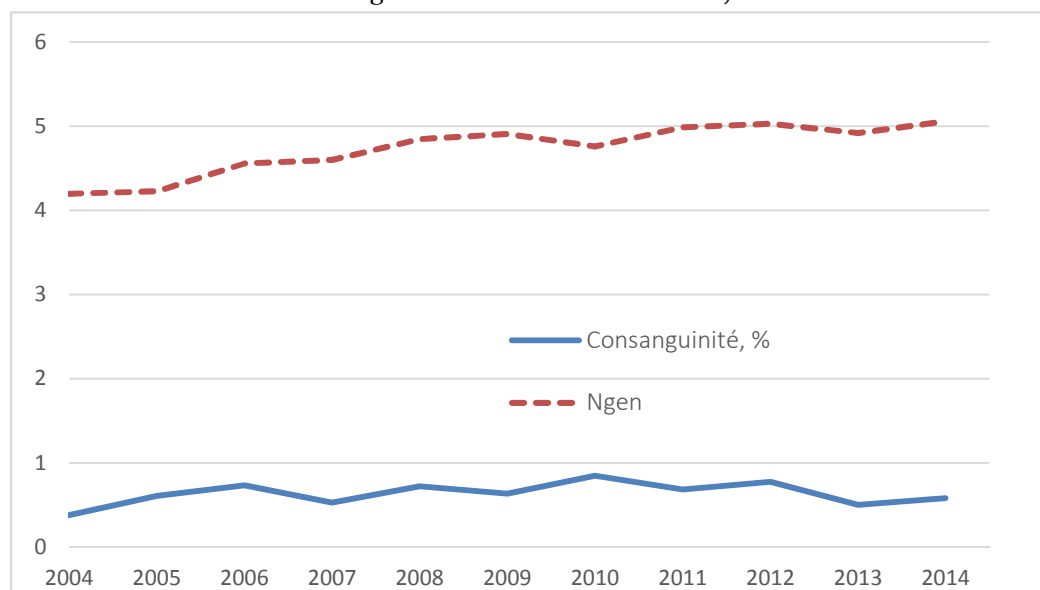
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	27,1%
entre 0 à 3,125% inclus	68,4%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,8%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,1%
entre 12,5% à 25% inclus	0,5%
plus de 25%	0,2%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 1,7%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans 0,2



EST A LAINE MERINOS**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

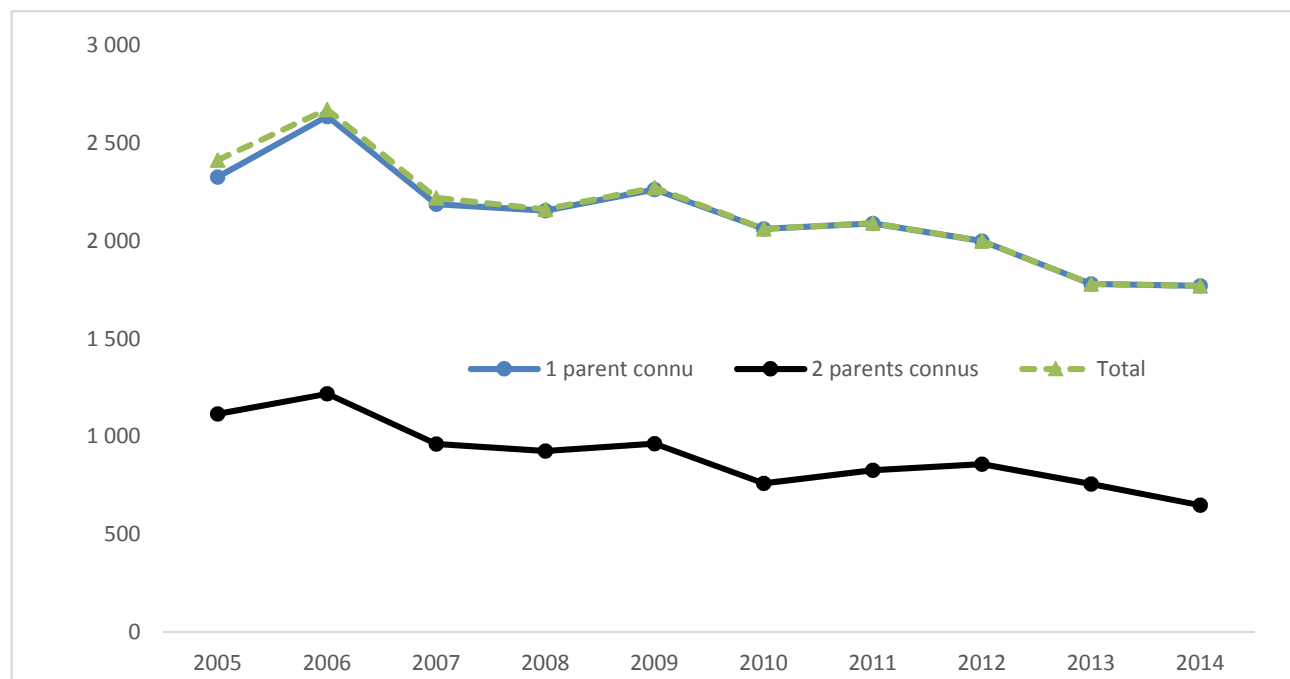
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	7 645	31
Nb pères différents	93	28
Nb max de descendants par père	181	2
Nb grands-pères paternels différents	52	22
Nb max de descendants par GPP	266	3
Nb mères différentes	3 560	30
Nb max de descendants par mère	8	1
Nb grands-pères maternels différents	163	22
Nb max de descendants par GPM	187	2
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 099	30

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 41%

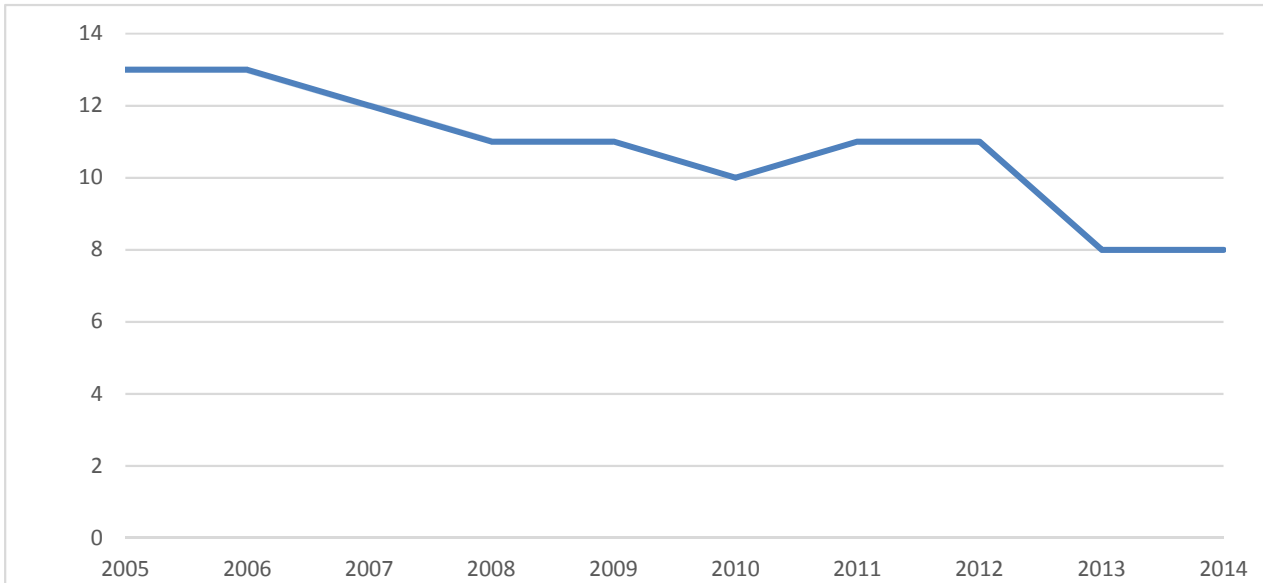
% femelles issues IA 12

Evolution de la population femelle

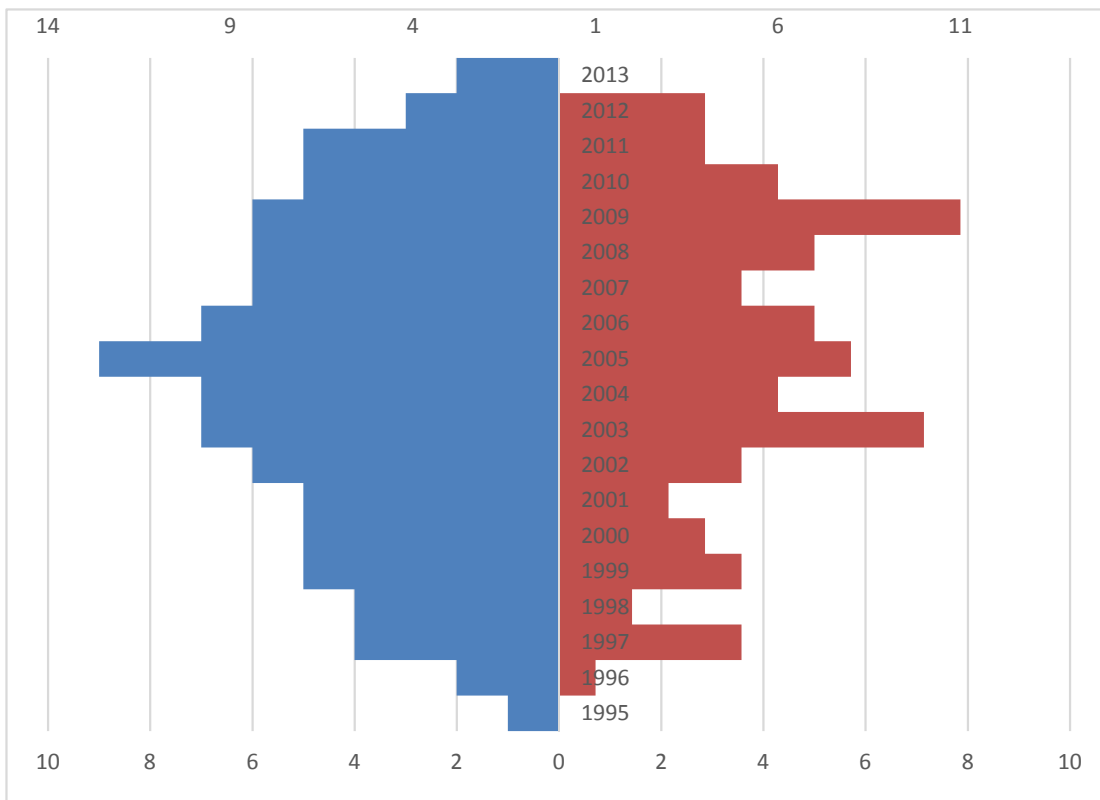
Croissance démographique ● -17

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

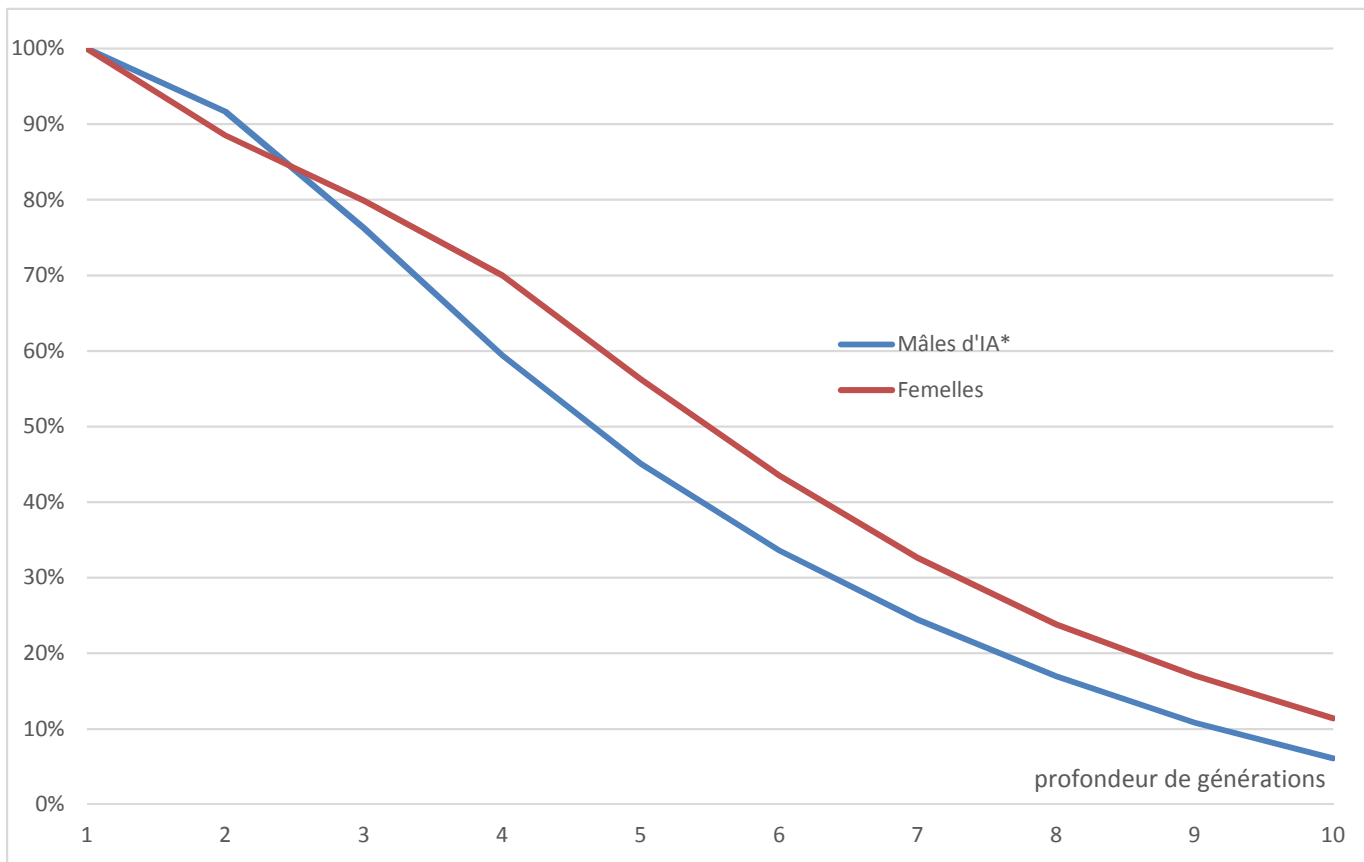
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,2
Moyenne 4 voies	3,8

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	3 099	30
Nb moyen de générations remontées	5,3	4,7
Nb moyen d'ancêtres connus	807	382
Nb maximum de générations remontées	18	16

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	2 289
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	143
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	61
Ratio Ae/Fe	42,4%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,0%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	22

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	54322138020205		M	2002	5,0%	5,0%	5,0%
2	39545560105		M	2006	4,9%	4,9%	9,9%
3	54435301970203		M	1997	4,7%	4,7%	14,6%
4	54498303910003		M	1991	4,8%	3,9%	18,5%
5	DE01080005050		M	2009	3,0%	3,0%	21,5%
6	57268011990352		M	1999	3,0%	2,6%	24,2%
7	54329201980175		F	1998	2,6%	2,6%	26,7%
8	57268050010389		F	2001	2,5%	2,5%	29,2%
9	57151009000050		M	2000	2,3%	2,3%	31,5%
10	99077078970321		M	1997	2,5%	2,2%	33,8%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,3
Consanguinité moyenne (%)	1,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,5
Parenté (%)	1,6
Consanguinité des parents (%)	0,6
Parentés des parents (%)	0,7
Taille efficace (méthode Cervantès)	162
Taille efficace (méthode démographique)	363

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

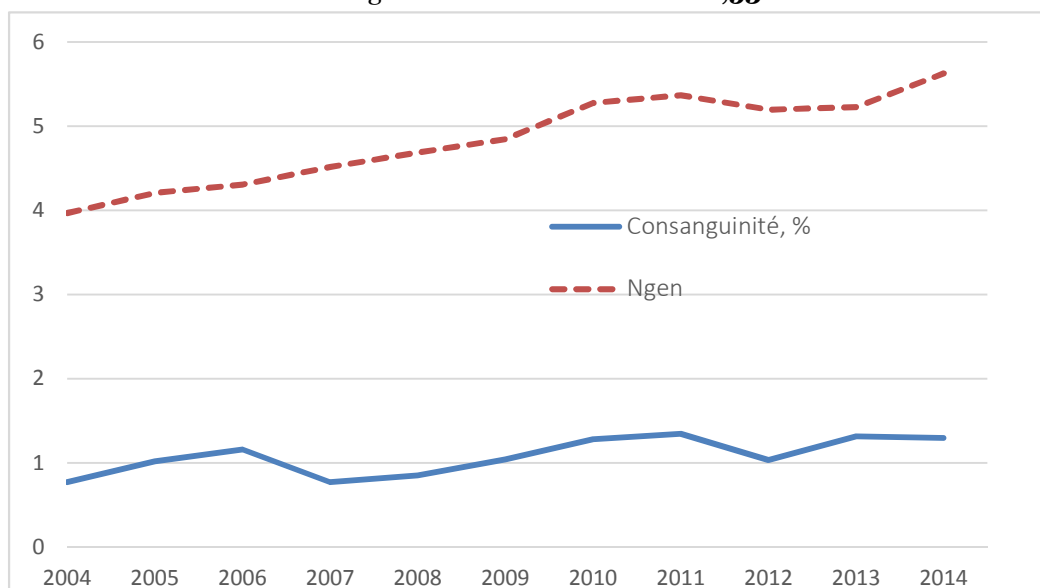
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	20,2%
entre 0 à 3,125% inclus	70,6%
entre 3,125% à 6,25% inclus	4,9%
entre 6,25% à 12,5% inclus	2,9%
entre 12,5% à 25% inclus	1,1%
plus de 25%	0,3%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	4,3%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,53



GRIVETTE**Informations démographiques**

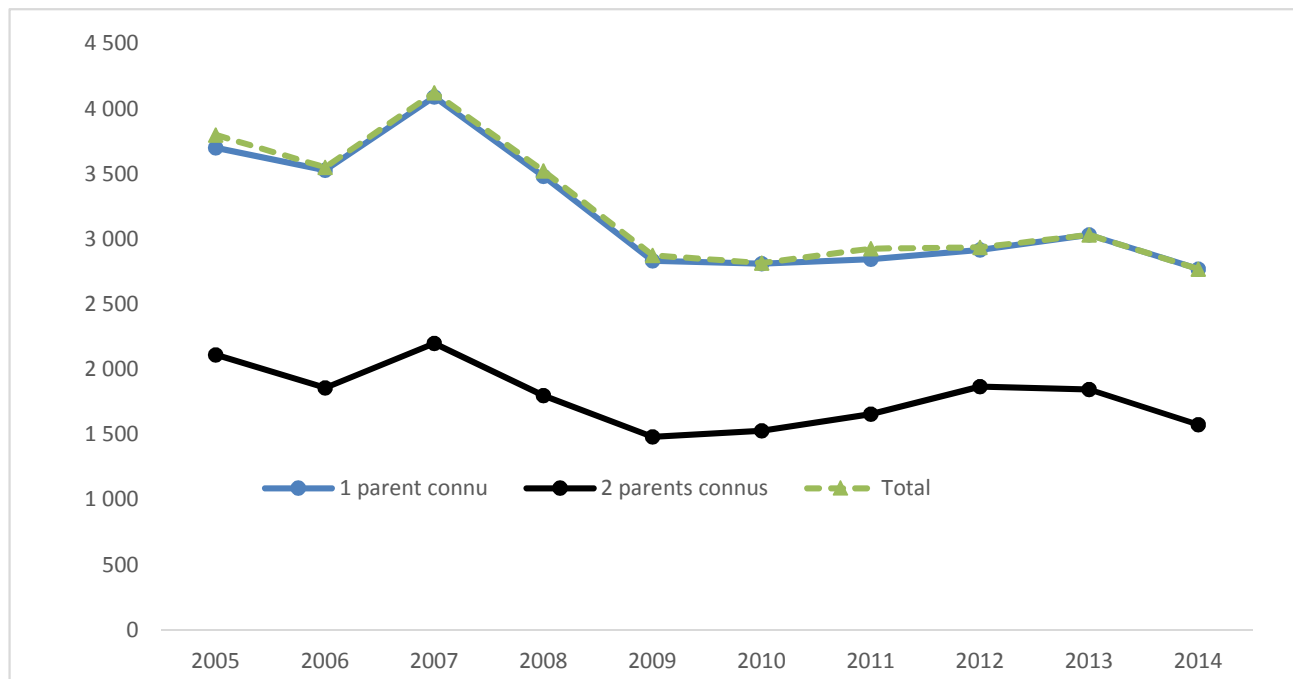
Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	11 570
Nb pères différents	161
Nb max de descendants par père	156
Nb grands-pères paternels différents	81
Nb max de descendants par GPP	388
Nb mères différentes	5 191
Nb max de descendants par mère	10
Nb grands-pères maternels différents	256
Nb max de descendants par GPM	235
Nb d'animaux avec deux parents connus	6 956

