

AVRANCHIN**Informations démographiques**

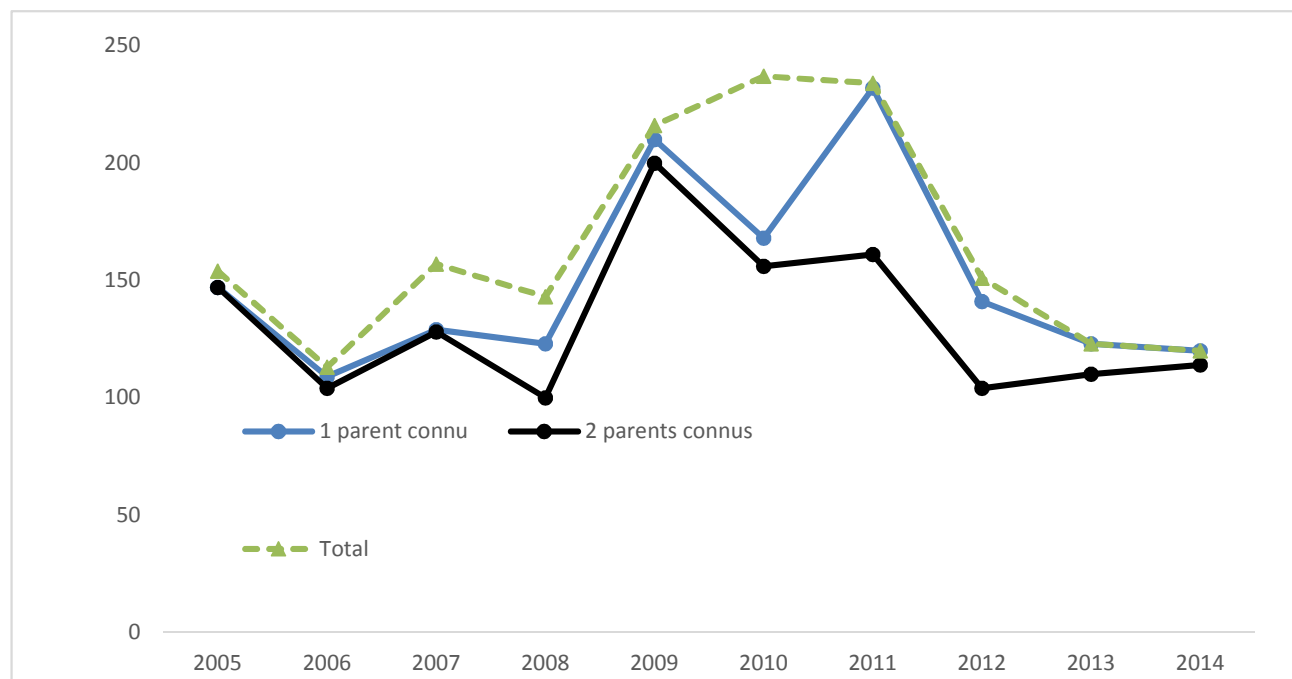
Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	616
Nb pères différents	45
Nb max de descendants par père	51
Nb grands-pères paternels différents	27
Nb max de descendants par GPP	51
Nb mères différentes	351
Nb max de descendants par mère	6
Nb grands-pères maternels différents	49
Nb max de descendants par GPM	46
Nb d'animaux avec deux parents connus	489

Rapport 2 parents connus/total des femelles 78%

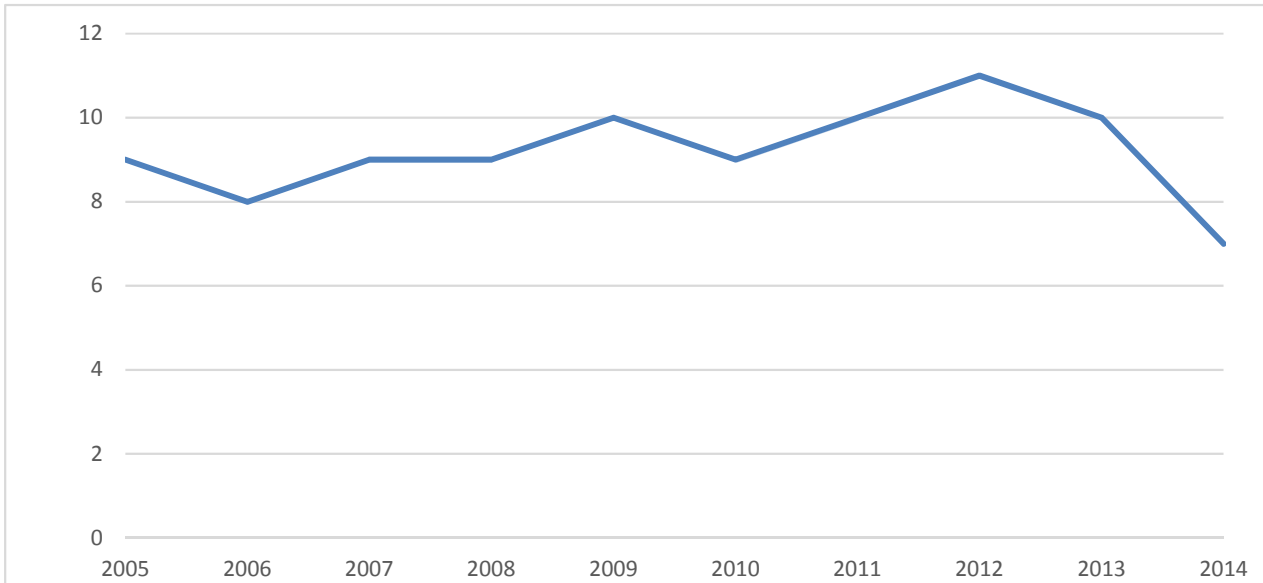
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

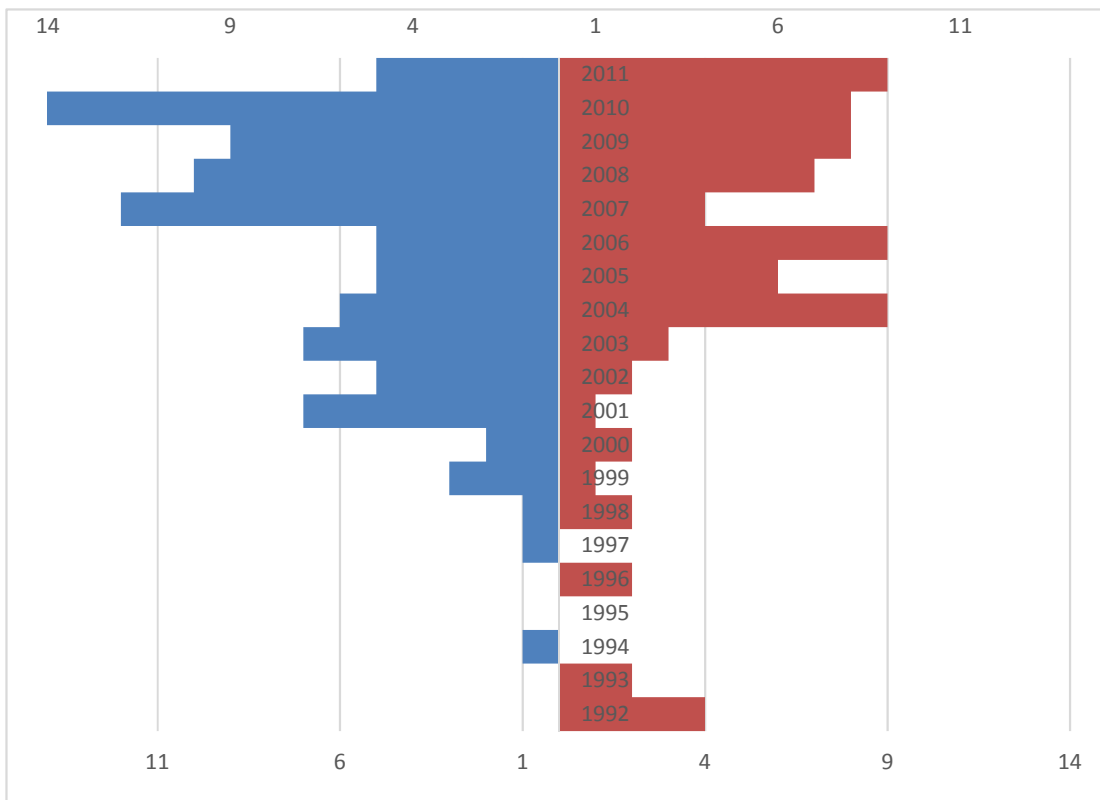
Croissance démographique ●10

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

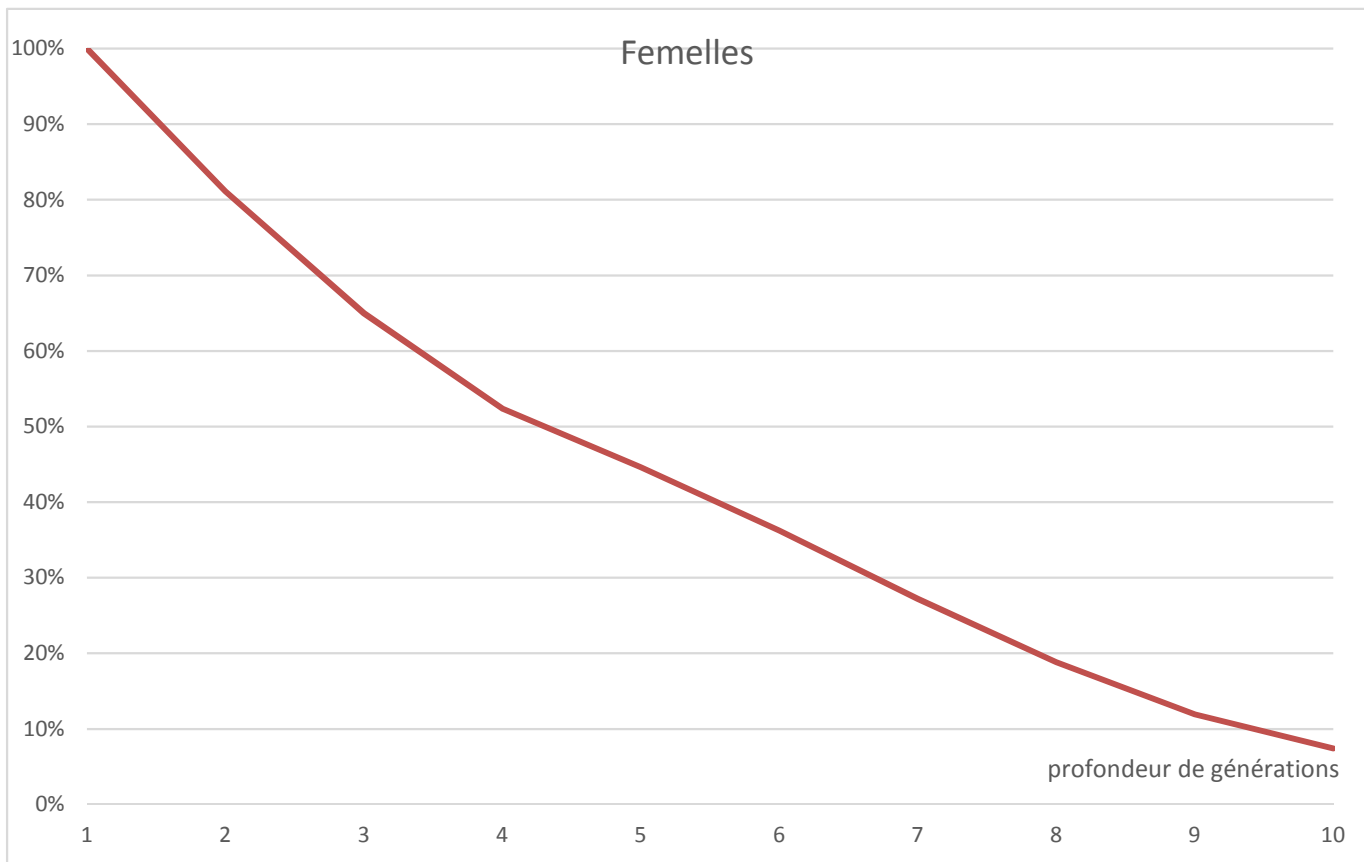
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,0
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,4
Moyenne 4 voies	3,4

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	489
Nb moyen de générations remontées	4,6
Nb moyen d'ancêtres connus	1 272
Nb maximum de générations remontées	23

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	363
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	54
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	31
Ratio Ae/Fe	57,0%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	10,0%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	11

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	35157143980002	M	1998	10,0%	10,0%	10,0%
2	50025010020024	F	2002	6,9%	6,9%	16,9%
3	27226054040016	M	2004	5,6%	5,6%	22,5%
4	24513980029	M	2008	5,6%	4,9%	27,4%
5	27065003020071	M	2002	5,4%	4,0%	31,5%
6	36810410046	M	2011	4,2%	3,7%	35,1%
7	27065003910094	M	1991	4,2%	3,4%	38,5%
8	27105580036	M	2009	3,3%	3,3%	41,8%
9	35111021970001	M	1997	3,1%	3,1%	44,9%
10	20115290461	M	2009	2,8%	2,8%	47,7%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	4,6
Consanguinité moyenne (%)	2,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	1,3
Parenté (%)	3,4
Consanguinité des parents (%)	1,7
Parentés des parents (%)	1,3
Taille efficace (méthode Cervantès)	72
Taille efficace (méthode démographique)	160

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

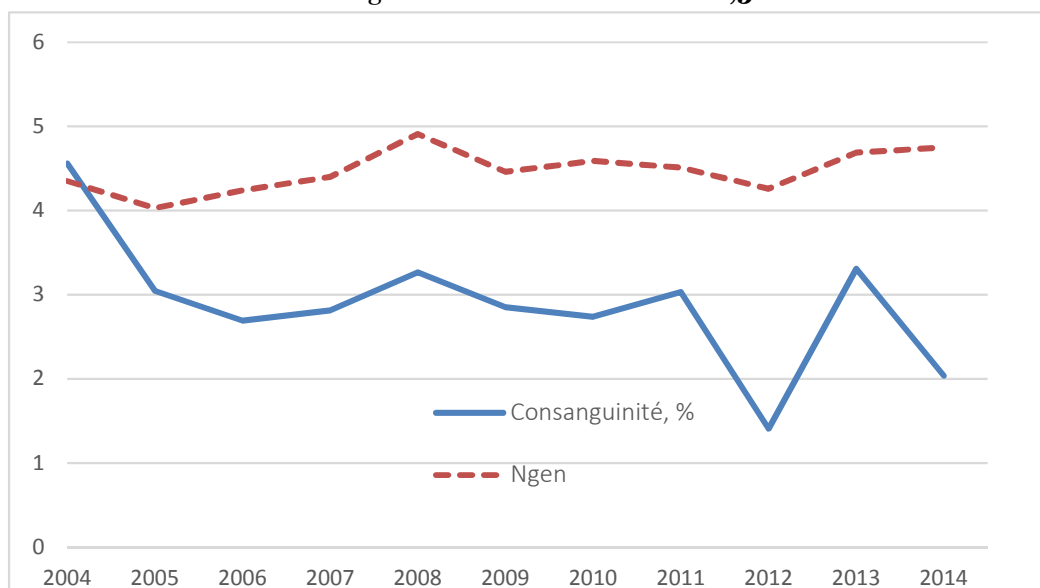
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	37,2%
entre 0 à 3,125% inclus	40,3%
entre 3,125% à 6,25% inclus	11,8%
entre 6,25% à 12,5% inclus	4,6%
entre 12,5% à 25% inclus	2,8%
plus de 25%	3,3%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	10,7%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-2,52



BERRICHON DE L'INDRE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

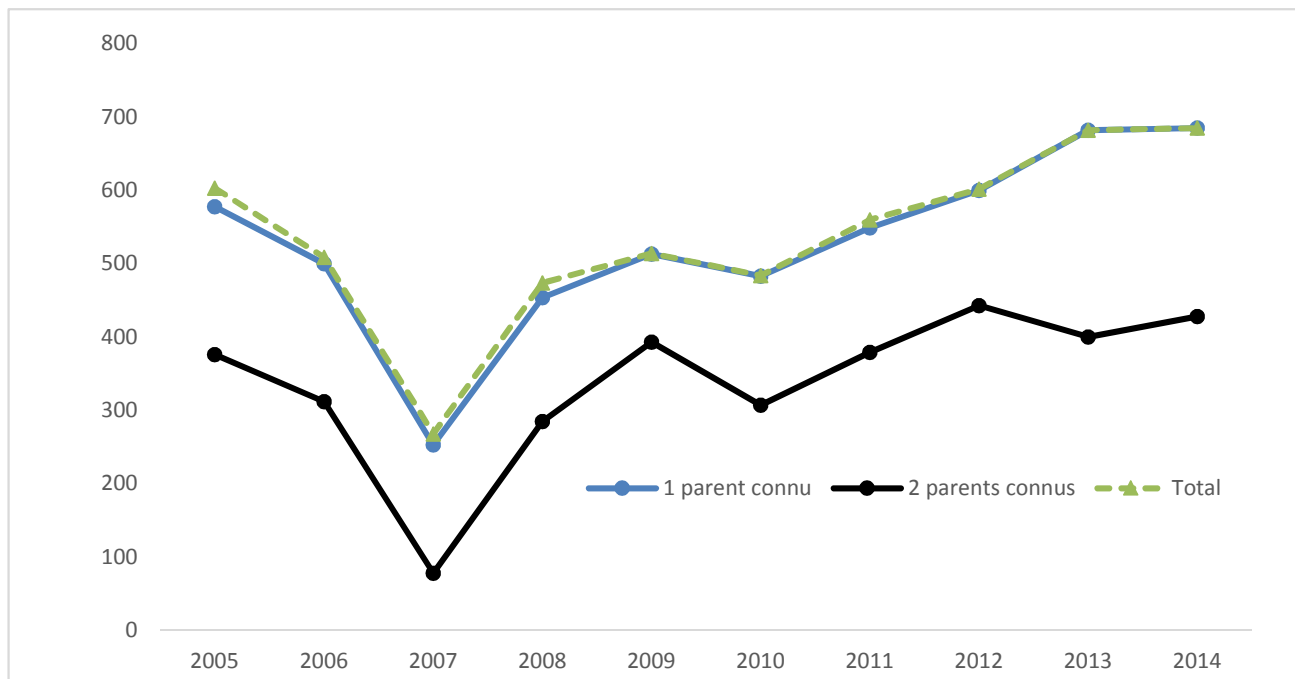
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	2 514	5
Nb pères différents	59	1
Nb max de descendants par père	138	1
Nb grands-pères paternels différents	27	1
Nb max de descendants par GPP	138	1
Nb mères différentes	1 213	1
Nb max de descendants par mère	8	1
Nb grands-pères maternels différents	66	1
Nb max de descendants par GPM	97	0
Nb d'animaux avec deux parents connus	1 648	1

