

BERRICHON DU CHER**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

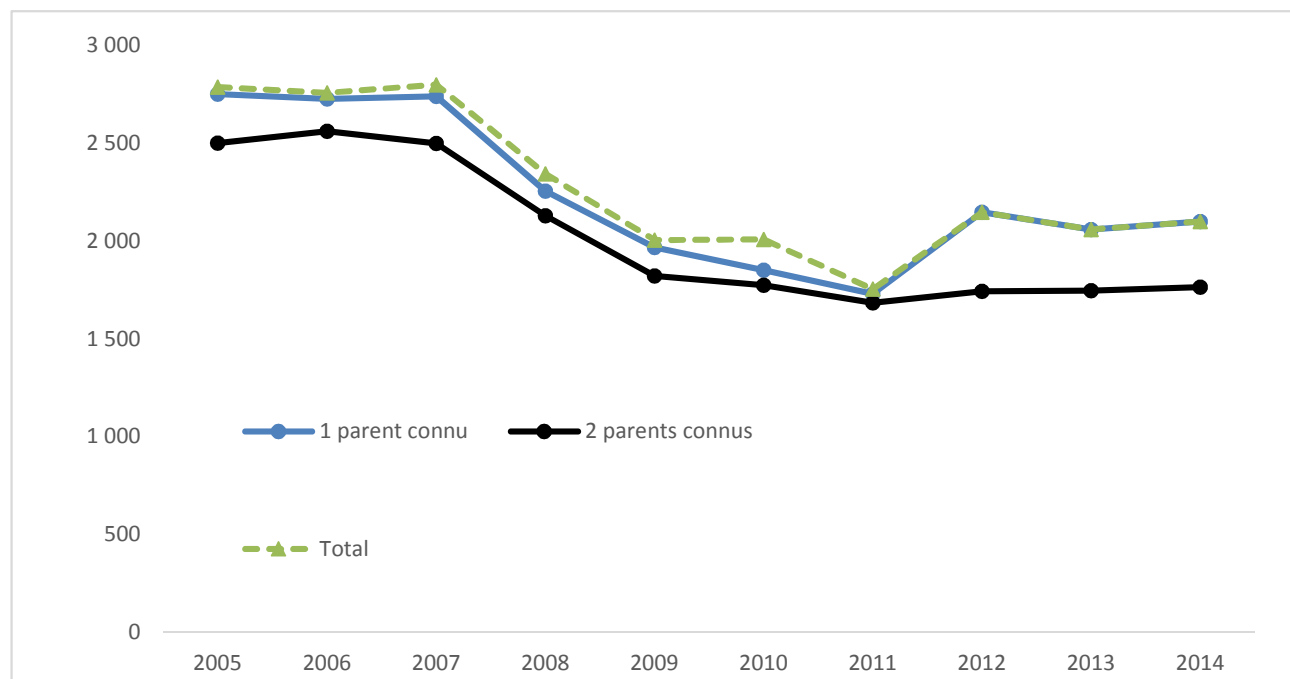
Femelles

Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	8 041	61
Nb pères différents	192	37
Nb max de descendants par père	259	4
Nb grands-pères paternels différents	74	28
Nb max de descendants par GPP	500	5
Nb mères différentes	4 038	61
Nb max de descendants par mère	9	1
Nb grands-pères maternels différents	275	28
Nb max de descendants par GPM	316	10
Nb d'animaux avec deux parents connus	6 942	61

* père des femelles

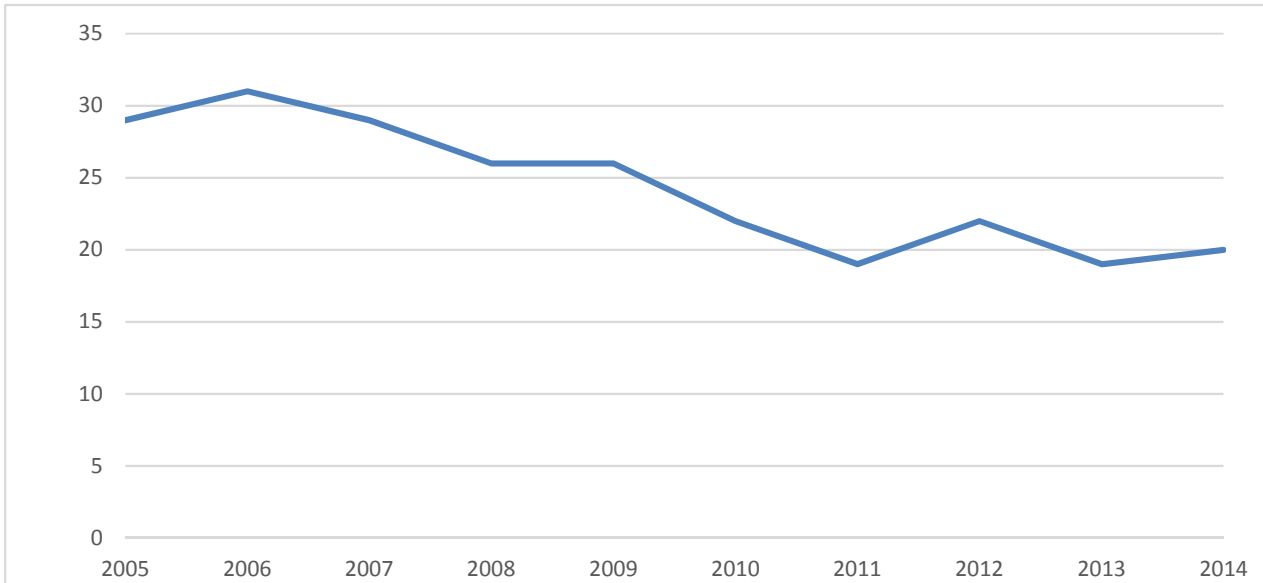
% femelles issues IA 42

Evolution de la population femelle

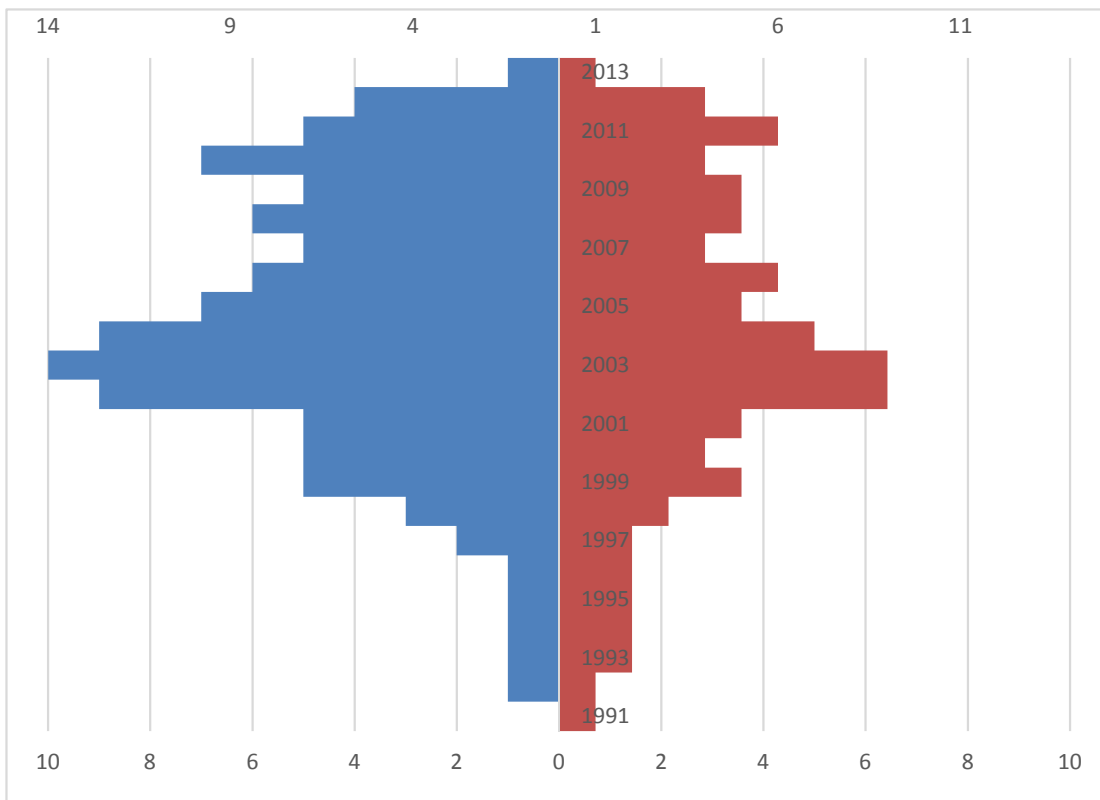
Croissance démographique ● -21

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

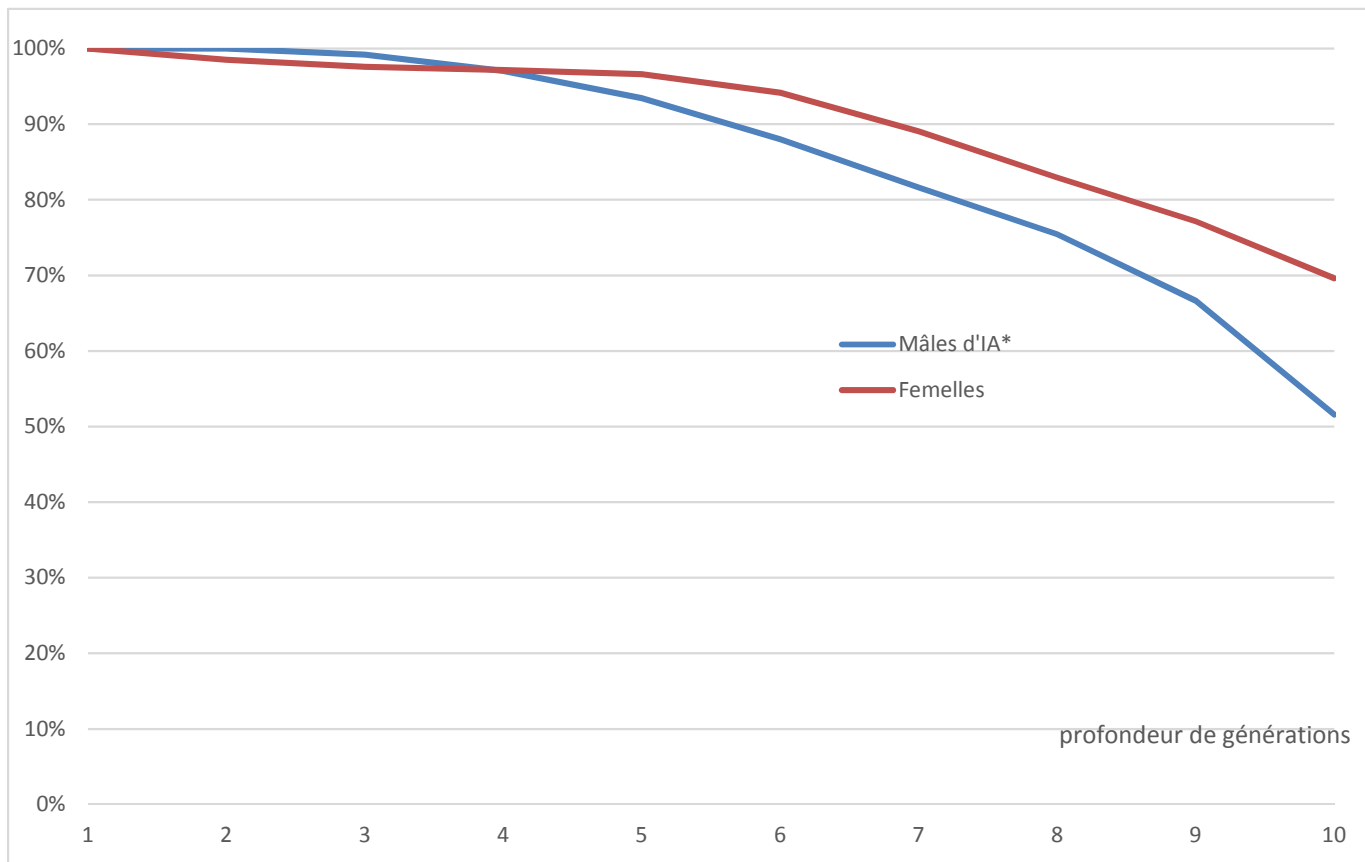
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	4,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,9
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,8
Moyenne 4 voies	4,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	6 942	61
Nb moyen de générations remontées	10,3	9,1
Nb moyen d'ancêtres connus	9 600	4 074
Nb maximum de générations remontées	26	23

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	1 373
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	70
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	25
Ratio Ae/Fe	34,9%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	10,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	9

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	18173041890581		M	1990	10,9%	10,9%	10,9%
2	18084145980356		M	1999	10,2%	9,0%	19,9%
3	18173013710882		M	1972	8,9%	6,7%	26,6%
4	18084145810584		M	1982	7,5%	6,0%	32,6%
5	18084145930139		M	1994	6,5%	5,6%	38,2%
6	18084145900569		M	1991	4,9%	4,0%	42,2%
7	18084145900642		M	1991	4,1%	3,6%	45,8%
8	18084145950303		M	1996	4,8%	2,8%	48,6%
9	18173041030040		M	2003	3,5%	2,8%	51,4%
10	41106017960542		M	1997	5,4%	2,7%	54,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	10,3
Consanguinité moyenne (%)	4,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,7
Parenté (%)	5,5
Consanguinité des parents (%)	3,8
Parentés des parents (%)	3,9
Taille efficace (méthode Cervantès)	92
Taille efficace (méthode démographique)	733

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

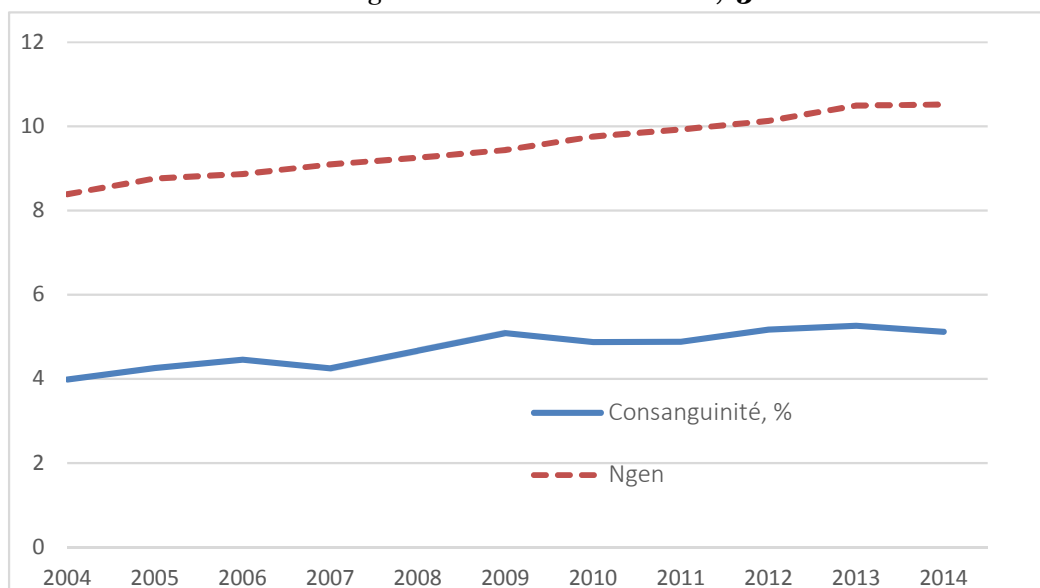
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	2,5%
entre 0 à 3,125% inclus	23,5%
entre 3,125% à 6,25% inclus	58,3%
entre 6,25% à 12,5% inclus	12,8%
entre 12,5% à 25% inclus	2,3%
plus de 25%	0,6%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **15,7%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans **1,13**



CHARMOISE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

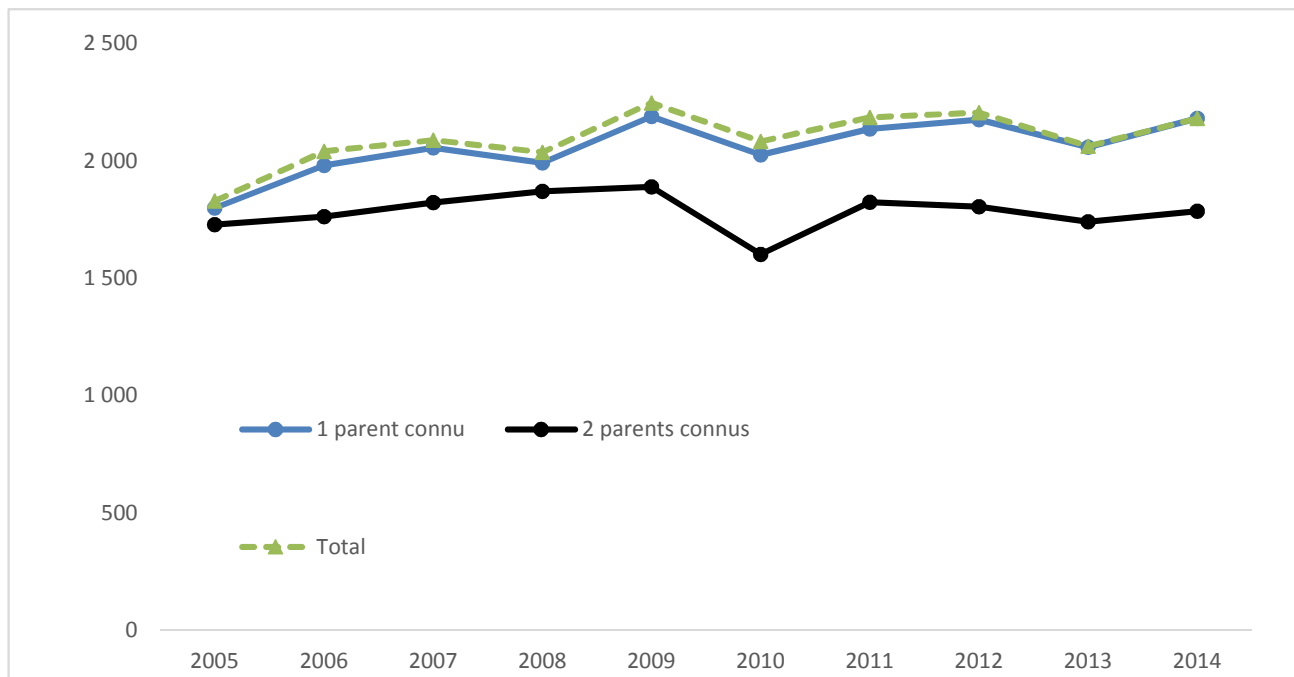
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	8 552	11
Nb pères différents	258	11
Nb max de descendants par père	200	1
Nb grands-pères paternels différents	136	11
Nb max de descendants par GPP	371	1
Nb mères différentes	4 874	11
Nb max de descendants par mère	8	1
Nb grands-pères maternels différents	400	11
Nb max de descendants par GPM	228	1
Nb d'animaux avec deux parents connus	7 157	11