Rapport 2 parents connus/total des femelles 60%

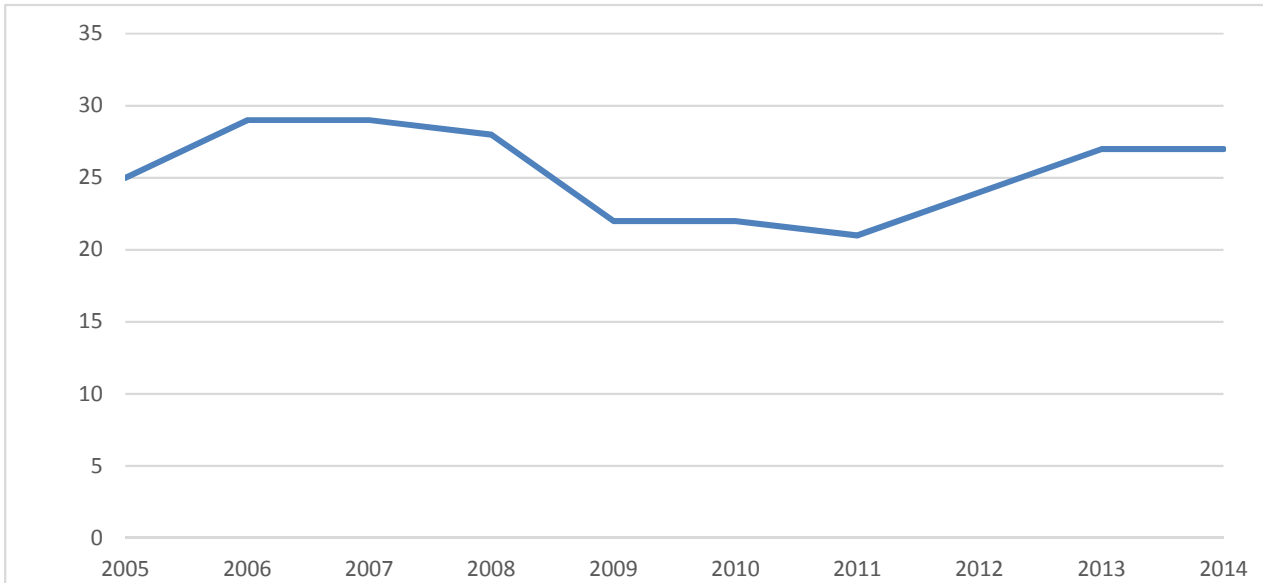
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

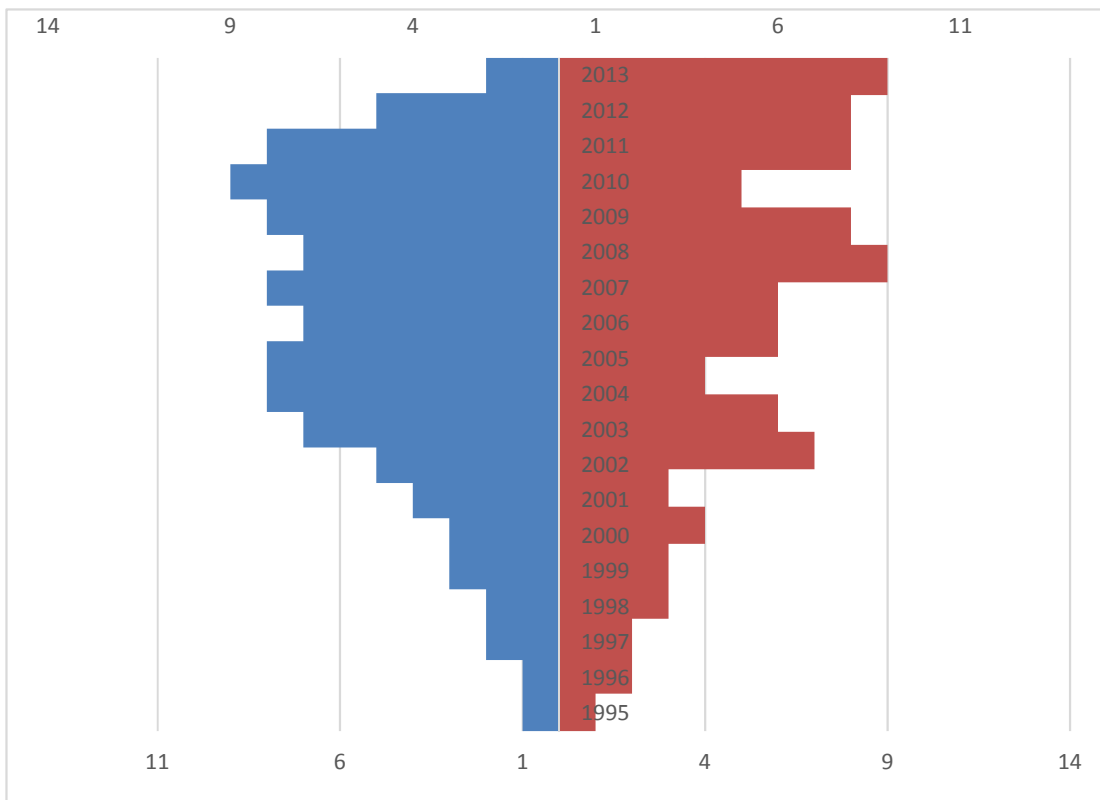
Croissance démographique ●-19

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



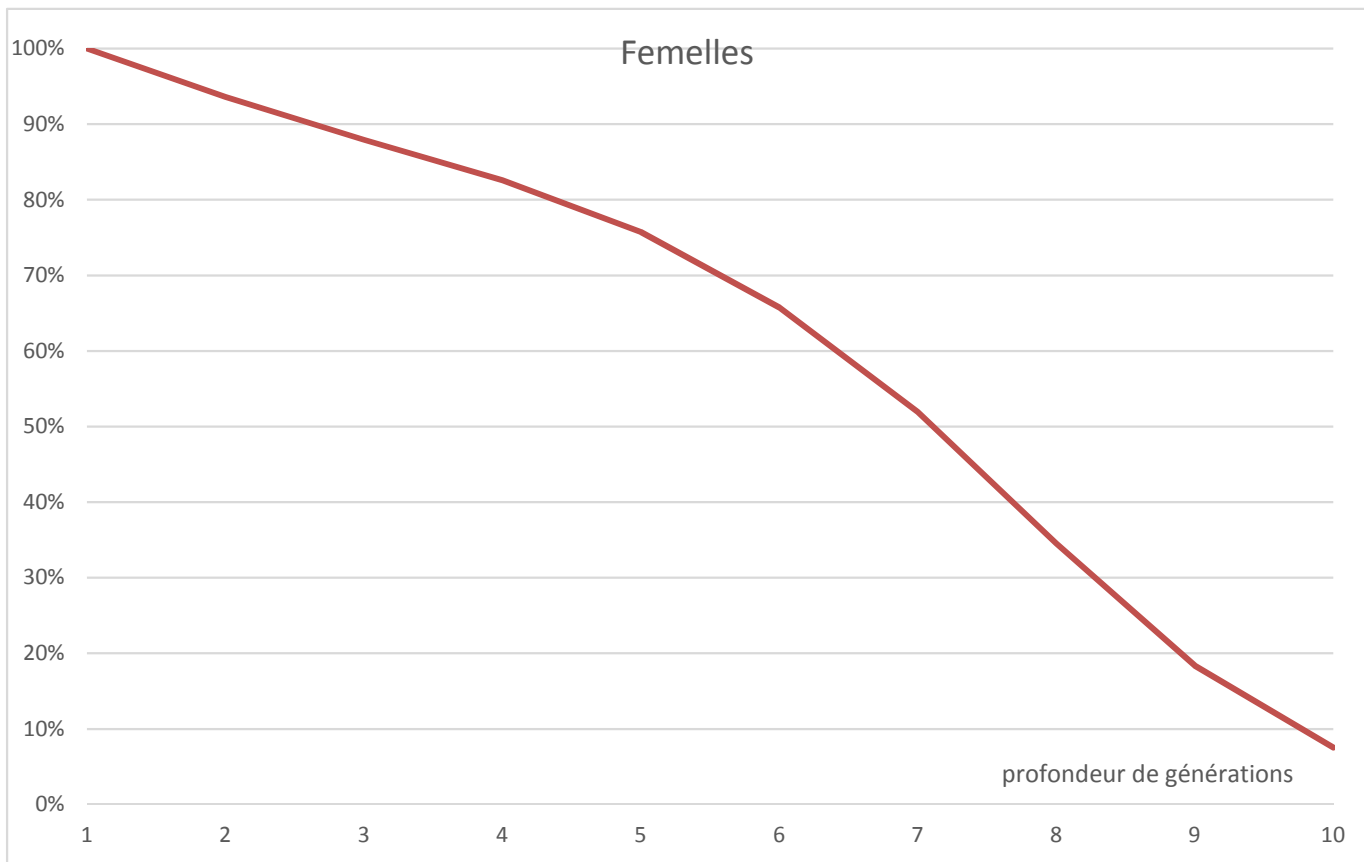
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,3
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,0
Moyenne 4 voies	3,4

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	6 956
Nb moyen de générations remontées	6,2
Nb moyen d'ancêtres connus	491
Nb maximum de générations remontées	16

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	2 790
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	315
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	81
Ratio Ae/Fe	25,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,3%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des genes	30

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	69190080970232	M	1997	5,3%	5,3%	5,3%
2	63066116011180	M	2002	4,3%	3,8%	9,1%
3	11107005000598	M	2000	3,2%	3,2%	12,2%
4	38517007020273	M	2003	2,6%	2,6%	14,8%
5	69187271950155	M	1996	5,0%	2,4%	17,2%
6	48552360095	M	2006	2,2%	2,2%	19,4%
7	69190115020751	M	2002	2,0%	2,0%	21,4%
8	69014260920392	M	1993	1,9%	1,9%	23,3%
9	42329254990805	F	2000	1,8%	1,8%	25,1%
10	69190080010013	M	2001	1,7%	1,7%	26,8%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,2
Consanguinité moyenne (%)	0,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	1,4
Consanguinité des parents (%)	0,4
Parentés des parents (%)	0,7
Taille efficace (méthode Cervantès)	226
Taille efficace (méthode démographique)	625

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

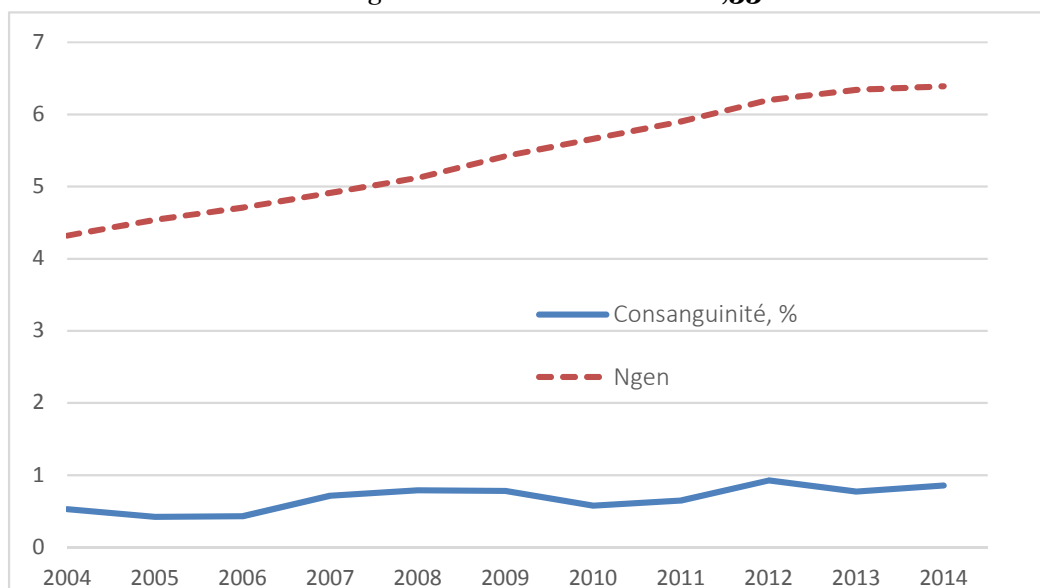
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	19,0%
entre 0 à 3,125% inclus	79,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	0,8%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,2%
entre 12,5% à 25% inclus	0,2%
plus de 25%	0,6%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	1,0%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,33



LACAUNE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

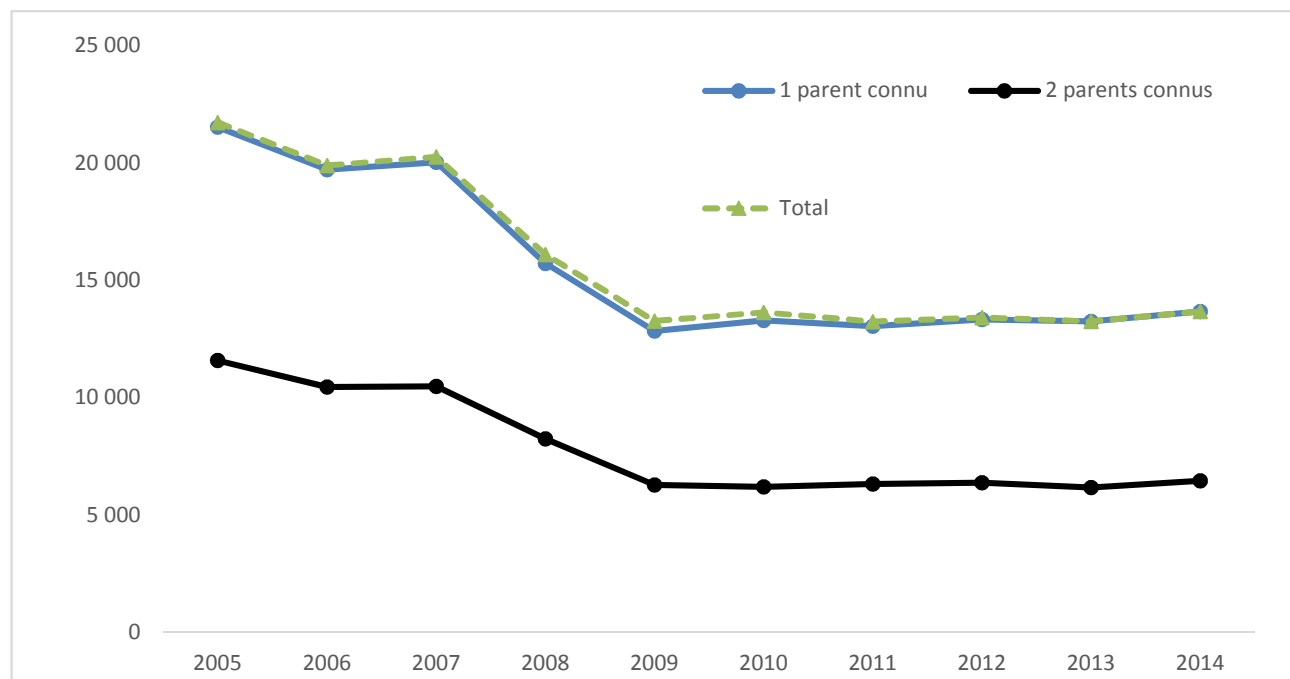
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	53 321	200
Nb pères différents	314	102
Nb max de descendants par père	1 043	10
Nb grands-pères paternels différents	141	75
Nb max de descendants par GPP	1 499	14
Nb mères différentes	20 555	190
Nb max de descendants par mère	12	2
Nb grands-pères maternels différents	707	75
Nb max de descendants par GPM	893	10
Nb d'animaux avec deux parents connus	25 316	199