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 65%

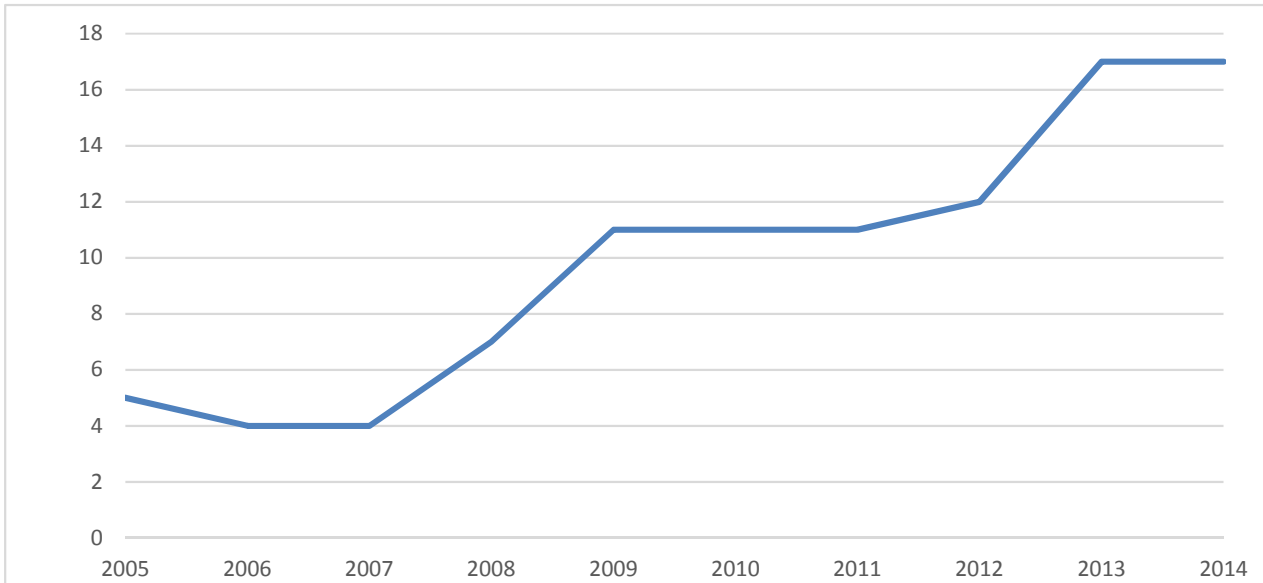
% femelles issues IA 1

Evolution de la population femelle

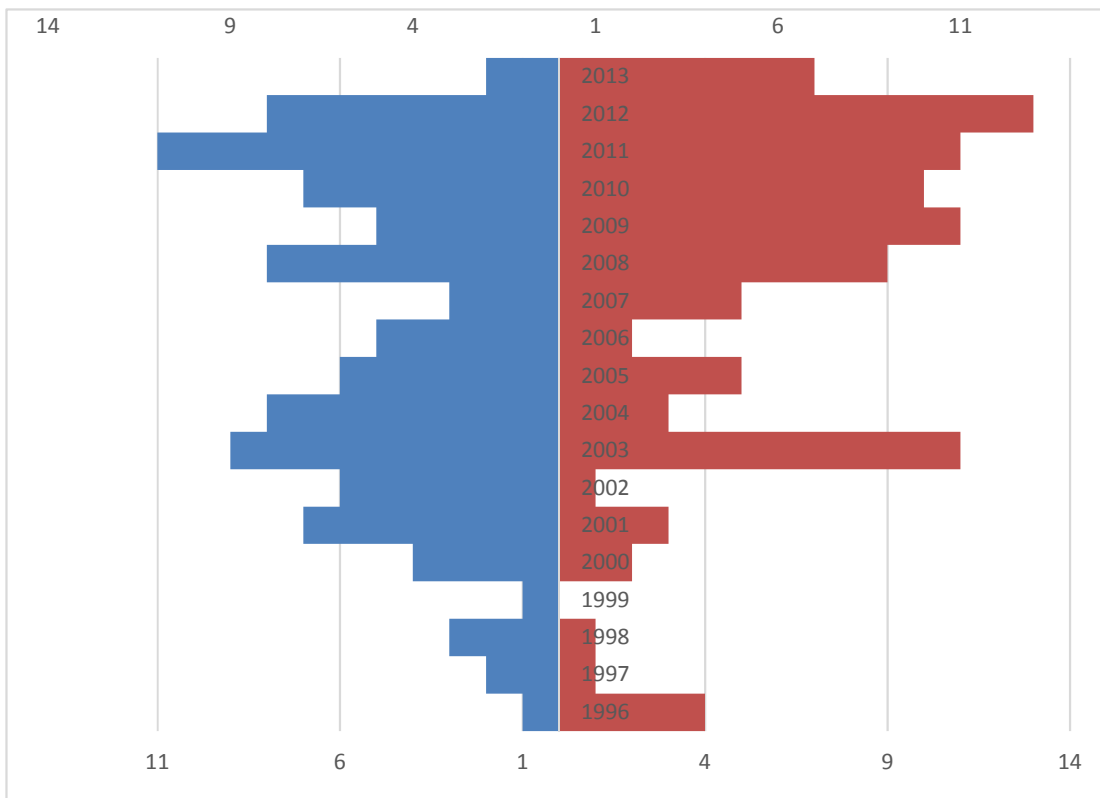
Croissance démographique ● 27

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

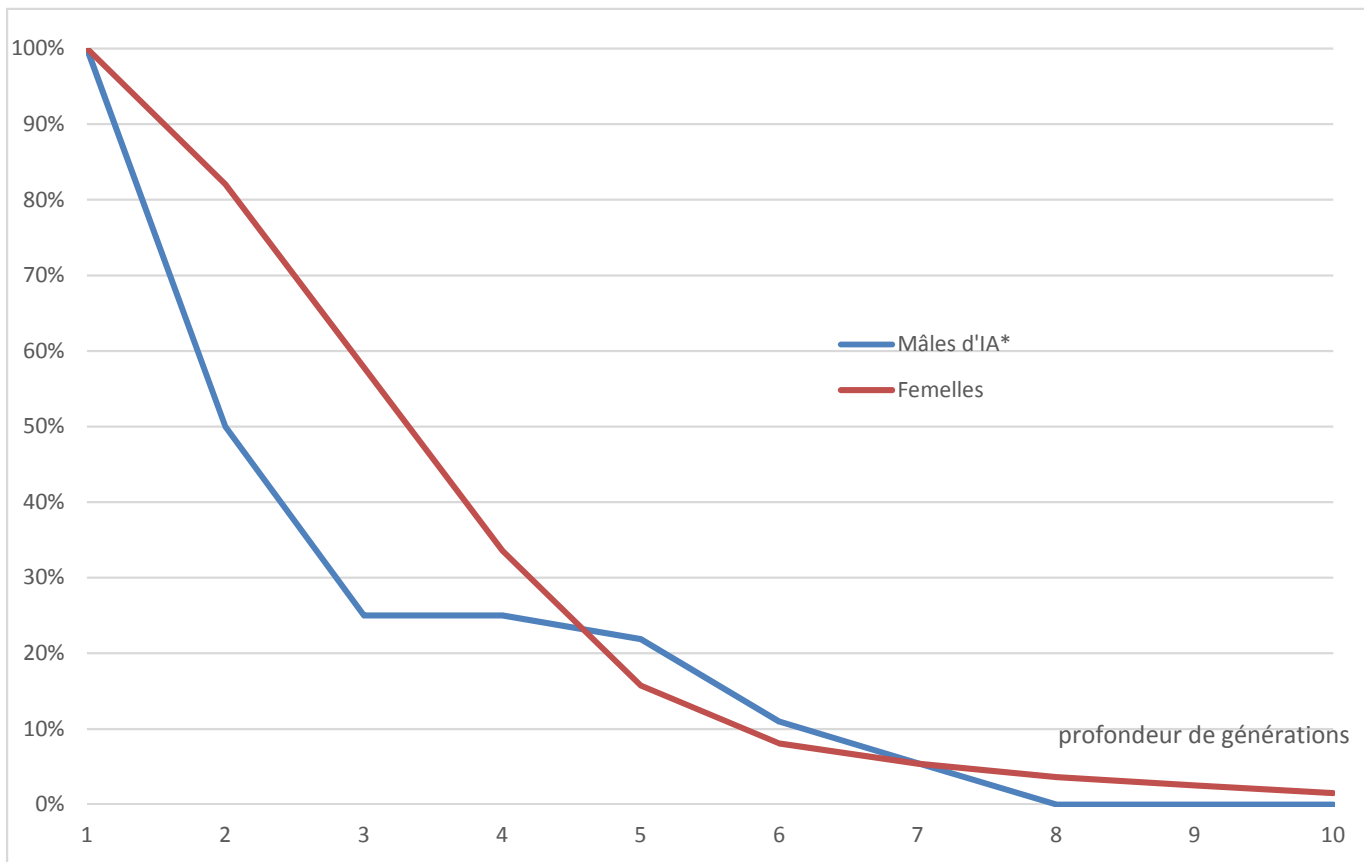
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,2
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,4
Moyenne 4 voies	3,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	1 648	1
Nb moyen de générations remontées	3,1	2,4
Nb moyen d'ancêtres connus	93	31
Nb maximum de générations remontées	16	7

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	672
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	108
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	52
Ratio Ae/Fe	48,5%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,6%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	18

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	29150480238		M	2008	5,6%	5,6%	5,6%
2	29015900141		M	2010	5,2%	5,2%	10,8%
3	29015970118		M	2008	4,1%	4,1%	14,9%
4	29150470361		M	2007	3,4%	3,4%	18,3%
5	29150490277		M	2009	3,2%	3,2%	21,5%
6	36231808030142		M	2003	4,4%	3,1%	24,7%
7	57769300350		M	2009	3,0%	3,0%	27,7%
8	29150400167		M	2010	2,7%	2,7%	30,4%
9	29127660161		F	2006	2,5%	2,5%	32,9%
10	29150400001		M	2010	2,3%	2,3%	35,1%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	3,1
Consanguinité moyenne (%)	1,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	1,0
Parenté (%)	1,3
Consanguinité des parents (%)	0,3
Parentés des parents (%)	0,5
Taille efficace (méthode Cervantès)	114
Taille efficace (méthode démographique)	225

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

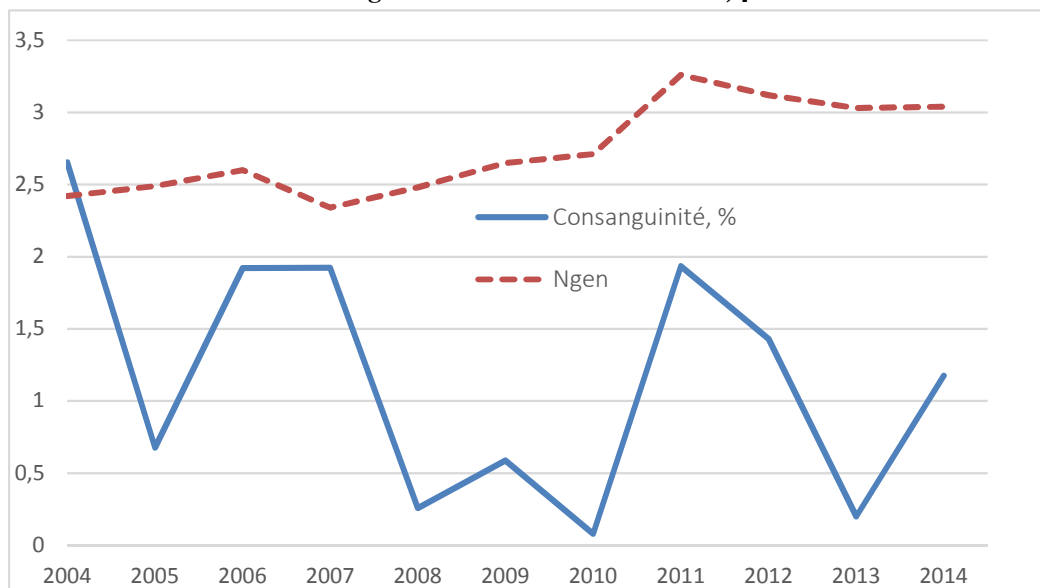
0% de consanguinité	69,1%
entre 0 à 3,125% inclus	22,9%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,5%
entre 6,25% à 12,5% inclus	2,0%
entre 12,5% à 25% inclus	3,1%
plus de 25%	0,4%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **5,4%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-1,48



BLEU DU MAINE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

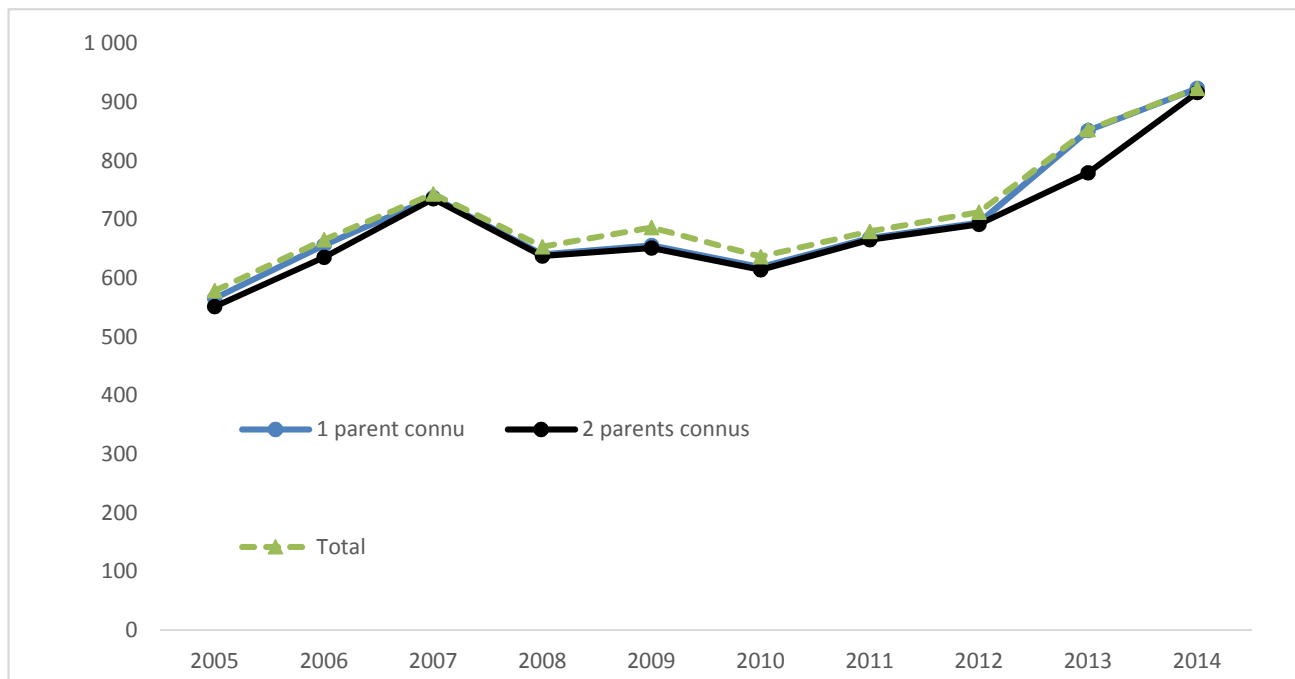
Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	3 138
Nb pères différents	156
Nb max de descendants par père	139
Nb grands-pères paternels différents	67
Nb max de descendants par GPP	204
Nb mères différentes	1 411
Nb max de descendants par mère	9
Nb grands-pères maternels différents	188
Nb max de descendants par GPM	99
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 053

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 96%

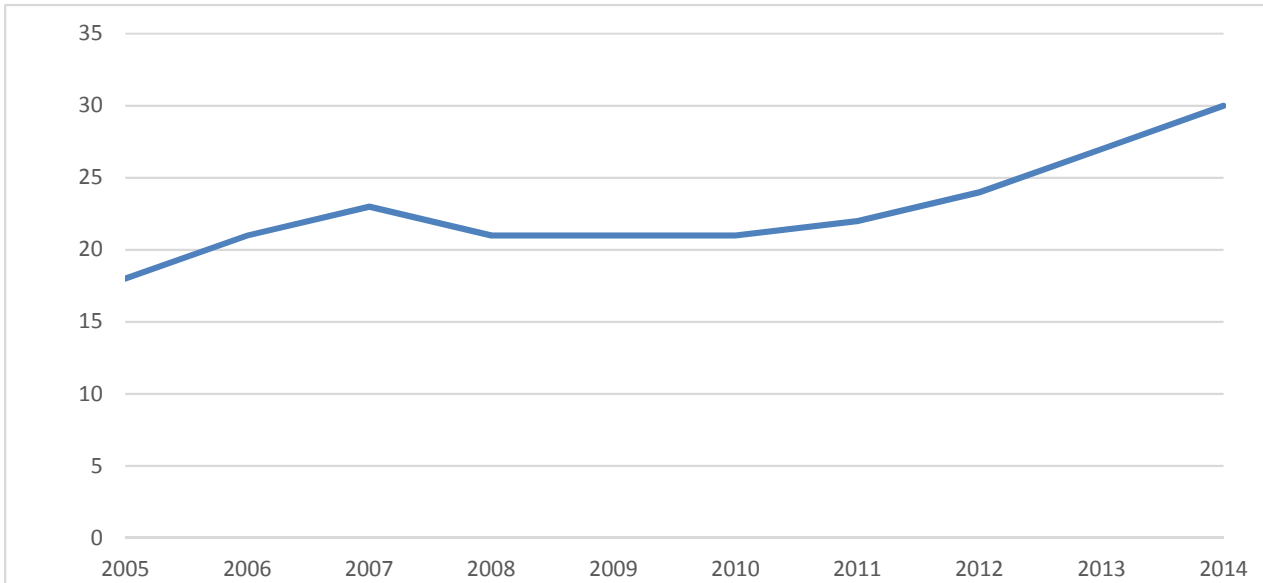
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

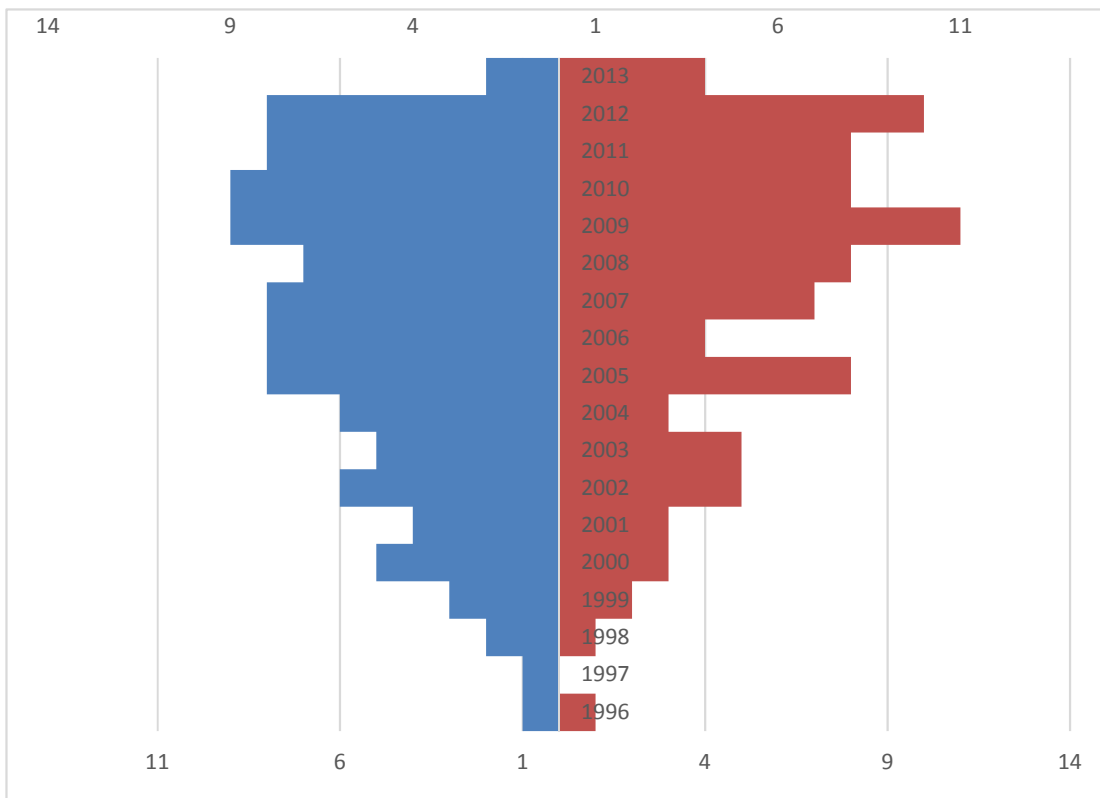
Croissance démographique ●14

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

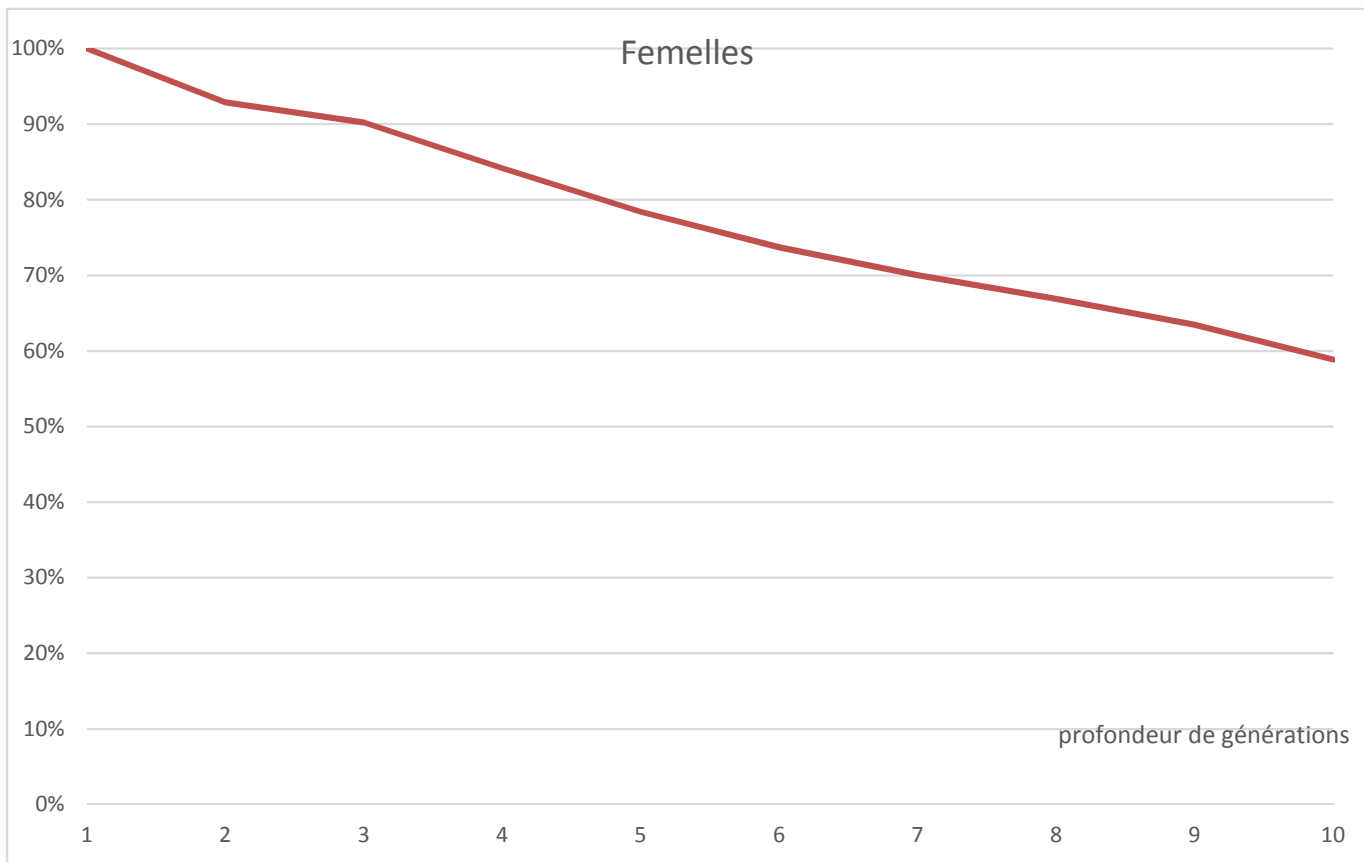
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,7
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,9
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,0
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,6
Moyenne 4 voies	3,3