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 83%

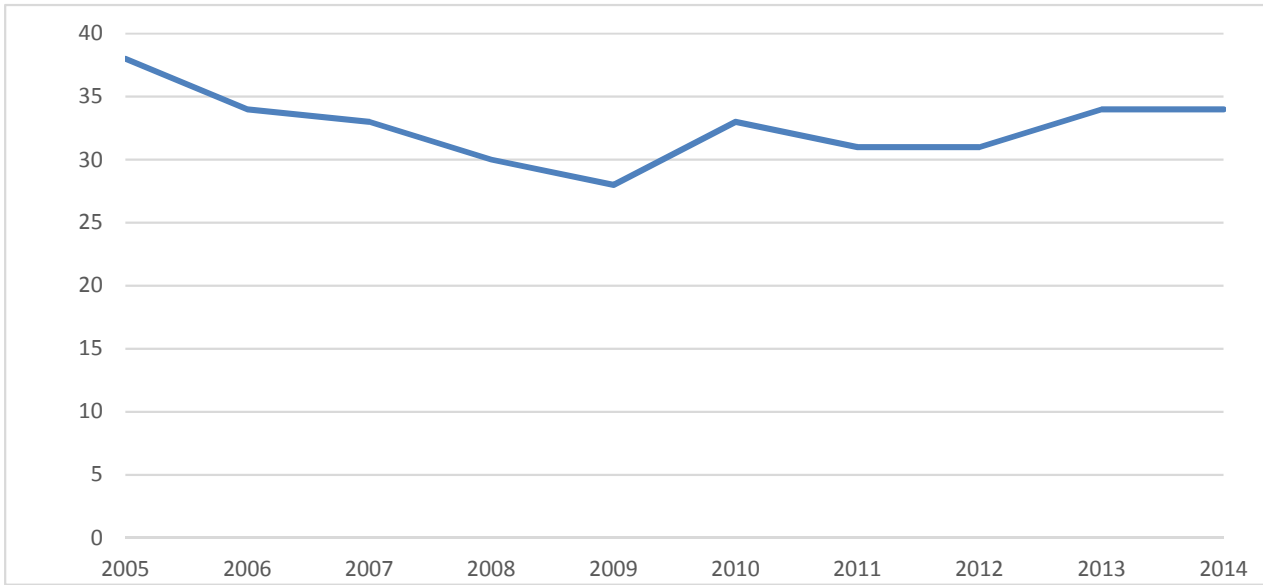
% femelles issues IA 2

Evolution de la population femelle

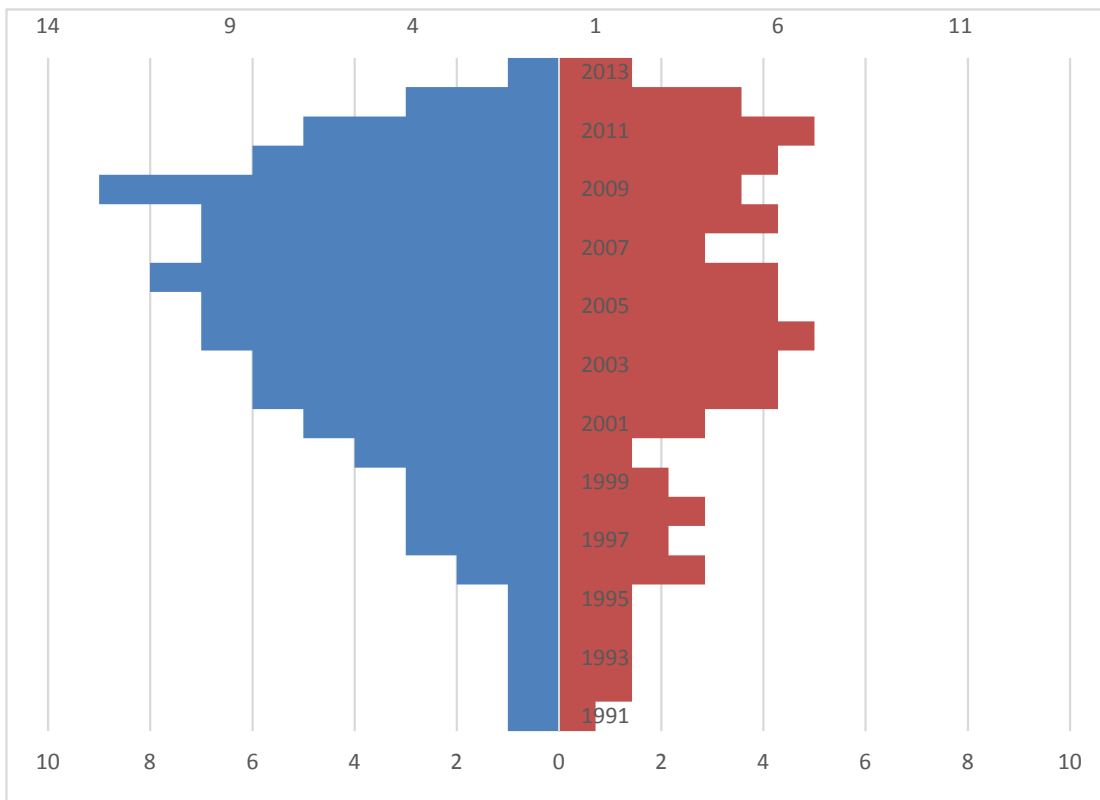
Croissance démographique ●5

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

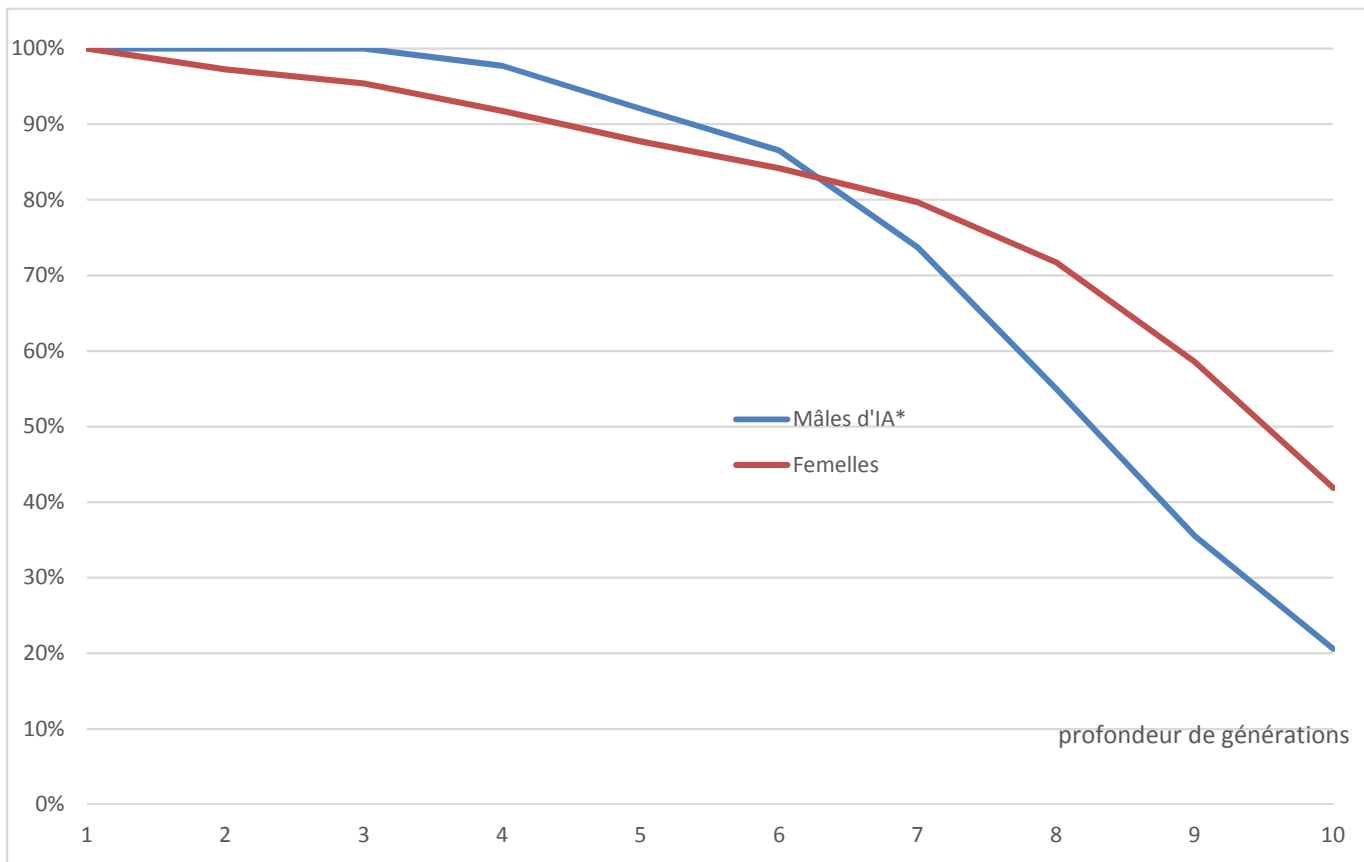
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,1
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,0
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,7
Moyenne 4 voies	3,5

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	7 157	11
Nb moyen de générations remontées	8,6	7,8
Nb moyen d'ancêtres connus	3 282	1 328
Nb maximum de générations remontées	21	17

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	1 357
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	129
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	45
Ratio Ae/Fe	34,5%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	6,4%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	15

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	32360042900022	M	1990	6,4%	6,4%	6,4%
2	36163809960278	M	1996	6,1%	6,1%	12,6%
3	86273354960119	M	1996	5,5%	5,5%	18,0%
4	63378002900001	M	1990	3,6%	3,6%	21,6%
5	23164371810139	M	1982	5,0%	3,5%	25,1%
6	09103043920049	M	1992	3,2%	3,2%	28,3%
7	09103043880033	M	1988	2,9%	2,9%	31,2%
8	81196413860005	M	1986	3,6%	2,9%	34,2%
9	63378002970090	M	1997	3,2%	2,9%	37,0%
10	03039049800119	M	1980	3,7%	2,7%	39,7%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	8,6
Consanguinité moyenne (%)	2,4
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,6
Parenté (%)	2,7
Consanguinité des parents (%)	2,0
Parentés des parents (%)	2,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	156
Taille efficace (méthode démographique)	980

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

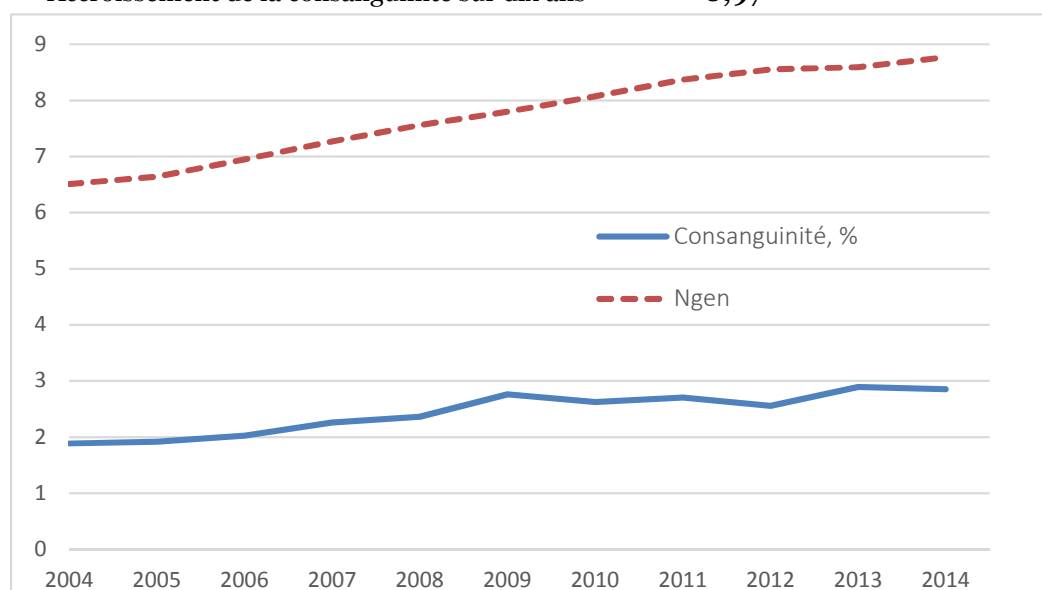
0% de consanguinité	6,1%
entre 0 à 3,125% inclus	73,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	15,9%
entre 6,25% à 12,5% inclus	3,3%
entre 12,5% à 25% inclus	0,8%
plus de 25%	0,8%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **4,9%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,97



MOUTONS CHAROLLAIS**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

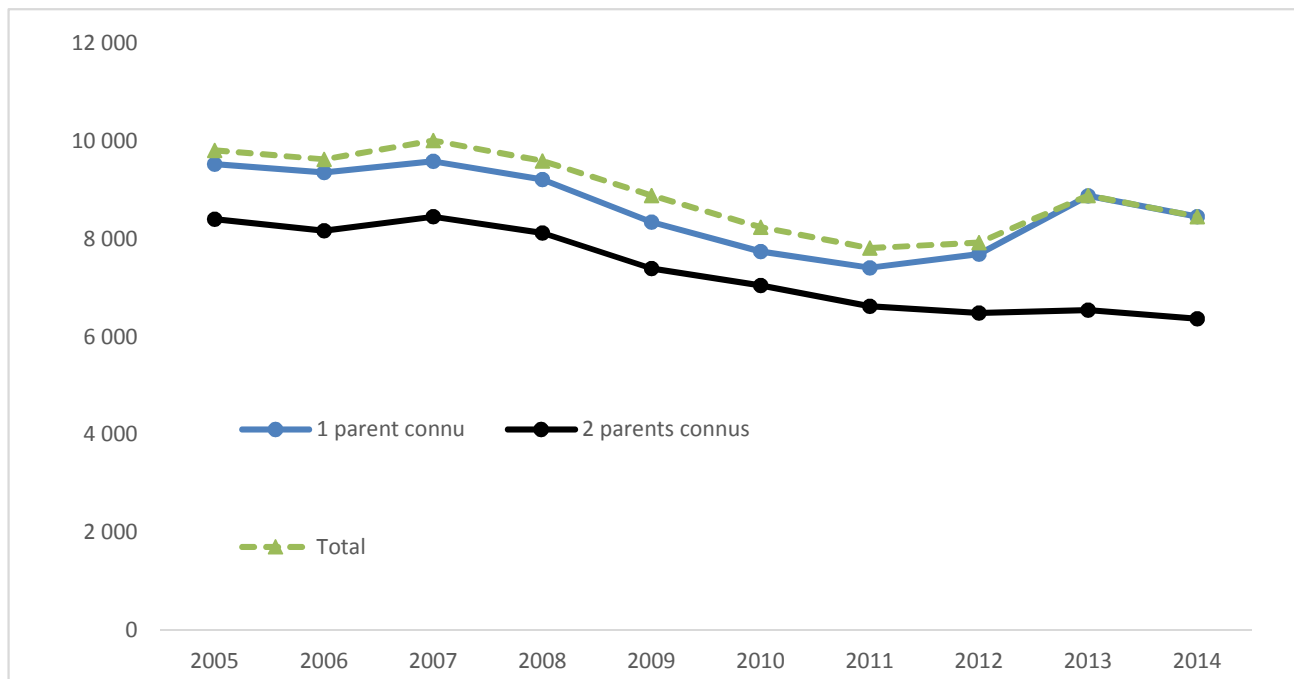
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	32 471	65
Nb pères différents	1 206	50
Nb max de descendants par père	365	6
Nb grands-pères paternels différents	505	43
Nb max de descendants par GPP	1 391	6
Nb mères différentes	15 815	63
Nb max de descendants par mère	9	2
Nb grands-pères maternels différents	1 684	43
Nb max de descendants par GPM	361	8
Nb d'animaux avec deux parents connus	26 050	64