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total 47%

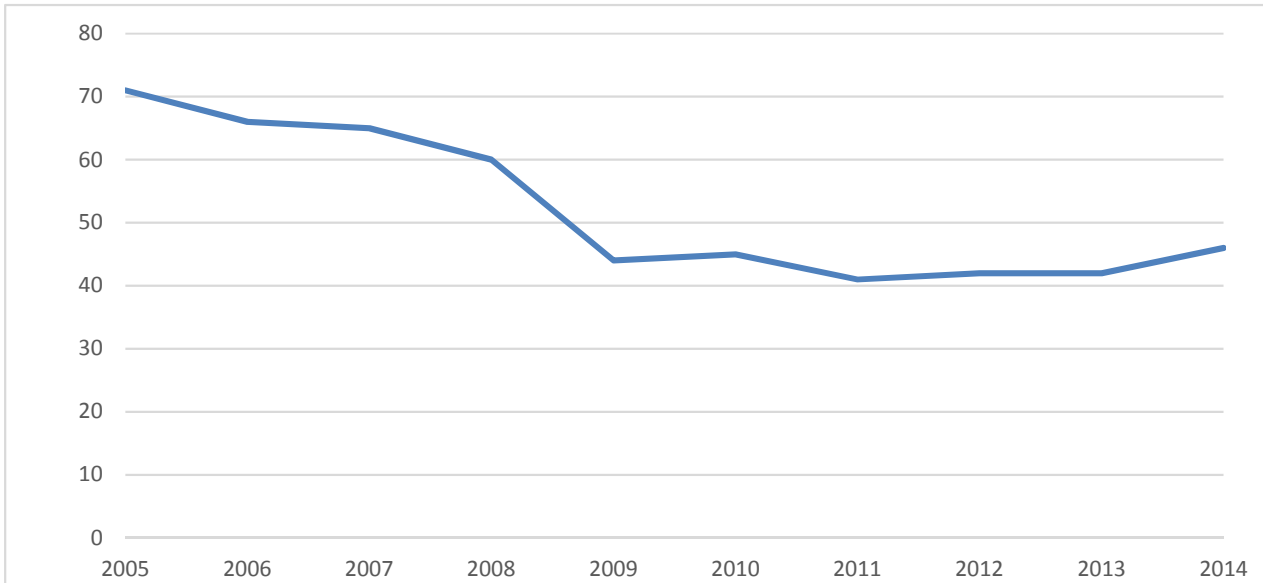
% femelles issues IA 41

Evolution de la population femelle

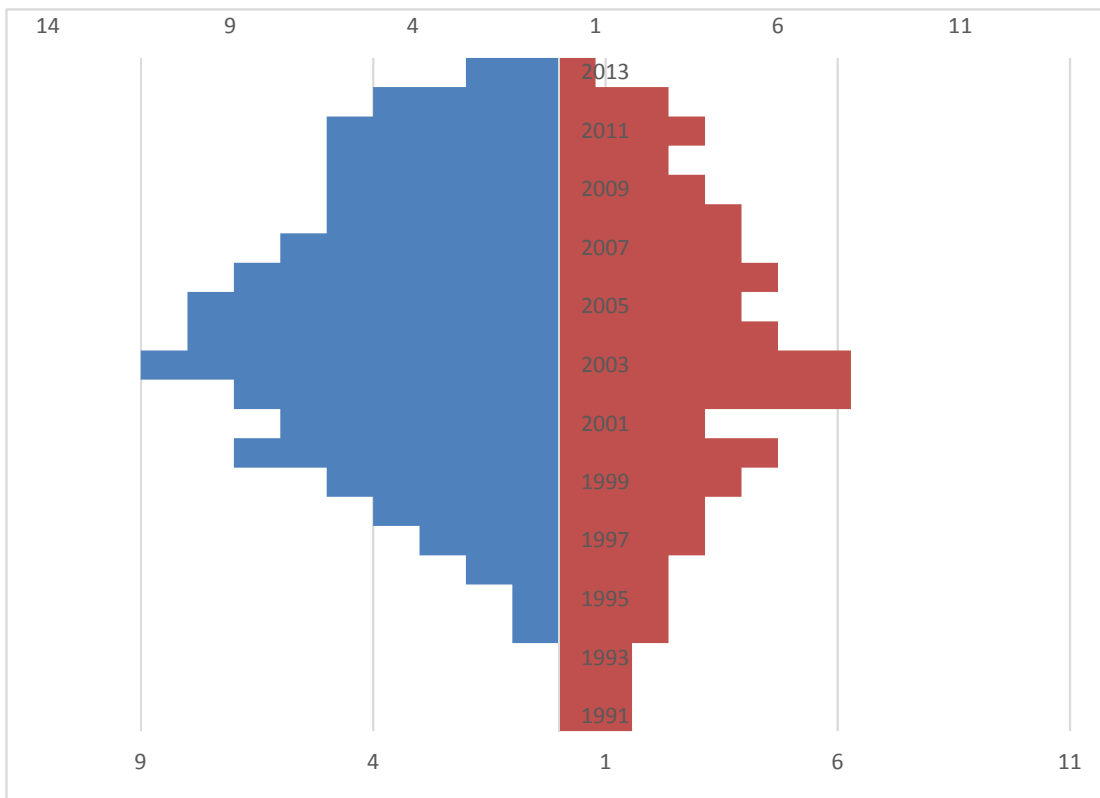
Croissance démographique ● -26

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

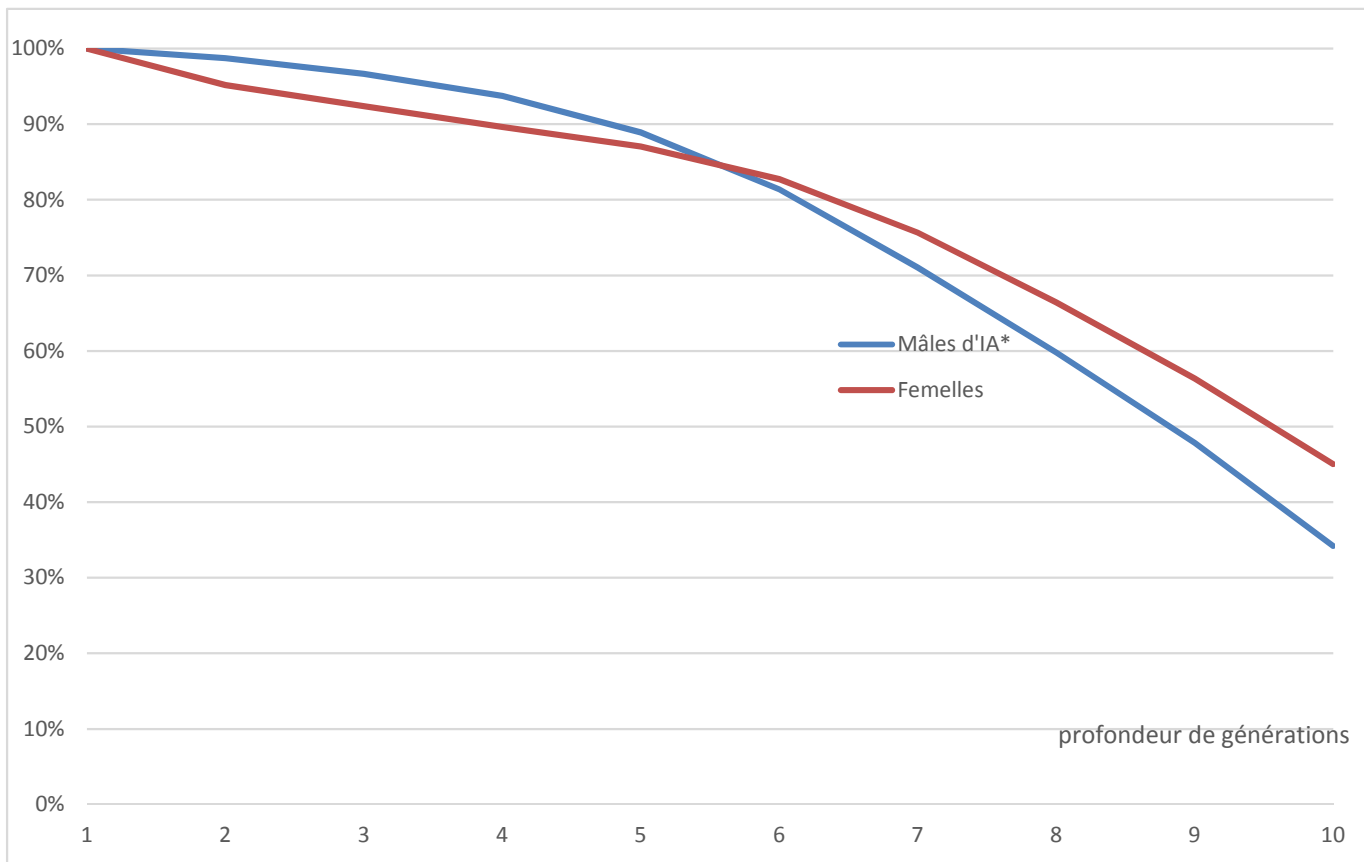
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,2
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,1
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,9
Moyenne 4 voies	3,8

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	25 316	199
Nb moyen de générations remontées	8,6	8,1
Nb moyen d'ancêtres connus	4 623	2 558
Nb maximum de générations remontées	23	22

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	7 851
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	256
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	69
Ratio Ae/Fe	26,9%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,6%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	26

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	12194081950068	M	1995	5,6%	5,6%	5,6%
2	81299230000094	M	2000	4,2%	4,2%	9,8%
3	12199294900029	M	1990	4,1%	4,1%	13,9%
4	12199294950079	M	1995	3,2%	3,2%	17,1%
5	55000170003	M	2007	3,1%	2,7%	19,8%
6	81266181030151	M	2003	3,3%	2,7%	22,4%
7	12194081920295	M	1992	2,5%	2,4%	24,8%
8	12169025900004	M	1990	2,2%	2,0%	26,8%
9	81266191030269	M	2003	2,7%	2,0%	28,8%
10	12194081820214	M	1982	2,3%	1,9%	30,8%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	8,6
Consanguinité moyenne (%)	1,8
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,4
Parenté (%)	1,8
Consanguinité des parents (%)	1,3
Parentés des parents (%)	0,9
Taille efficace (méthode Cervantès)	246
Taille efficace (méthode démographique)	1 237

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

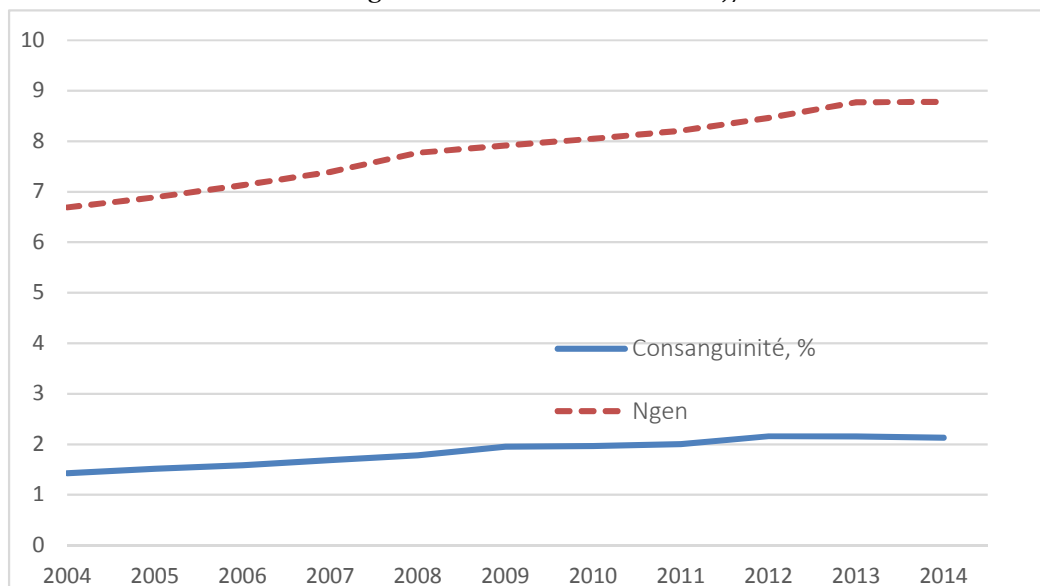
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	5,0%
entre 0 à 3,125% inclus	83,6%
entre 3,125% à 6,25% inclus	9,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,6%
entre 12,5% à 25% inclus	0,5%
plus de 25%	0,2%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	2,3%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,7



LIMOUSINE**Informations démographiques**

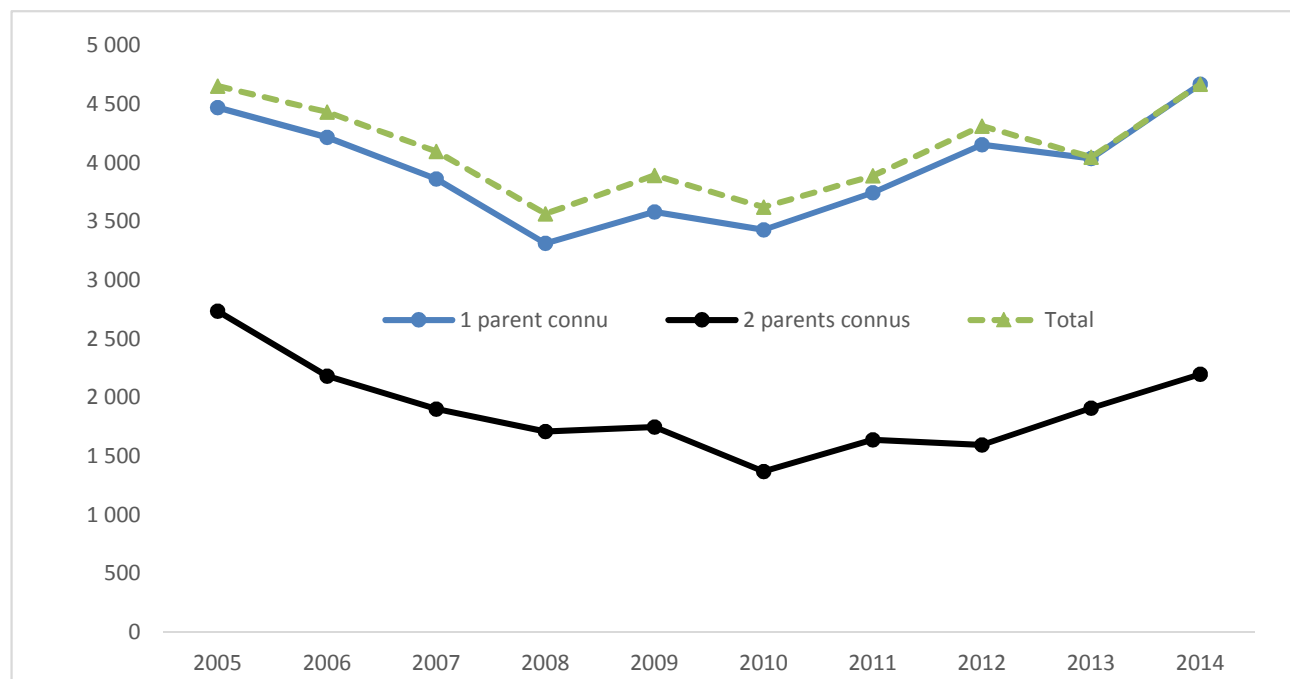
Période de naissance des femelles 2011 -2014

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	16 600	16
Nb pères différents	164	16
Nb max de descendants par père	212	1
Nb grands-pères paternels différents	69	14
Nb max de descendants par GPP	848	2
Nb mères différentes	9 042	16
Nb max de descendants par mère	10	1
Nb grands-pères maternels différents	280	14
Nb max de descendants par GPM	187	2
Nb d'animaux avec deux parents connus	7 350	16