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	3 053
Nb moyen de générations remontées	9,6
Nb moyen d'ancêtres connus	31 082
Nb maximum de générations remontées	26

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	1 467
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	141
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	59
Ratio Ae/Fe	42,3%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,9%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	20

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	08090023900011	M	1990	4,9%	4,9%	4,9%
2	87042019000308	M	2000	4,1%	4,1%	9,0%
3	72264152890006	M	1989	3,7%	3,7%	12,7%
4	39225980076	M	2008	4,4%	3,2%	15,9%
5	39006270012	M	2007	3,0%	2,8%	18,8%
6	08090023000052	M	2000	4,1%	2,7%	21,4%
7	53027021770091	M	1970	3,6%	2,5%	24,0%
8	53025025900133	M	1990	2,5%	2,5%	26,5%
9	72016220890001	M	1989	2,6%	2,5%	28,9%
10	55008025050134	M	2005	2,7%	2,4%	31,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	9,6
Consanguinité moyenne (%)	2,5
Consanguinité sur 3 générations (%)	1,1
Parenté (%)	2,7
Consanguinité des parents (%)	2,2
Parentés des parents (%)	2,1
Taille efficace (méthode Cervantès)	180
Taille efficace (méthode démographique)	562

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

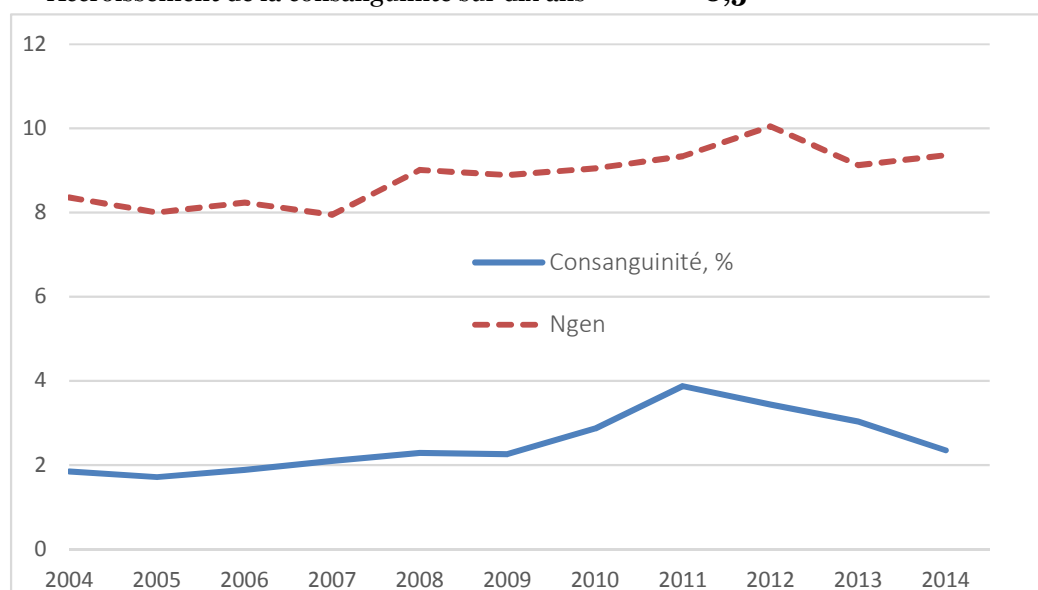
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	14,0%
entre 0 à 3,125% inclus	63,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	16,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	3,8%
entre 12,5% à 25% inclus	2,0%
plus de 25%	1,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **6,8%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans **0,5**



BOULONNAISE**Informations démographiques**

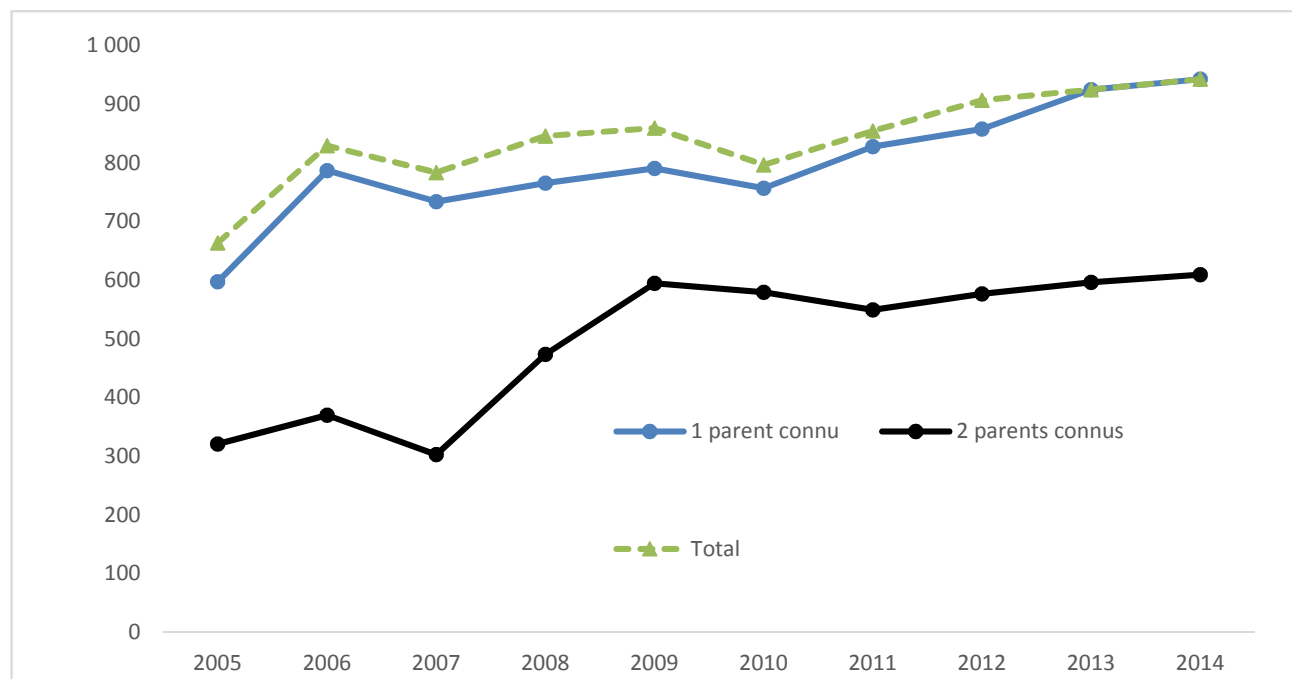
Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	3 554
Nb pères différents	89
Nb max de descendants par père	117
Nb grands-pères paternels différents	42
Nb max de descendants par GPP	216
Nb mères différentes	2 024
Nb max de descendants par mère	7
Nb grands-pères maternels différents	113
Nb max de descendants par GPM	101
Nb d'animaux avec deux parents connus	2 334

Rapport 2 parents connus/total des femelles 64%

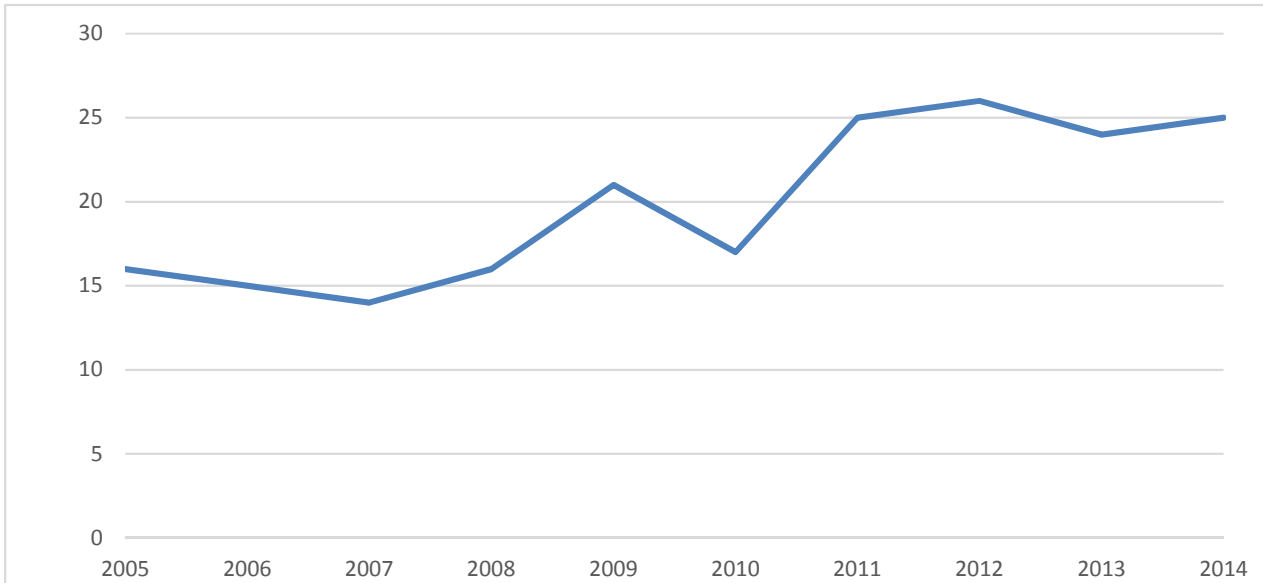
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

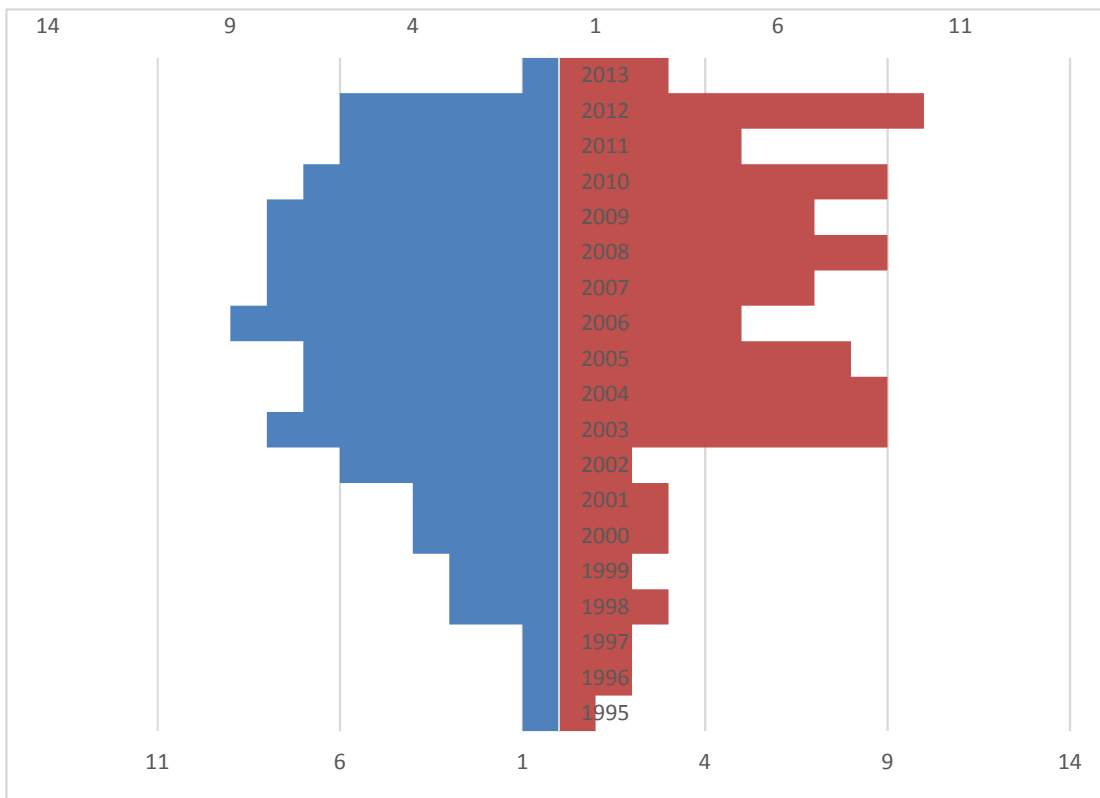
Croissance démographique ●11

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



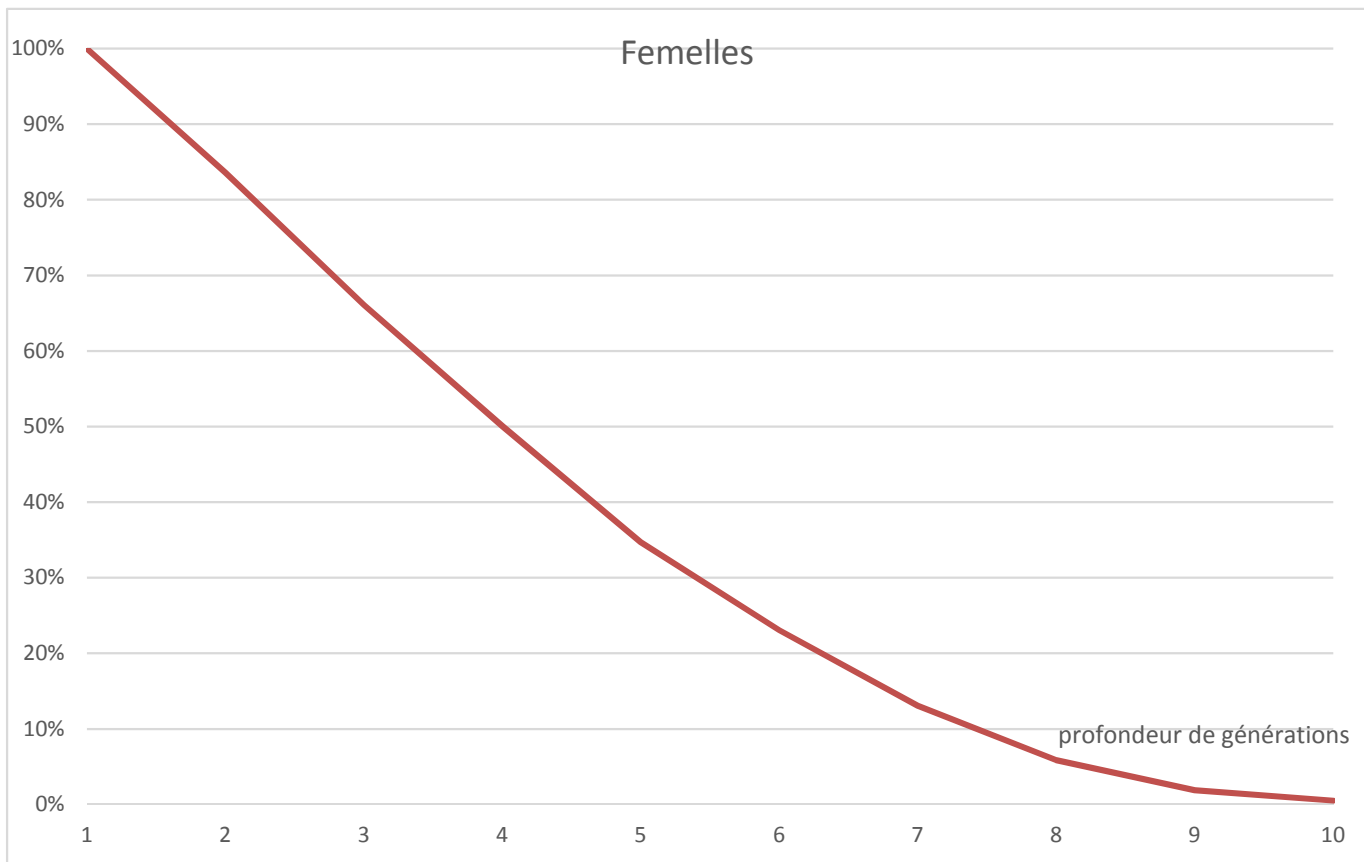
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,2
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,9
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,1
Moyenne 4 voies	3,6

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	2 334
Nb moyen de générations remontées	3,8
Nb moyen d'ancêtres connus	101
Nb maximum de générations remontées	18

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	1 927
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	194
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	65
Ratio Ae/Fe	33,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	7,2%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	29

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	62267054000025	M	2000	7,2%	7,2%	7,2%
2	80574014030039	M	2003	4,6%	4,6%	11,8%
3	62361047030103	M	2003	3,6%	3,6%	15,4%
4	62361047050338	M	2005	3,3%	3,3%	18,7%
5	54518070046	M	2007	4,2%	3,2%	21,8%
6	54518090067	M	2009	2,8%	2,5%	24,3%
7	80574014940006	M	1994	2,8%	2,0%	26,3%
8	42051380100	M	2009	2,5%	1,8%	28,1%
9	54518000026	M	2010	2,2%	1,8%	29,9%
10	62193105050114	M	2005	1,7%	1,7%	31,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	3,8
Consanguinité moyenne (%)	1,0
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,6
Parenté (%)	1,4
Consanguinité des parents (%)	0,4
Parentés des parents (%)	0,4
Taille efficace (méthode Cervantès)	137
Taille efficace (méthode démographique)	341

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

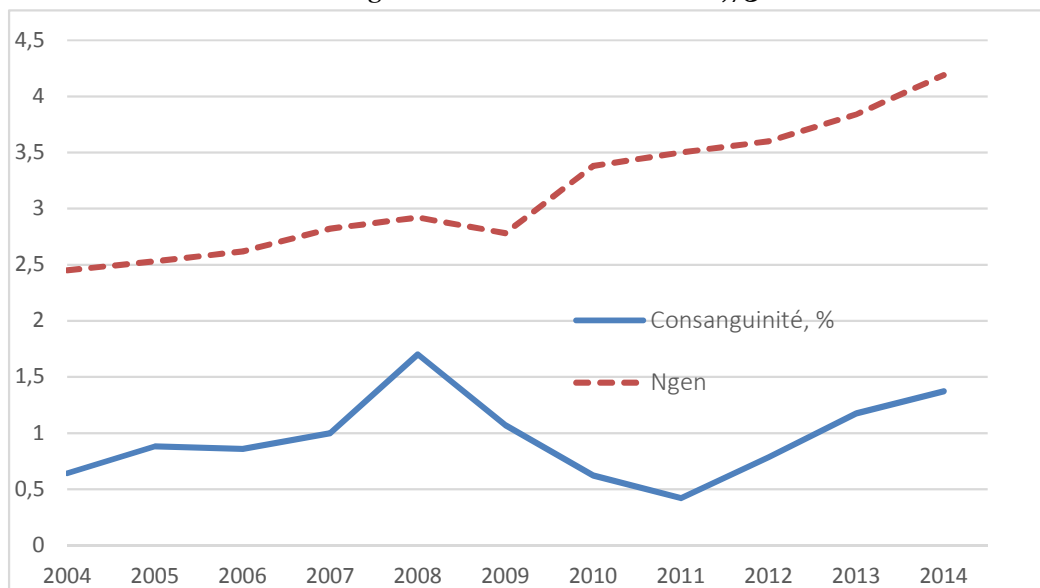
0% de consanguinité	69,1%
entre 0 à 3,125% inclus	23,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	4,2%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,4%
entre 12,5% à 25% inclus	1,7%
plus de 25%	0,4%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **3,5%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,73