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 79%

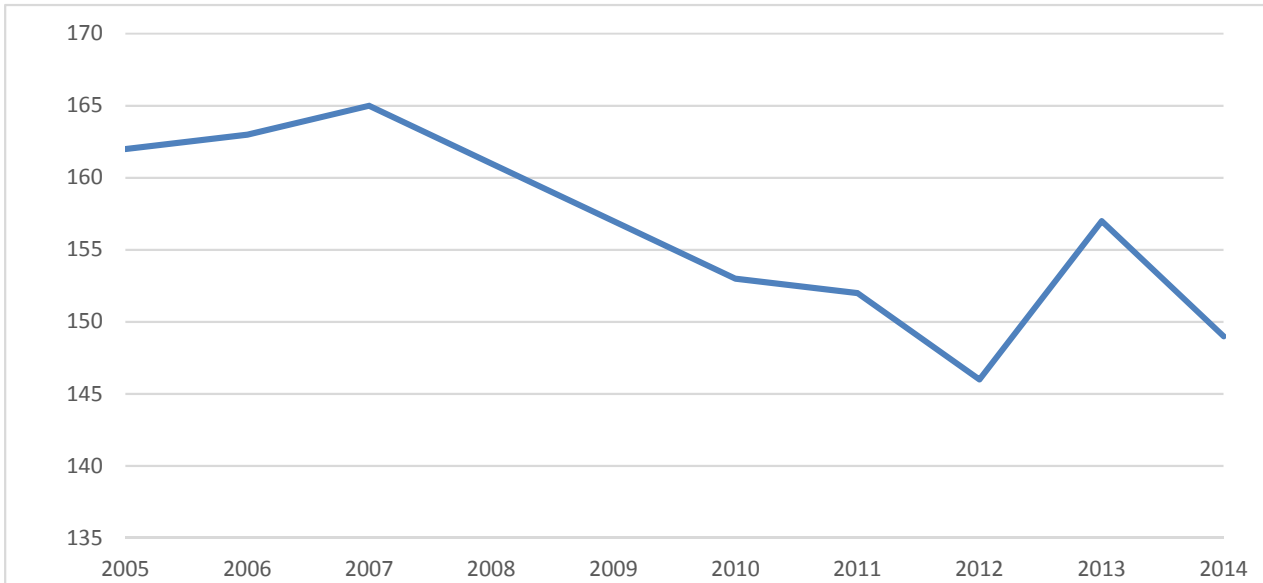
% femelles issues IA 8

Evolution de la population femelle

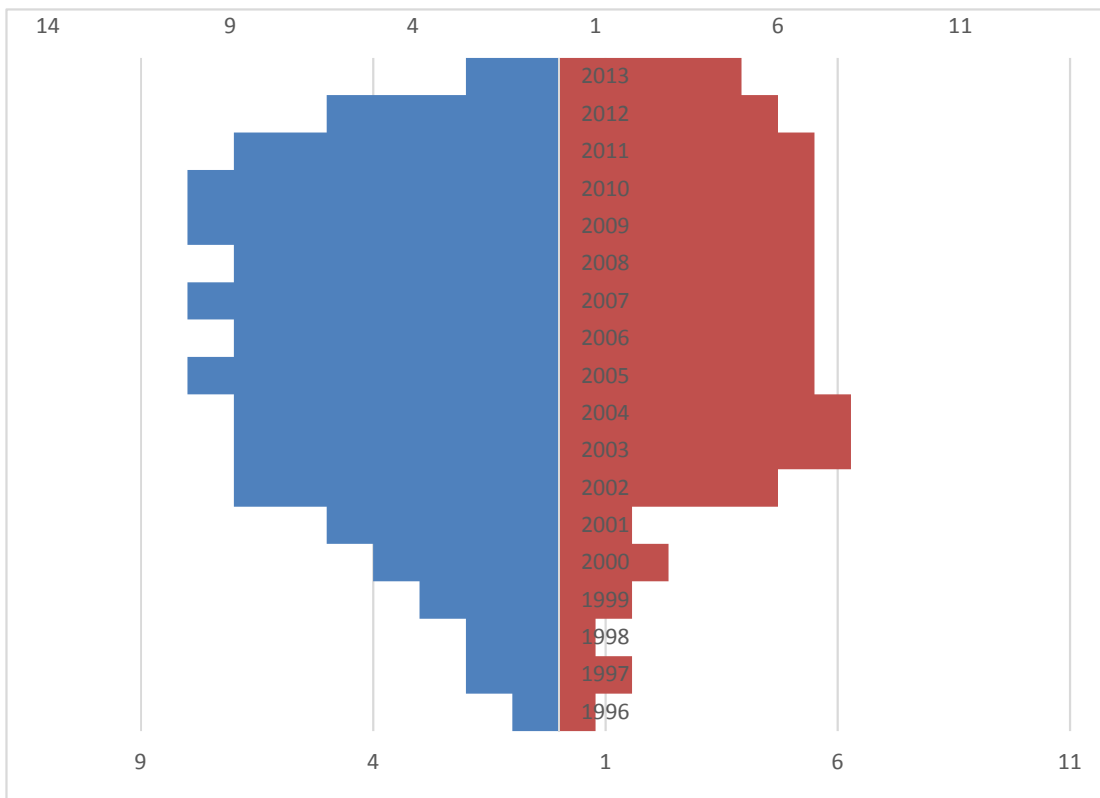
Croissance démographique ●-14

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

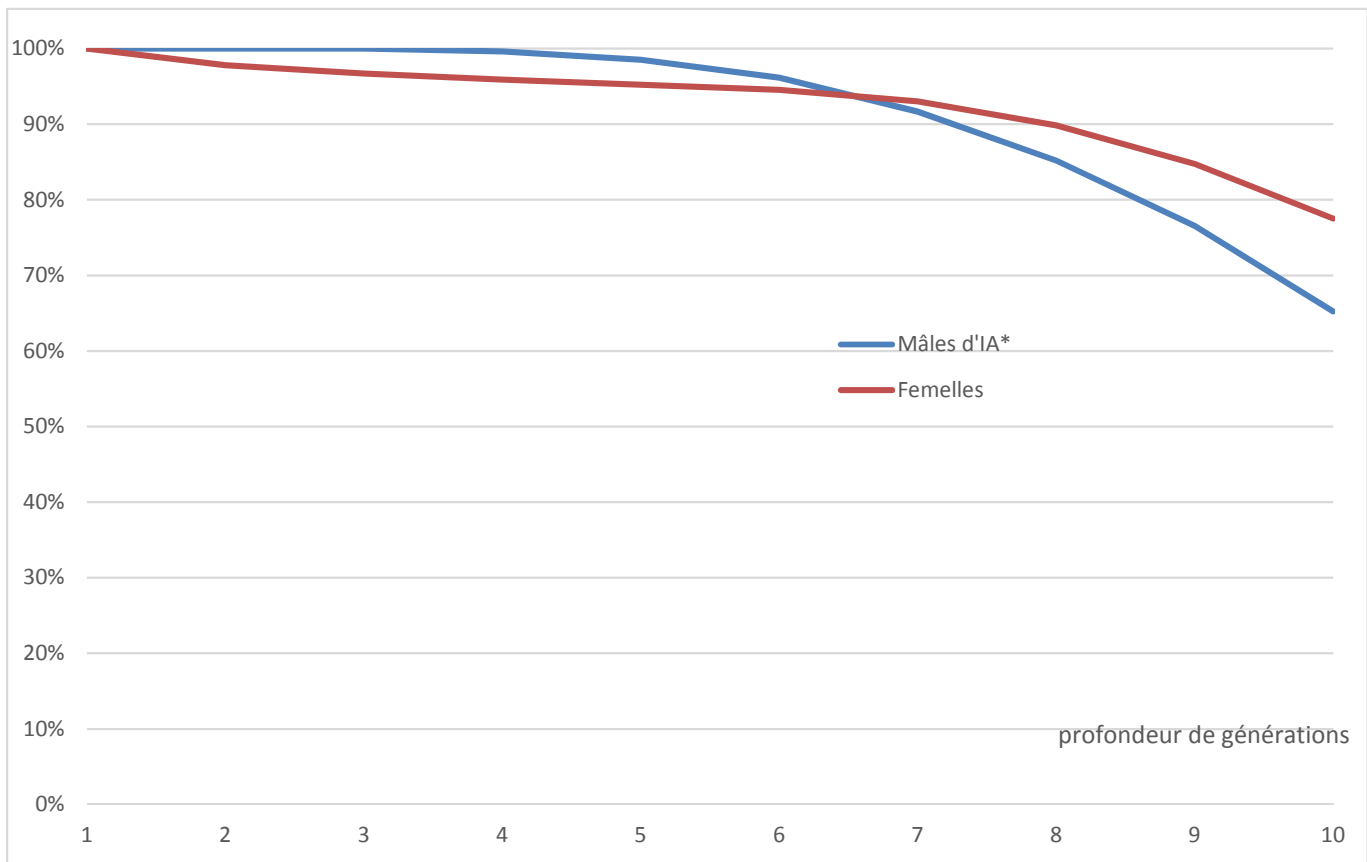
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,7
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,6
Moyenne 4 voies	3,1

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	26 050	64
Nb moyen de générations remontées	11,8	10,7
Nb moyen d'ancêtres connus	80 018	33 046
Nb maximum de générations remontées	32	31

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	3 603
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	204
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	63
Ratio Ae/Fe	31,0%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	6,4%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	25

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	71086288940012	M	1994	6,4%	6,4%	6,4%
2	71106031030043	M	2003	4,6%	4,1%	10,4%
3	18024092900114	M	1990	3,9%	3,9%	14,3%
4	71552250780023	M	1978	4,1%	3,6%	17,9%
5	71285288860038	M	1986	3,5%	3,4%	21,3%
6	71016029030029	M	2003	3,4%	2,6%	23,9%
7	71222230000024	M	2000	2,7%	2,4%	26,3%
8	71562069810007	M	1981	3,9%	2,2%	28,5%
9	71562069830106	M	1983	3,3%	2,2%	30,6%
10	71111016930004	M	1993	2,7%	2,0%	32,7%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	11,8
Consanguinité moyenne (%)	2,3
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,5
Parenté (%)	2,1
Consanguinité des parents (%)	1,8
Parentés des parents (%)	1,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	280
Taille efficace (méthode démographique)	4 482

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

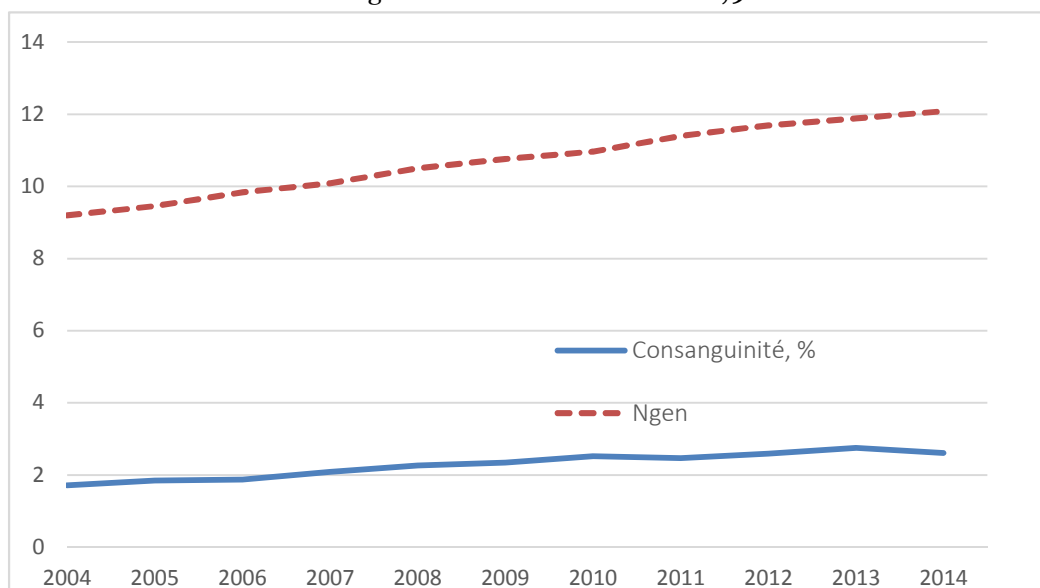
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	4,1%
entre 0 à 3,125% inclus	80,6%
entre 3,125% à 6,25% inclus	10,6%
entre 6,25% à 12,5% inclus	2,9%
entre 12,5% à 25% inclus	1,0%
plus de 25%	0,7%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	4,7%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,9



ILE DE FRANCE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

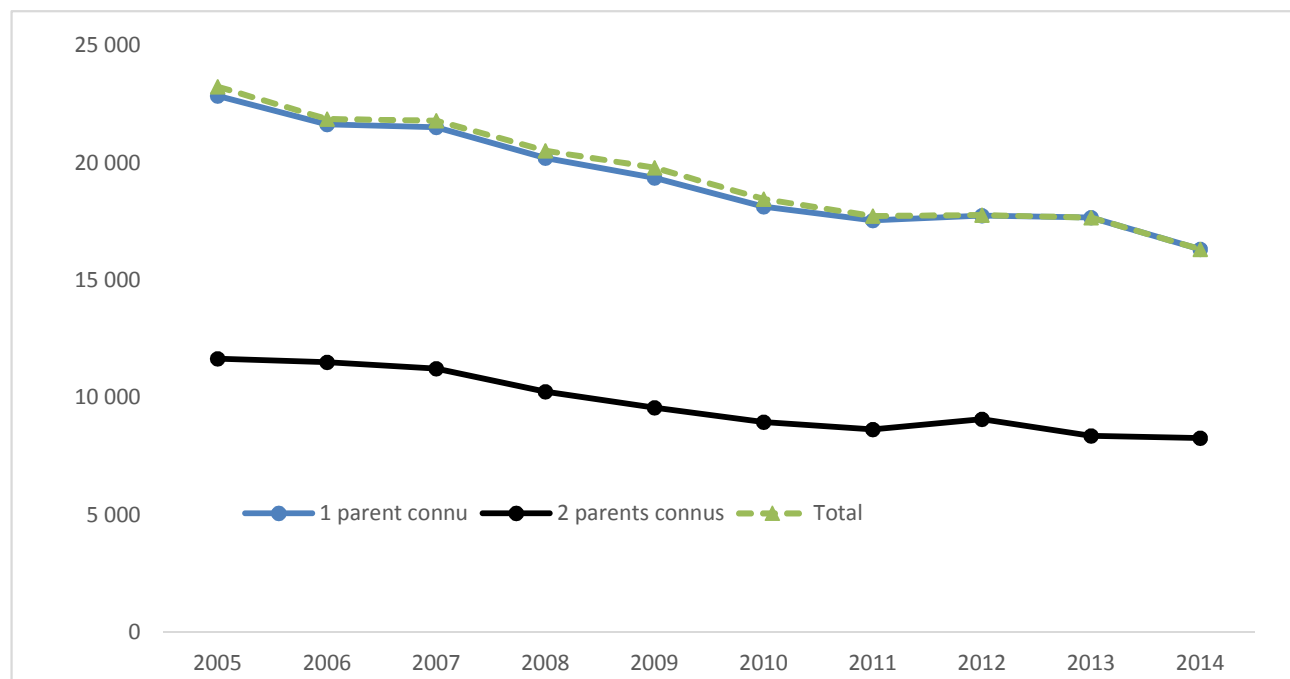
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	69 267	102
Nb pères différents	961	63
Nb max de descendants par père	437	9
Nb grands-pères paternels différents	348	54
Nb max de descendants par GPP	1 623	10
Nb mères différentes	31 766	100
Nb max de descendants par mère	10	2
Nb grands-pères maternels différents	1 661	54
Nb max de descendants par GPM	872	4
Nb d'animaux avec deux parents connus	34 364	102