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 43%

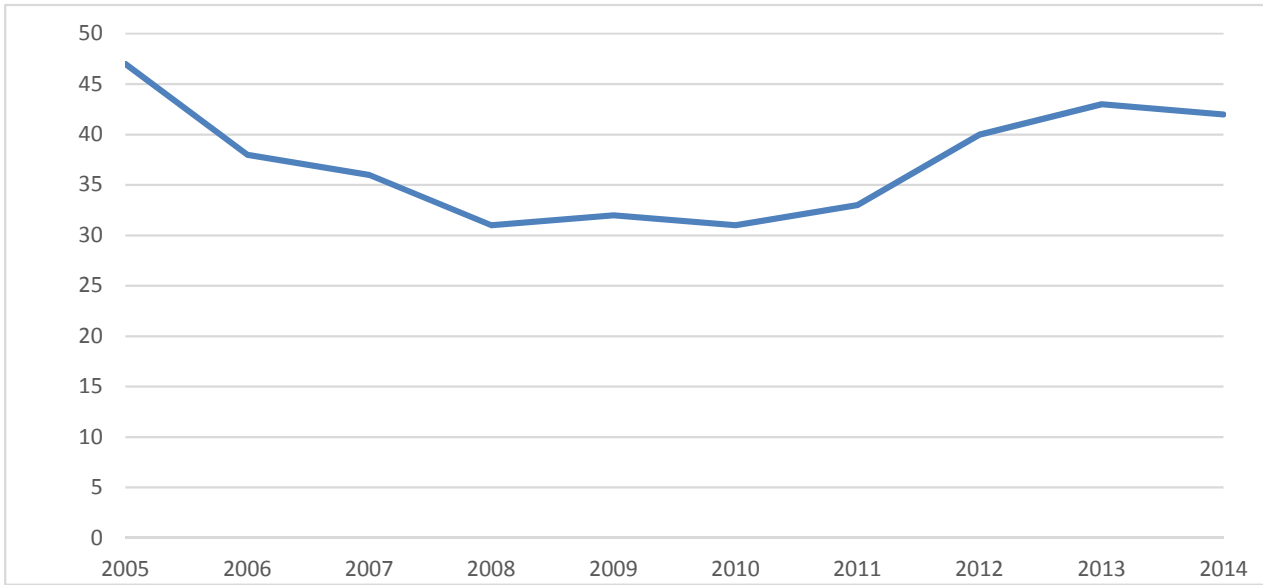
% femelles issues IA 7

Evolution de la population femelle

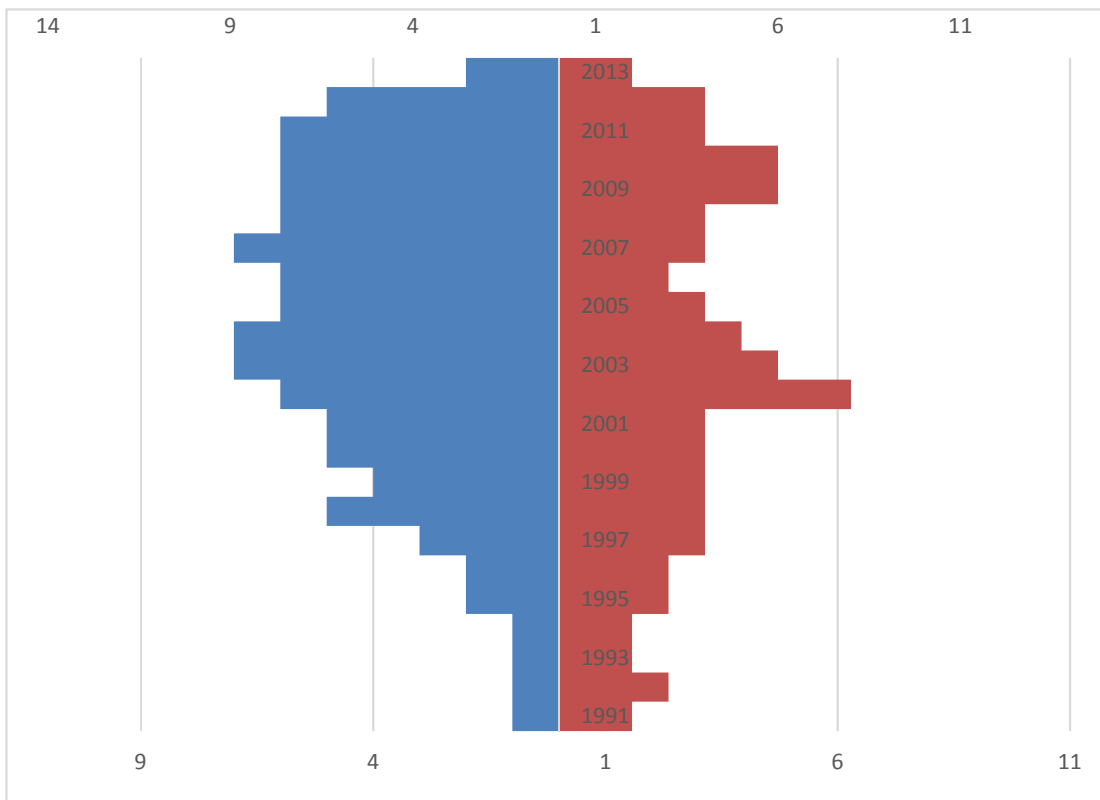
Croissance démographique ●○

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

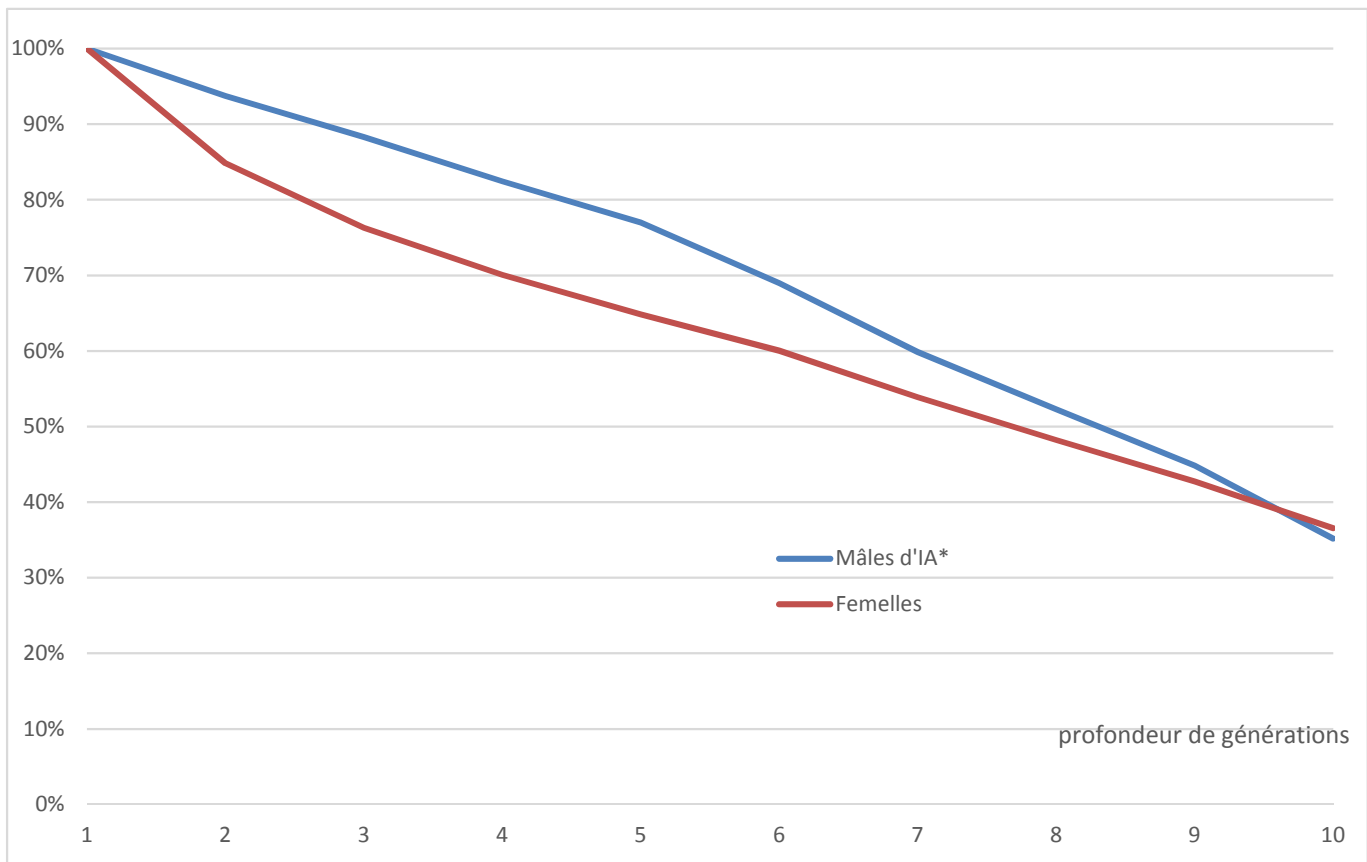
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	4,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,7
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,5
Moyenne 4 voies	4,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	7 350	16
Nb moyen de générations remontées	7,1	7,5
Nb moyen d'ancêtres connus	6 215	3 771
Nb maximum de générations remontées	25	22

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	5 412
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	243
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	79
Ratio Ae/Fe	32,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,5%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	32

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	23090163820062	M	1982	5,5%	5,5%	5,5%
2	20557473046	M	2007	4,5%	4,2%	9,7%
3	23090163770263	M	1978	3,6%	3,4%	13,1%
4	19164129980010	M	1998	3,4%	3,1%	16,2%
5	23090171900343	M	1991	4,0%	2,4%	18,7%
6	23090212860185	M	1987	2,7%	2,2%	20,9%
7	23001068020069	M	2002	2,8%	2,0%	22,9%
8	19164114910647	M	1992	4,8%	2,0%	24,8%
9	19164129040055	M	2004	2,0%	1,7%	26,5%
10	23081303030012	M	2003	2,2%	1,6%	28,1%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,1
Consanguinité moyenne (%)	2,6
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,8
Parenté (%)	1,8
Consanguinité des parents (%)	0,9
Parentés des parents (%)	0,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	209
Taille efficace (méthode démographique)	644

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

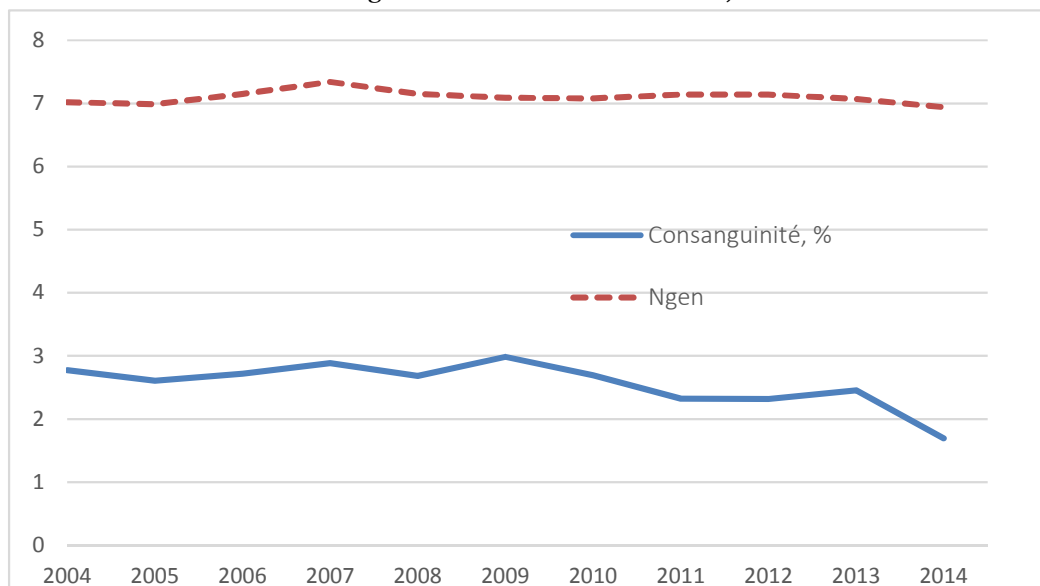
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	10,7%
entre 0 à 3,125% inclus	68,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	12,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	5,3%
entre 12,5% à 25% inclus	2,4%
plus de 25%	1,3%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	9,0%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-1,08



MERINOS D'ARLES**Informations démographiques**

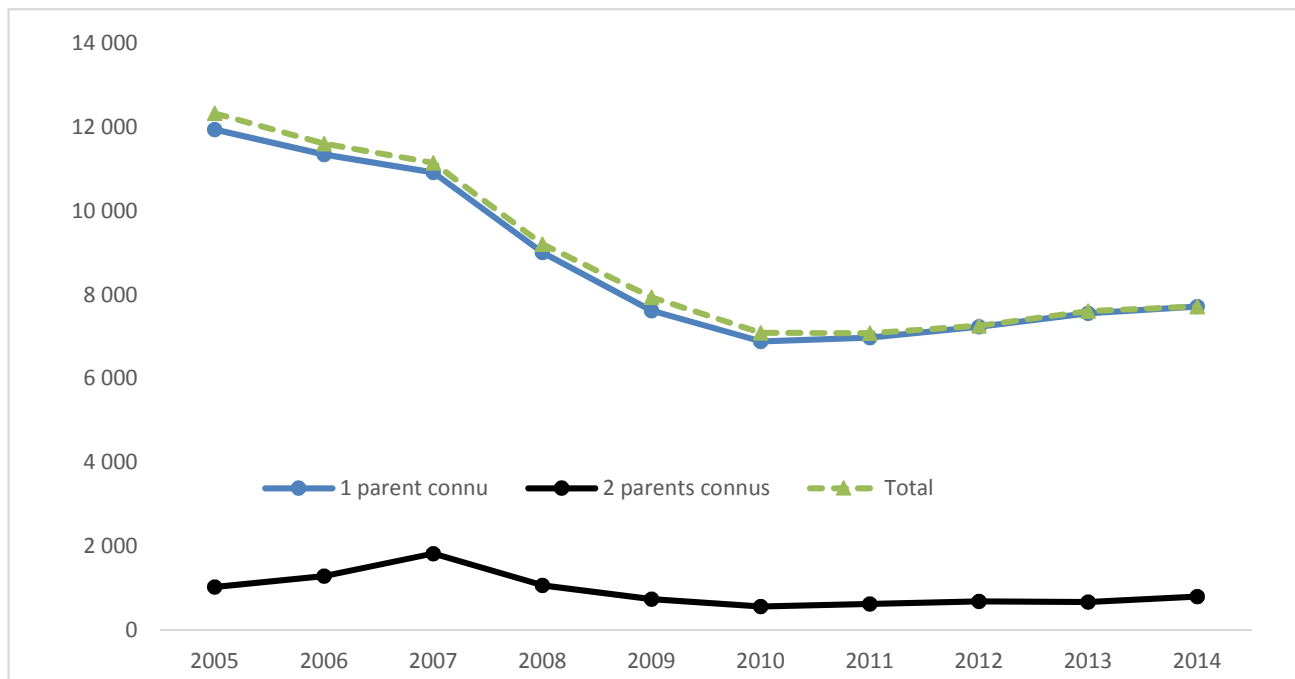
Période de naissance des femelles 2011 -2014

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	29 526	4
Nb pères différents	149	4
Nb max de descendants par père	211	1
Nb grands-pères paternels différents	71	4
Nb max de descendants par GPP	217	1
Nb mères différentes	16 127	4
Nb max de descendants par mère	8	1
Nb grands-pères maternels différents	270	4
Nb max de descendants par GPM	113	1
Nb d'animaux avec deux parents connus	2 801	4

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 9%

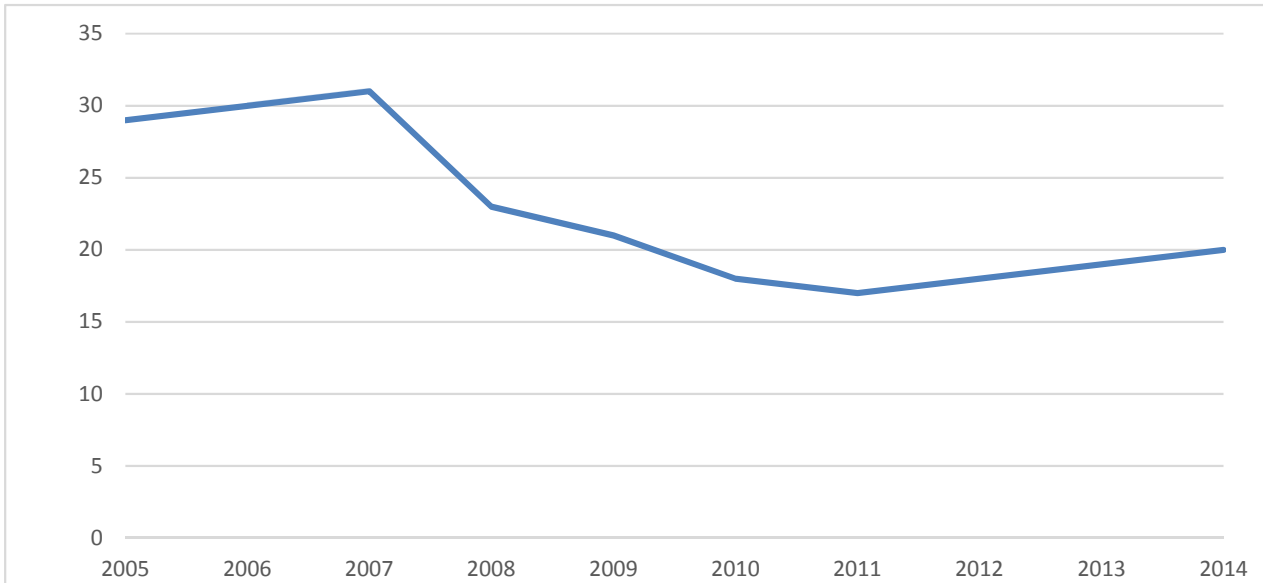
% femelles issues IA 2

Evolution de la population femelle

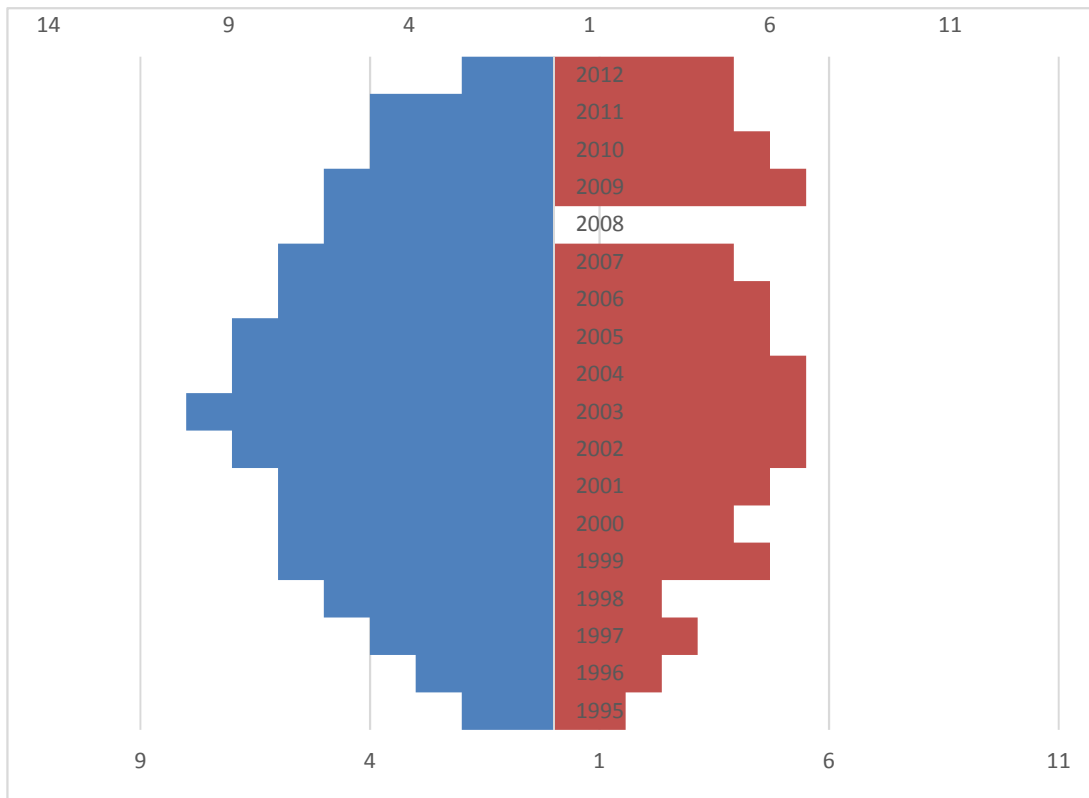
Croissance démographique ●-30

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

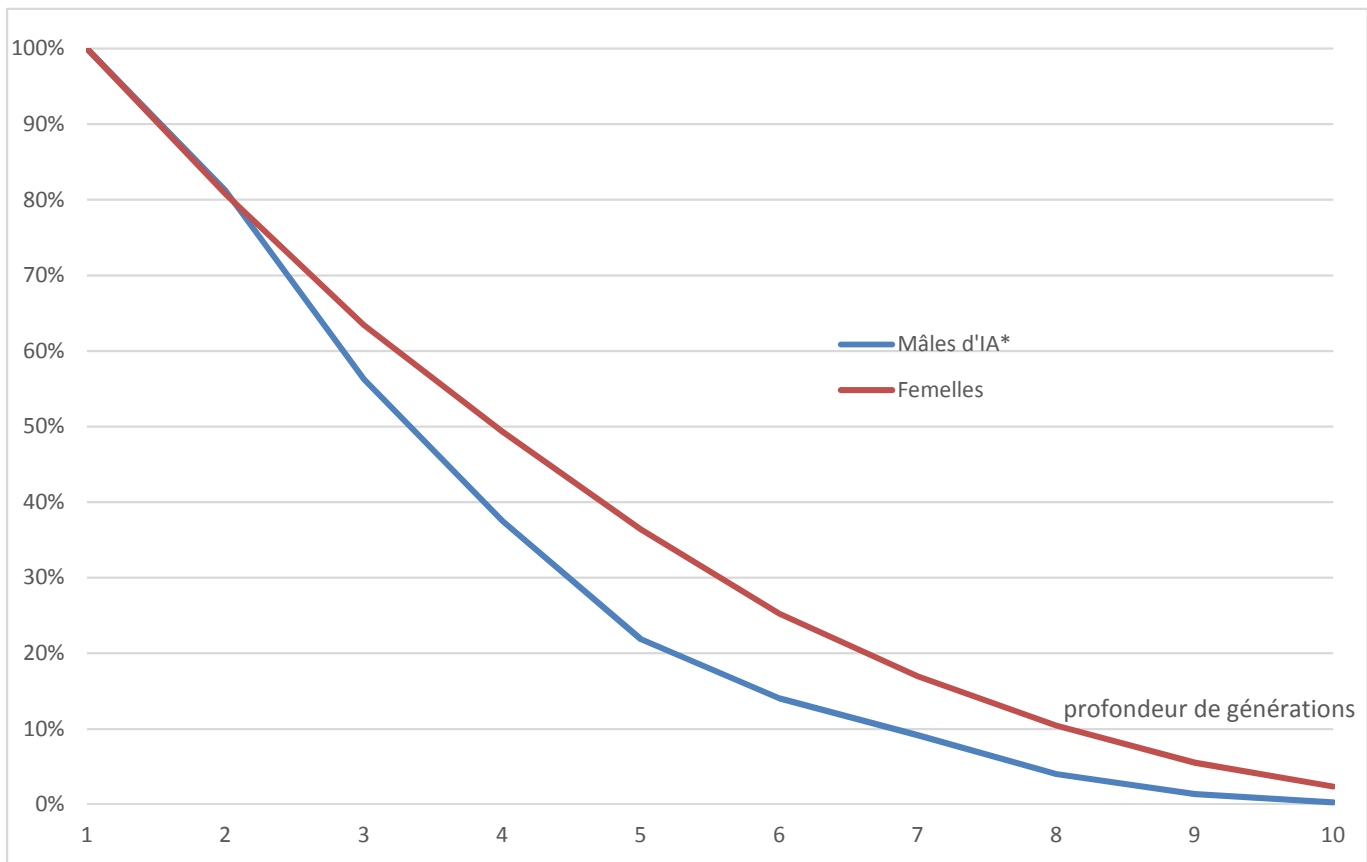
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,3
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,7
Moyenne 4 voies	4,1

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	2 801	4
Nb moyen de générations remontées	3,9	3,3
Nb moyen d'ancêtres connus	171	64
Nb maximum de générations remontées	15	10

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	5 870
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	637
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	142
Ratio Ae/Fe	22,3%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,1%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	67

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	17000591047	M	2010	4,1%	4,1%	4,1%
2	12550090708	M	2010	3,6%	3,6%	7,7%
3	17000591051	M	2010	2,0%	2,0%	9,7%
4	12550080706	M	2009	1,6%	1,6%	11,4%
5	13097746006274	M	2001	1,5%	1,5%	12,9%
6	13097746005244	M	2001	1,4%	1,4%	14,3%
7	17000582026	M	2009	1,4%	1,4%	15,7%
8	13006026921098	M	1993	1,5%	1,2%	16,9%
9	13103001006081	M	2001	1,1%	1,1%	18,1%
10	13097752021413	M	2002	2,1%	1,1%	19,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	3,9
Consanguinité moyenne (%)	0,4
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	0,5
Consanguinité des parents (%)	0,1
Parentés des parents (%)	0,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	358
Taille efficace (méthode démographique)	591