CLUN-FOREST**Informations démographiques**

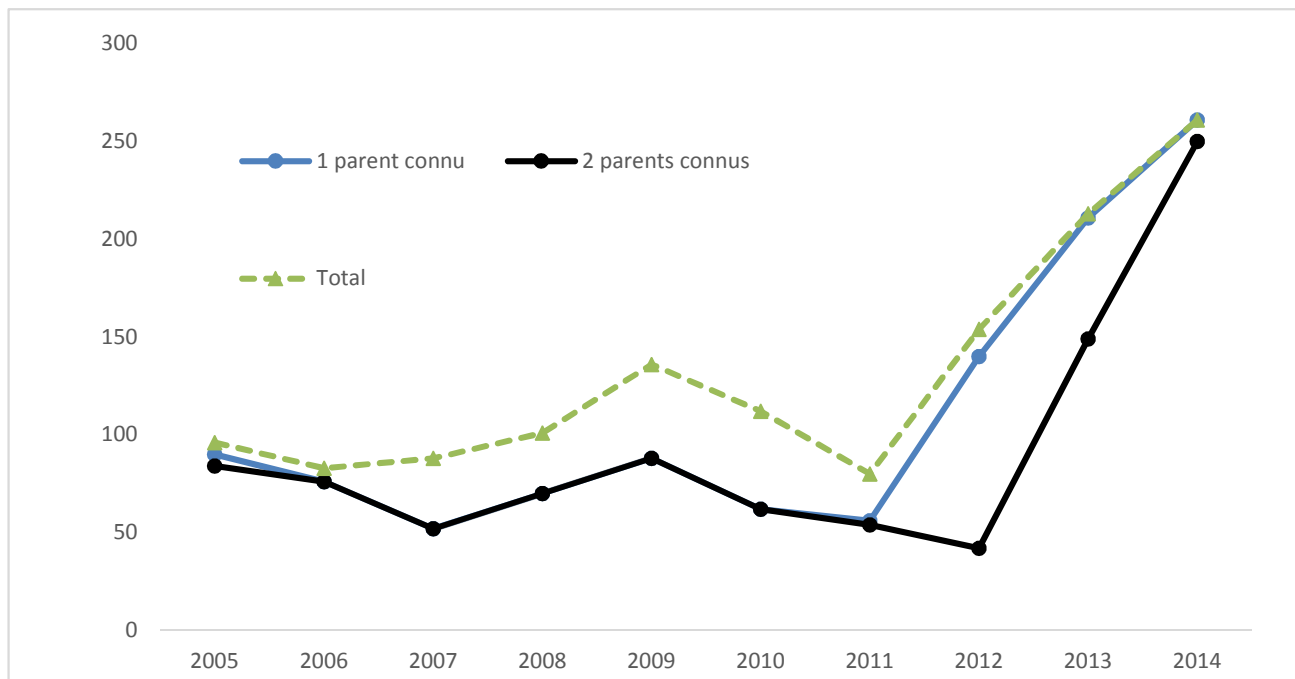
Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	668
Nb pères différents	21
Nb max de descendants par père	64
Nb grands-pères paternels différents	8
Nb max de descendants par GPP	156
Nb mères différentes	352
Nb max de descendants par mère	7
Nb grands-pères maternels différents	14
Nb max de descendants par GPM	38
Nb d'animaux avec deux parents connus	495

Rapport 2 parents connus/total des femelles 70%

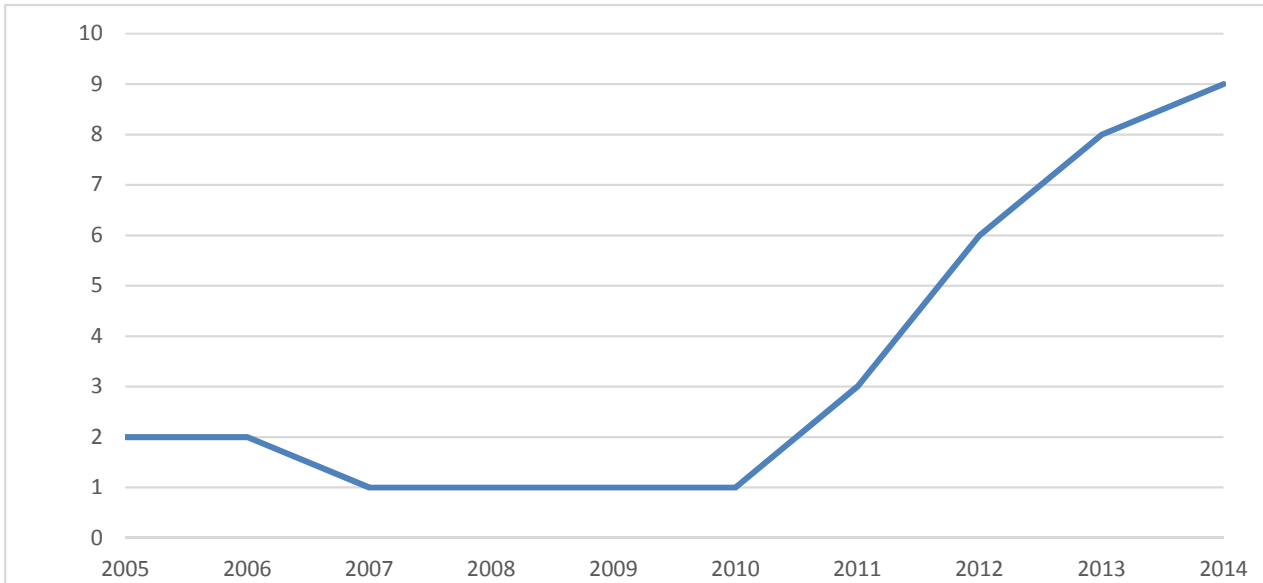
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

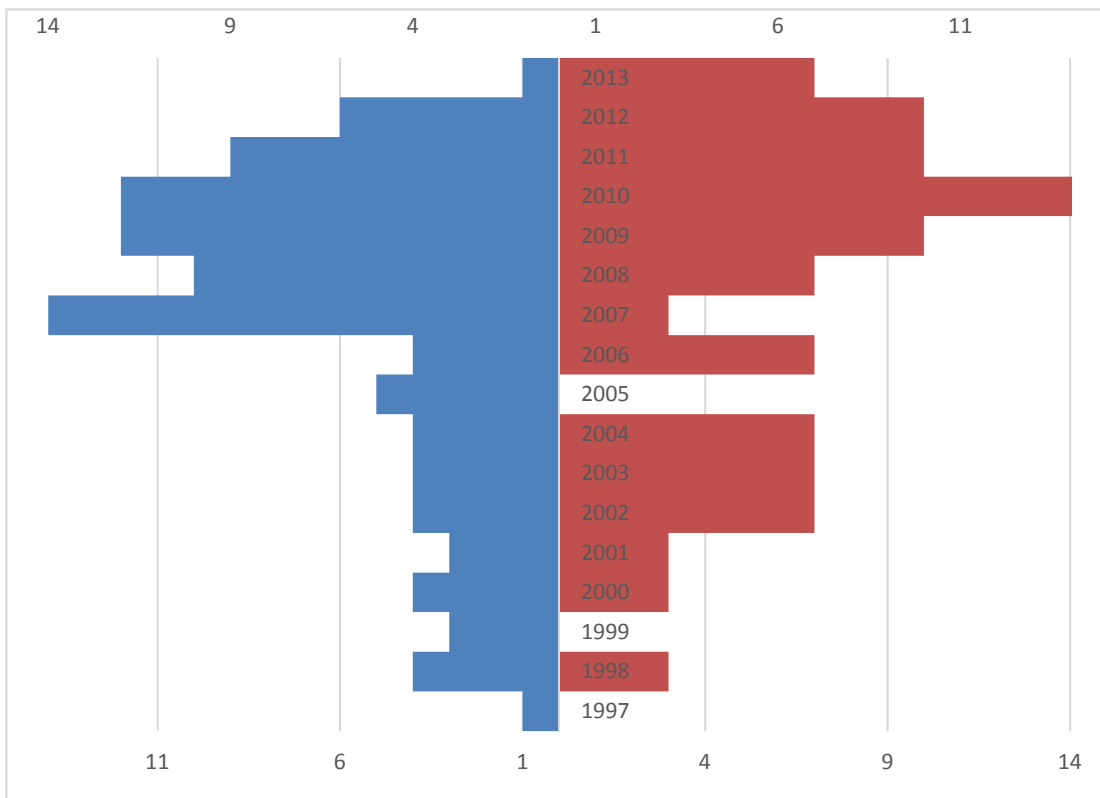
Croissance démographique ● 63

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



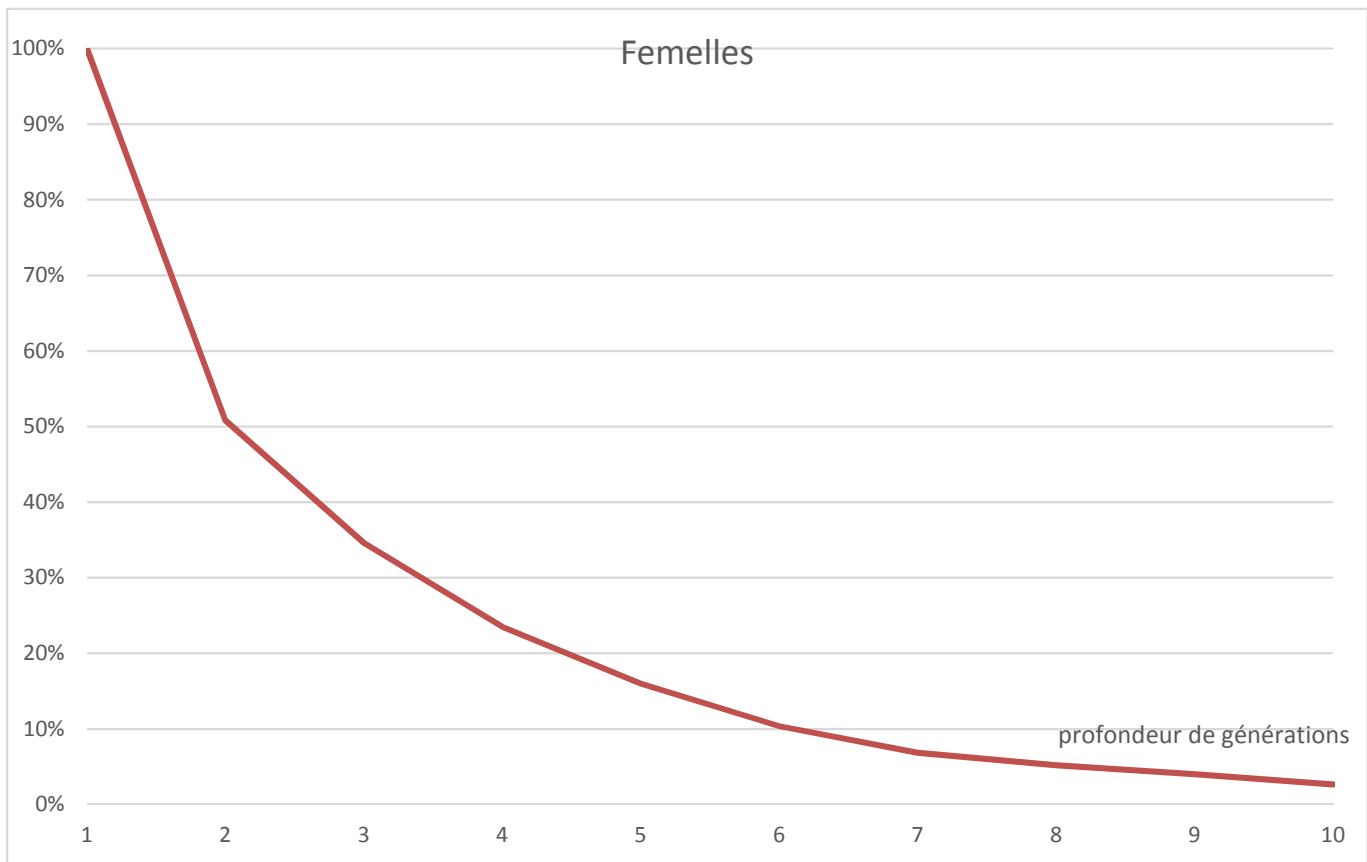
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,0
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,1
Moyenne 4 voies	4,1

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	495
Nb moyen de générations remontées	2,6
Nb moyen d'ancêtres connus	225
Nb maximum de générations remontées	17

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	318
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	31
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	29
Ratio Ae/Fe	92,5%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	11,4%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	11

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	NL245594508007	M	2008	11,4%	11,4%	11,4%
2	28280339030400	M	2003	8,7%	8,7%	20,1%
3	98810002980094	M	1998	5,1%	5,1%	25,2%
4	NL238674608009	M	2008	5,1%	5,1%	30,3%
5	73111014020010	M	2002	4,4%	4,4%	34,7%
6	20745297011	M	2009	3,8%	3,8%	38,5%
7	25034106047	M	2009	3,3%	3,3%	41,8%
8	28280339940055	M	1994	2,9%	2,9%	44,7%
9	25081900088	M	2009	2,8%	2,8%	47,6%
10	96720021930769	M	1993	2,1%	2,1%	49,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	2,6
Consanguinité moyenne (%)	0,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,4
Parenté (%)	3,5
Consanguinité des parents (%)	0,4
Parentés des parents (%)	0,4
Taille efficace (méthode Cervantès)	41
Taille efficace (méthode démographique)	79

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	71,9%
entre 0 à 3,125% inclus	19,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	5,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	2,6%
entre 12,5% à 25% inclus	0,7%
plus de 25%	0,5%

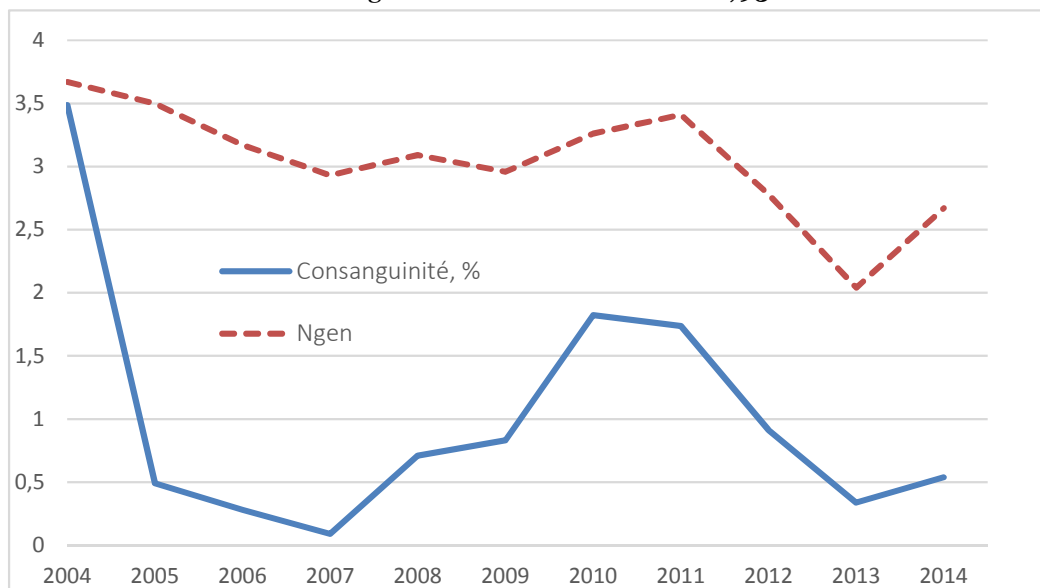
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité

3,8%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-2,95



COTENTIN**Informations démographiques**

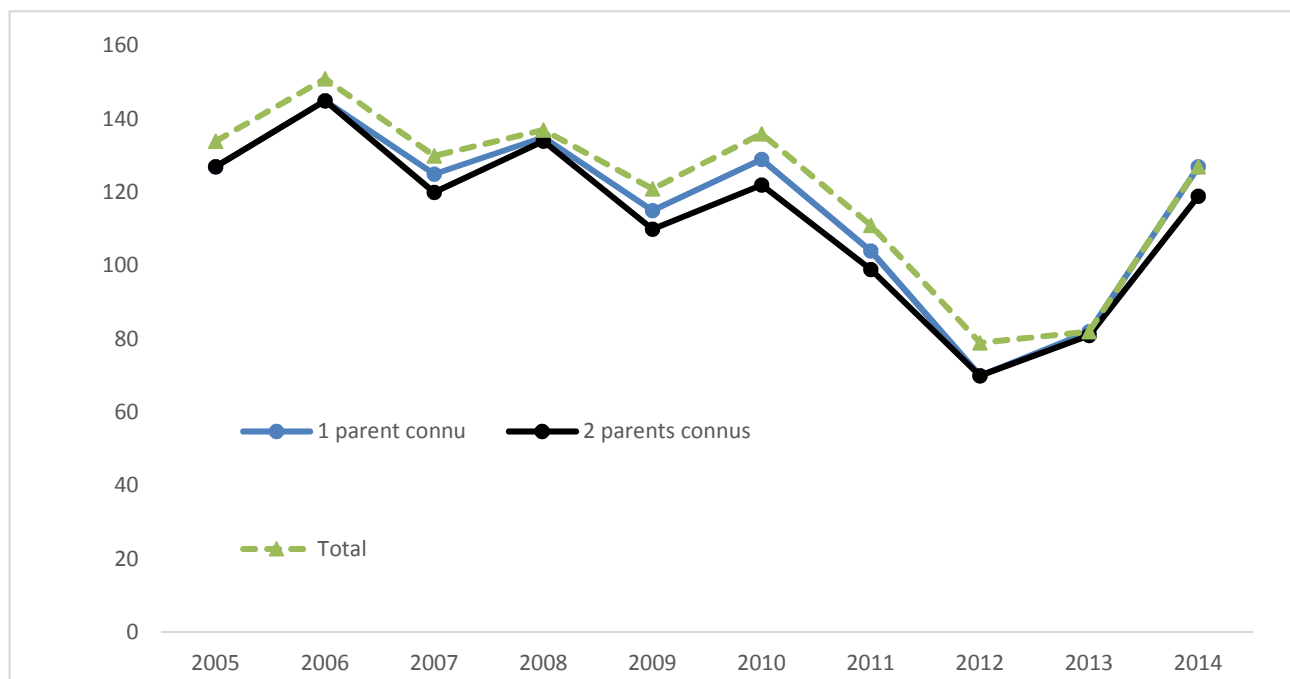
Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	383
Nb pères différents	36
Nb max de descendants par père	30
Nb grands-pères paternels différents	22
Nb max de descendants par GPP	36
Nb mères différentes	195
Nb max de descendants par mère	7
Nb grands-pères maternels différents	44
Nb max de descendants par GPM	37
Nb d'animaux avec deux parents connus	369

Rapport 2 parents connus/total des femelles 92%

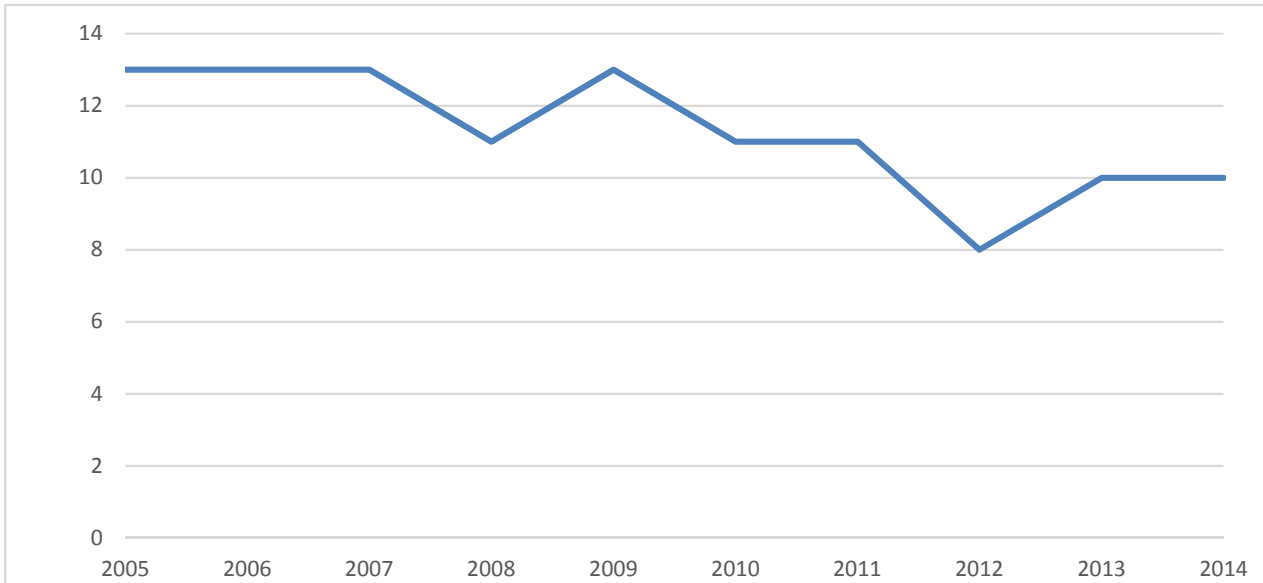
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