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 49%

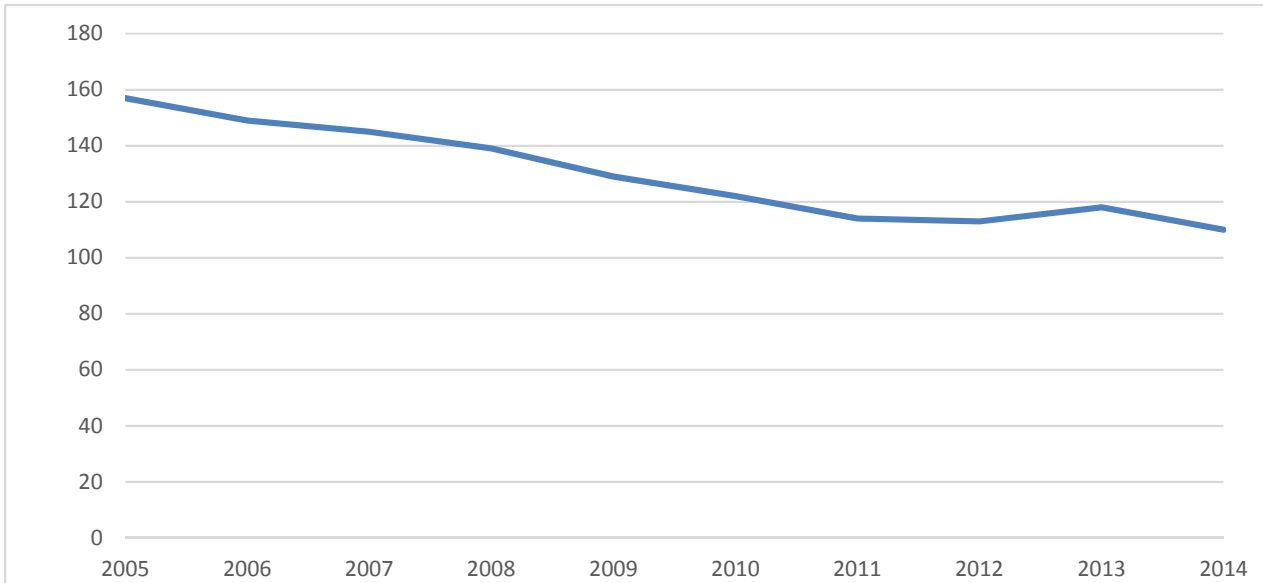
% femelles issues IA 13

Evolution de la population femelle

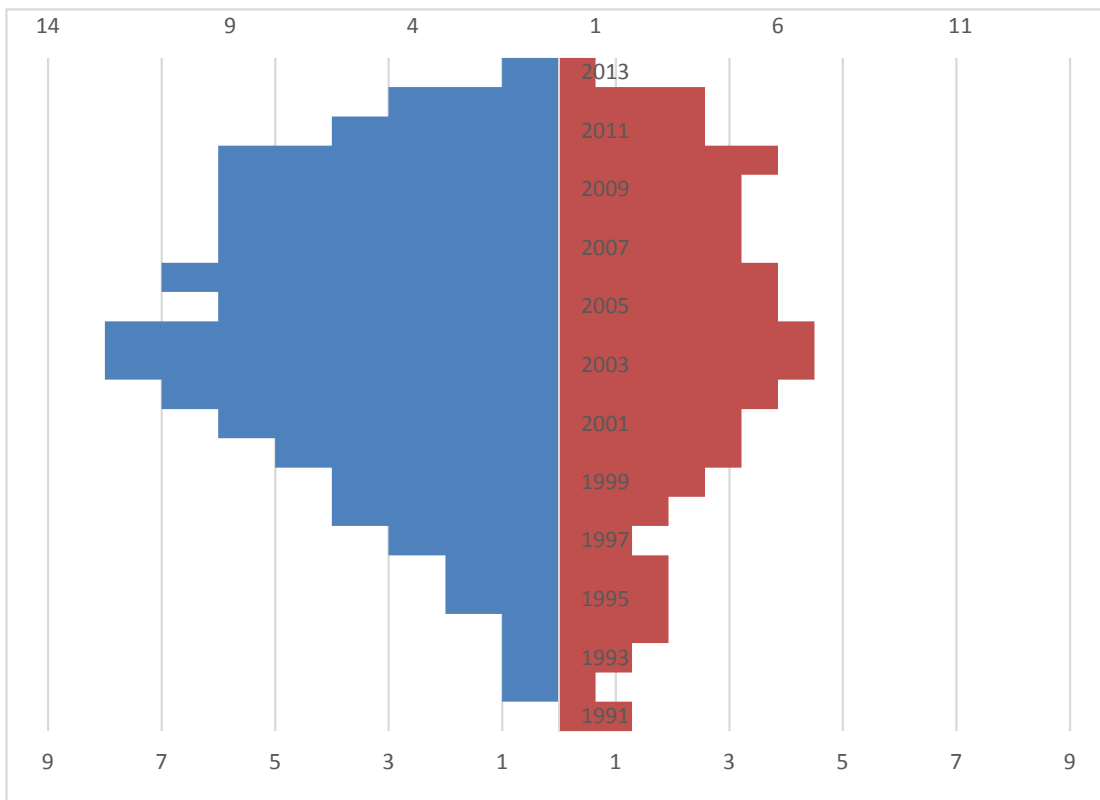
Croissance démographique ●-18

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

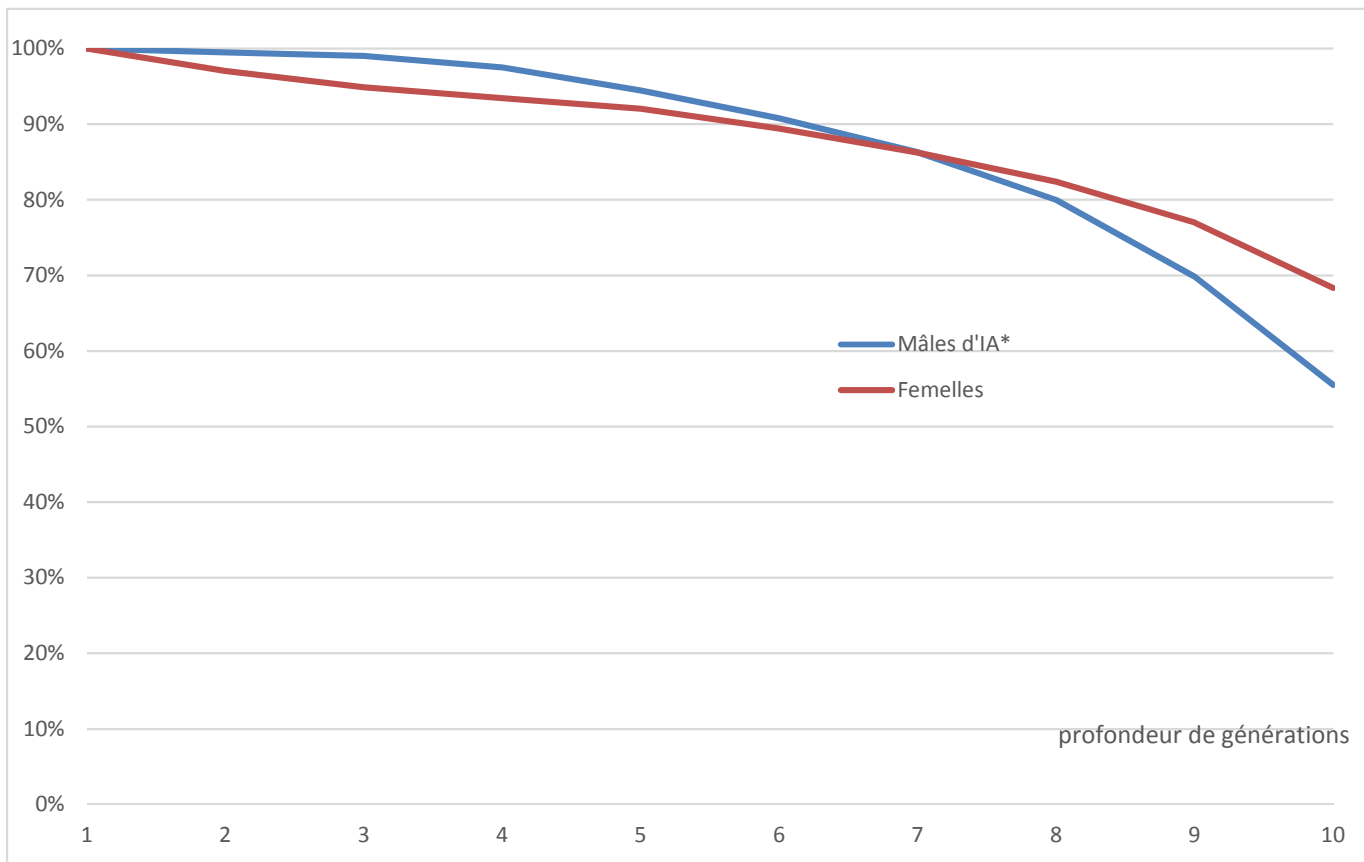
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,7
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,3
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,3
Moyenne 4 voies	3,9

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	34 364	102
Nb moyen de générations remontées	10,1	9,5
Nb moyen d'ancêtres connus	9 103	4 812
Nb maximum de générations remontées	22	19

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	8 956
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	402
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	87
Ratio Ae/Fe	21,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	3,7%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	29

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	27206045860141	M	1987	3,7%	3,7%	3,7%
2	02564006870175	M	1988	3,1%	3,1%	6,7%
3	60345001800316	M	1981	3,0%	3,0%	9,7%
4	21276003810234	M	1982	3,0%	3,0%	12,7%
5	03069042970124	M	1997	3,0%	2,7%	15,4%
6	60345001020470	M	2002	2,8%	2,5%	17,9%
7	60345001030151	M	2003	2,6%	2,4%	20,3%
8	21490005870052	M	1988	2,3%	2,2%	22,4%
9	21587017930037	M	1994	2,8%	2,1%	24,5%
10	60396050000027	M	2000	2,5%	2,1%	26,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	10,1
Consanguinité moyenne (%)	1,8
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,8
Parenté (%)	1,4
Consanguinité des parents (%)	0,9
Parentés des parents (%)	0,5
Taille efficace (méthode Cervantès)	371
Taille efficace (méthode démographique)	3 731

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

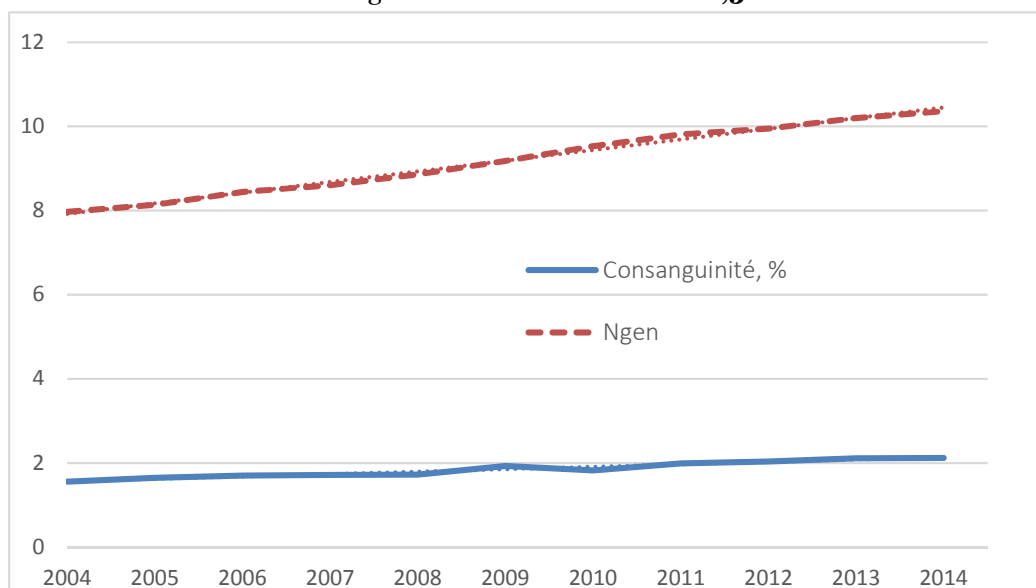
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	6,6%
entre 0 à 3,125% inclus	80,3%
entre 3,125% à 6,25% inclus	7,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	2,9%
entre 12,5% à 25% inclus	1,8%
plus de 25%	0,9%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	5,6%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,56



ROUGE DE L'OUEST**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

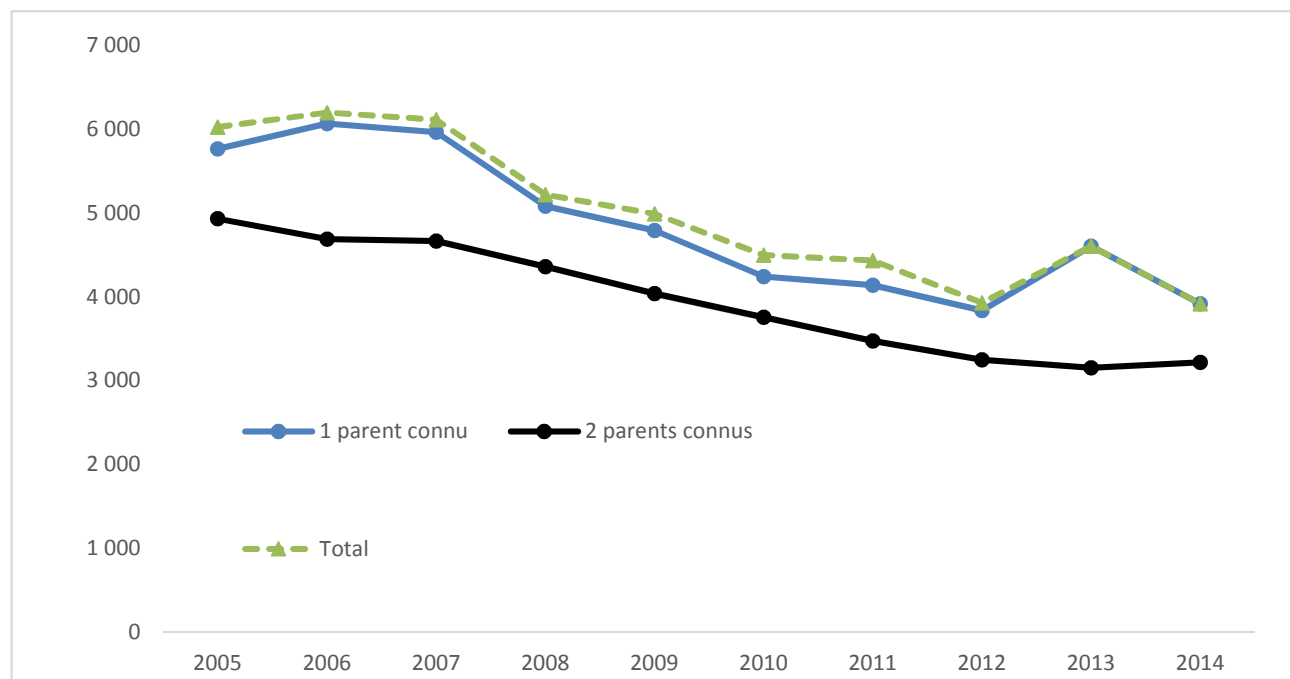
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	16 511	53
Nb pères différents	348	37
Nb max de descendants par père	201	5
Nb grands-pères paternels différents	126	29
Nb max de descendants par GPP	971	7
Nb mères différentes	7 684	53
Nb max de descendants par mère	9	1
Nb grands-pères maternels différents	537	29
Nb max de descendants par GPM	318	5
Nb d'animaux avec deux parents connus	13 113	53