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

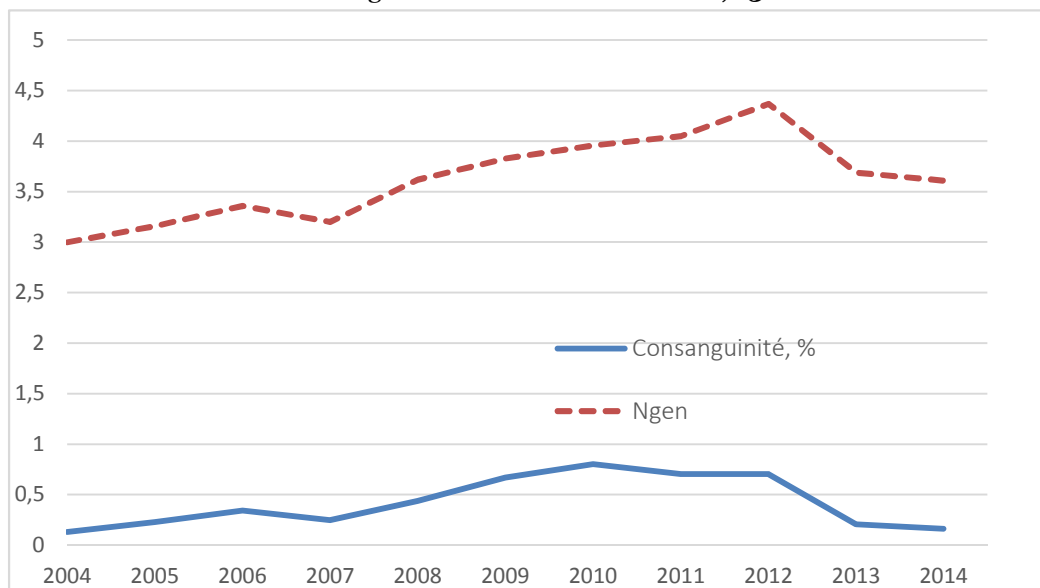
0% de consanguinité	60,9%
entre 0 à 3,125% inclus	34,8%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,8%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,1%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **1,5%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,03



NOIR DU VELAY**Informations démographiques**

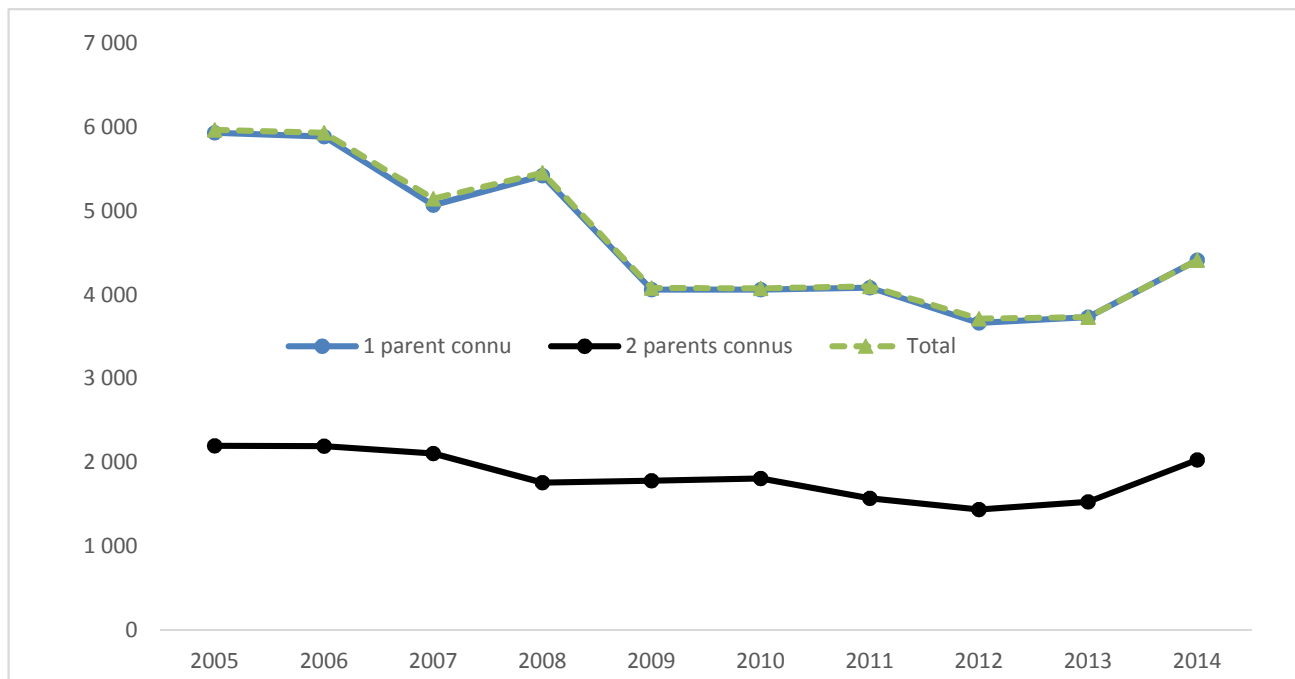
Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	15 911
Nb pères différents	122
Nb max de descendants par père	446
Nb grands-pères paternels différents	70
Nb max de descendants par GPP	495
Nb mères différentes	6 687
Nb max de descendants par mère	14
Nb grands-pères maternels différents	243
Nb max de descendants par GPM	281
Nb d'animaux avec deux parents connus	6 584

Rapport 2 parents connus/total des femelles 41%

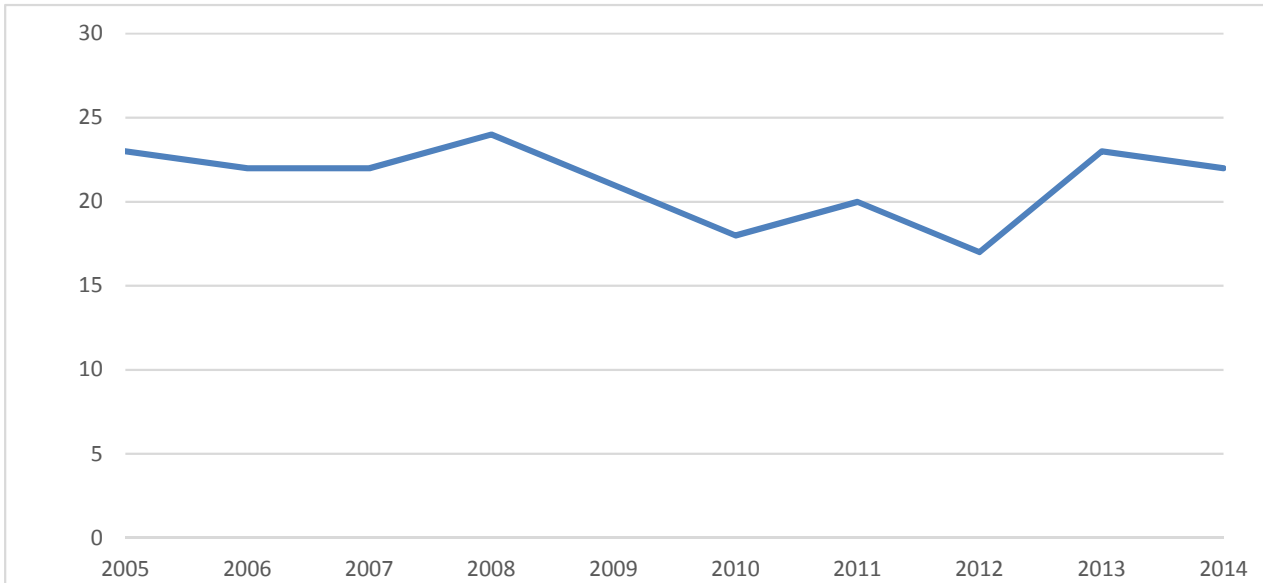
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

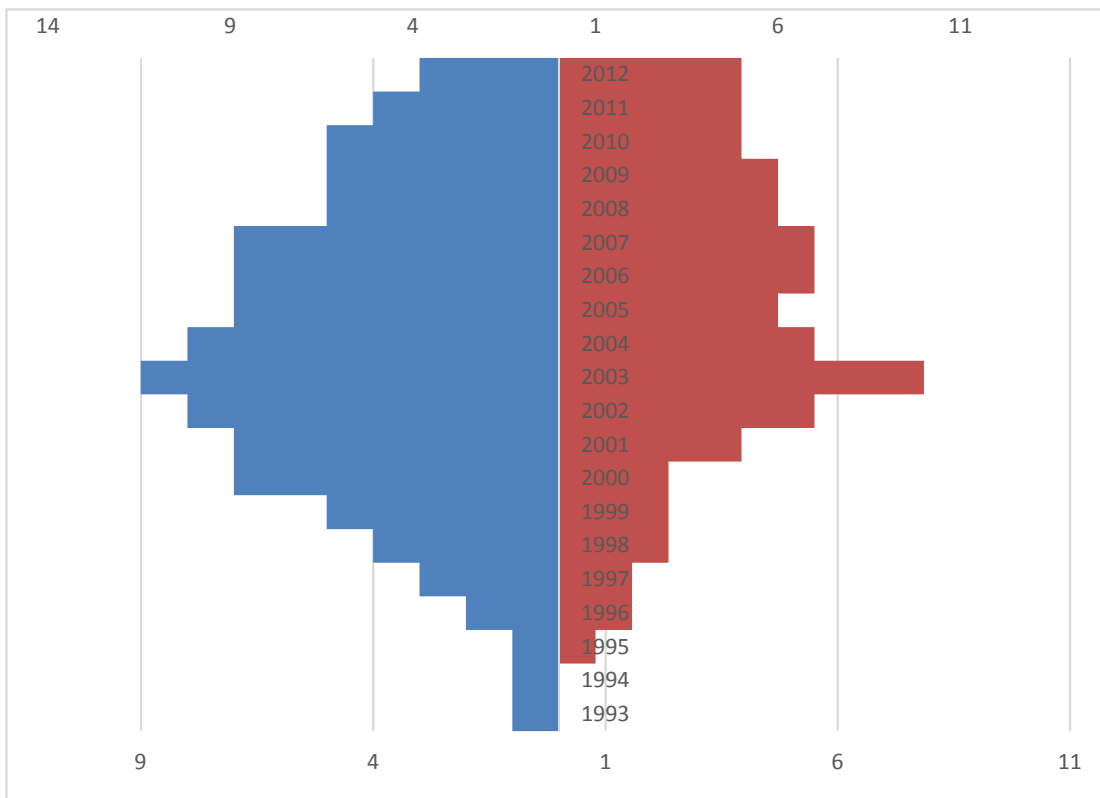
Croissance démographique ●-25

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



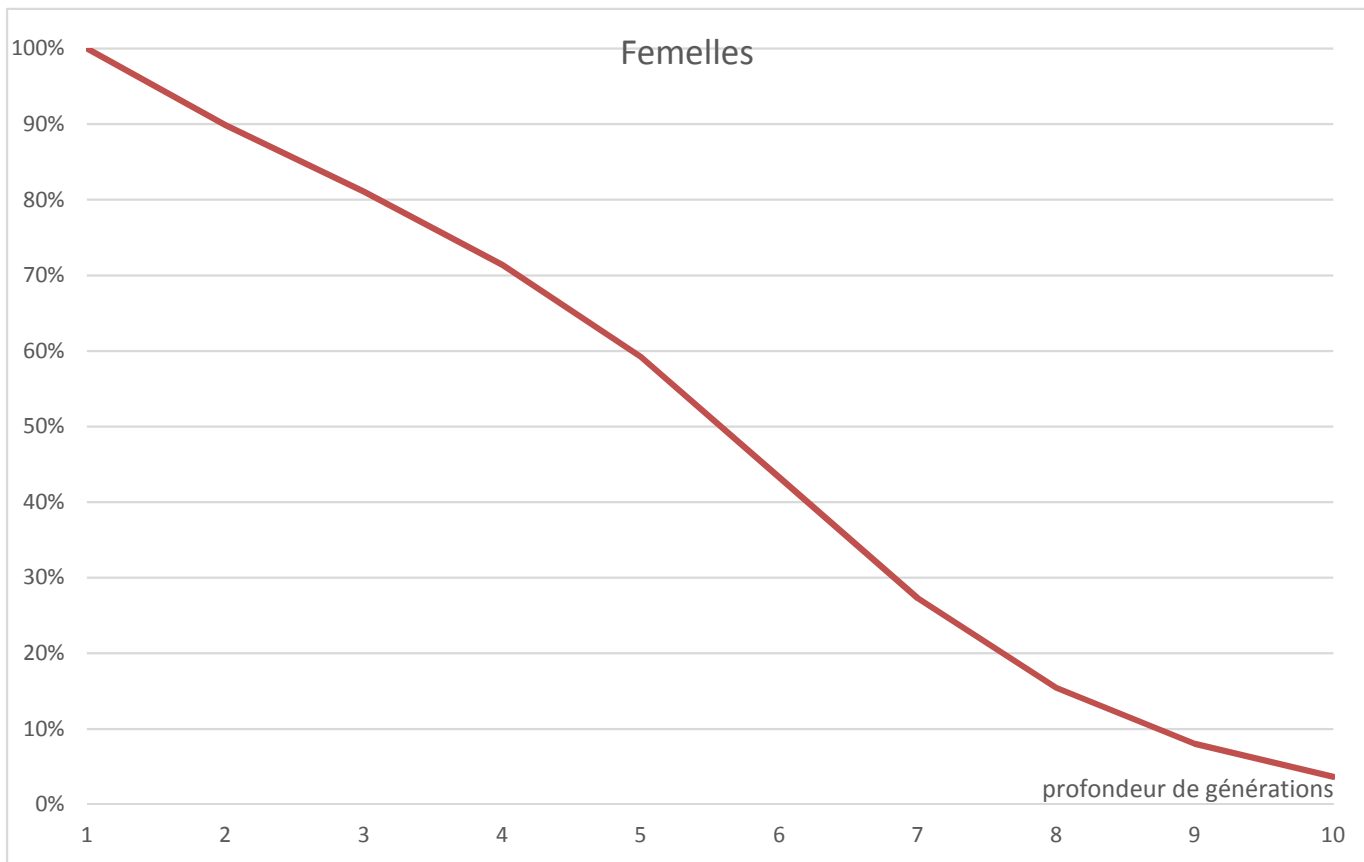
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,5
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,8
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,1
Moyenne 4 voies	3,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	6 584
Nb moyen de générations remontées	5,0
Nb moyen d'ancêtres connus	309
Nb maximum de générations remontées	29

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	6 061
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	429
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	103
Ratio Ae/Fe	23,9%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,4%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	42

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	43135134000005	M	2000	4,4%	4,4%	4,4%
2	32561790053	M	2009	3,6%	3,6%	8,0%
3	43143012040017	M	2004	2,9%	2,9%	10,9%
4	32504480023	M	2008	2,4%	2,4%	13,3%
5	43135170050117	M	2005	2,3%	2,3%	15,6%
6	43055033980183	M	1998	2,1%	2,1%	17,7%
7	43135170050116	M	2005	1,8%	1,8%	19,5%
8	43003120000048	M	2000	1,8%	1,8%	21,3%
9	32533680057	M	2008	1,9%	1,6%	22,9%
10	32500390129	M	2009	3,4%	1,6%	24,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,0
Consanguinité moyenne (%)	0,4
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,1
Parenté (%)	1,0
Consanguinité des parents (%)	0,2
Parentés des parents (%)	0,3
Taille efficace (méthode Cervantès)	250
Taille efficace (méthode démographique)	479

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

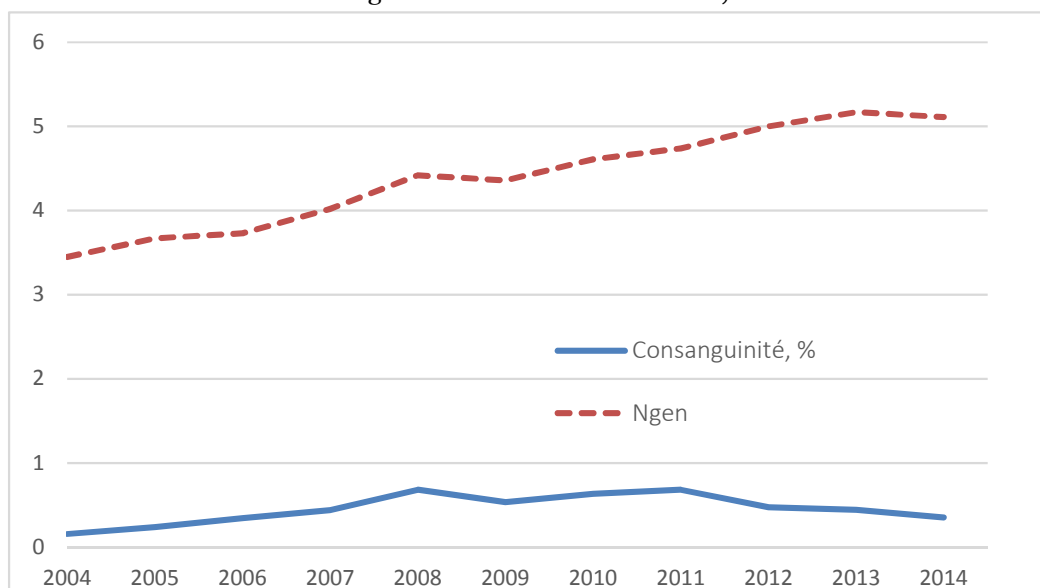
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	44,2%
entre 0 à 3,125% inclus	54,5%
entre 3,125% à 6,25% inclus	0,3%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,2%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,6%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	1,0%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,2



PREALPES DU SUD**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

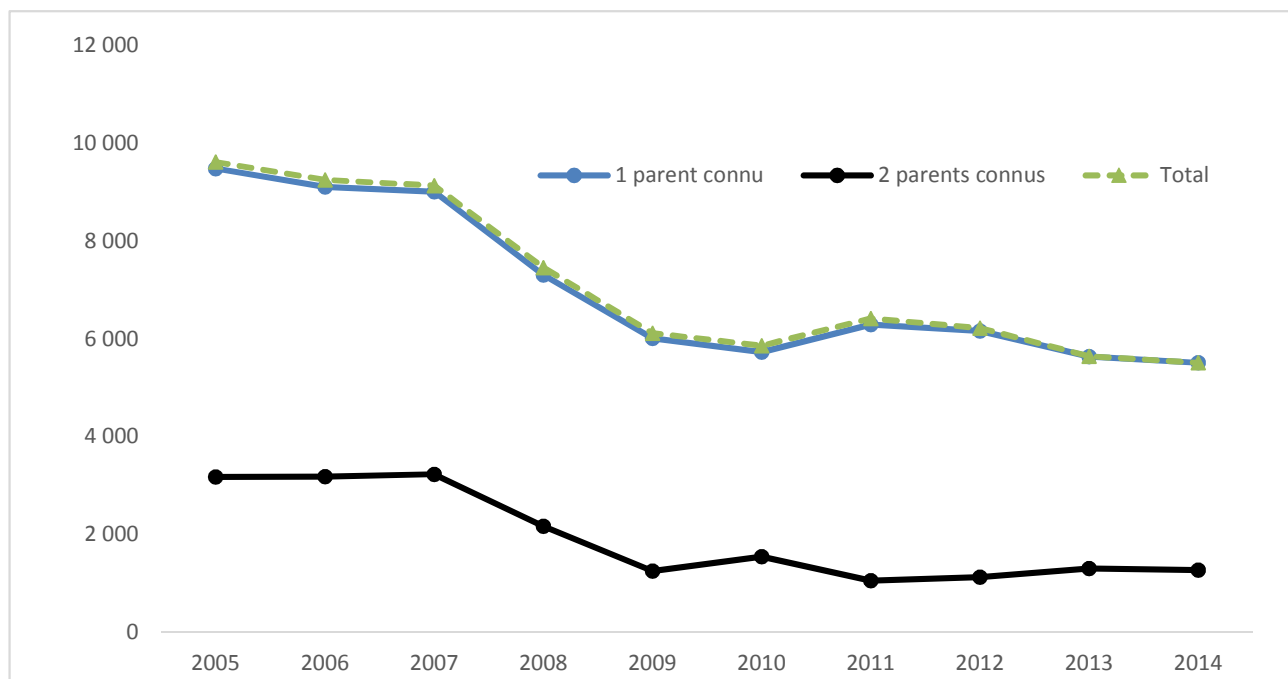
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	23 593	14
Nb pères différents	178	12
Nb max de descendants par père	170	2
Nb grands-pères paternels différents	81	12
Nb max de descendants par GPP	224	2
Nb mères différentes	12 363	14
Nb max de descendants par mère	9	1
Nb grands-pères maternels différents	447	12
Nb max de descendants par GPM	166	2
Nb d'animaux avec deux parents connus	4 769	14