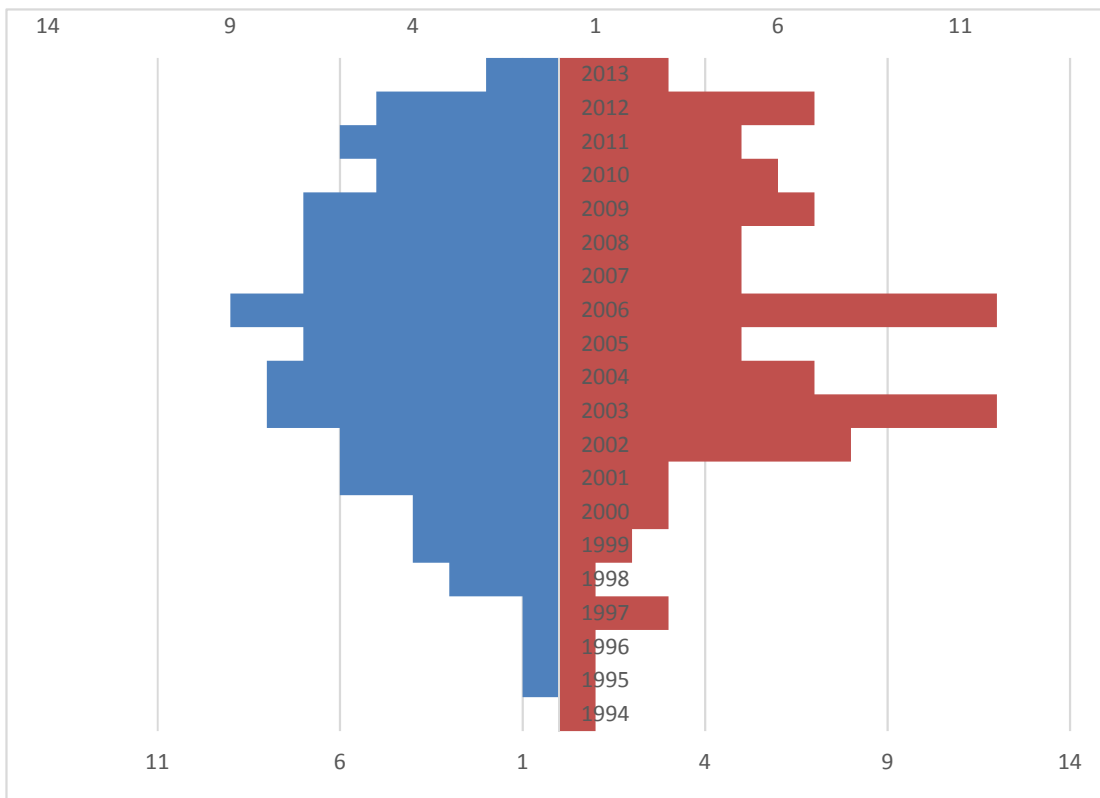
Croissance démographique ● -21

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



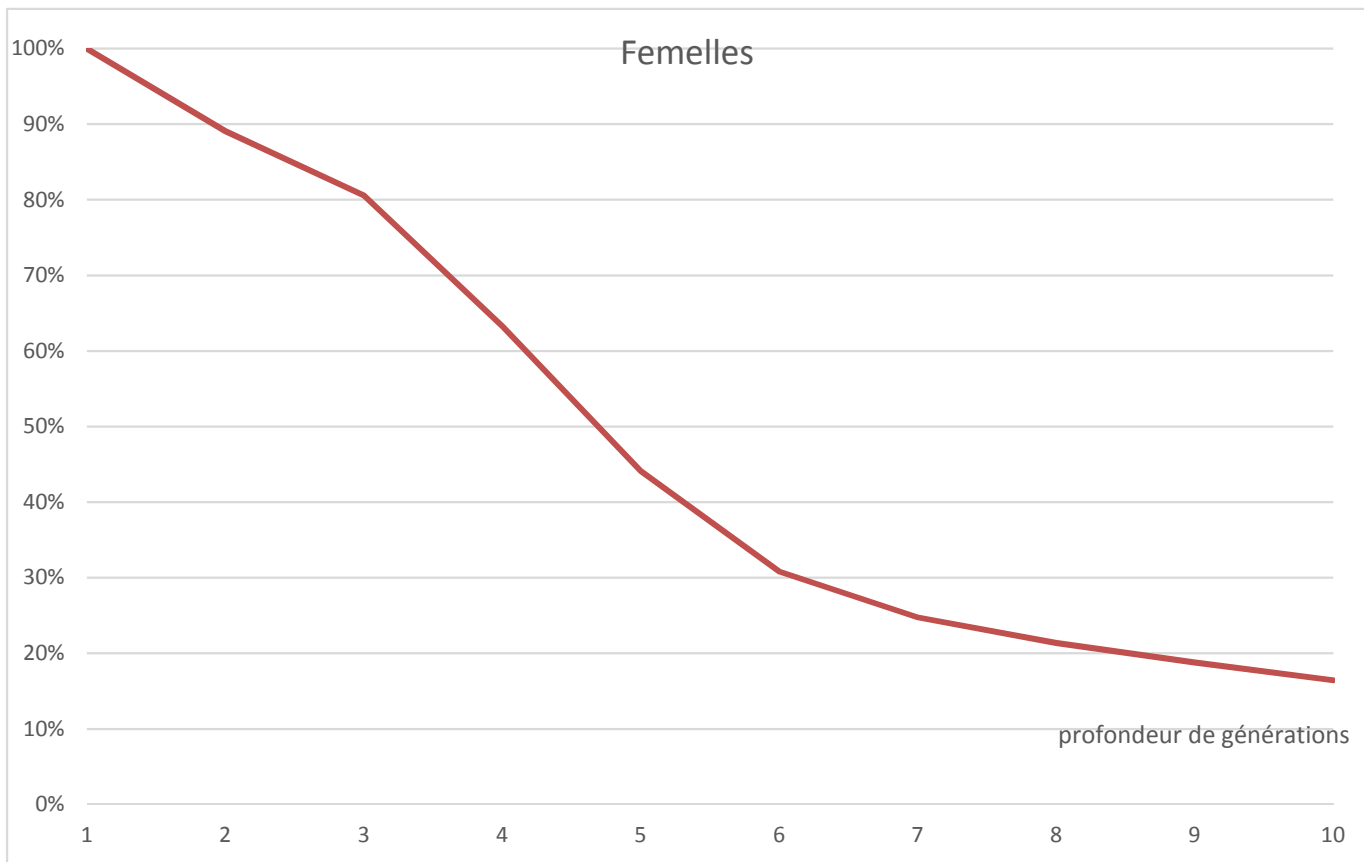
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,7
Moyenne 4 voies	3,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	369
Nb moyen de générations remontées	5.3
Nb moyen d'ancêtres connus	4 930
Nb maximum de générations remontées	23

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	258
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	48
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	21
Ratio Ae/Fe	44,1%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	14,9%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	8

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	50087330030008	M	2003	14,9%	14,9%	14,9%
2	36917480014	M	2008	10,4%	7,8%	22,6%
3	37198610010	M	2010	7,5%	7,5%	30,1%
4	50616001030026	M	2003	5,8%	5,8%	35,8%
5	36726810033	M	2011	4,7%	4,1%	40,0%
6	17614280003	M	2008	4,0%	4,0%	43,9%
7	37044390003	M	2009	4,2%	3,7%	47,6%
8	36765060014	M	2006	2,6%	2,6%	50,1%
9	50249031020215	F	2002	3,0%	2,4%	52,5%
10	36765090011	M	2009	4,5%	2,3%	54,8%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,3
Consanguinité moyenne (%)	2,4
Consanguinité sur 3 générations (%)	2,2
Parenté (%)	4,0
Consanguinité des parents (%)	1,4
Parentés des parents (%)	2,4
Taille efficace (méthode Cervantès)	65
Taille efficace (méthode démographique)	122

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

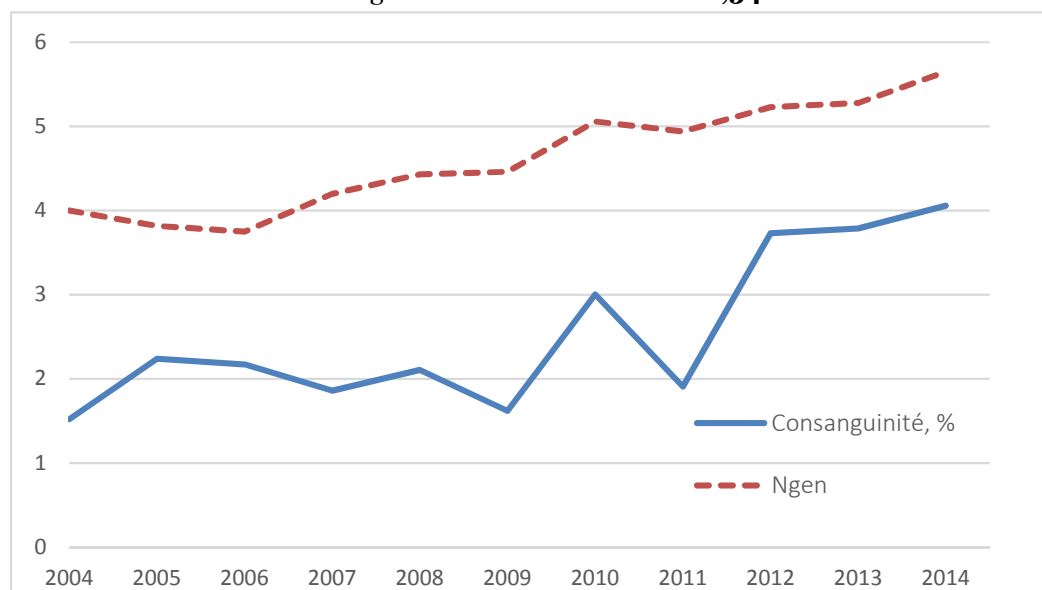
0% de consanguinité	46,0%
entre 0 à 3,125% inclus	31,7%
entre 3,125% à 6,25% inclus	11,3%
entre 6,25% à 12,5% inclus	5,2%
entre 12,5% à 25% inclus	4,7%
plus de 25%	1,1%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **11,0%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

2,54



DORSET-DOWN**Informations démographiques**

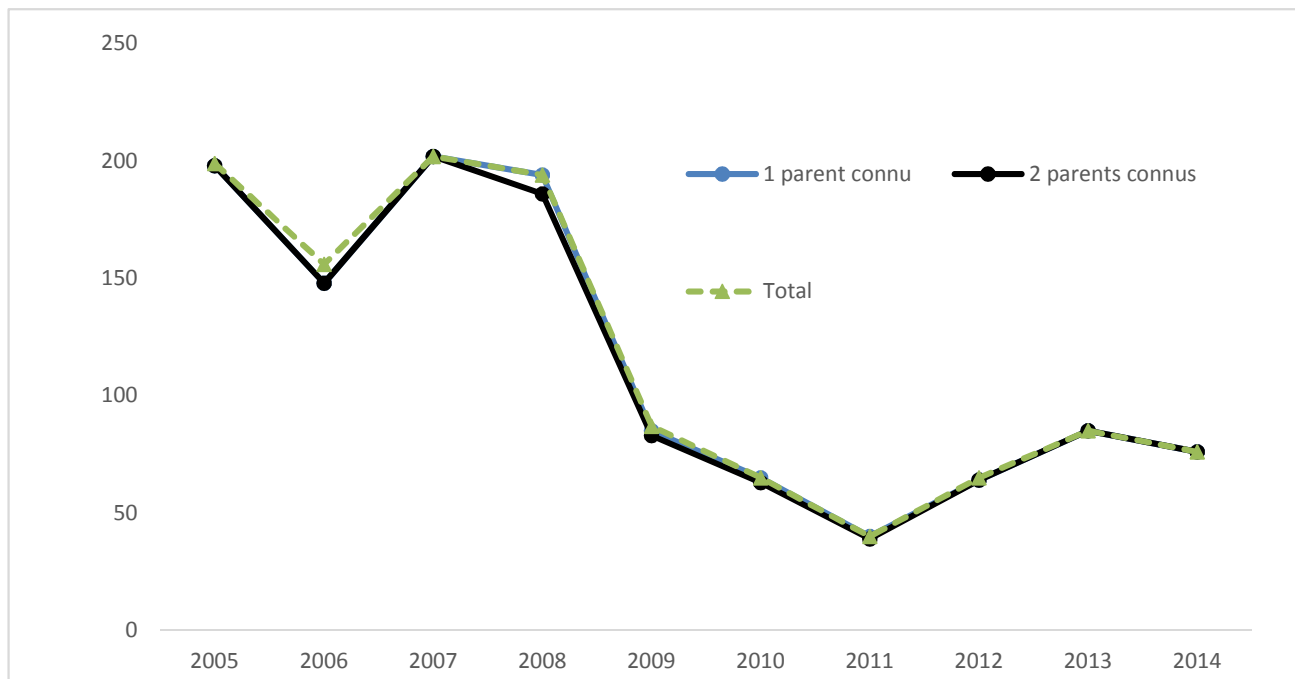
Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	265
Nb pères différents	14
Nb max de descendants par père	84
Nb grands-pères paternels différents	10
Nb max de descendants par GPP	84
Nb mères différentes	132
Nb max de descendants par mère	6
Nb grands-pères maternels différents	30
Nb max de descendants par GPM	51
Nb d'animaux avec deux parents connus	264

Rapport 2 parents connus/total des femelles 99%

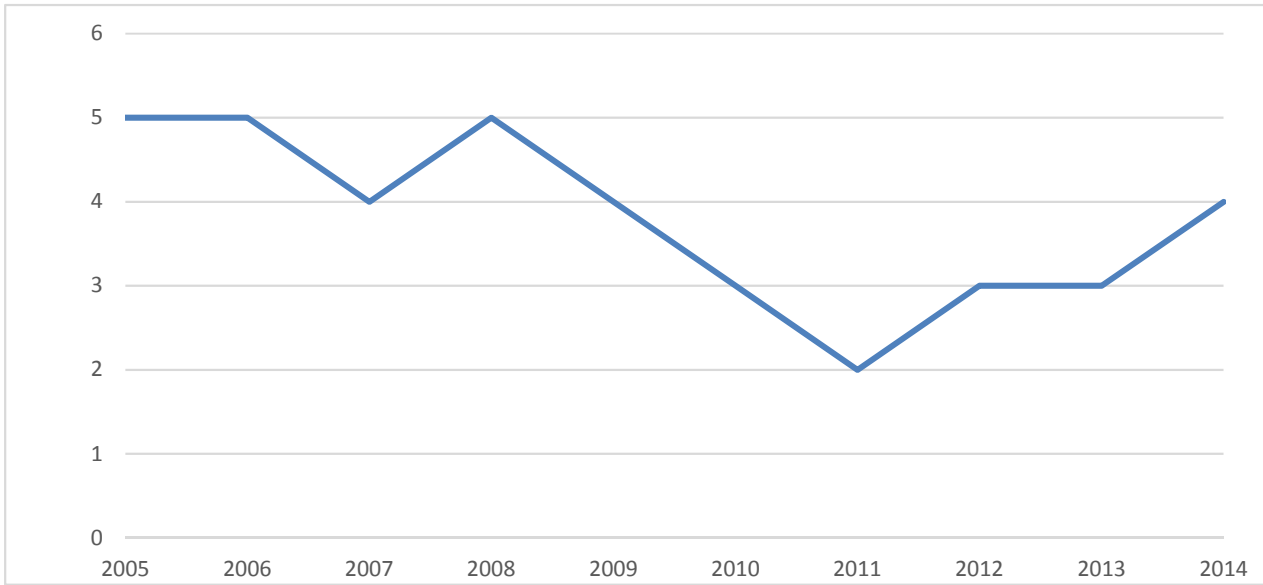
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

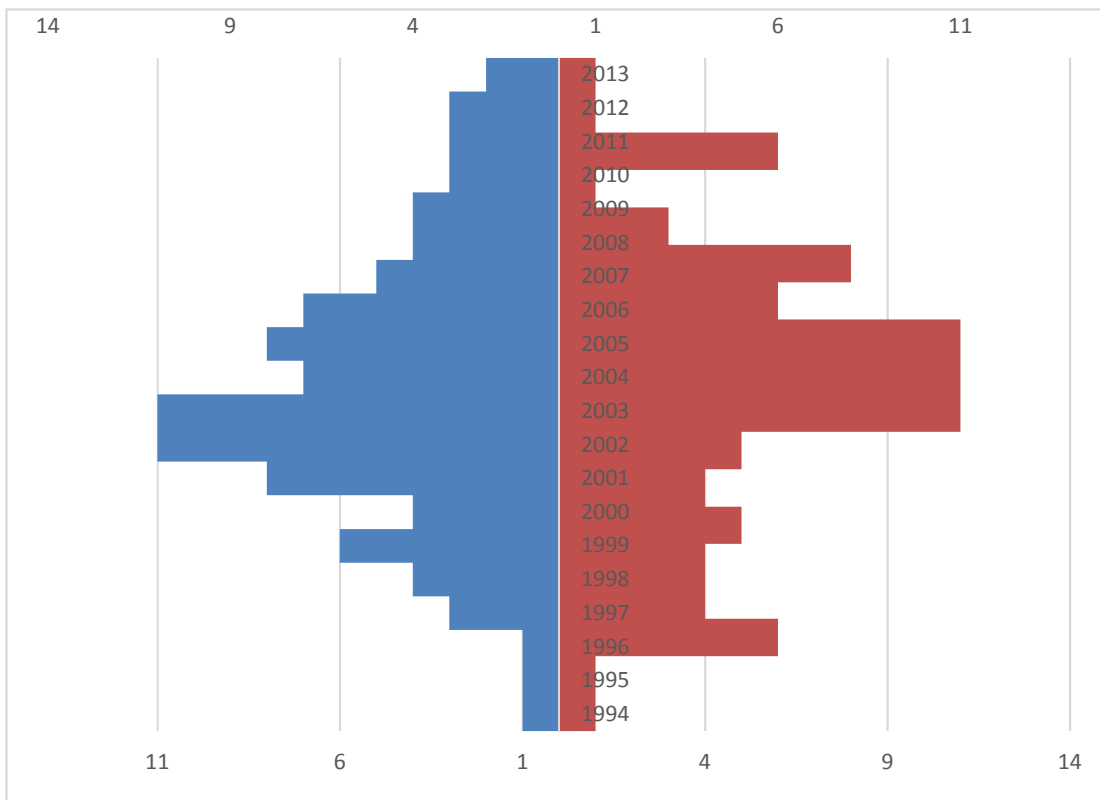
Croissance démographique ● -61

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



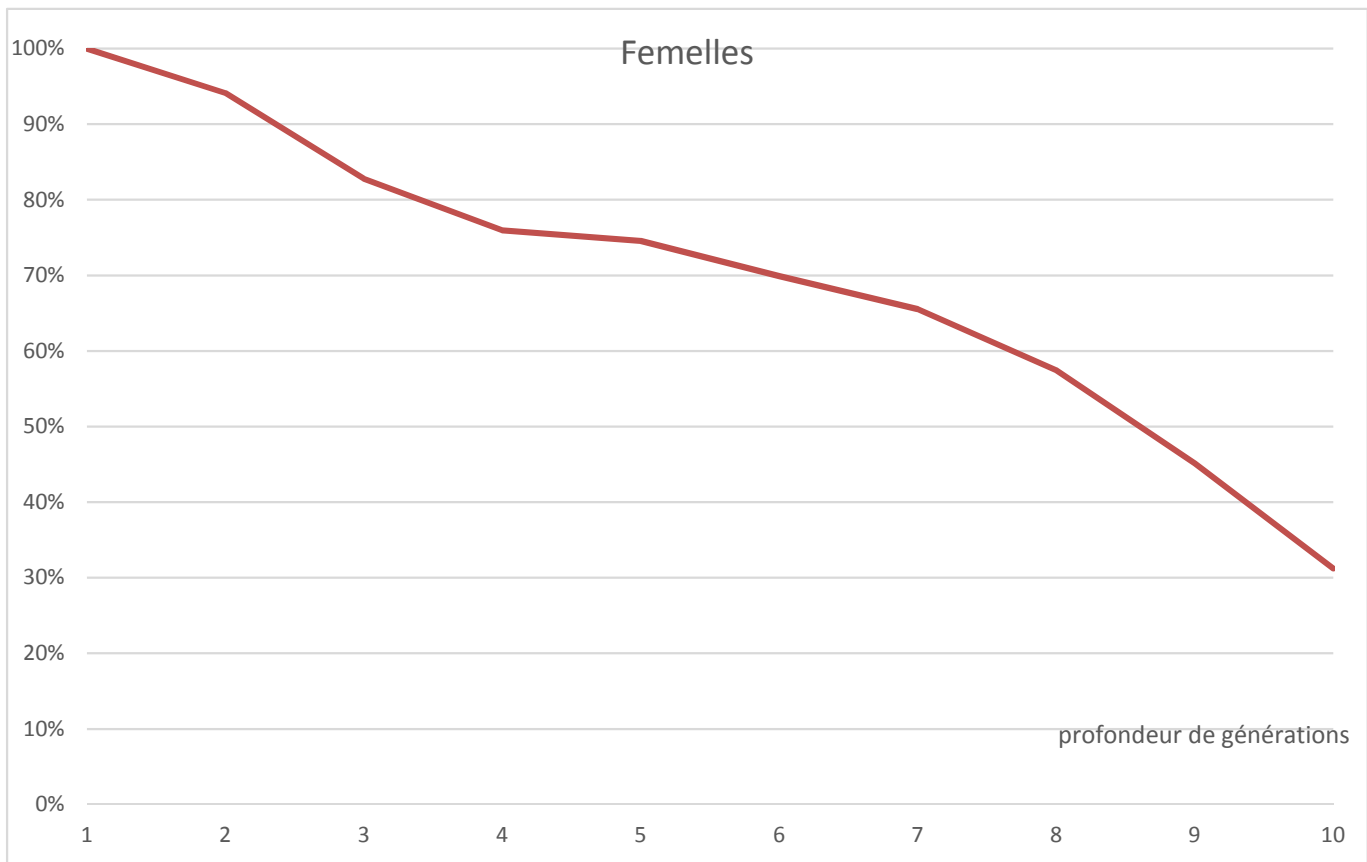
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,0
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,9
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,4
Moyenne 4 voies	3,9