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 78%

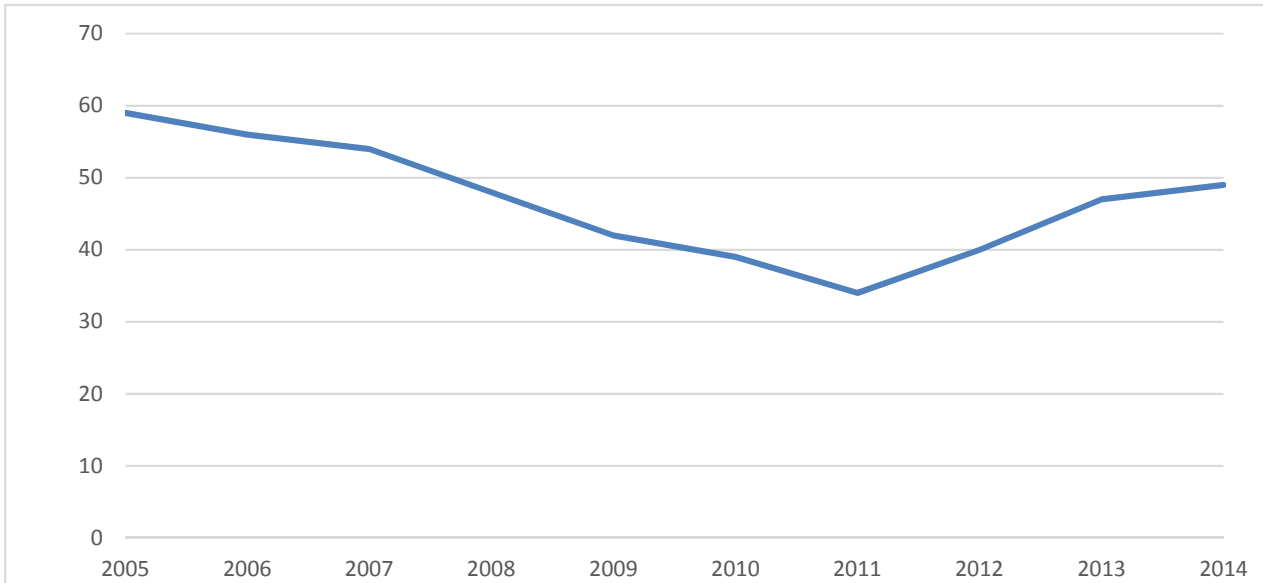
% femelles issues IA 14

Evolution de la population femelle

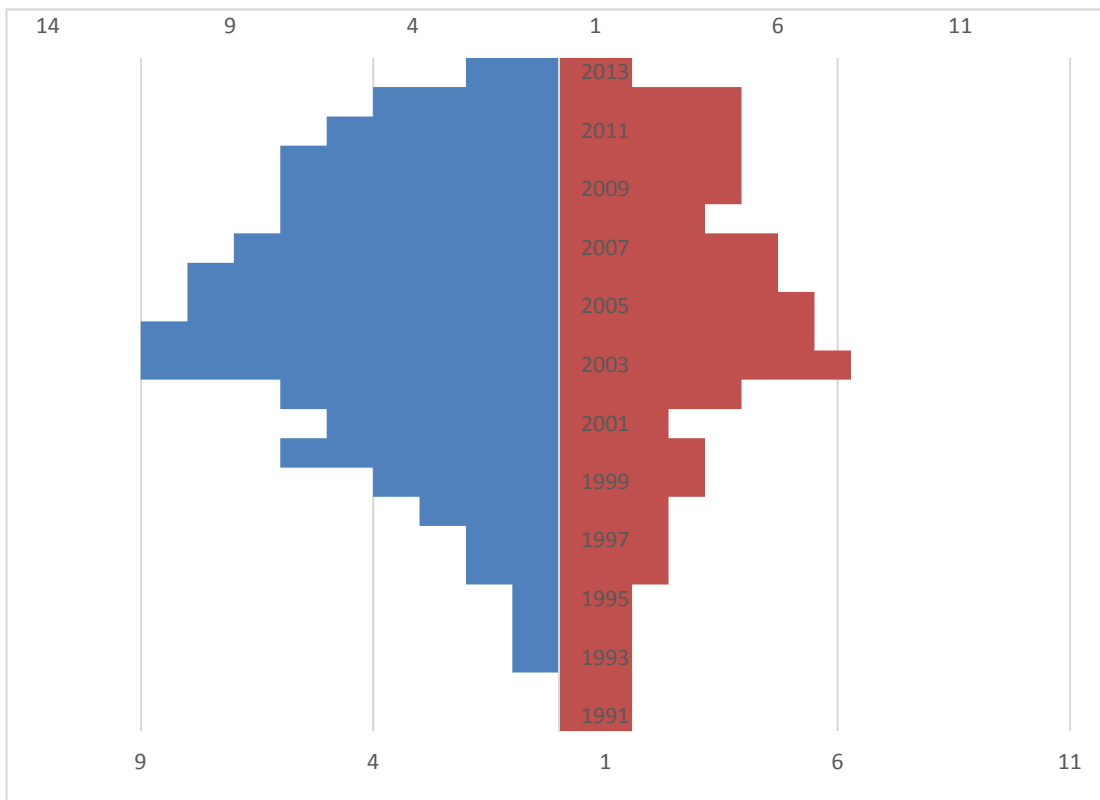
Croissance démographique ● -25

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

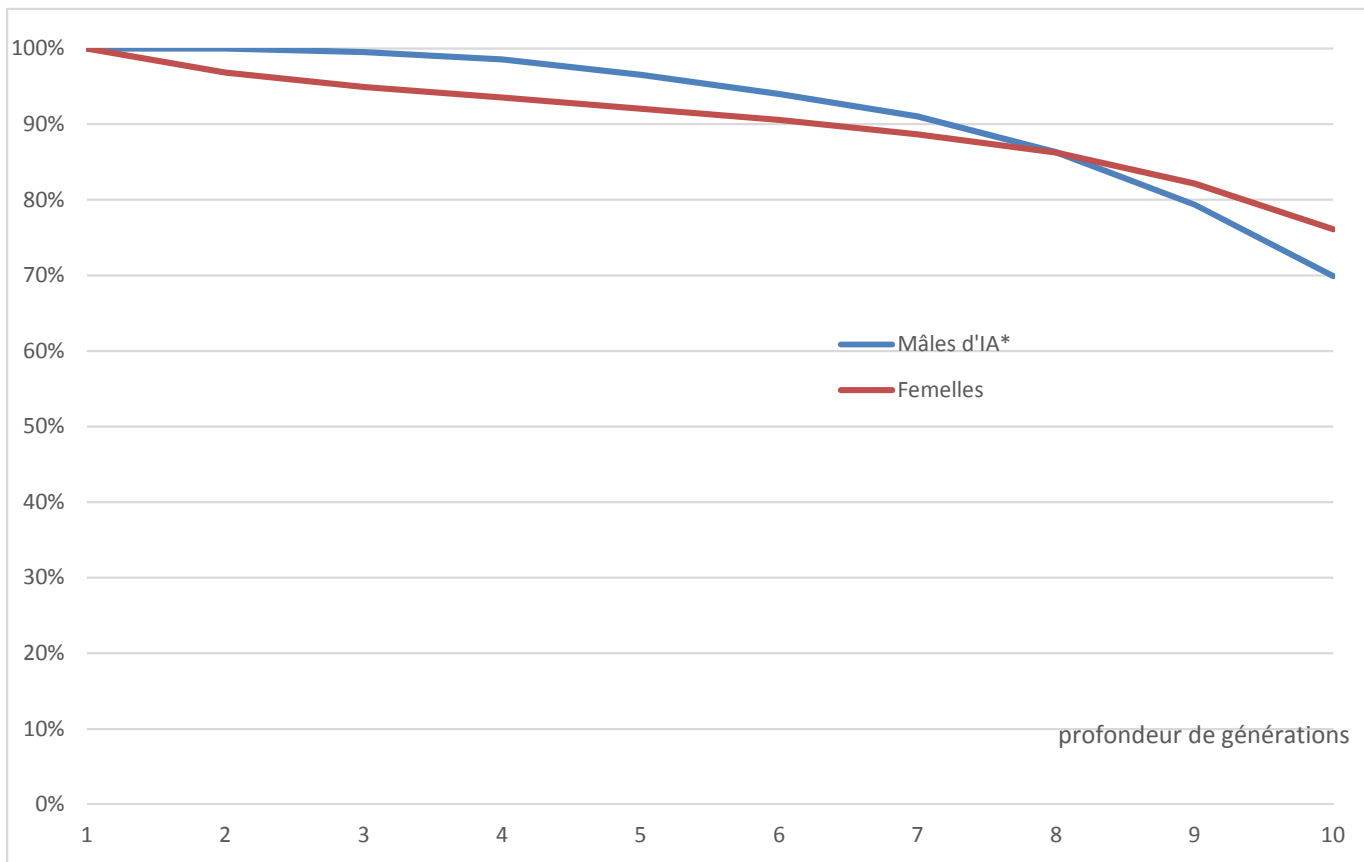
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,1
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,7
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,6
Moyenne 4 voies	3,4

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	13 113	53
Nb moyen de générations remontées	11,4	10,8
Nb moyen d'ancêtres connus	47 152	22 984
Nb maximum de générations remontées	27	25

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	3 267
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	183
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	53
Ratio Ae/Fe	29,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	7,4%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	20

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	44075249980392	M	1998	7,4%	7,4%	7,4%
2	72343070030028	M	2003	4,3%	4,3%	11,7%
3	22149010850059	M	1985	4,4%	3,9%	15,6%
4	79072100810027	M	1981	3,8%	3,5%	19,1%
5	44144001890068	M	1989	3,4%	3,2%	22,3%
6	44144001800031	M	1980	3,4%	2,8%	25,1%
7	79116194030496	M	2003	3,3%	2,7%	27,8%
8	79017022870067	M	1987	2,8%	2,3%	30,1%
9	22149010810252	M	1981	3,6%	2,3%	32,4%
10	72343070970037	M	1997	2,9%	2,1%	34,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	11,4
Consanguinité moyenne (%)	2,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,6
Parenté (%)	2,7
Consanguinité des parents (%)	1,5
Parentés des parents (%)	1,4
Taille efficace (méthode Cervantès)	212
Taille efficace (méthode démographique)	1 332

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

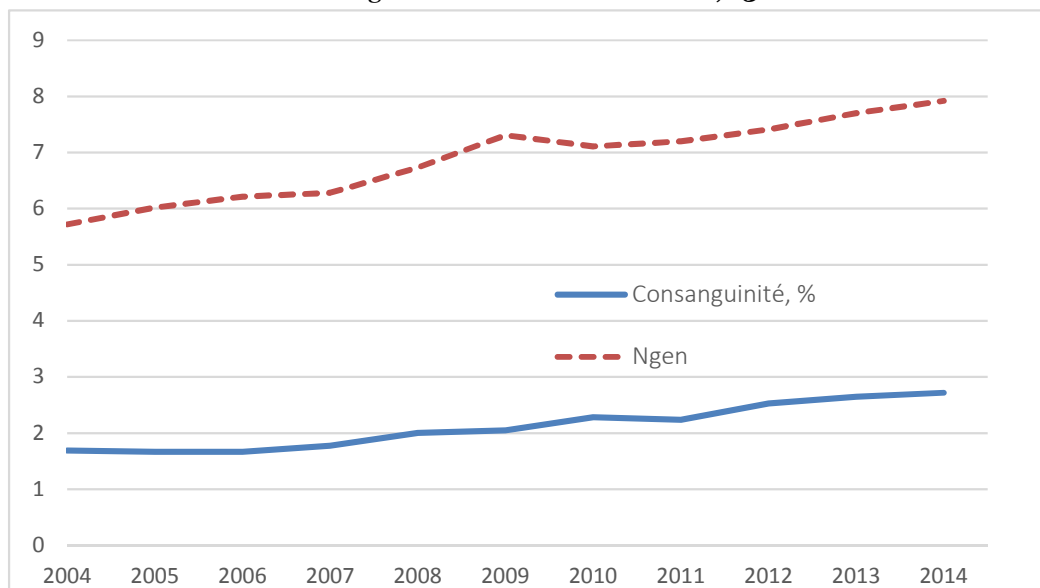
0% de consanguinité	8,1%
entre 0 à 3,125% inclus	79,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	9,5%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,9%
entre 12,5% à 25% inclus	0,6%
plus de 25%	0,8%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **3,3%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

1,03



ROUSSIN**Informations démographiques**

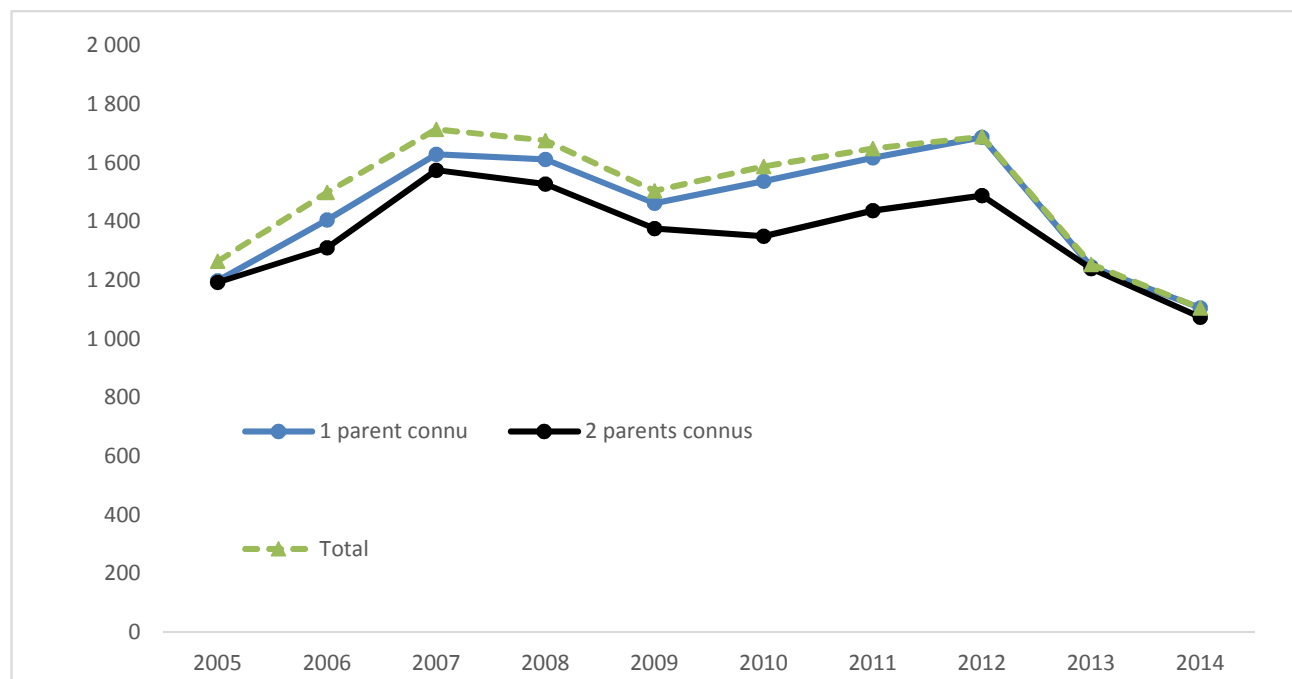
Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	5 659
Nb pères différents	166
Nb max de descendants par père	174
Nb grands-pères paternels différents	78
Nb max de descendants par GPP	432
Nb mères différentes	2 791
Nb max de descendants par mère	7
Nb grands-pères maternels différents	258
Nb max de descendants par GPM	163
Nb d'animaux avec deux parents connus	5 241

Rapport 2 parents connus/total des femelles 92%

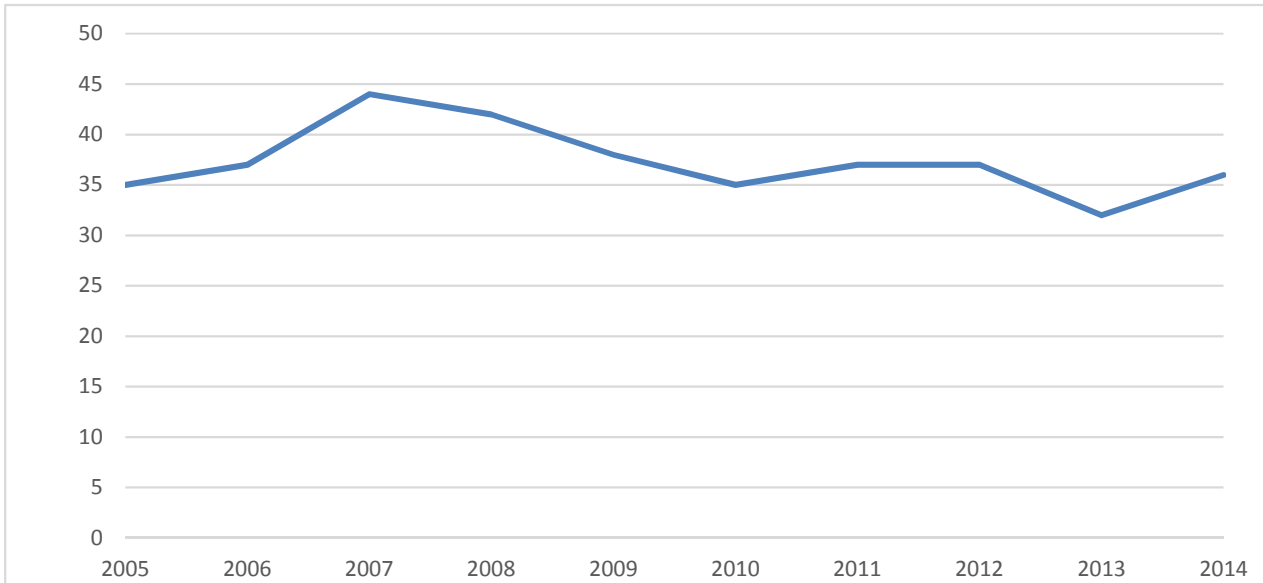
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