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 20%

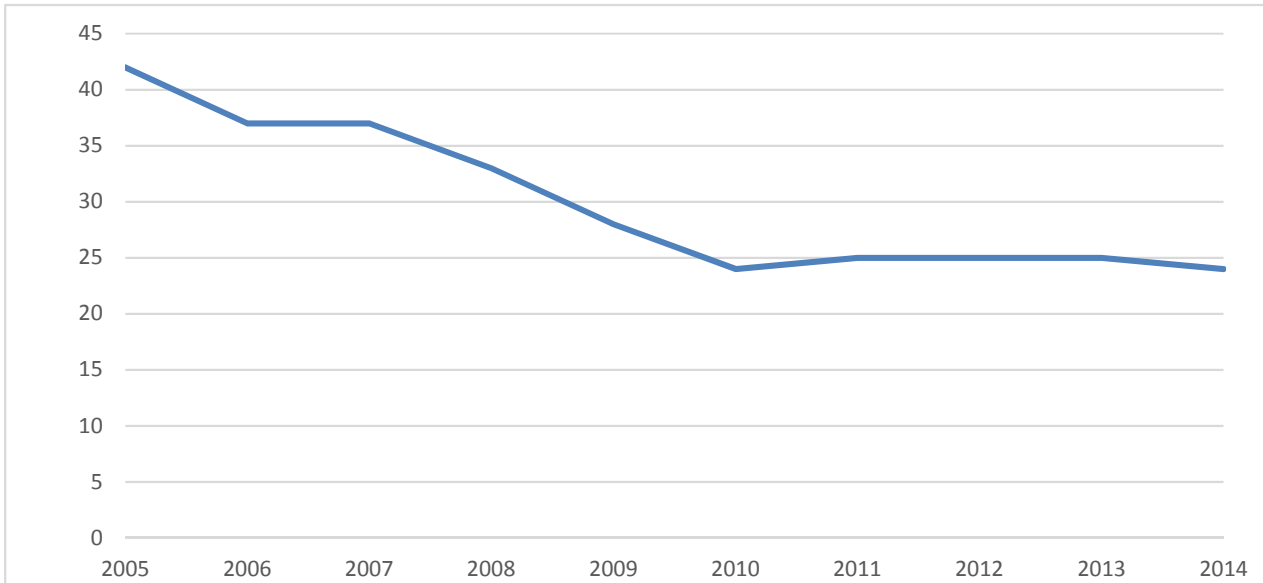
% femelles issues IA 3

Evolution de la population femelle

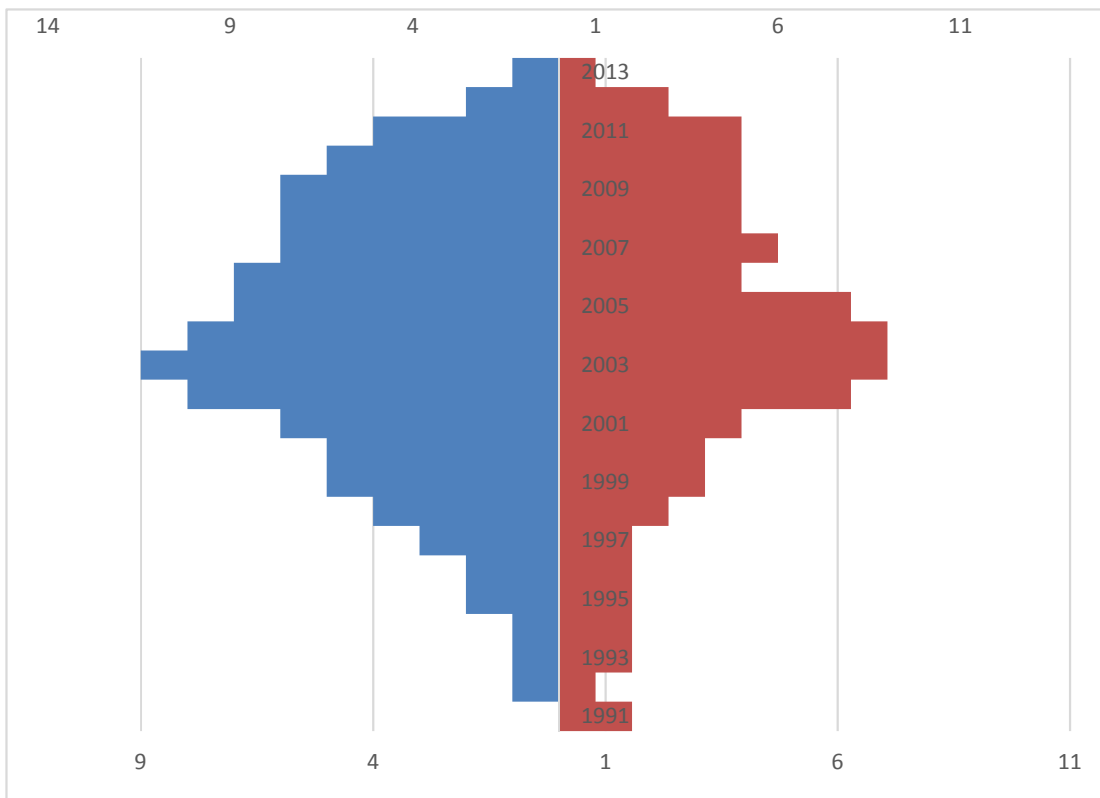
Croissance démographique ● -29

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

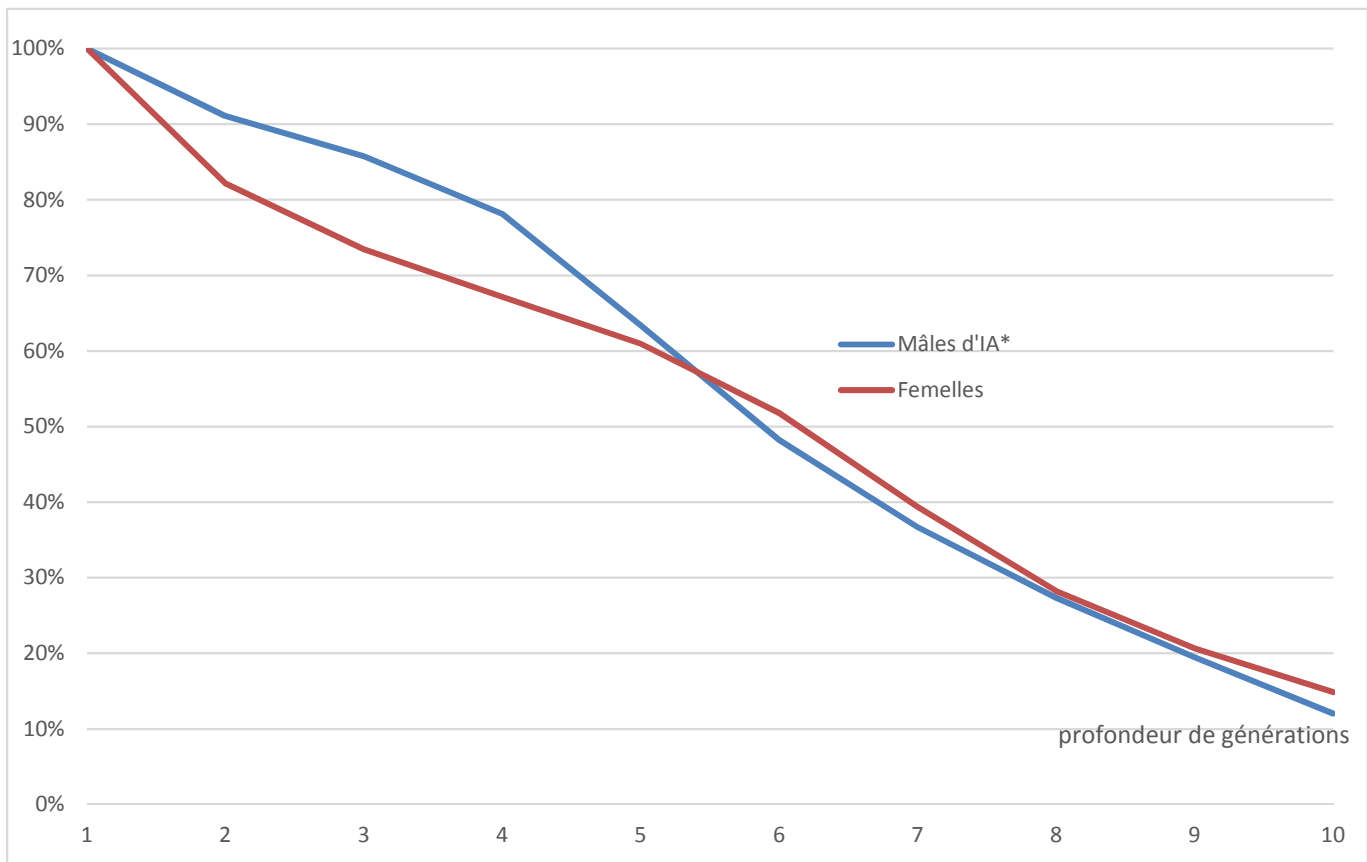
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,1
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,5
Moyenne 4 voies	3,9

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	4 769	14
Nb moyen de générations remontées	5,6	5,7
Nb moyen d'ancêtres connus	1 133	689
Nb maximum de générations remontées	19	16

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	5 101
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	353
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	98
Ratio Ae/Fe	27,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,8%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	43

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	26047363930542		M	1994	5,8%	5,8%	5,8%
2	26228031890117		M	1989	5,8%	2,9%	8,7%
3	07181006940616		M	1995	2,6%	2,6%	11,3%
4	24000180716		M	2008	2,3%	2,3%	13,5%
5	05117022020532		M	2003	2,0%	2,0%	15,5%
6	13650680313		M	2008	1,9%	1,9%	17,4%
7	12529490631		M	2010	2,1%	1,9%	19,3%
8	24000180662		M	2008	2,0%	1,8%	21,1%
9	26321666890136		M	1989	1,6%	1,6%	22,7%
10	12570560171		M	2007	1,7%	1,4%	24,1%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,6
Consanguinité moyenne (%)	1,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,4
Parenté (%)	1,0
Consanguinité des parents (%)	0,3
Parentés des parents (%)	0,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	290
Taille efficace (méthode démographique)	702

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

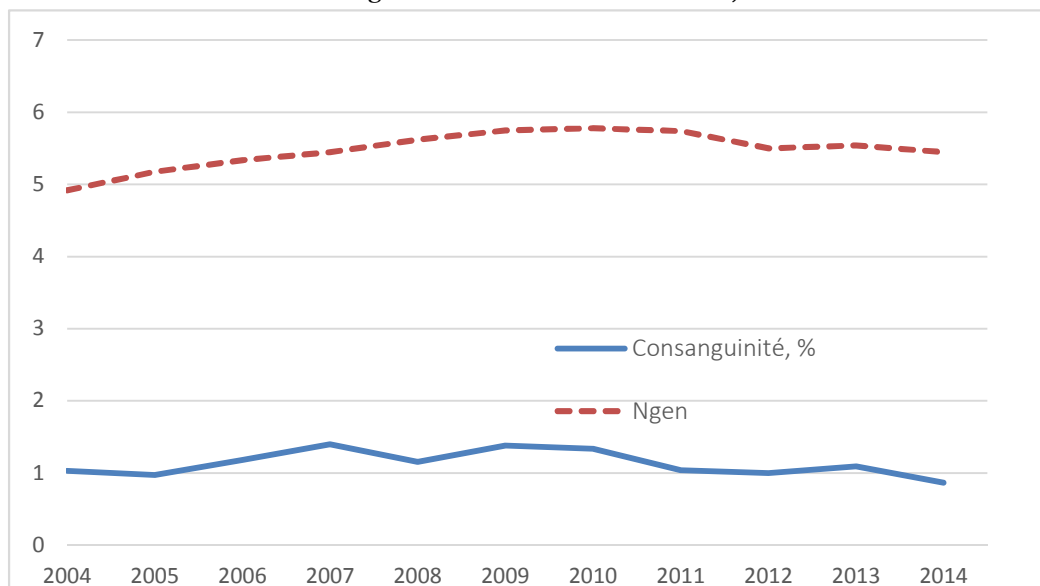
0% de consanguinité	17,2%
entre 0 à 3,125% inclus	74,5%
entre 3,125% à 6,25% inclus	5,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,9%
entre 12,5% à 25% inclus	0,9%
plus de 25%	0,5%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **3,4%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-0,16



RAVA**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

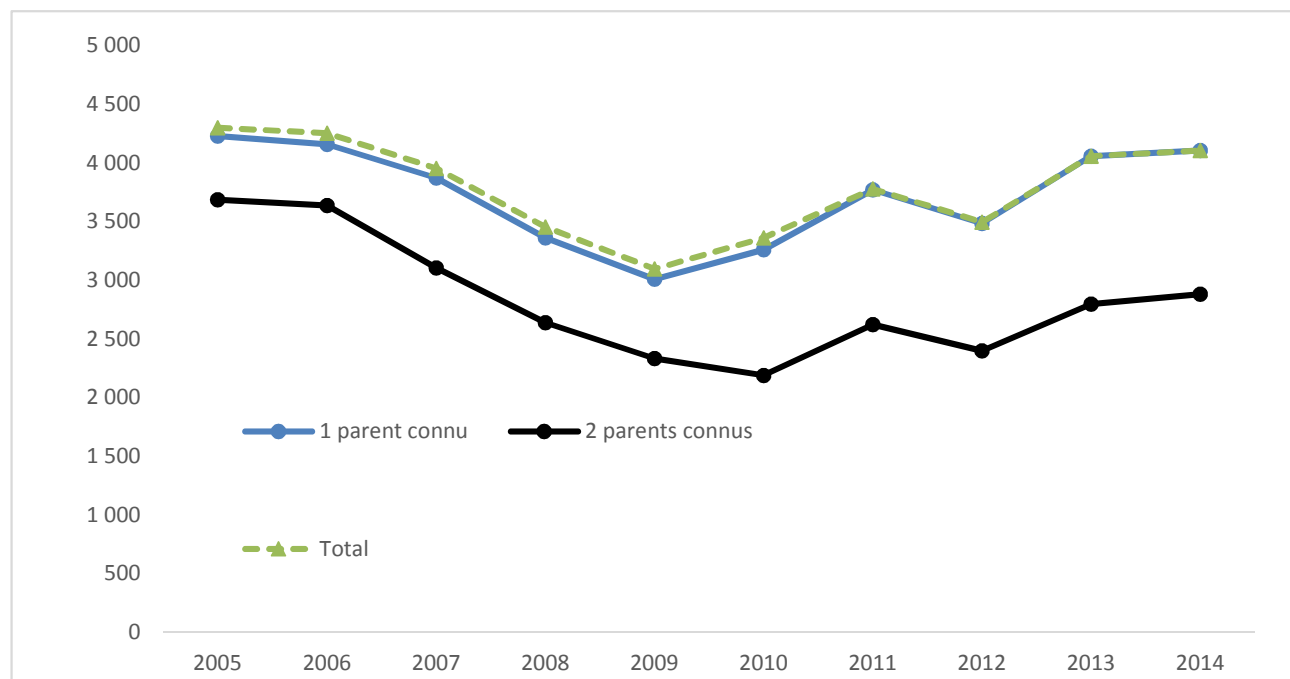
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	15 411	3
Nb pères différents	160	2
Nb max de descendants par père	348	2
Nb grands-pères paternels différents	80	2
Nb max de descendants par GPP	868	2
Nb mères différentes	7 908	3
Nb max de descendants par mère	10	1
Nb grands-pères maternels différents	302	2
Nb max de descendants par GPM	528	1
Nb d'animaux avec deux parents connus	10 698	3