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	264
Nb moyen de générations remontées	7,3
Nb moyen d'ancêtres connus	2 256
Nb maximum de générations remontées	20

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	602
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	34
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	13
Ratio Ae/Fe	37,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	18,4%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	4

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	20036980010	M	2008	18,4%	18,4%	18,4%
2	22549390053	M	2009	12,2%	12,2%	30,6%
3	86280625050018	M	2005	10,2%	10,2%	40,8%
4	23075119050014	M	2005	9,4%	9,4%	50,2%
5	18108901810037	M	1981	11,4%	5,5%	55,7%
6	86280625030029	M	2003	9,1%	4,1%	59,8%
7	23075119960020	M	1996	9,9%	3,7%	63,5%
8	17657600135	M	2010	3,3%	3,3%	66,8%
9	86280625050044	M	2005	2,8%	2,6%	69,4%
10	18108063040006	M	2004	9,5%	2,6%	72,1%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,3
Consanguinité moyenne (%)	6,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	2,6
Parenté (%)	8,1
Consanguinité des parents (%)	5,8
Parentés des parents (%)	6,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	44
Taille efficace (méthode démographique)	51

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

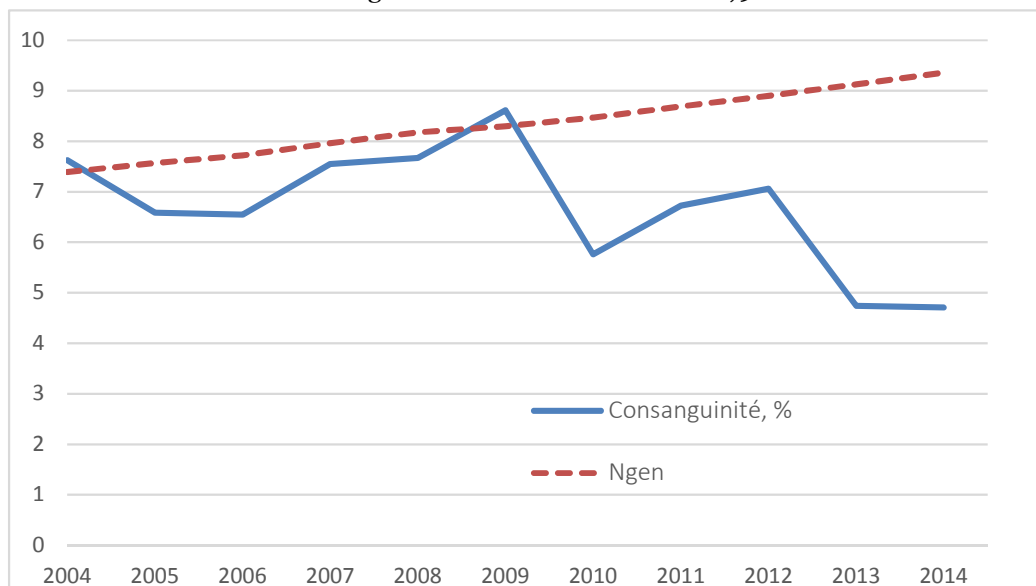
0% de consanguinité	9,7%
entre 0 à 3,125% inclus	15,3%
entre 3,125% à 6,25% inclus	31,3%
entre 6,25% à 12,5% inclus	29,9%
entre 12,5% à 25% inclus	10,5%
plus de 25%	3,2%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **43,7%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-2,92



FINNOISE**Informations démographiques**

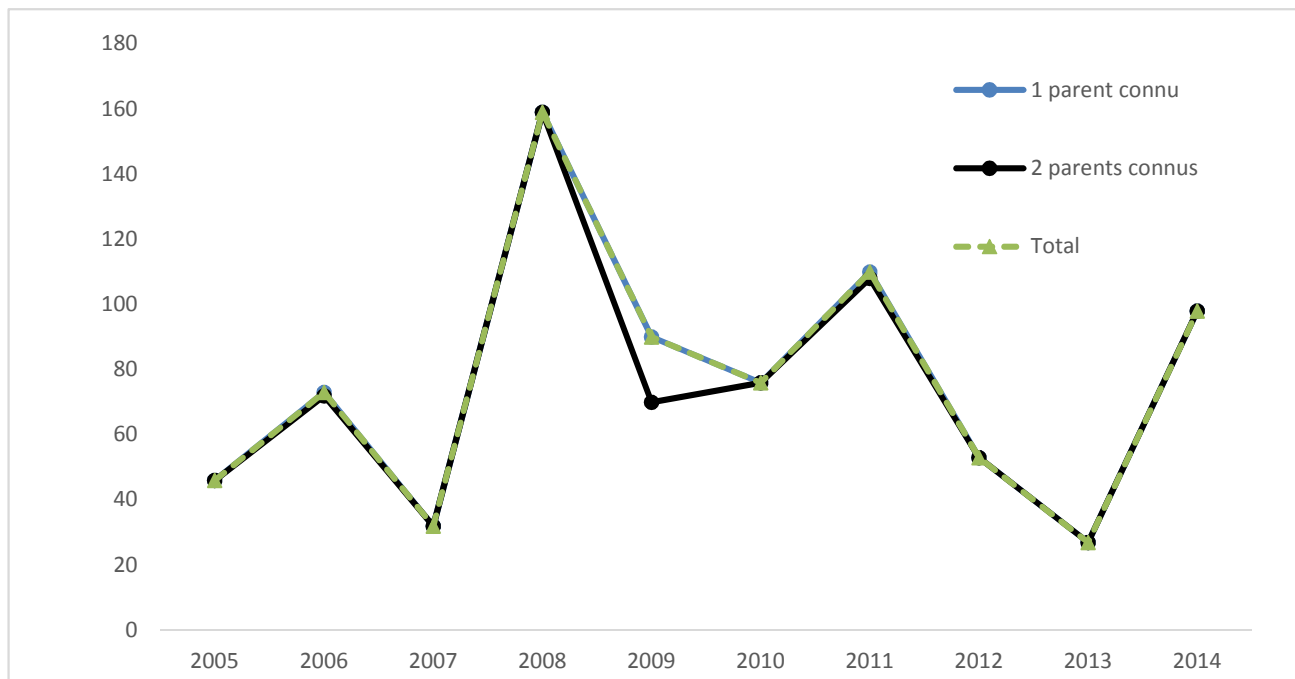
Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	288
Nb pères différents	15
Nb max de descendants par père	54
Nb grands-pères paternels différents	7
Nb max de descendants par GPP	77
Nb mères différentes	128
Nb max de descendants par mère	6
Nb grands-pères maternels différents	26
Nb max de descendants par GPM	46
Nb d'animaux avec deux parents connus	286

Rapport 2 parents connus/total des femelles 99%

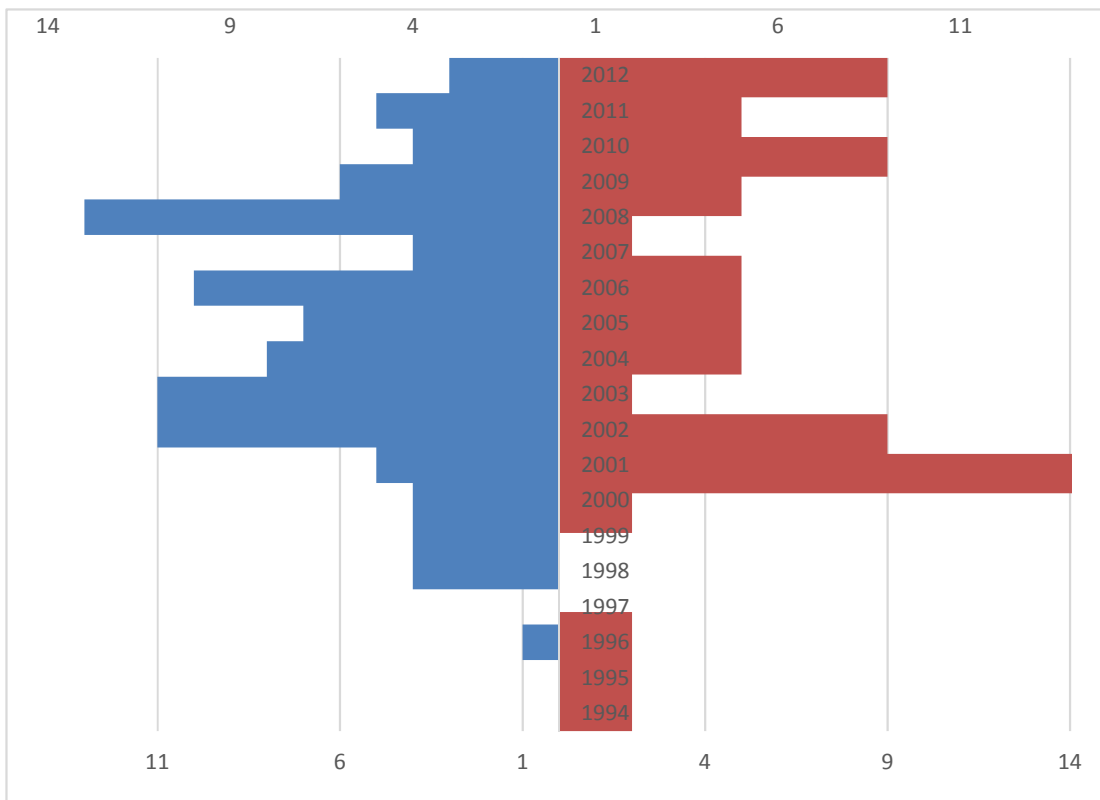
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

Croissance démographique ●-9

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Pyramide des âges de la population active femelle (%)



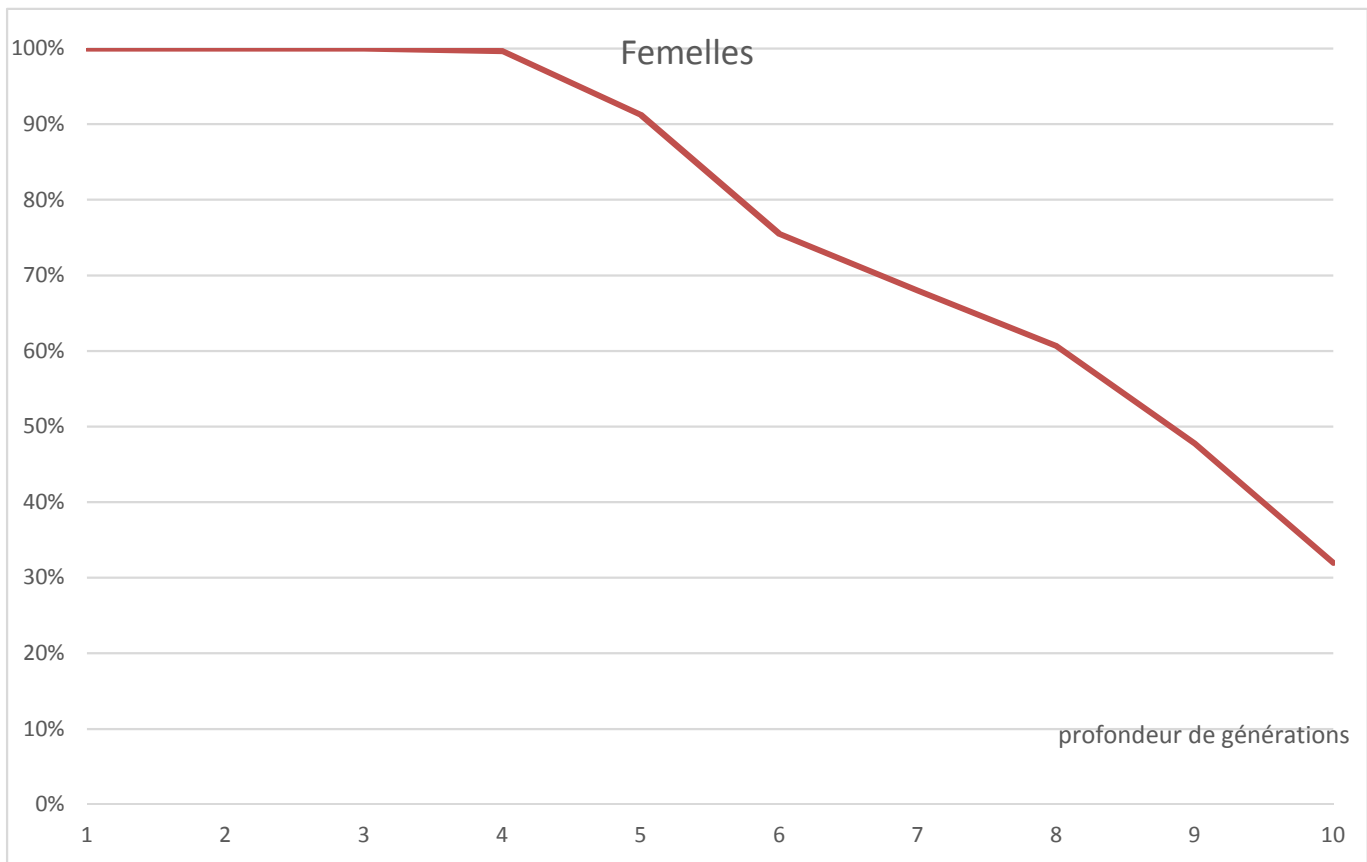
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,5
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,3
Moyenne 4 voies	4,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	286
Nb moyen de générations remontées	8,1
Nb moyen d'ancêtres connus	2 287
Nb maximum de générations remontées	18

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	70
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	27
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	12
Ratio Ae/Fe	43,5%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	16,8%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	5

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	60605002910617	M	1991	16,8%	16,8%	16,8%
2	60605002030141	M	2003	15,2%	13,3%	30,1%
3	60605002970032	M	1997	11,6%	10,2%	40,3%
4	60605002925295	M	1992	9,6%	9,6%	49,9%
5	60605002951916	M	1995	6,3%	6,3%	56,2%
6	60605002030036	M	2003	11,0%	6,2%	62,4%
7	60605002944144	M	1994	9,2%	5,3%	67,7%
8	60605002860517	M	1986	6,1%	4,8%	72,5%
9	62457028790244	M	1979	8,2%	4,5%	77,0%
10	60605002790466	F	1978	9,3%	4,0%	81,0%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	8,1
Consanguinité moyenne (%)	5,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,1
Parenté (%)	11,0
Consanguinité des parents (%)	5,4
Parentés des parents (%)	9,1
Taille efficace (méthode Cervantès)	34
Taille efficace (méthode démographique)	54

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

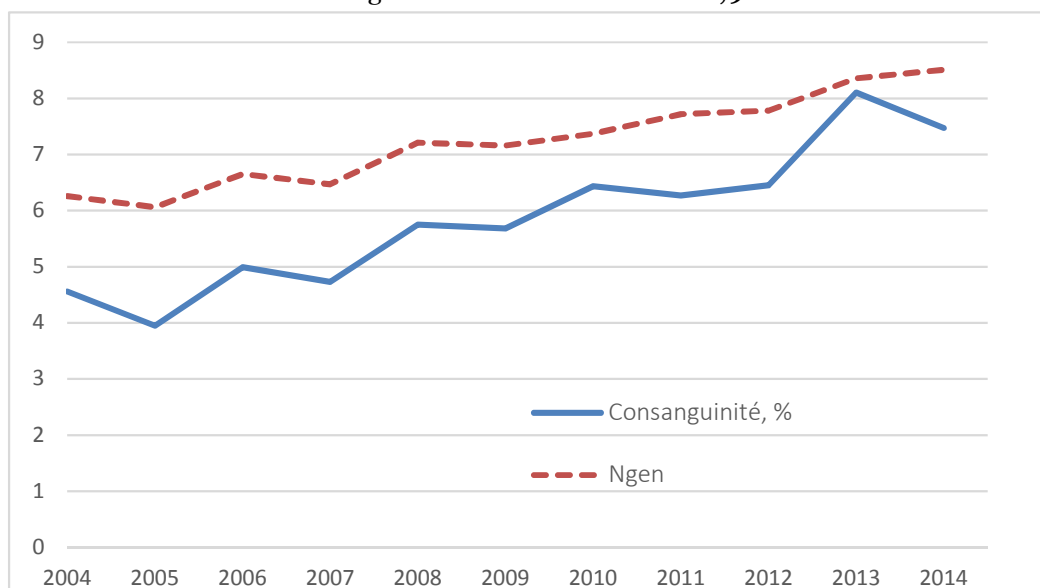
0% de consanguinité	0,0%
entre 0 à 3,125% inclus	6,6%
entre 3,125% à 6,25% inclus	50,8%
entre 6,25% à 12,5% inclus	42,6%
entre 12,5% à 25% inclus	0,0%
plus de 25%	0,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **42,6%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

2,92



HAMPSHIRE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

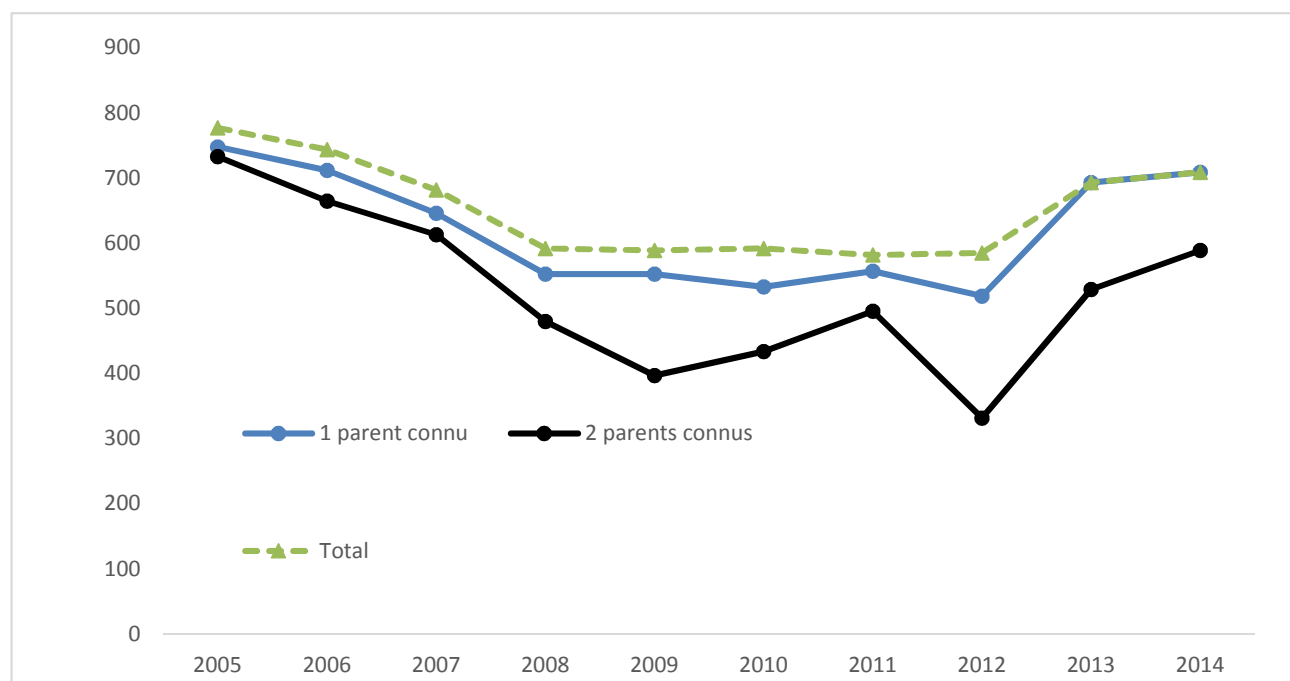
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	2 477	3
Nb pères différents	90	2
Nb max de descendants par père	95	1
Nb grands-pères paternels différents	41	2
Nb max de descendants par GPP	192	1
Nb mères différentes	1 347	2
Nb max de descendants par mère	8	1
Nb grands-pères maternels différents	151	2
Nb max de descendants par GPM	76	1
Nb d'animaux avec deux parents connus	1 946	2