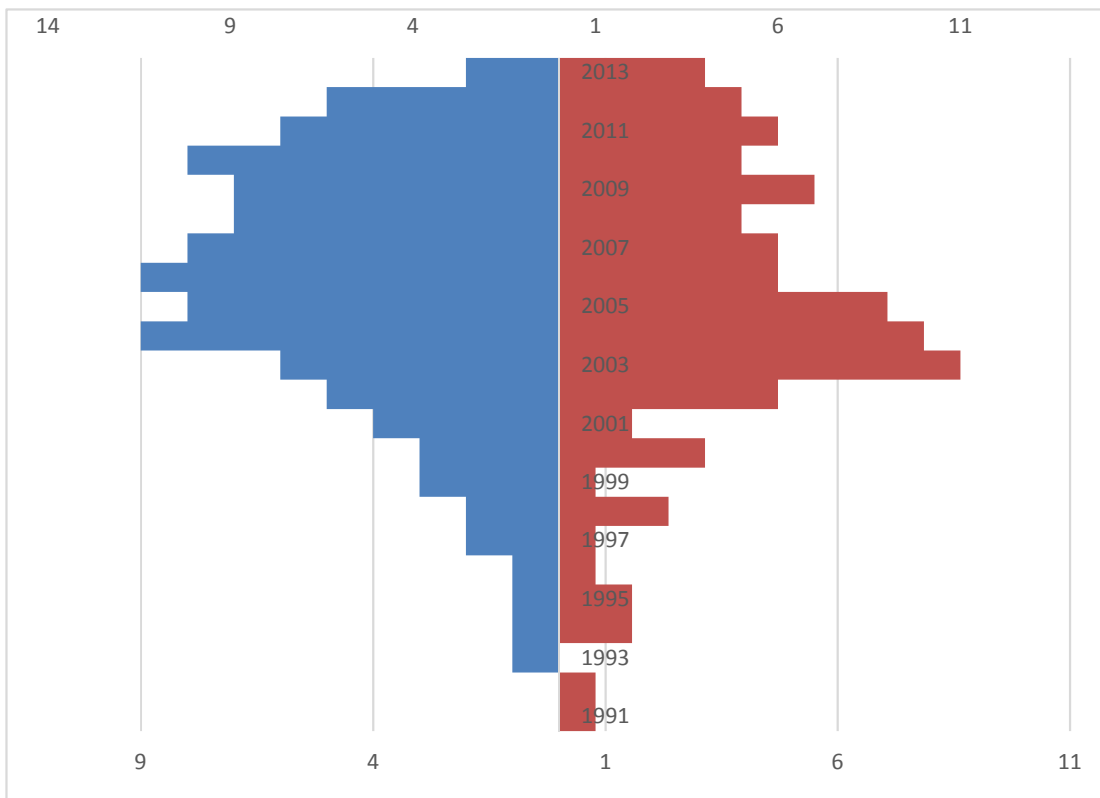
Croissance démographique ●-5

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



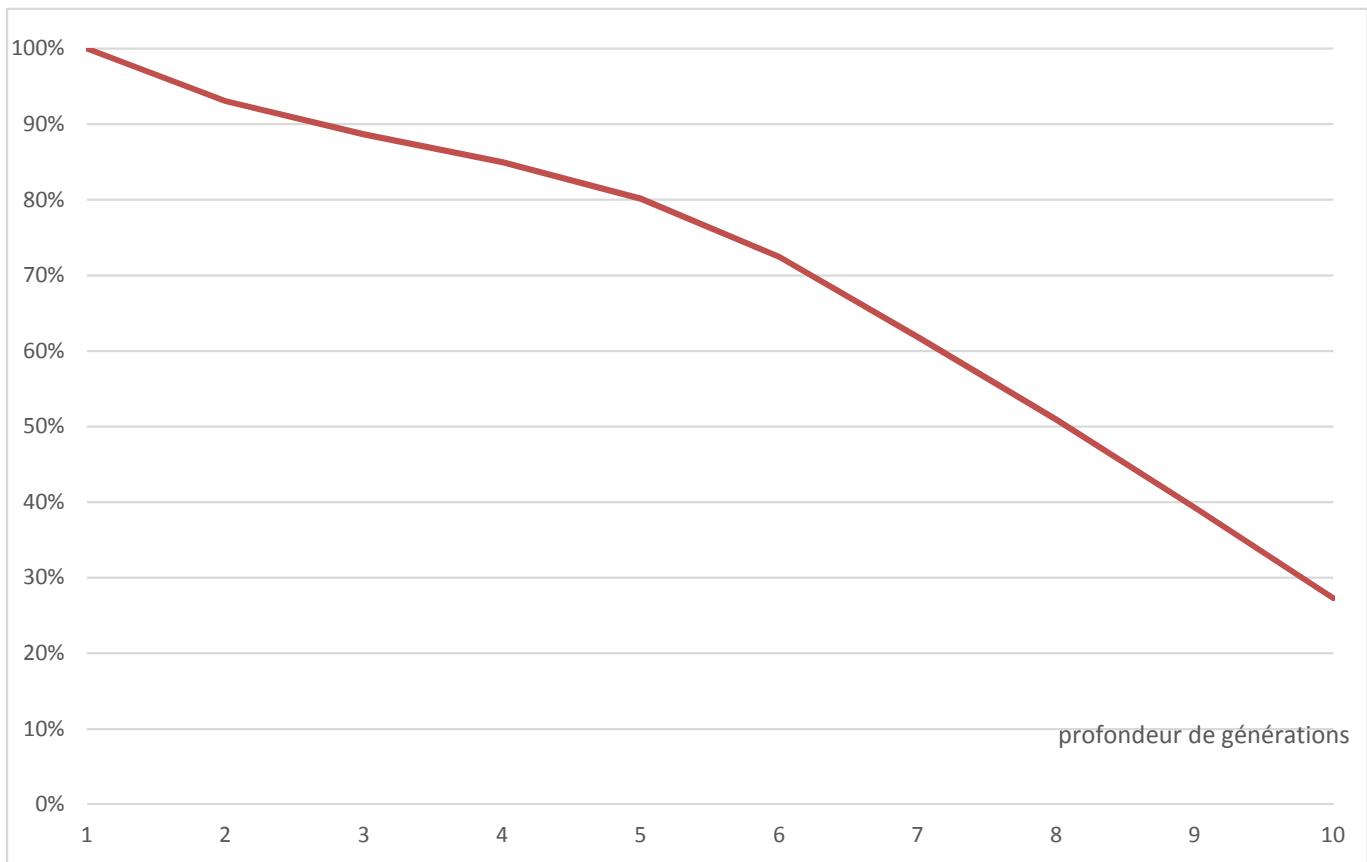
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,2
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,3
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,7
Moyenne 4 voies	2,8

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	5 241
Nb moyen de générations remontées	7,3
Nb moyen d'ancêtres connus	2 191
Nb maximum de générations remontées	21

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	758
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	58
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	27
Ratio Ae/Fe	46,8%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	10,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	10

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	22031029000065		M	2000	10,9%	10,9%	10,9%
2	50087327050010		M	2005	8,2%	8,2%	19,1%
3	50412050050031		M	2005	7,4%	6,5%	25,5%
4	50600004950088		M	1995	6,2%	5,7%	31,3%
5	22031029020109		M	2002	9,4%	4,7%	36,0%
6	50539133910051		M	1991	5,0%	4,5%	40,5%
7	50412050040029		F	2004	2,9%	2,7%	43,2%
8	50173086900073		M	1990	3,2%	2,7%	45,8%
9	50386001830052		M	1983	4,6%	2,5%	48,3%
10	50057015800115		M	1982	6,5%	2,4%	50,7%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,3
Consanguinité moyenne (%)	3,0
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,9
Parenté (%)	4,2
Consanguinité des parents (%)	2,5
Parentés des parents (%)	2,7
Taille efficace (méthode Cervantès)	86
Taille efficace (méthode démographique)	627

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

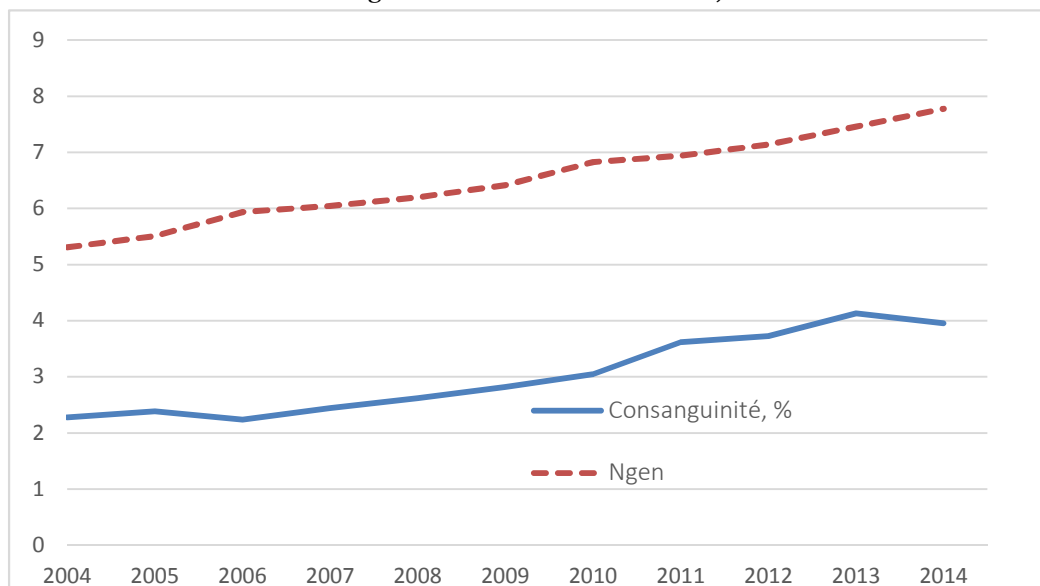
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	13,8%
entre 0 à 3,125% inclus	49,5%
entre 3,125% à 6,25% inclus	27,3%
entre 6,25% à 12,5% inclus	7,2%
entre 12,5% à 25% inclus	1,6%
plus de 25%	0,6%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	9,4%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

1,68



SUFFOLK**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

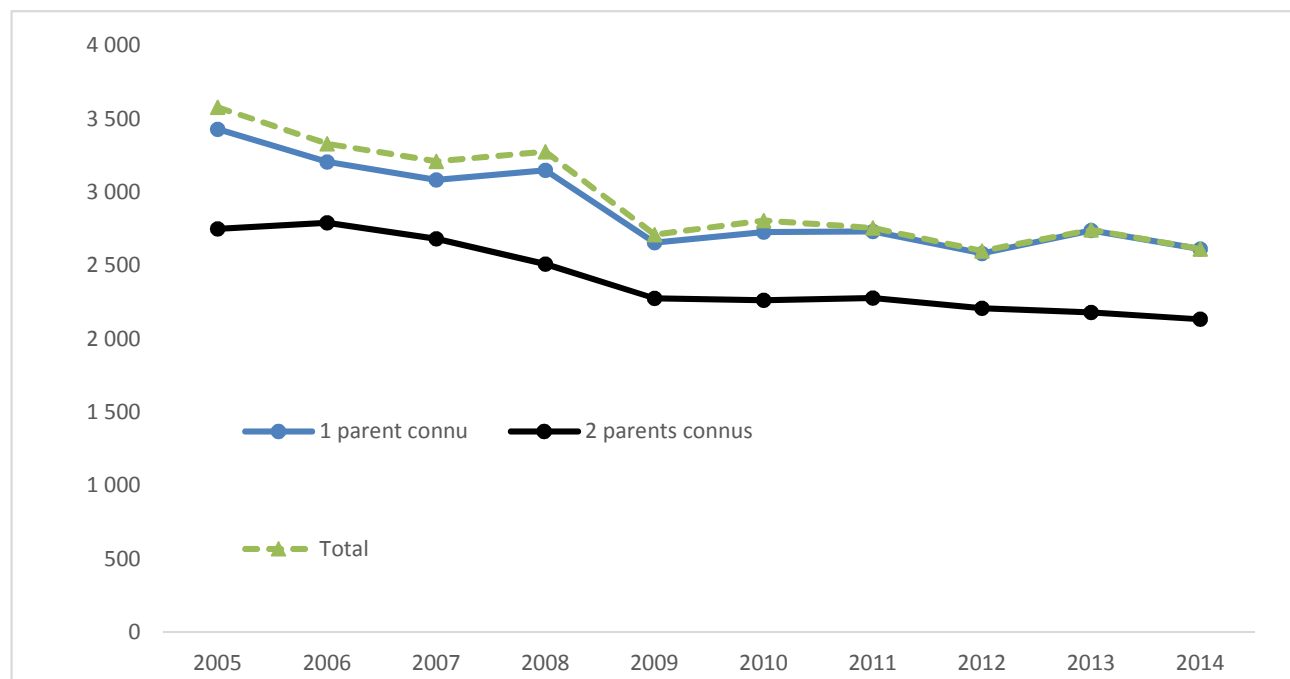
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	10 656	55
Nb pères différents	432	46
Nb max de descendants par père	128	3
Nb grands-pères paternels différents	198	34
Nb max de descendants par GPP	323	4
Nb mères différentes	5 402	53
Nb max de descendants par mère	8	2
Nb grands-pères maternels différents	610	34
Nb max de descendants par GPM	245	4
Nb d'animaux avec deux parents connus	8 806	55

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 82%

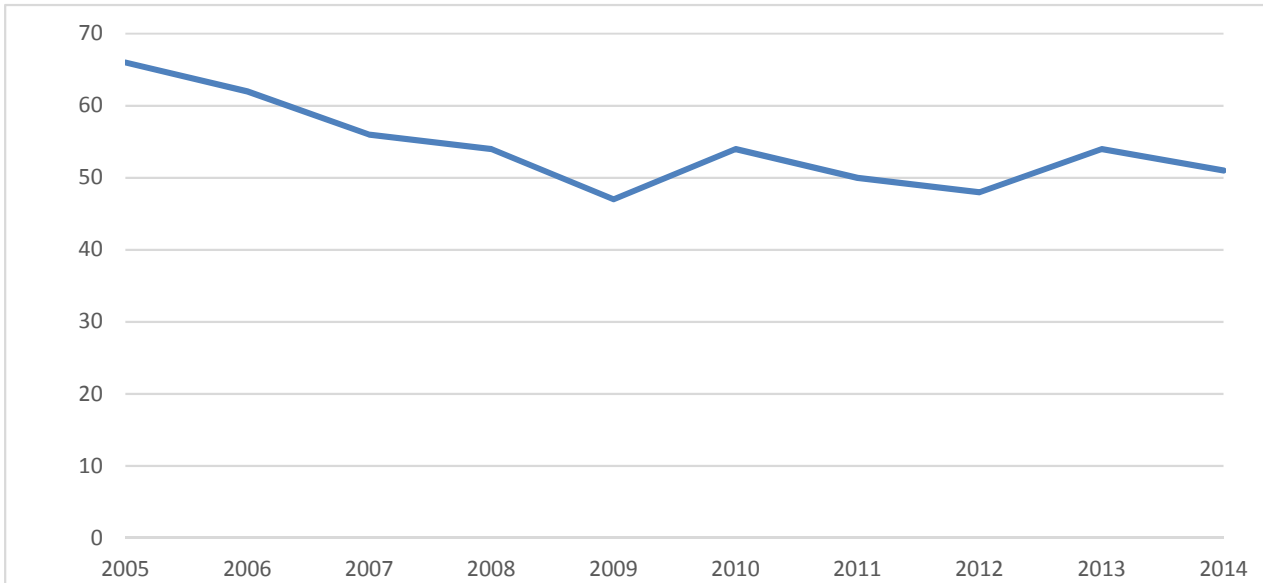
% femelles issues IA 12

Evolution de la population femelle

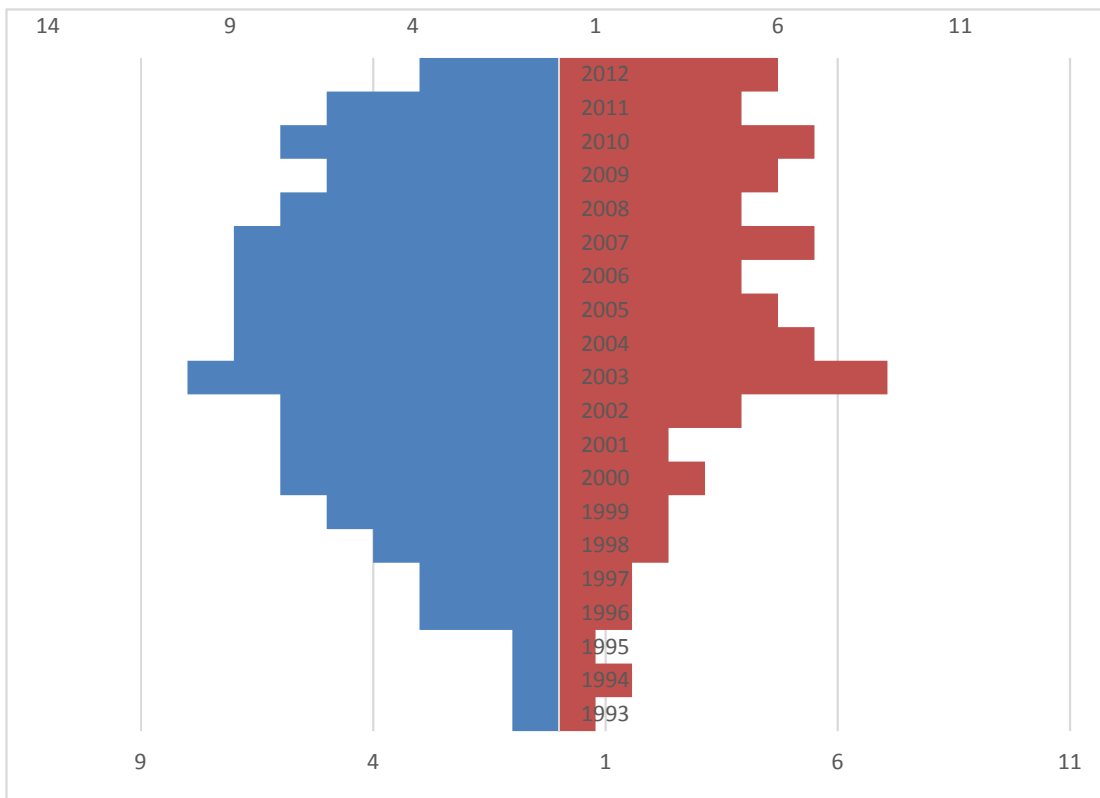
Croissance démographique ● -16

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

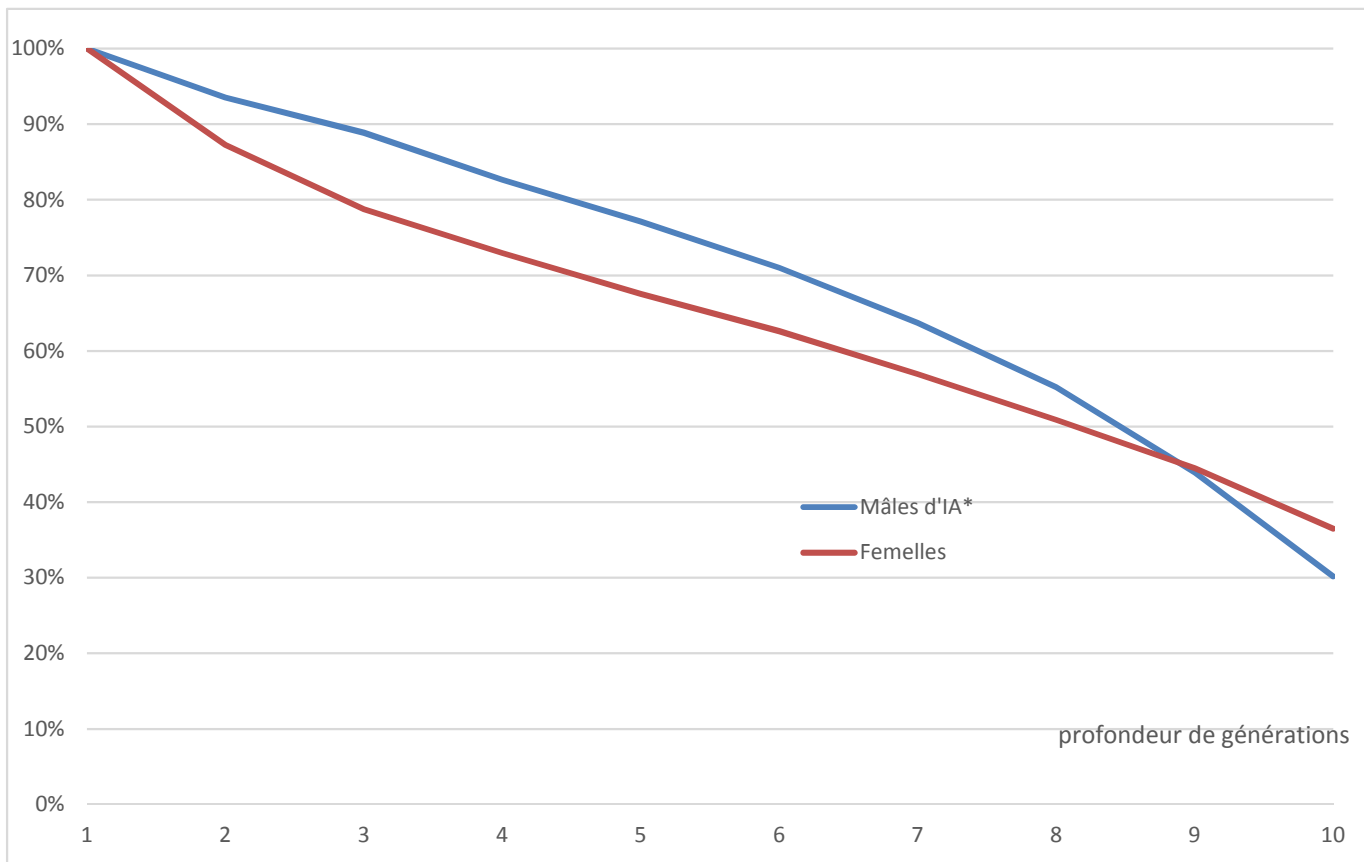
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,2
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,9
Moyenne 4 voies	3,4