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 69%

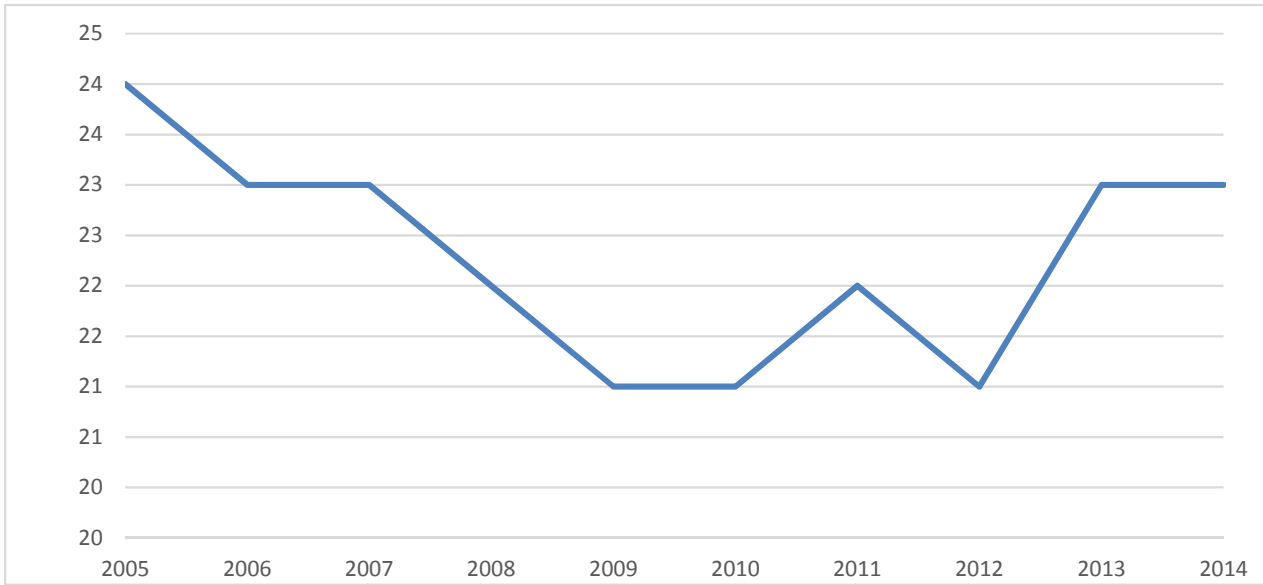
% femelles issues IA 1

Evolution de la population femelle

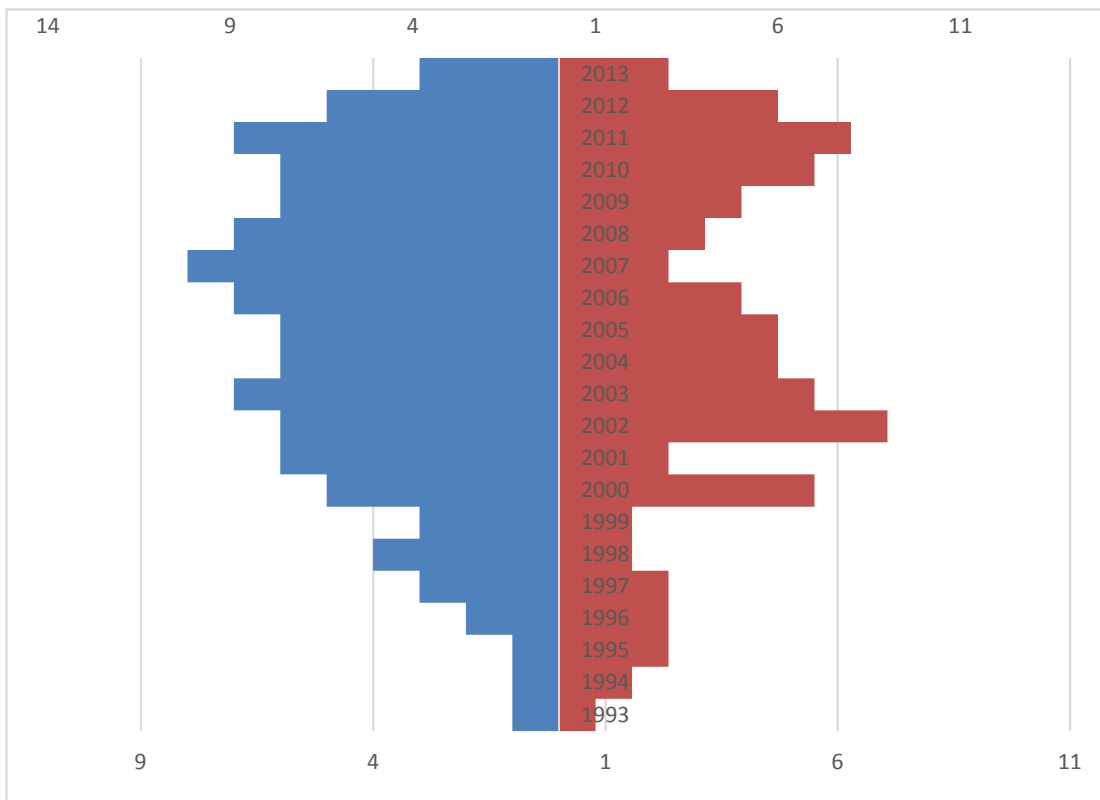
Croissance démographique ●-1

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

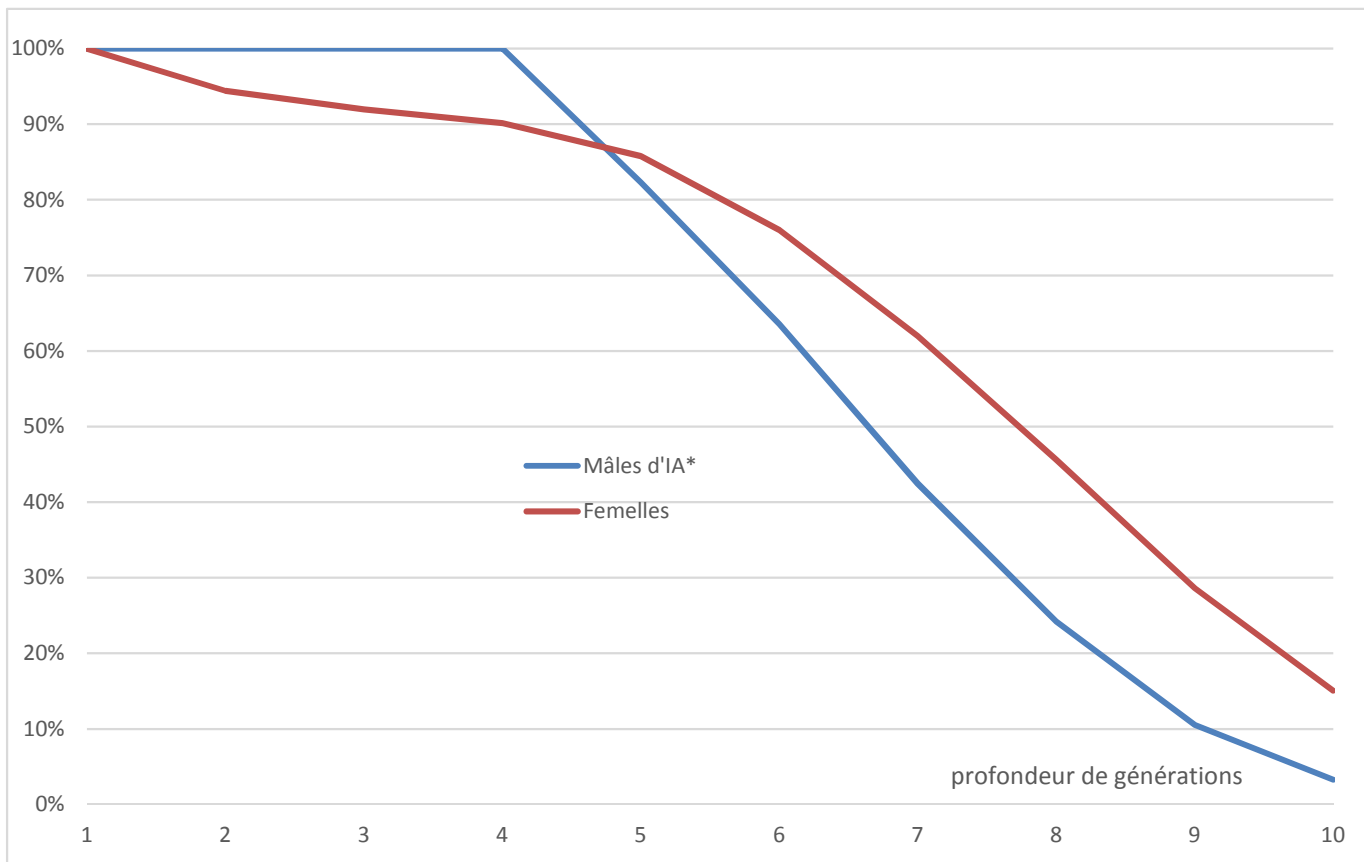
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,2
Moyenne 4 voies	4,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	10 698	3
Nb moyen de générations remontées	7,0	6,3
Nb moyen d'ancêtres connus	895	327
Nb maximum de générations remontées	23	13

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	3 381
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	145
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	49
Ratio Ae/Fe	33,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	7,2%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	18

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	63024063820693	M	1983	7,2%	7,2%	7,2%
2	63259016870620	M	1988	6,0%	6,0%	13,2%
3	63259016050046	M	2005	5,2%	4,4%	17,5%
4	63123034960105	M	1996	6,3%	3,9%	21,5%
5	63395022870429	F	1988	2,9%	2,9%	24,3%
6	63395022030733	M	2003	3,4%	2,7%	27,1%
7	63085131000590	M	2000	2,8%	2,6%	29,7%
8	63395022900044	M	1990	2,6%	2,6%	32,3%
9	63055176910071	M	1991	3,3%	2,5%	34,7%
10	63395022890215	M	1989	2,4%	2,3%	37,0%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,0
Consanguinité moyenne (%)	1,6
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,3
Parenté (%)	2,3
Consanguinité des parents (%)	1,1
Parentés des parents (%)	1,1
Taille efficace (méthode Cervantès)	151
Taille efficace (méthode démographique)	627

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

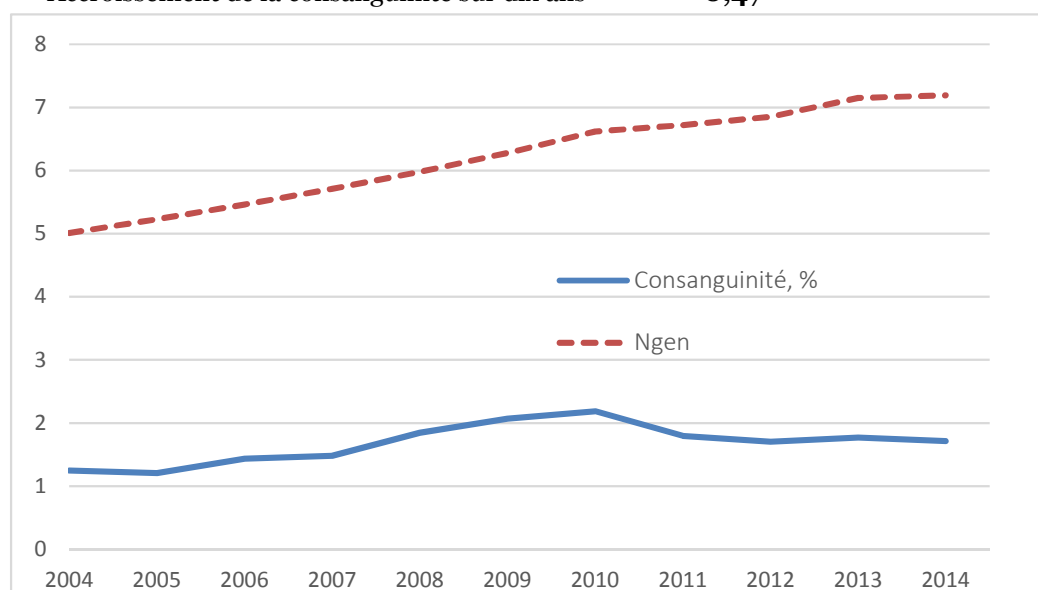
0% de consanguinité	8,2%
entre 0 à 3,125% inclus	82,3%
entre 3,125% à 6,25% inclus	7,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,0%
entre 12,5% à 25% inclus	0,4%
plus de 25%	1,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **2,3%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,47



ROMANE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

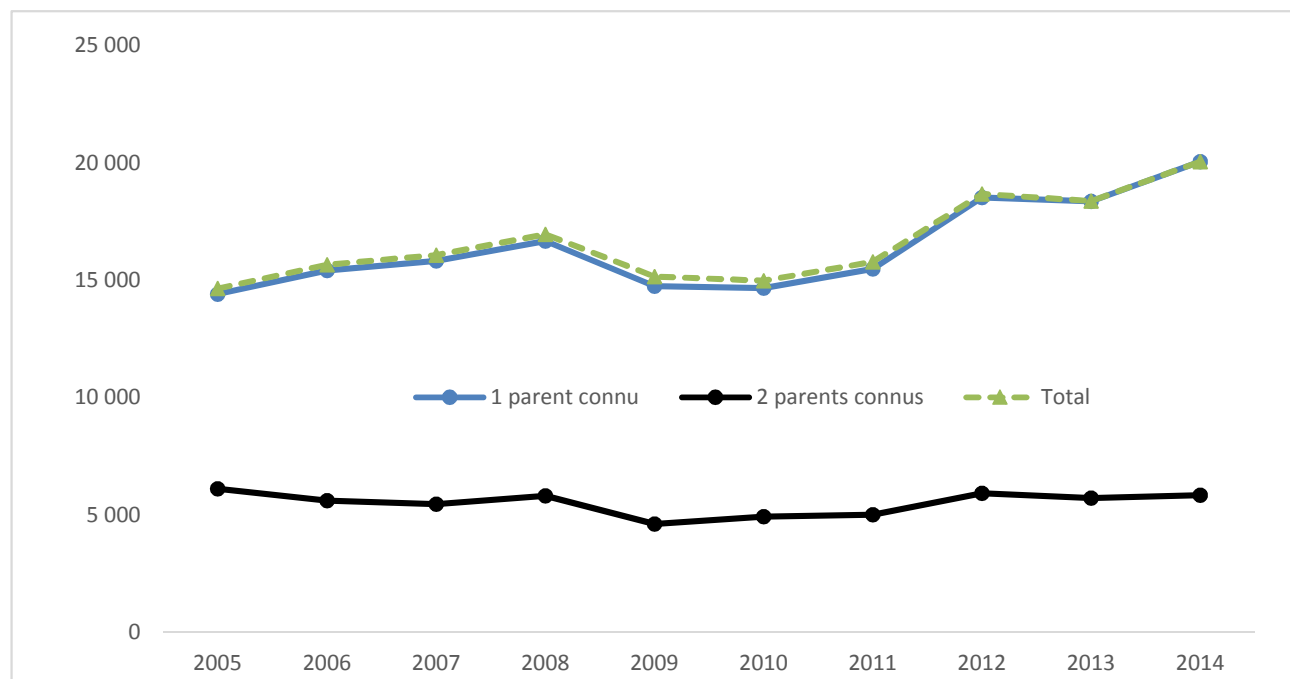
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	72 422	73
Nb pères différents	470	60
Nb max de descendants par père	325	3
Nb grands-pères paternels différents	229	56
Nb max de descendants par GPP	740	4
Nb mères différentes	27 328	72
Nb max de descendants par mère	13	2
Nb grands-pères maternels différents	857	56
Nb max de descendants par GPM	465	4
Nb d'animaux avec deux parents connus	22 489	73

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 31%

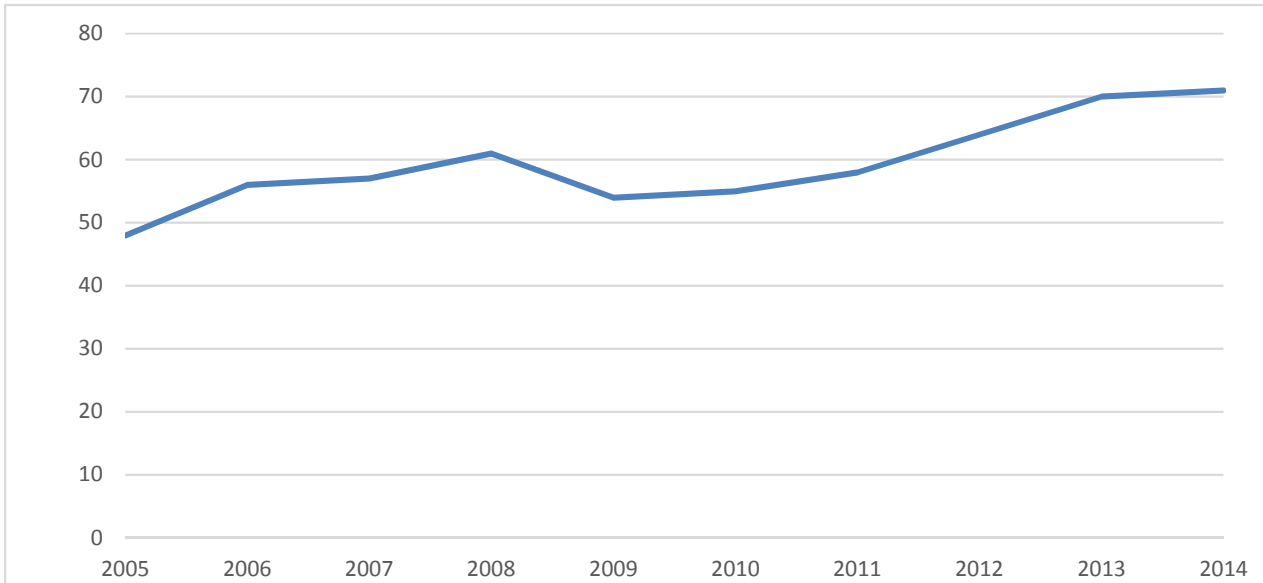
% femelles issues IA 10

Evolution de la population femelle

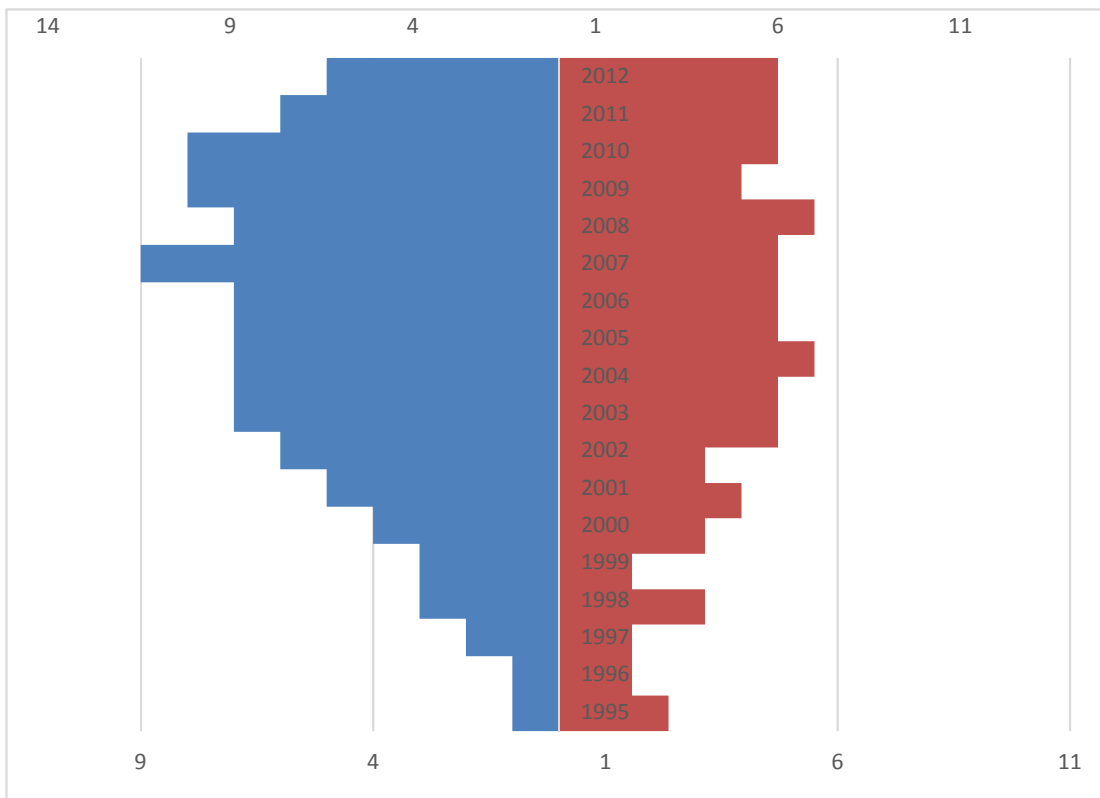
Croissance démographique ●12

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

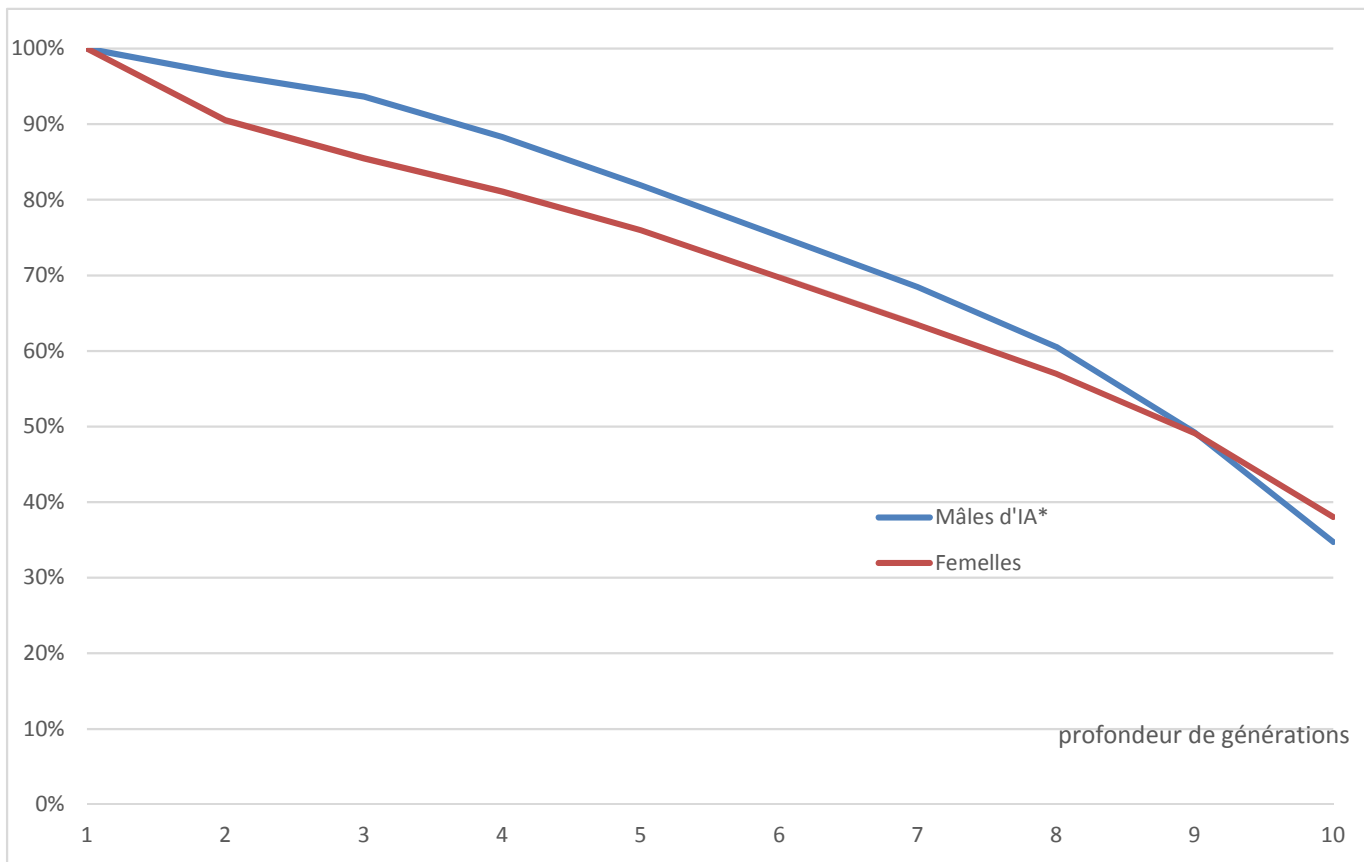
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,2
Moyenne 4 voies	3,4