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 76%

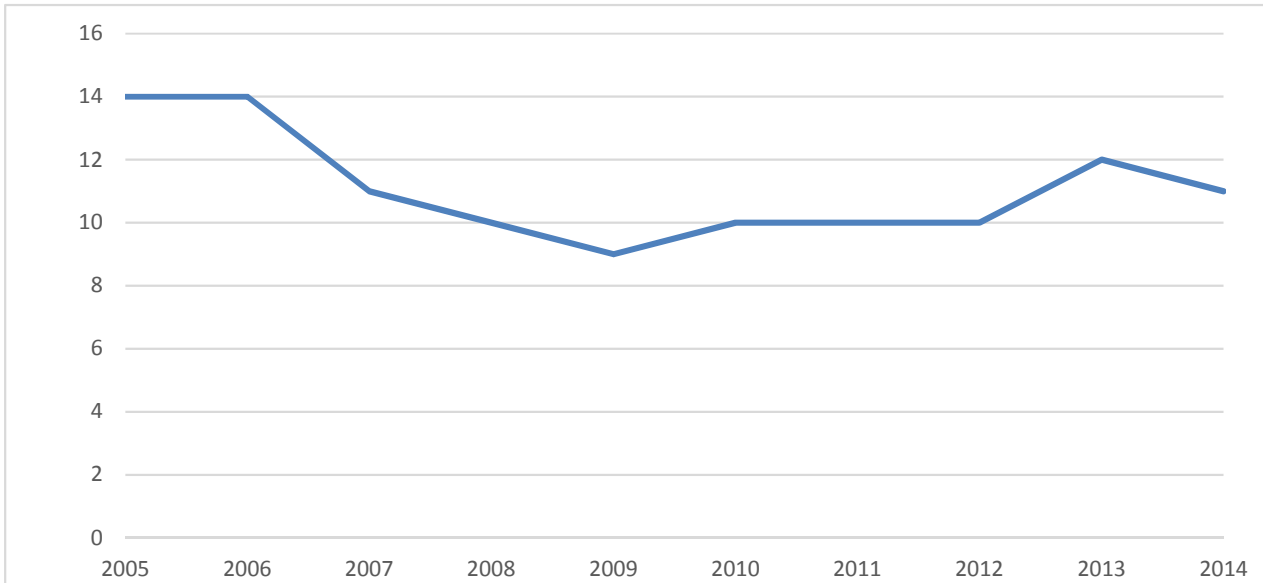
% femelles issues IA 1

Evolution de la population femelle

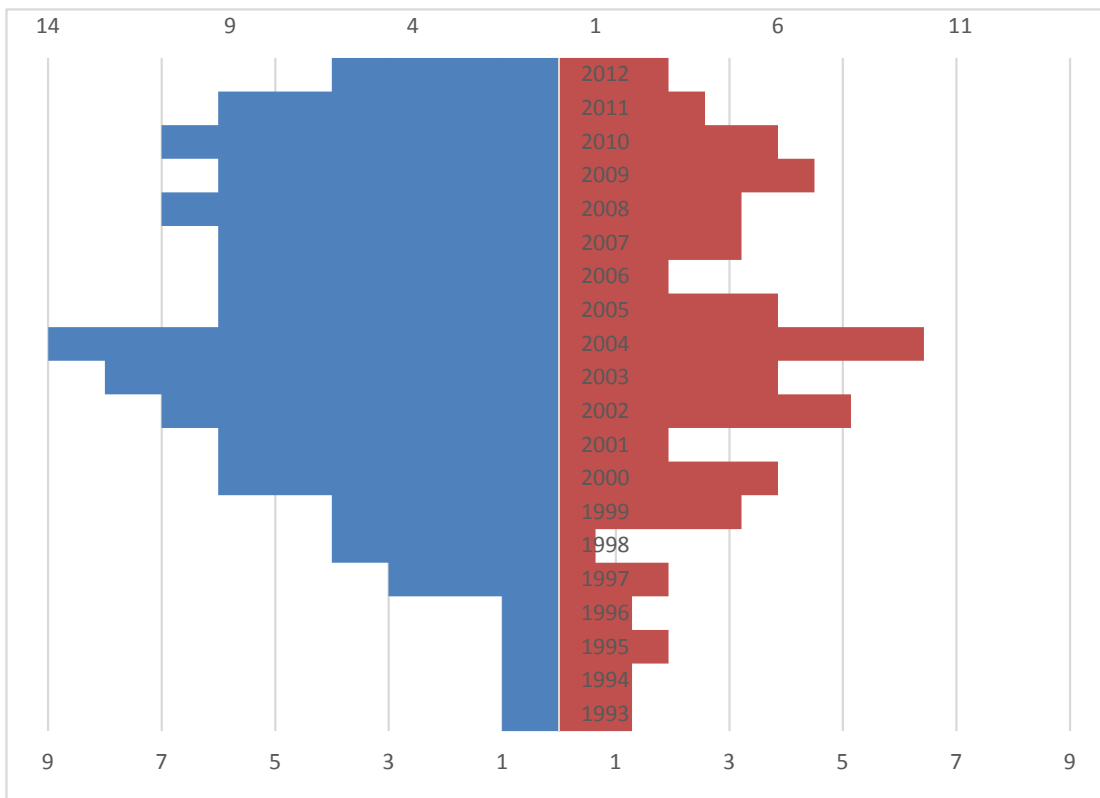
Croissance démographique ●-7

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

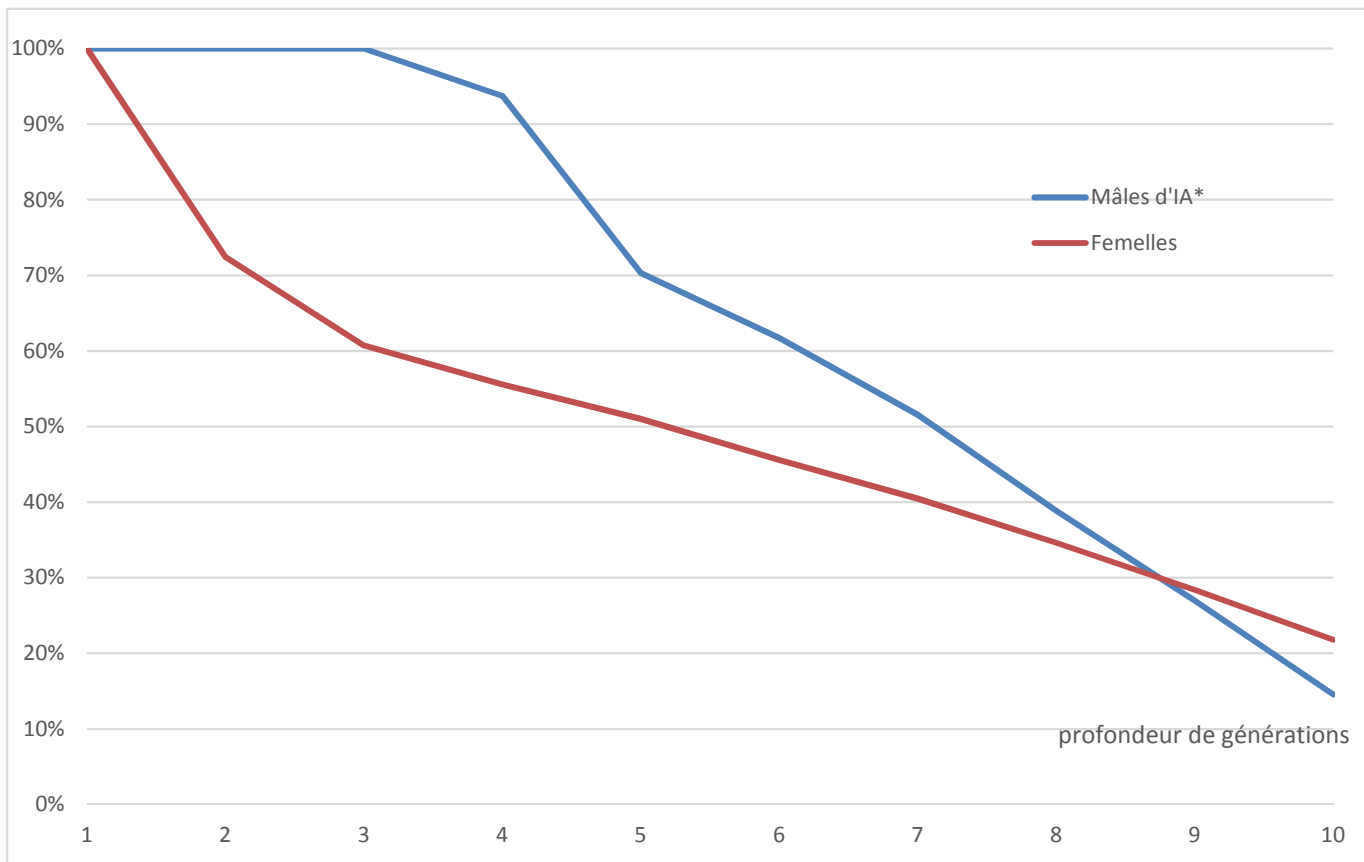
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,1
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,4
Moyenne 4 voies	3,8

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	1 946	2
Nb moyen de générations remontées	5,4	6,7
Nb moyen d'ancêtres connus	1 843	875
Nb maximum de générations remontées	20	16

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	915
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	157
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	73
Ratio Ae/Fe	46,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,5%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	28

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	54553960147	M	2006	5,5%	5,5%	5,5%
2	80467012890011	M	1989	4,3%	4,3%	9,8%
3	15080820020100	M	2002	3,0%	3,0%	12,8%
4	60655008910729	M	1991	3,0%	2,9%	15,7%
5	55244028050800	M	2005	2,9%	2,9%	18,5%
6	80467012900027	M	1990	3,0%	2,2%	20,8%
7	63393054940028	M	1994	2,2%	2,2%	22,9%
8	60655008900279	M	1990	2,0%	1,9%	24,8%
9	63213055970047	M	1997	1,9%	1,9%	26,7%
10	60143050830086	M	1983	3,0%	1,8%	28,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,4
Consanguinité moyenne (%)	2,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,6
Parenté (%)	1,7
Consanguinité des parents (%)	1,5
Parentés des parents (%)	1,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	173
Taille efficace (méthode démographique)	337

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

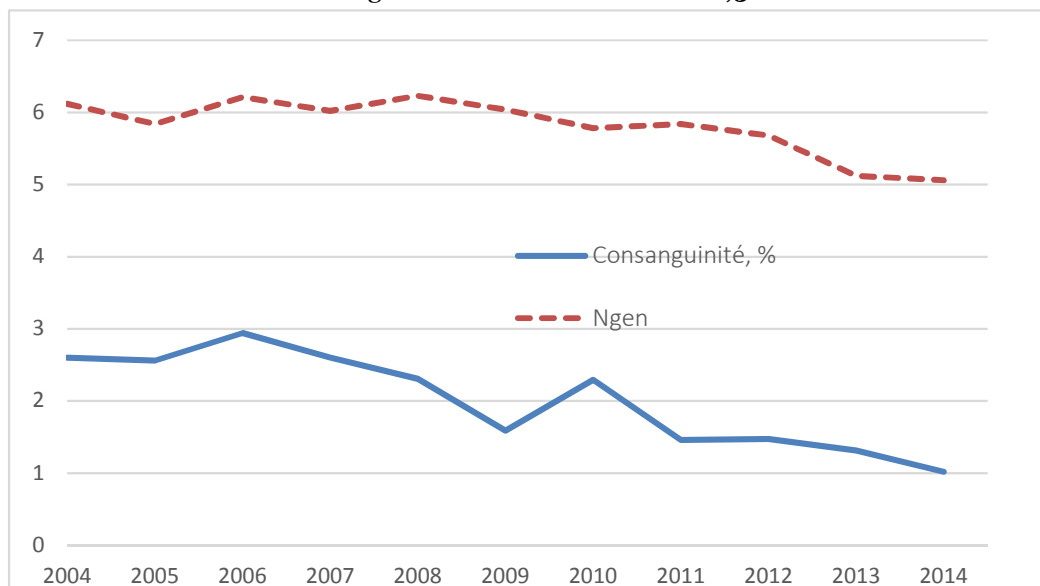
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	32,8%
entre 0 à 3,125% inclus	48,6%
entre 3,125% à 6,25% inclus	10,9%
entre 6,25% à 12,5% inclus	4,5%
entre 12,5% à 25% inclus	2,1%
plus de 25%	1,1%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	7,6%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-1,58



MERINOS DE RAMBOUILLET**Informations démographiques**

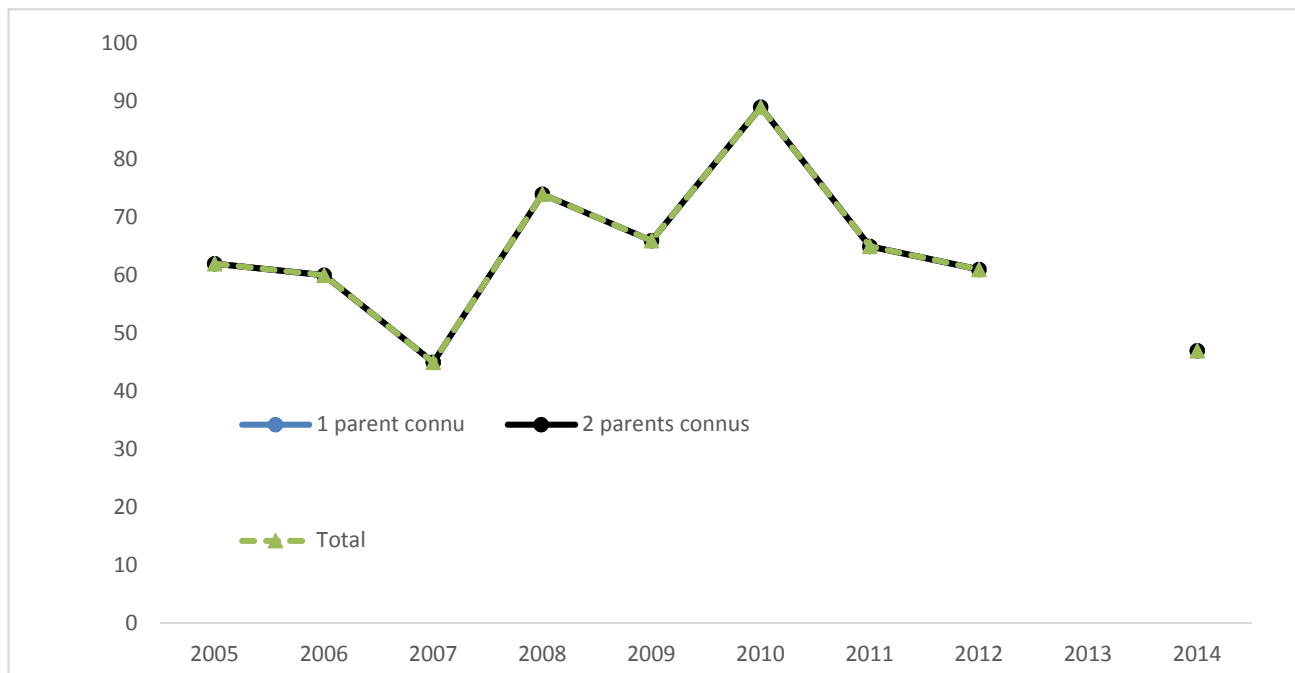
Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

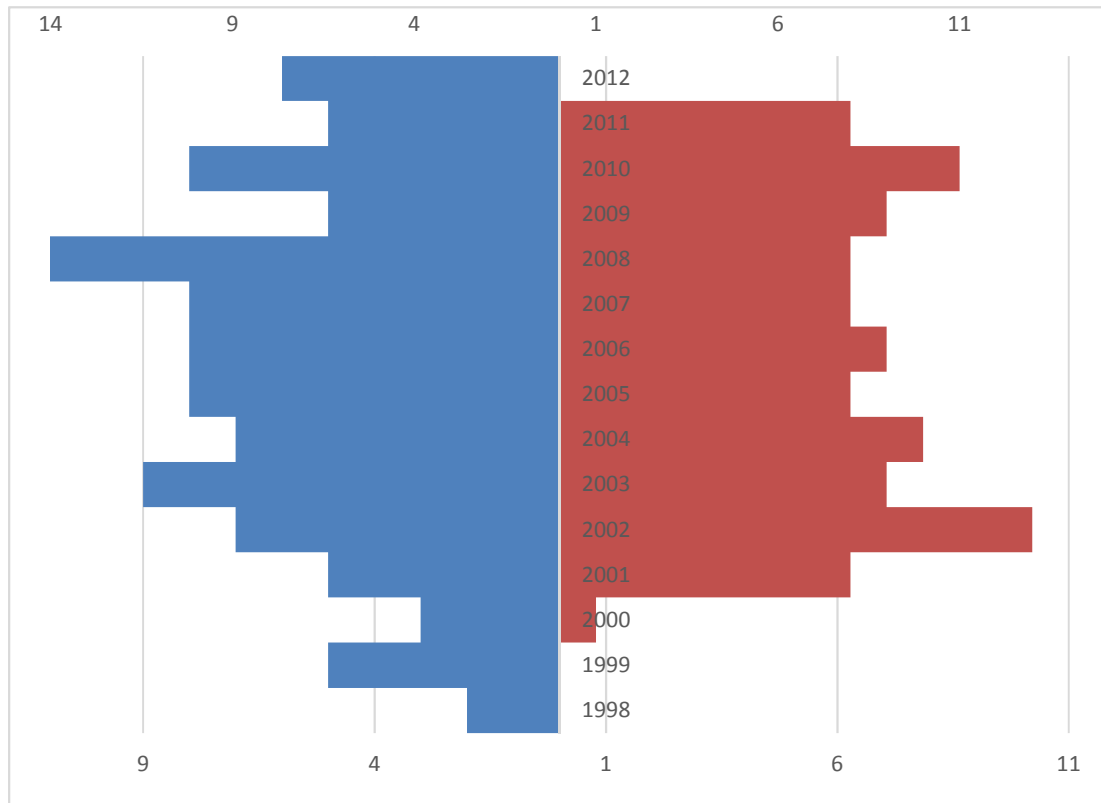
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	173
Nb pères différents	35
Nb max de descendants par père	13
Nb grands-pères paternels différents	30
Nb max de descendants par GPP	23
Nb mères différentes	124
Nb max de descendants par mère	4
Nb grands-pères maternels différents	56
Nb max de descendants par GPM	10
Nb d'animaux avec deux parents connus	173