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	8 806	55
Nb moyen de générations remontées	7,1	7,4
Nb moyen d'ancêtres connus	3 893	1 961
Nb maximum de générations remontées	22	18

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	2 760
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	216
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	109
Ratio Ae/Fe	50,3%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	3,5%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	42

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	27504064960038	M	1996	3,5%	3,5%	3,5%
2	41126282900070	M	1990	2,9%	2,9%	6,4%
3	02112041970240	M	1997	2,8%	2,8%	9,2%
4	96722023940981	M	1994	2,6%	2,6%	11,8%
5	02112041900109	M	1990	2,3%	2,3%	14,2%
6	60132009990149	M	1999	2,2%	2,2%	16,4%
7	21568960074	M	2006	2,1%	1,9%	18,3%
8	02112041050110	M	2005	2,4%	1,9%	20,3%
9	60132009020270	M	2002	1,6%	1,5%	21,7%
10	85204297010024	M	2001	1,5%	1,5%	23,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,1
Consanguinité moyenne (%)	1,5
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,4
Parenté (%)	1,0
Consanguinité des parents (%)	1,0
Parentés des parents (%)	0,7
Taille efficace (méthode Cervantès)	374
Taille efficace (méthode démographique)	1 600

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

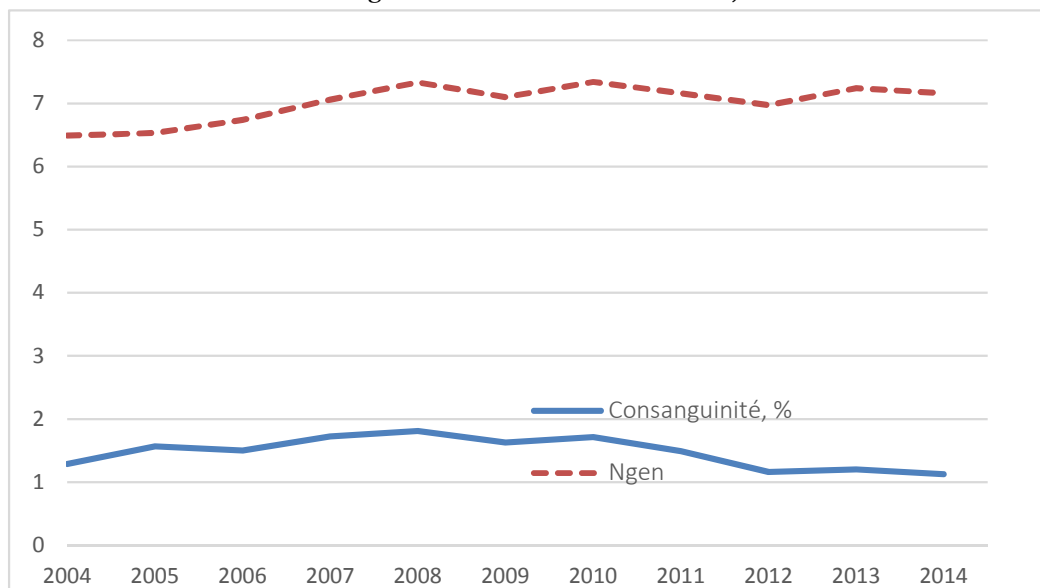
0% de consanguinité	19,5%
entre 0 à 3,125% inclus	69,4%
entre 3,125% à 6,25% inclus	6,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	2,8%
entre 12,5% à 25% inclus	1,2%
plus de 25%	0,7%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **4,7%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-0,16



TEXEL**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

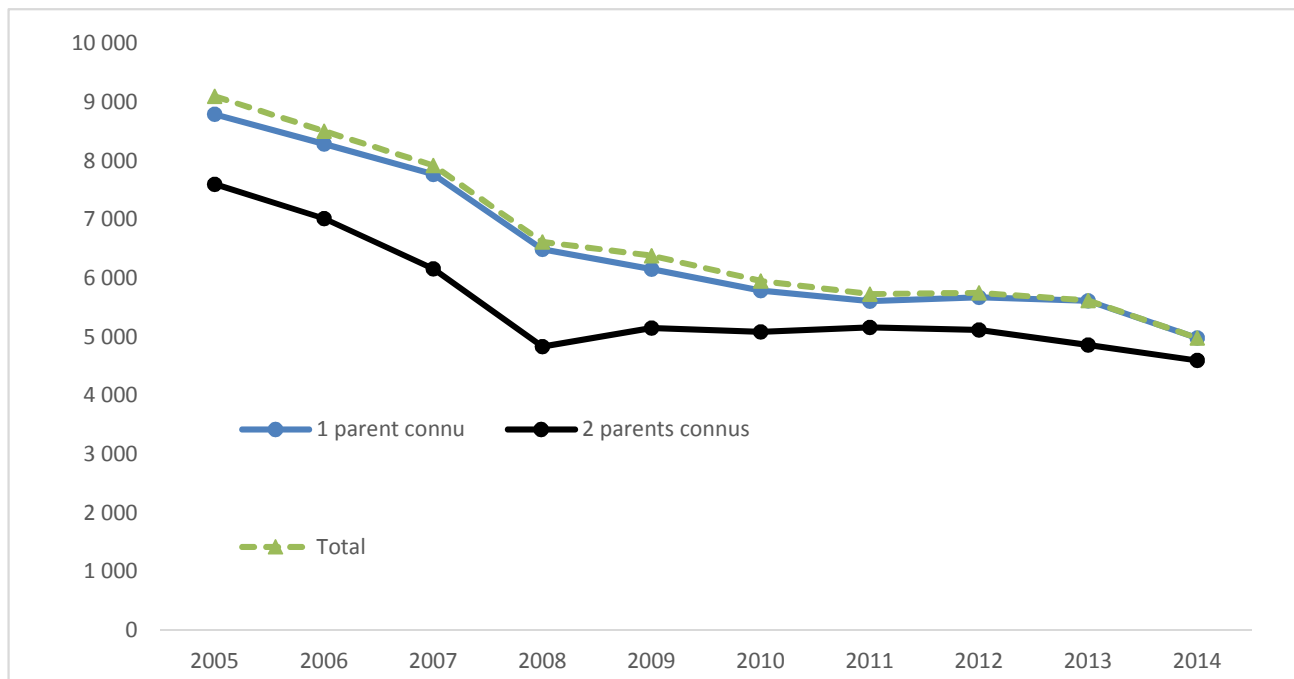
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	21 874	70
Nb pères différents	667	56
Nb max de descendants par père	148	3
Nb grands-pères paternels différents	307	50
Nb max de descendants par GPP	571	4
Nb mères différentes	10 526	66
Nb max de descendants par mère	10	1
Nb grands-pères maternels différents	1 050	50
Nb max de descendants par GPM	189	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	19 739	66

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 89%

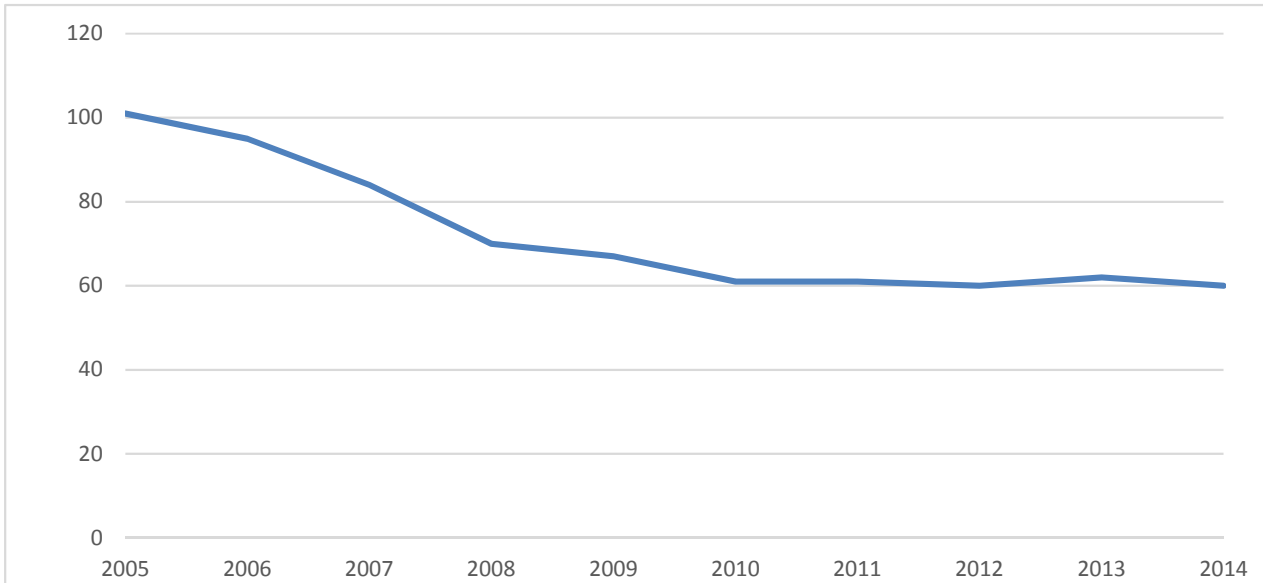
% femelles issues IA 8

Evolution de la population femelle

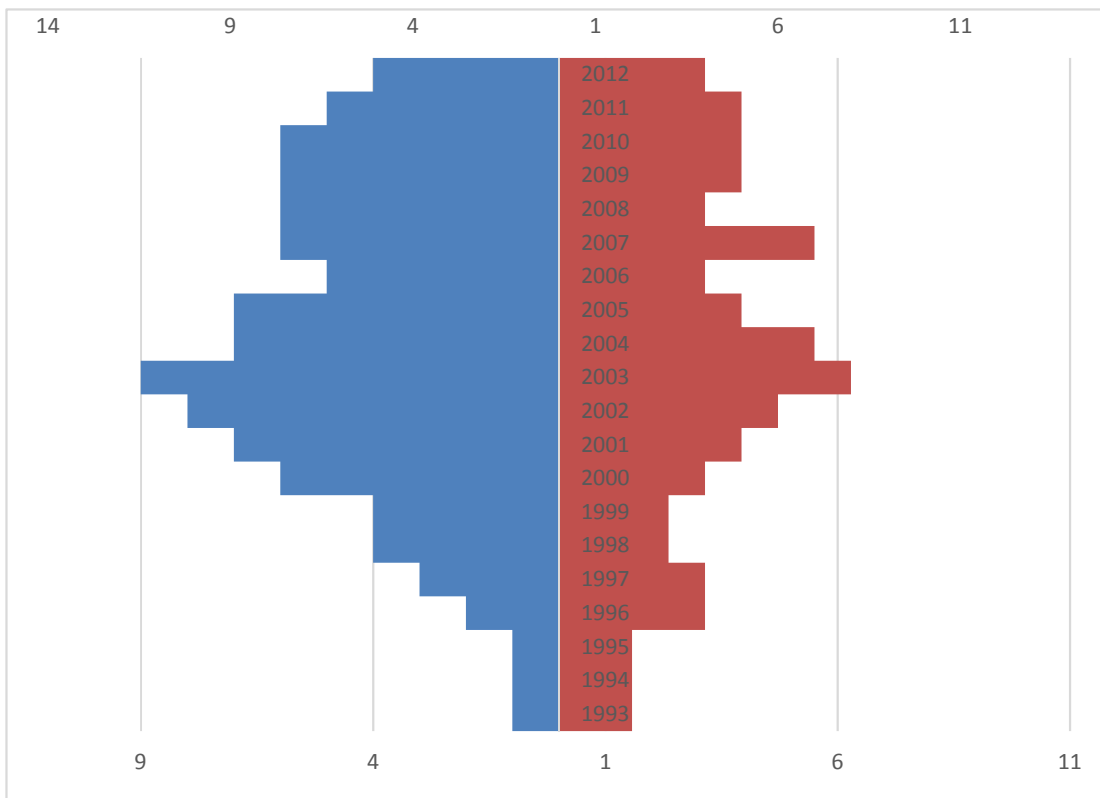
Croissance démographique ● -27

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

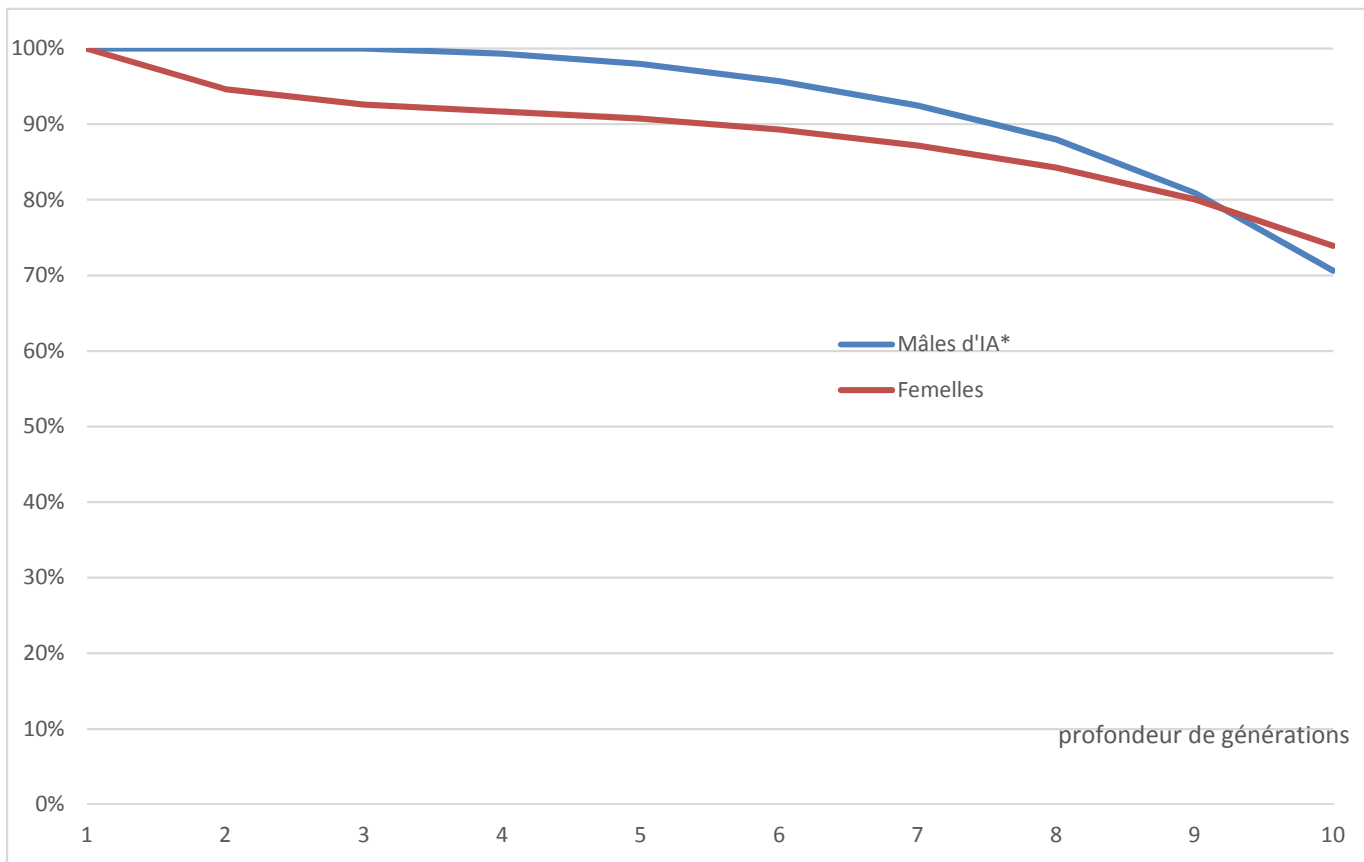
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,9
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,6
Moyenne 4 voies	3,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	19 739	66
Nb moyen de générations remontées	10,9	10,8
Nb moyen d'ancêtres connus	27 895	15 900
Nb maximum de générations remontées	27	25