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	22 489	73
Nb moyen de générations remontées	7,6	7,8
Nb moyen d'ancêtres connus	3 062	2 251
Nb maximum de générations remontées	23	19

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	9 924
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	241
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	133
Ratio Ae/Fe	55,4%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,1%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	62

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	18174901970855		M	1997	4,1%	4,1%	4,1%
2	18174901970650		M	1997	3,7%	3,7%	7,8%
3	18174901763049		M	1976	3,1%	2,6%	10,5%
4	18174901920482		M	1992	2,1%	1,8%	12,3%
5	18174901970554		M	1997	1,8%	1,7%	14,0%
6	18174901941063		M	1994	1,4%	1,3%	15,3%
7	18174901010960		M	2001	1,4%	1,3%	16,7%
8	18174901753111		M	1974	1,4%	1,1%	17,8%
9	18174901950786		F	1995	1,1%	1,1%	18,9%
10	18018900891205		M	1989	1,1%	1,1%	20,0%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,6
Consanguinité moyenne (%)	0,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	0,9
Consanguinité des parents (%)	0,4
Parentés des parents (%)	0,3
Taille efficace (méthode Cervantès)	404
Taille efficace (méthode démographique)	1 848

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

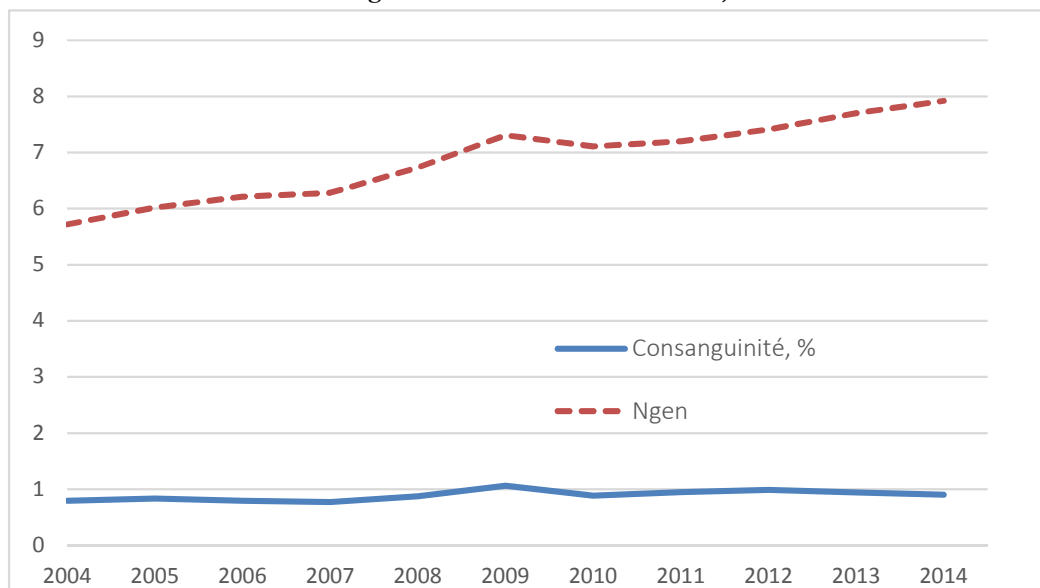
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	15,7%
entre 0 à 3,125% inclus	79,9%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,9%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,0%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,3%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **1,6%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans **0,11**



TARASCONNAISE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

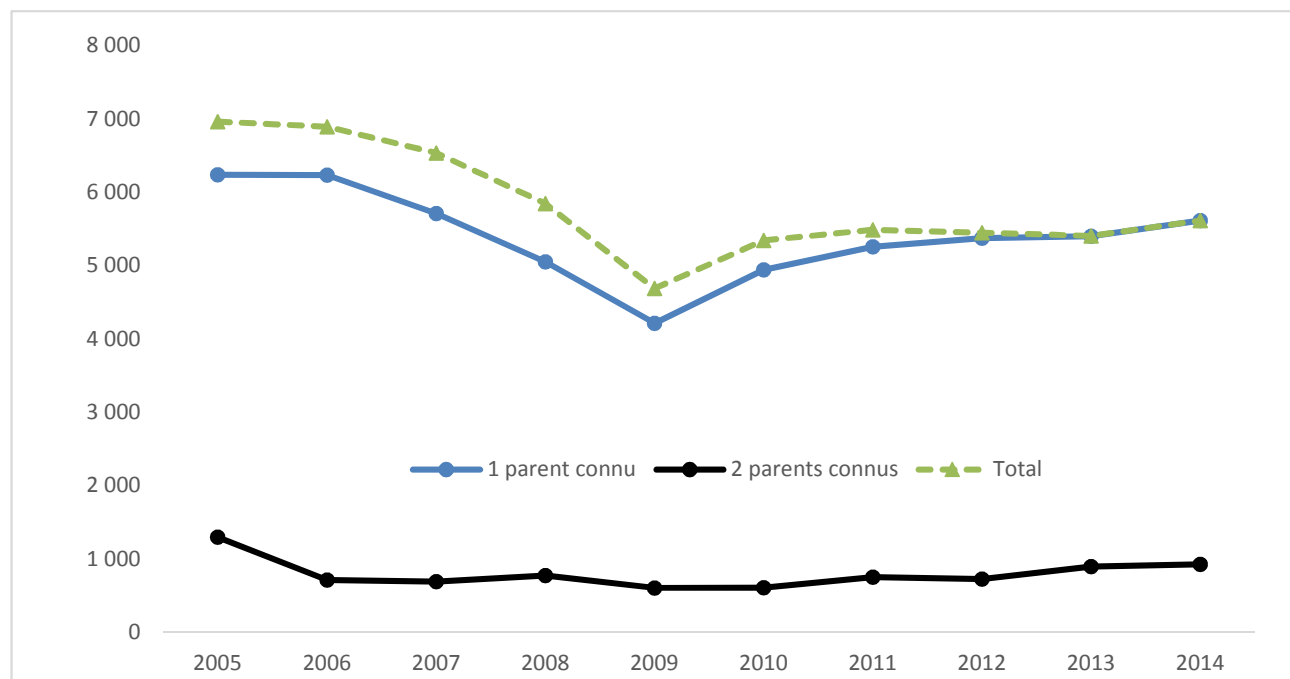
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	21 653	25
Nb pères différents	124	22
Nb max de descendants par père	134	2
Nb grands-pères paternels différents	42	17
Nb max de descendants par GPP	259	3
Nb mères différentes	13 181	23
Nb max de descendants par mère	7	2
Nb grands-pères maternels différents	196	17
Nb max de descendants par GPM	139	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 304	25

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 15%

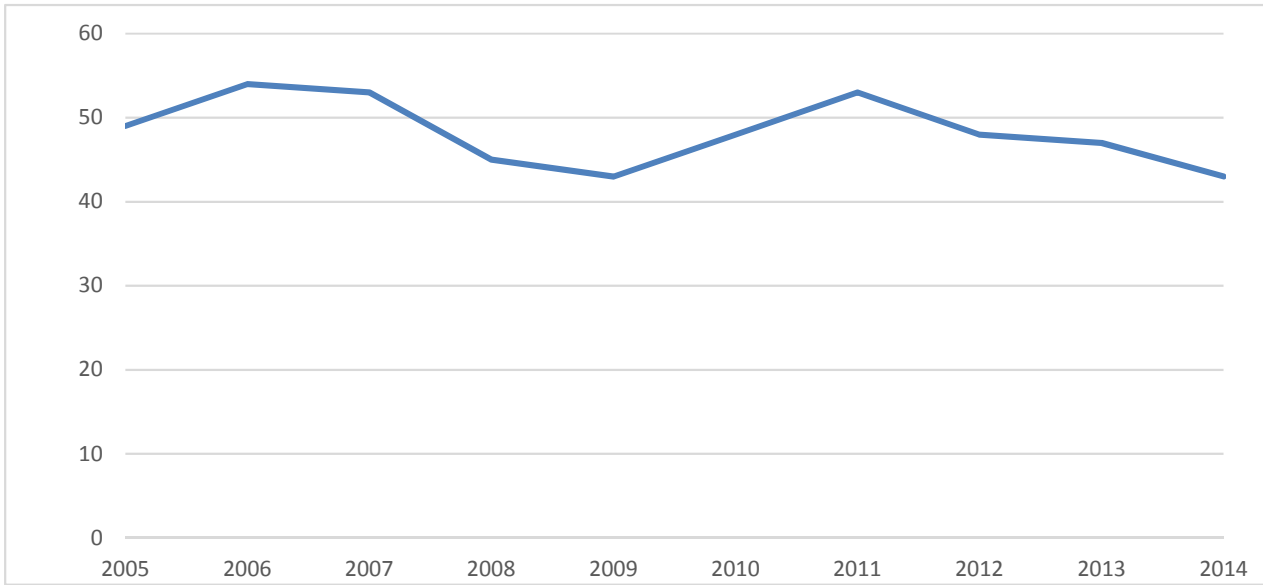
% femelles issues IA 5

Evolution de la population femelle

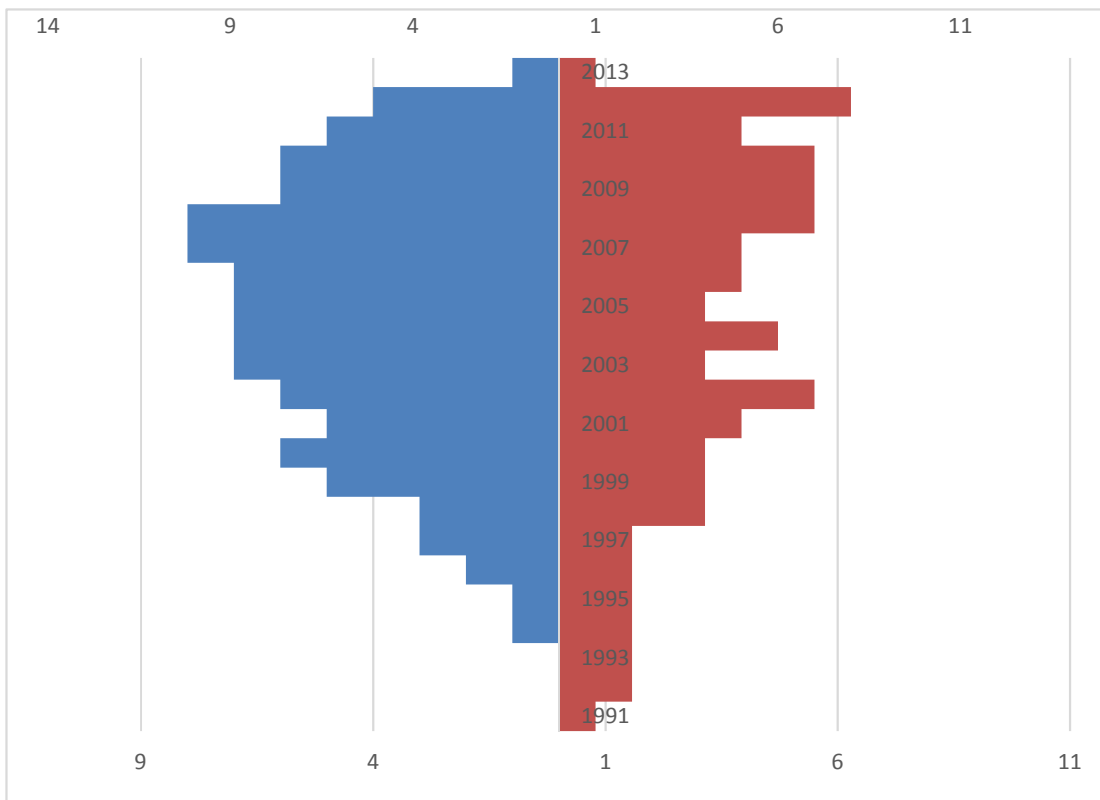
Croissance démographique ●-12

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

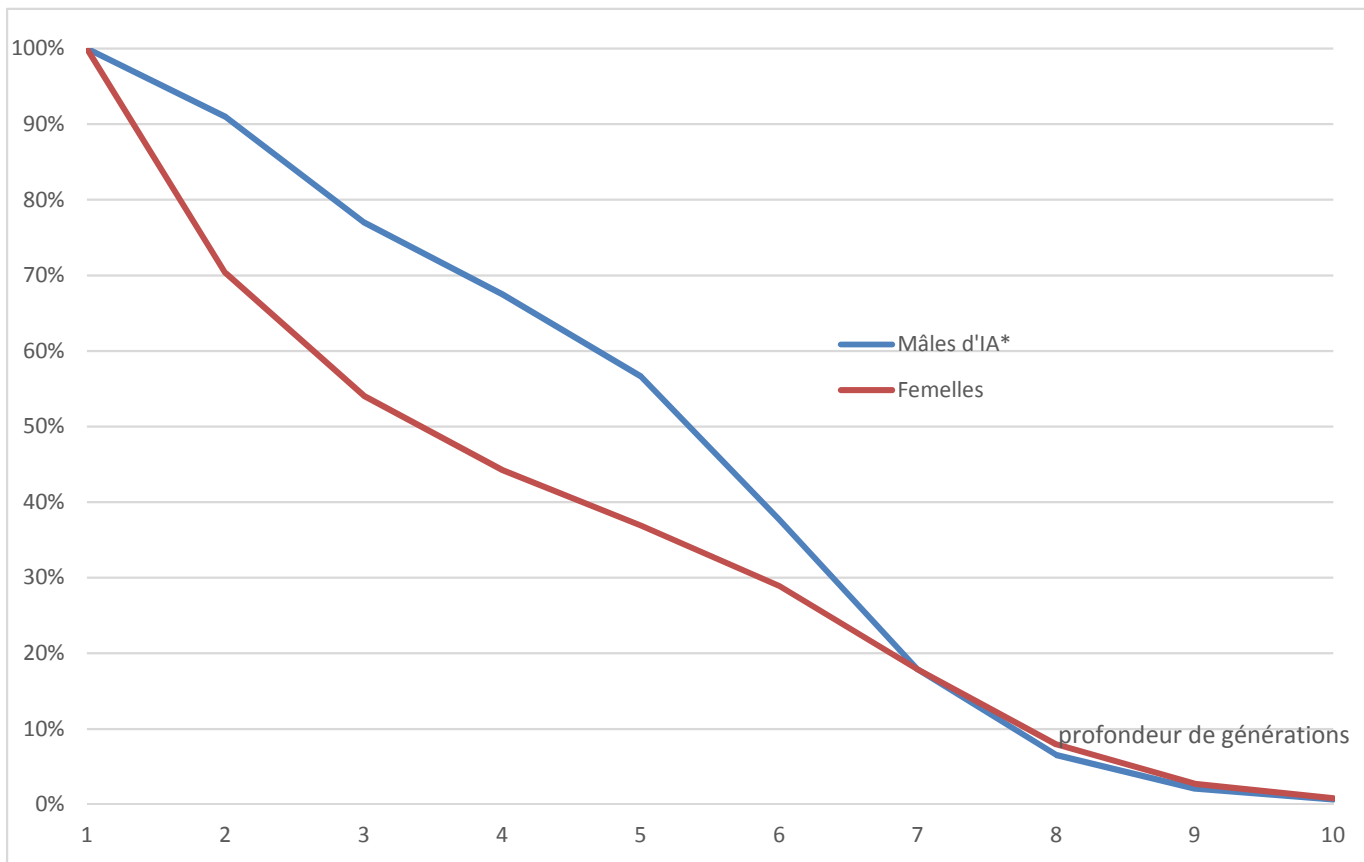
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,7
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,5
Moyenne 4 voies	3,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	3 304	25
Nb moyen de générations remontées	3,6	4,6
Nb moyen d'ancêtres connus	124	130
Nb maximum de générations remontées	15	13

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	4 422
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	266
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	108
Ratio Ae/Fe	40,8%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,4%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	53

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	31123001920019		M	1992	5,4%	5,4%	5,4%
2	09138014880053		M	1988	3,4%	3,4%	8,7%
3	14534970062		M	2007	2,9%	2,9%	11,6%
4	14574690079		M	2009	3,1%	2,4%	14,0%
5	27029290015		M	2009	2,2%	1,8%	15,9%
6	26659090187		M	2009	2,3%	1,8%	17,6%
7	14574680167		M	2008	1,9%	1,6%	19,2%
8	46682780043		M	2008	2,0%	1,5%	20,7%
9	14532810286		M	2011	1,4%	1,4%	22,1%
10	14532880365		M	2008	1,3%	1,3%	23,4%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	3,6
Consanguinité moyenne (%)	0,8
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	0,8
Consanguinité des parents (%)	0,1
Parentés des parents (%)	0,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	238
Taille efficace (méthode démographique)	491

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	59,7%
entre 0 à 3,125% inclus	35,7%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,1%
entre 12,5% à 25% inclus	0,9%
plus de 25%	0,2%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	2,3%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-0,6