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	4 645
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	193
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	89
Ratio Ae/Fe	46,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,0%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	32

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	58275839880504	M	1988	4,0%	4,0%	4,0%
2	03281099020015	M	2002	3,3%	3,0%	7,0%
3	08459008910050	M	1991	2,8%	2,8%	9,8%
4	58275839770045	M	1977	2,8%	2,6%	12,3%
5	98459008830235	M	1982	2,7%	2,4%	14,7%
6	58275839760194	M	1976	2,6%	2,4%	17,1%
7	21325007020012	M	2002	2,6%	2,2%	19,3%
8	03036223000239	M	2000	2,2%	2,2%	21,4%
9	88310025050194	M	2005	2,7%	2,1%	23,6%
10	08459002800058	F	1980	2,4%	2,0%	25,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	10,9
Consanguinité moyenne (%)	2,0
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,5
Parenté (%)	1,7
Consanguinité des parents (%)	1,6
Parentés des parents (%)	1,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	335
Taille efficace (méthode démographique)	2 509

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

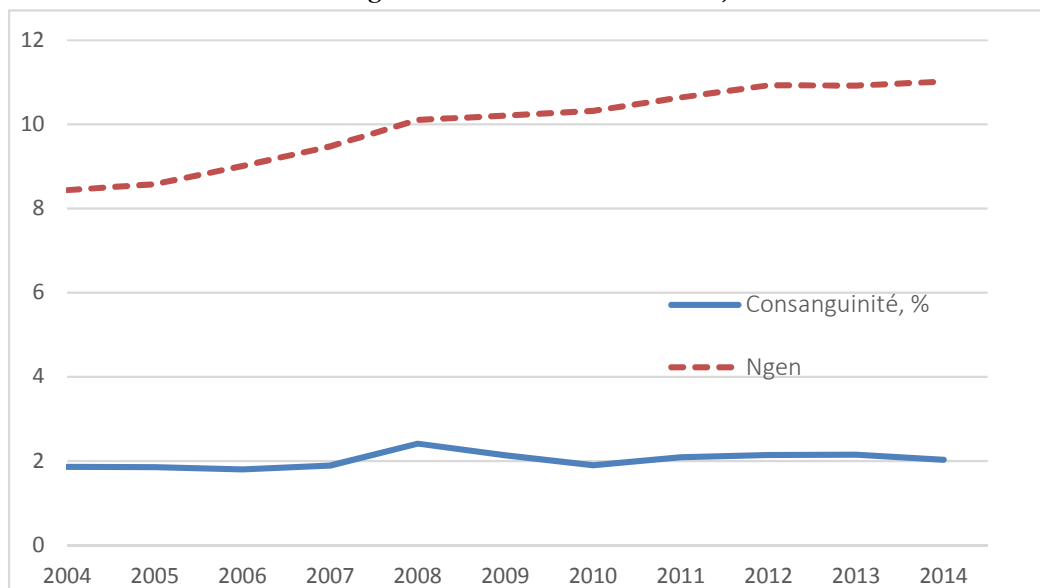
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	7,8%
entre 0 à 3,125% inclus	76,6%
entre 3,125% à 6,25% inclus	11,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	3,2%
entre 12,5% à 25% inclus	1,0%
plus de 25%	0,5%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	4,7%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,16



MOUTONS VENDEENS**Informations démographiques**

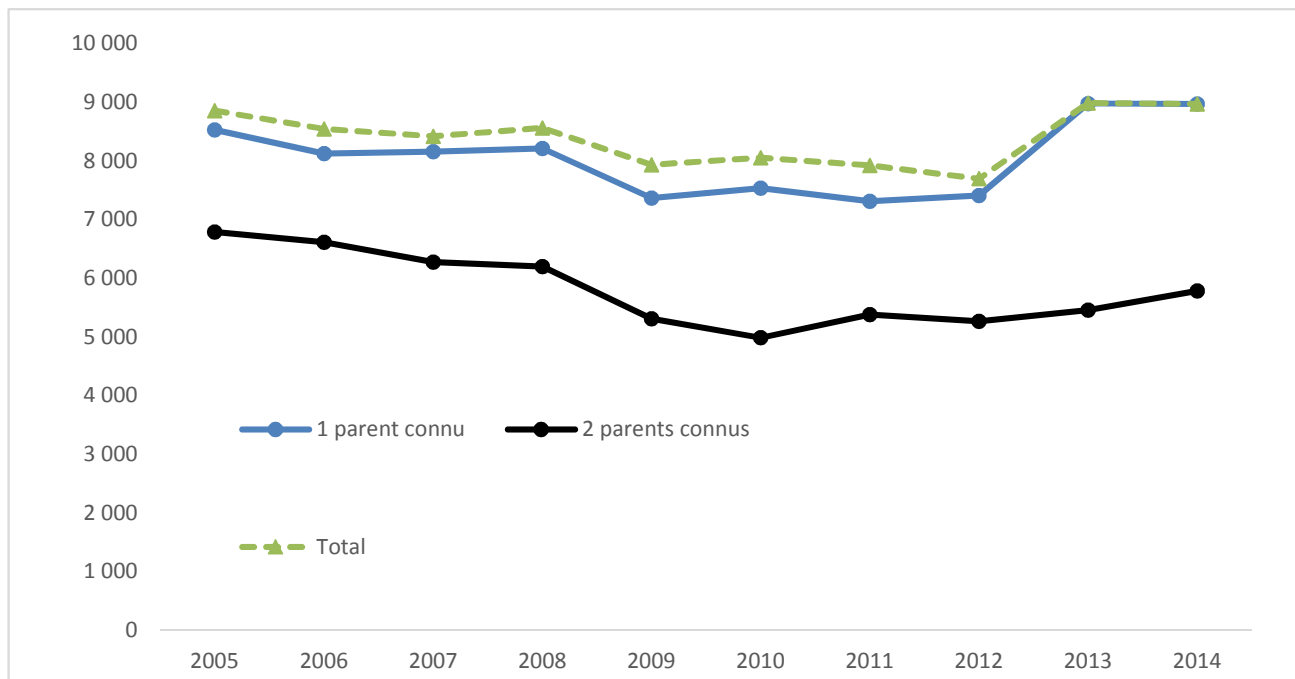
Période de naissance des femelles 2011 -2014

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	32 660	80
Nb pères différents	626	62
Nb max de descendants par père	368	3
Nb grands-pères paternels différents	287	52
Nb max de descendants par GPP	703	4
Nb mères différentes	15 604	78
Nb max de descendants par mère	10	2
Nb grands-pères maternels différents	914	52
Nb max de descendants par GPM	269	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	21 895	80

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 65%

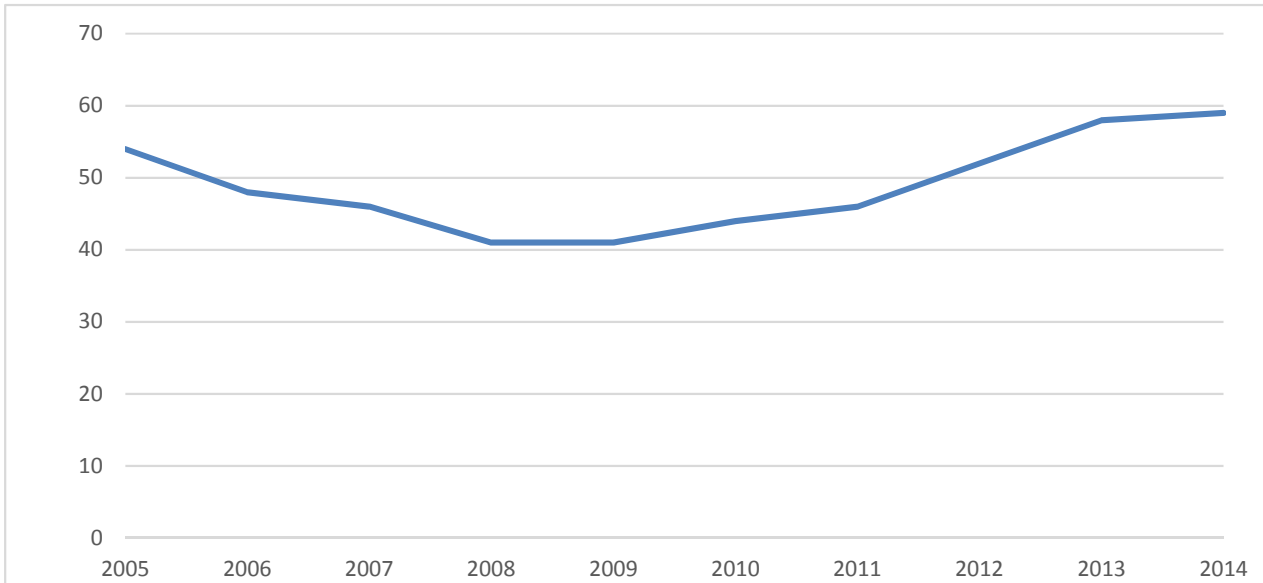
% femelles issues IA 12

Evolution de la population femelle

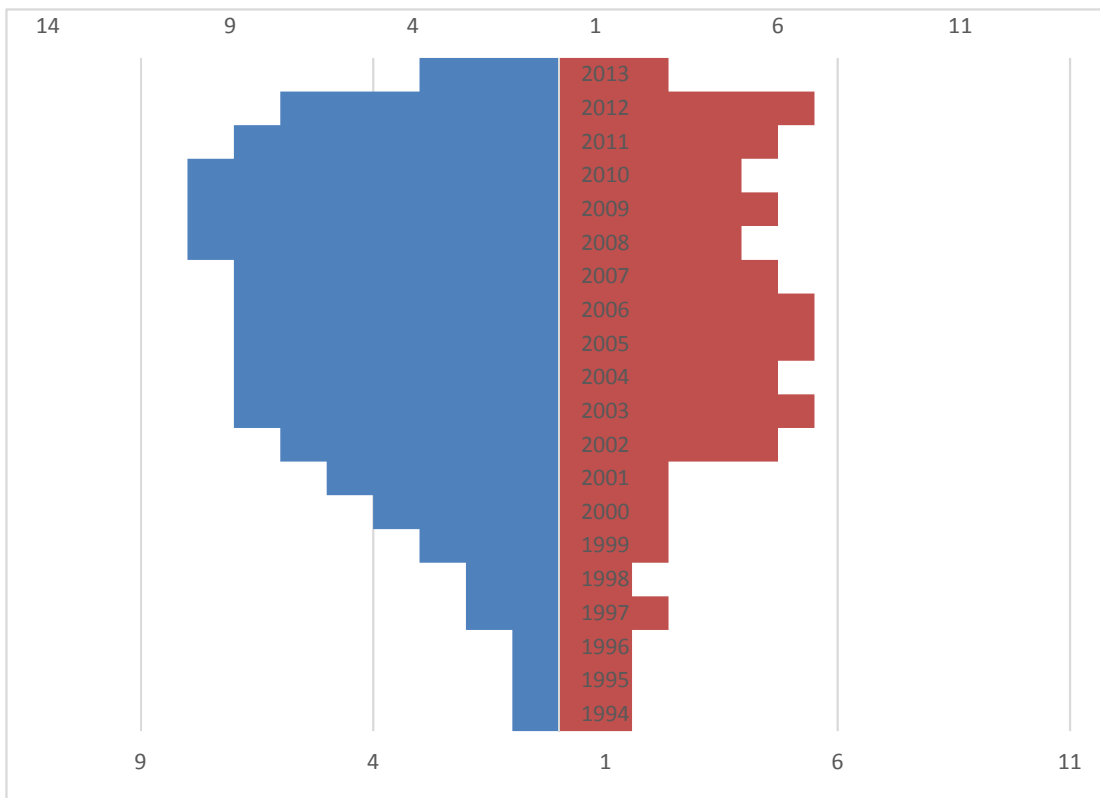
Croissance démographique ●-2

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

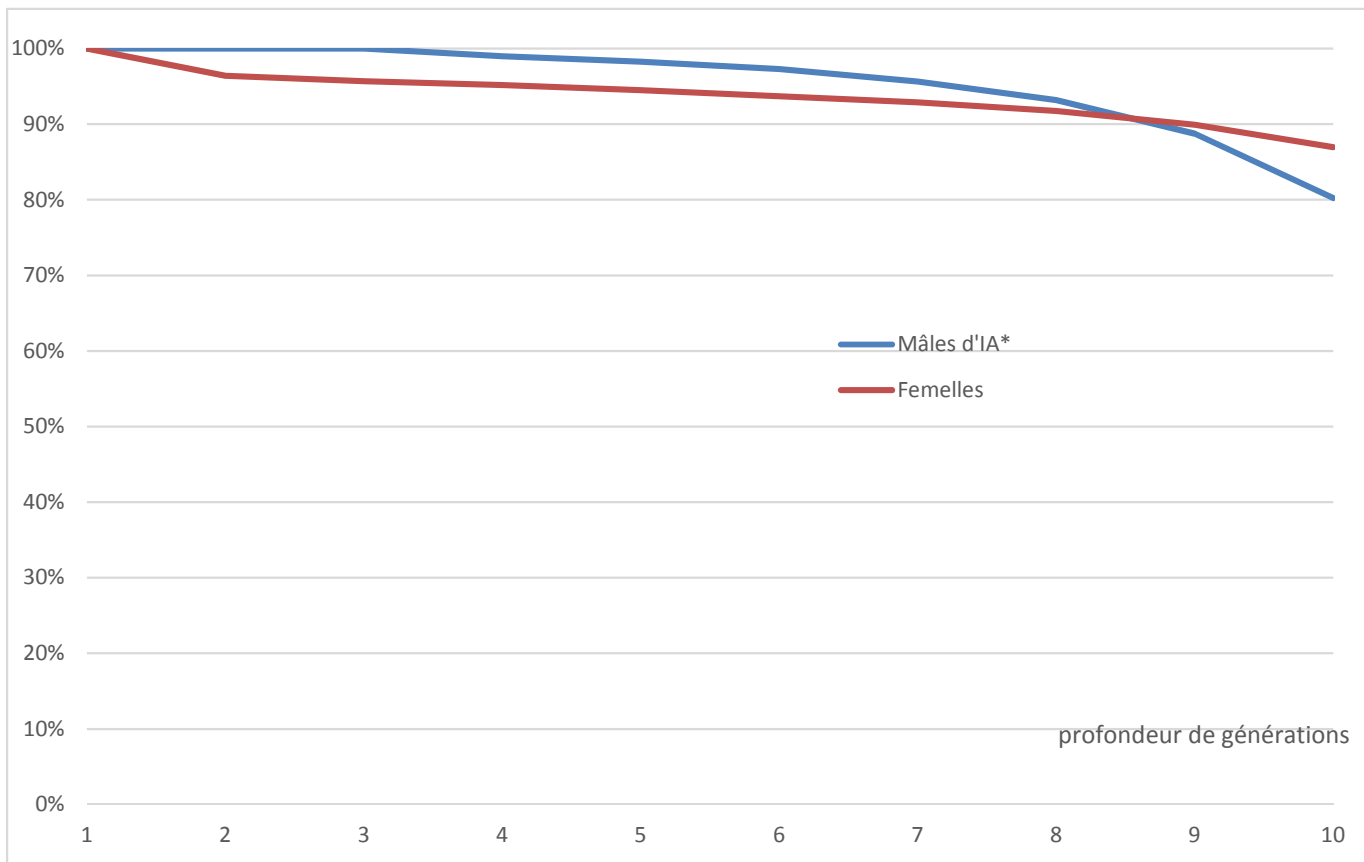
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,7
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,6
Moyenne 4 voies	3,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	21 895	80
Nb moyen de générations remontées	12,0	11,2
Nb moyen d'ancêtres connus	38 013	16 247
Nb maximum de générations remontées	28	25

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	3 946
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	113
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	52
Ratio Ae/Fe	45,9%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	6,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	20

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	44077025850112	M	1985	6,9%	6,9%	6,9%
2	85002194860265	M	1986	5,4%	5,4%	12,3%
3	85002086740183	M	1975	4,7%	4,7%	16,9%
4	85002086690179	M	1969	4,7%	4,3%	21,2%
5	86021082940062	M	1994	3,4%	3,0%	24,2%
6	44082056980159	M	1998	3,3%	2,6%	26,8%
7	85291290700112	M	1970	3,3%	2,4%	29,1%
8	85002191890065	M	1989	2,3%	2,2%	31,3%
9	85002047770179	M	1978	2,8%	2,1%	33,5%
10	79119348890001	M	1989	2,3%	2,0%	35,4%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	12,0
Consanguinité moyenne (%)	2,6
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,5
Parenté (%)	2,5
Consanguinité des parents (%)	1,8
Parentés des parents (%)	1,3
Taille efficace (méthode Cervantès)	239
Taille efficace (méthode démographique)	2 407

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	4,8%
entre 0 à 3,125% inclus	78,4%
entre 3,125% à 6,25% inclus	12,7%
entre 6,25% à 12,5% inclus	2,5%
entre 12,5% à 25% inclus	0,9%
plus de 25%	0,6%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **4,0%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,27