Rapport 2 parents connus/total des femelles 100%

% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

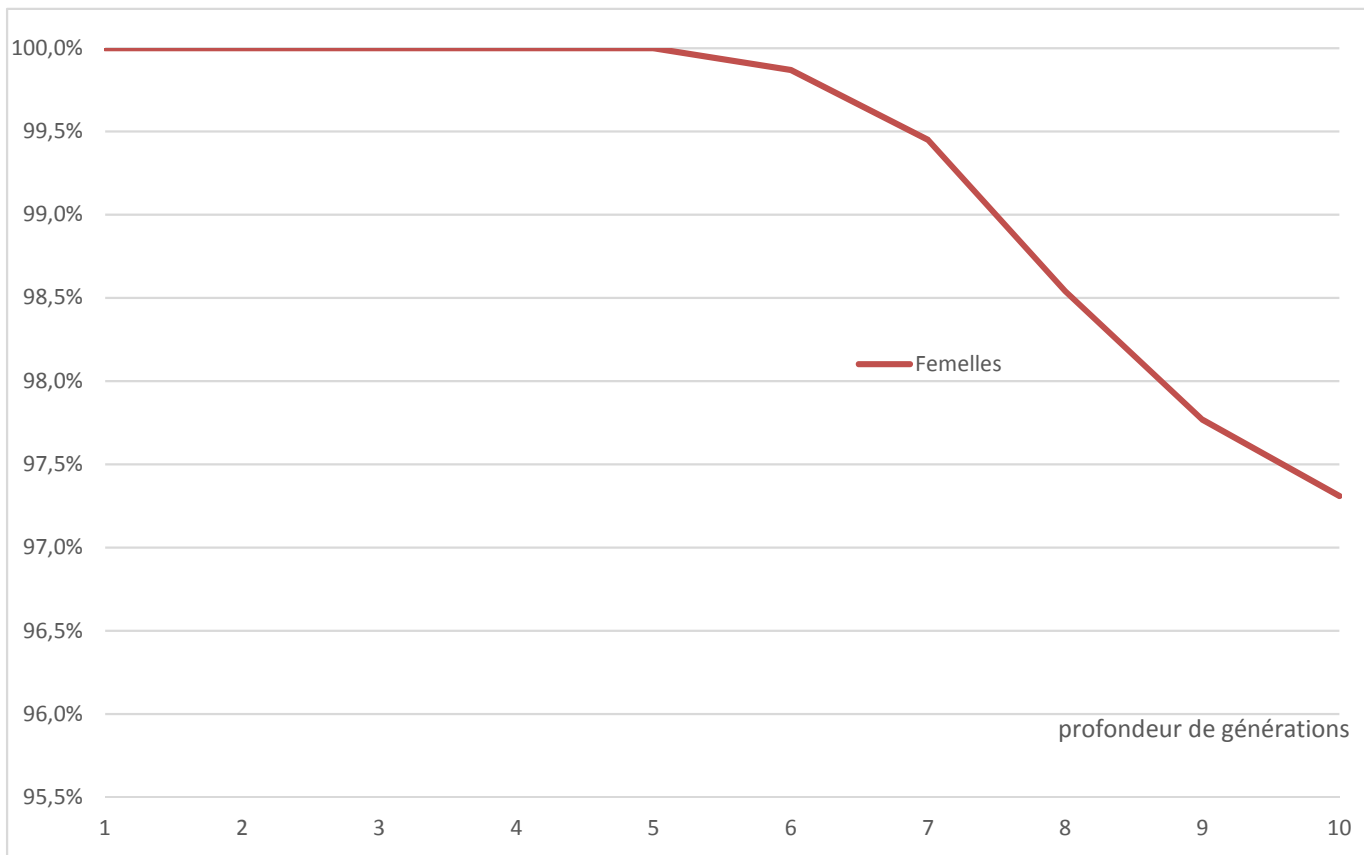
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,5
Moyenne 4 voies	3,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	173
Nb moyen de générations remontées	17,3
Nb moyen d'ancêtres connus	1 026 290
Nb maximum de générations remontées	32

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	77
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	29
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	15
Ratio Ae/Fe	51,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	13,5%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	6

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	78519668470427	M	1948	13,5%	13,5%	13,5%
2	78519668510569	M	1952	12,1%	12,1%	25,6%
3	78519668490519	M	1950	11,0%	11,0%	36,6%
4	78519668480473	M	1949	6,9%	6,9%	43,5%
5	78519668480452	M	1949	6,2%	6,2%	49,7%
6	78519668560878	M	1957	7,5%	5,6%	55,3%
7	78517667850116	M	1986	8,4%	4,8%	60,1%
8	78519668590098	M	1960	8,0%	4,5%	64,6%
9	78519668580001	M	1959	9,2%	4,3%	68,9%
10	78519668620242	M	1963	8,6%	3,6%	72,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	17,3
Consanguinité moyenne (%)	11,2
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,0
Parenté (%)	13,6
Consanguinité des parents (%)	11,1
Parentés des parents (%)	13,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	59
Taille efficace (méthode démographique)	109

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

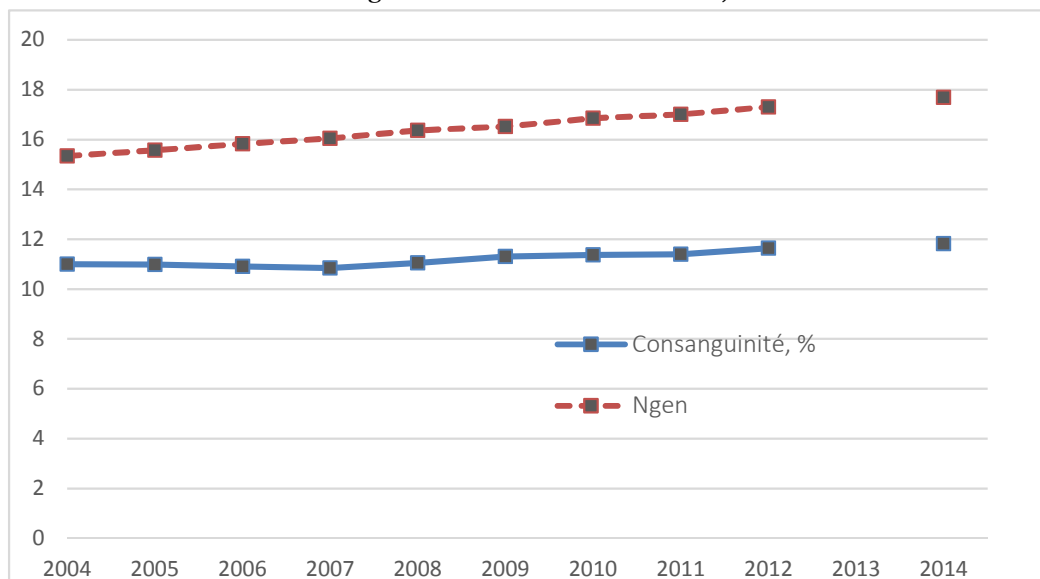
0% de consanguinité	0,0%
entre 0 à 3,125% inclus	0,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	0,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	99,2%
entre 12,5% à 25% inclus	0,8%
plus de 25%	0,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 100,0%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,81



ROMANOV**Informations démographiques**

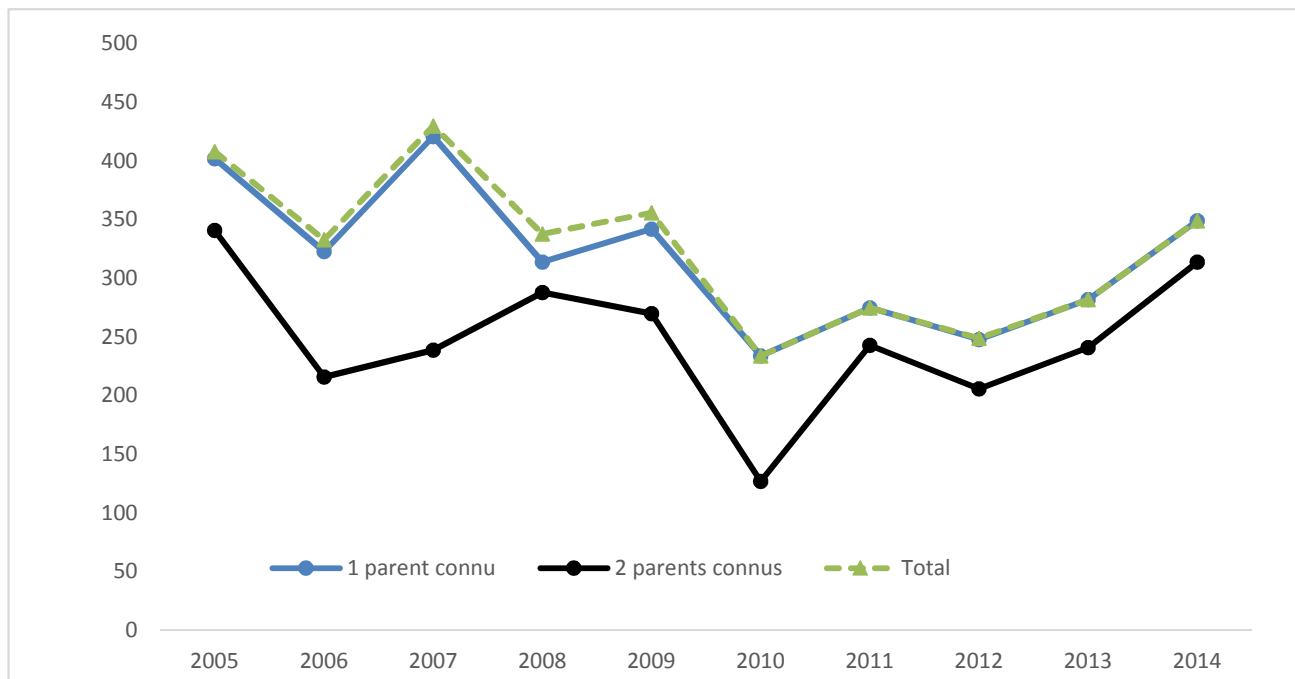
Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	1 154
Nb pères différents	28
Nb max de descendants par père	101
Nb grands-pères paternels différents	20
Nb max de descendants par GPP	129
Nb mères différentes	494
Nb max de descendants par mère	9
Nb grands-pères maternels différents	32
Nb max de descendants par GPM	145
Nb d'animaux avec deux parents connus	1 004

Rapport 2 parents connus/total des femelles 87%

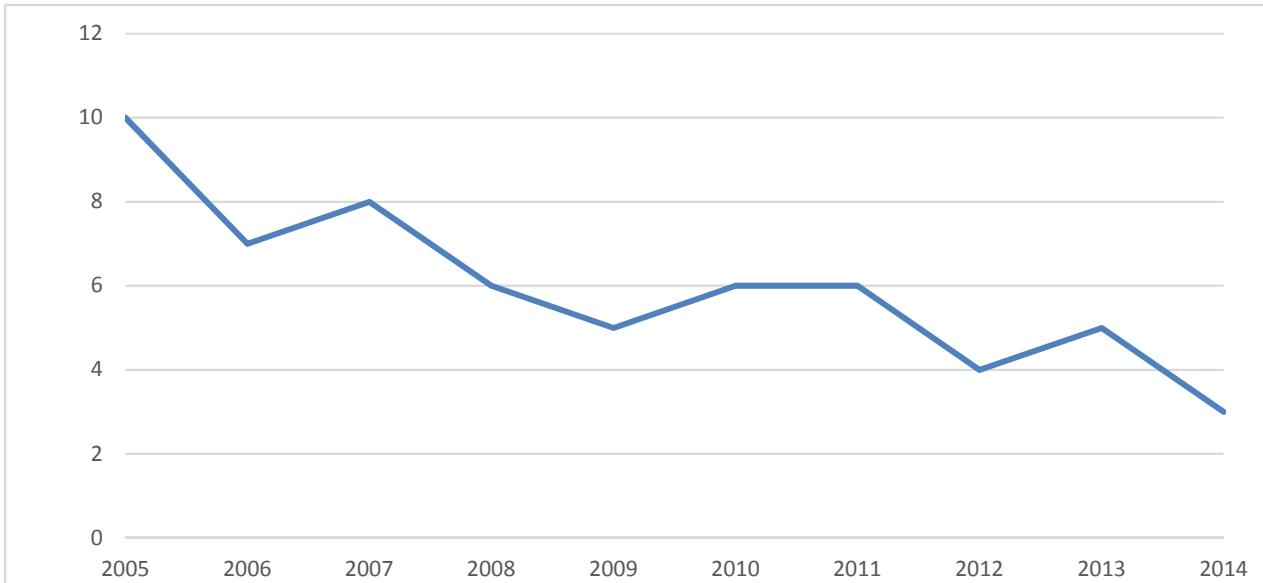
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

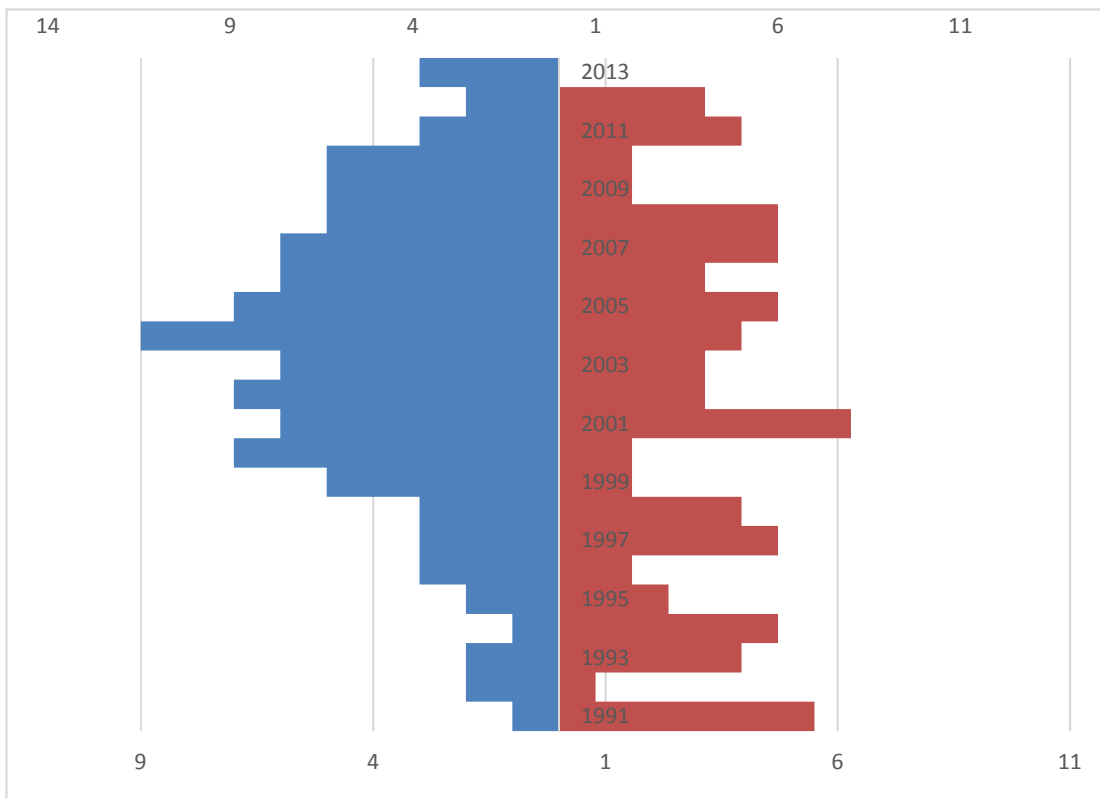
Croissance démographique ● -26

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



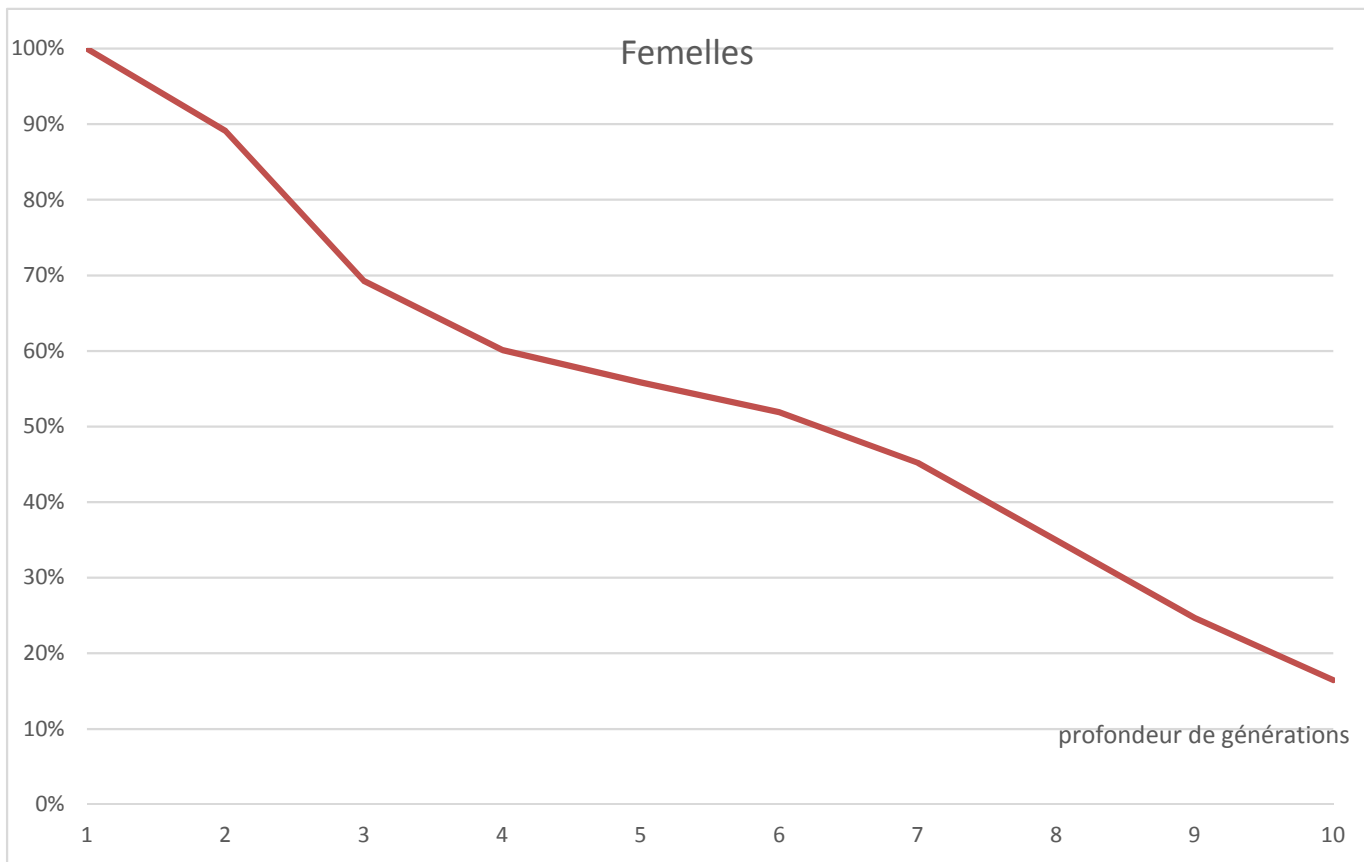
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,2
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,1
Moyenne 4 voies	3,3

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	1 004
Nb moyen de générations remontées	5,7
Nb moyen d'ancêtres connus	1 614
Nb maximum de générations remontées	22

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	438
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	54
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	24
Ratio Ae/Fe	45,0%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	10,3%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	9

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	18174901055136	M	2005	10,3%	10,3%	10,3%
2	45228602970262	M	1998	9,4%	9,4%	19,6%
3	71428173850495	M	1986	8,2%	5,9%	25,5%
4	22500390535	M	2009	7,2%	5,2%	30,7%
5	86290536960151	M	1997	5,4%	4,7%	35,4%
6	20000115015	M	2011	4,4%	4,4%	39,8%
7	20000105046	M	2010	4,3%	4,3%	44,2%
8	56110708050020	M	2005	7,0%	4,1%	48,2%
9	20000165045	M	2006	3,6%	3,6%	51,8%
10	20000185242	M	2008	3,6%	3,6%	55,4%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,7
Consanguinité moyenne (%)	2,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,6
Parenté (%)	4,0
Consanguinité des parents (%)	1,9
Parentés des parents (%)	3,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	70
Taille efficace (méthode démographique)	106

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

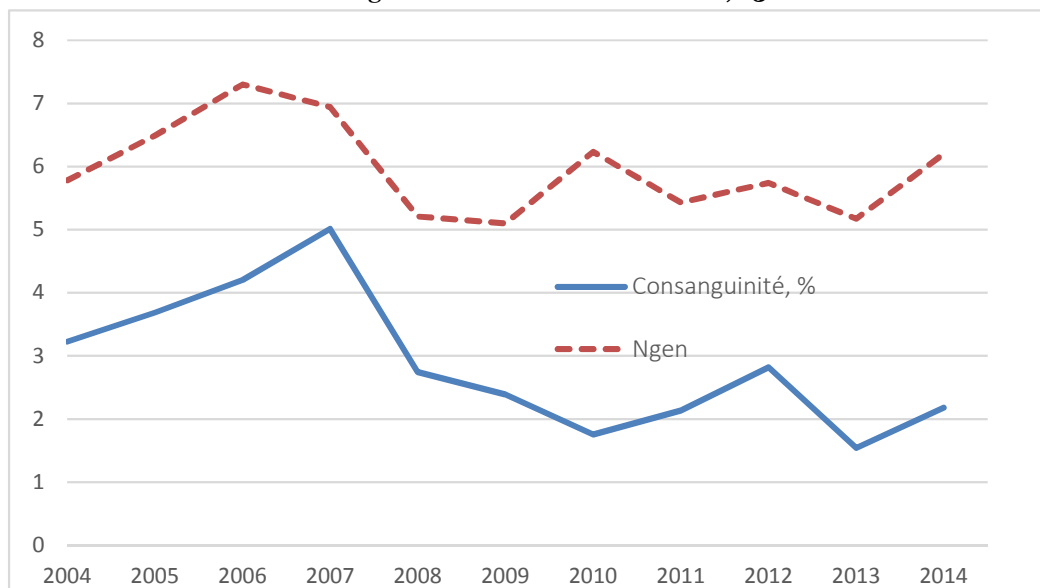
0% de consanguinité	31,4%
entre 0 à 3,125% inclus	26,7%
entre 3,125% à 6,25% inclus	31,3%
entre 6,25% à 12,5% inclus	8,9%
entre 12,5% à 25% inclus	1,2%
plus de 25%	0,6%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 10,6%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-1,05



SOLOGNOTE**Informations démographiques**

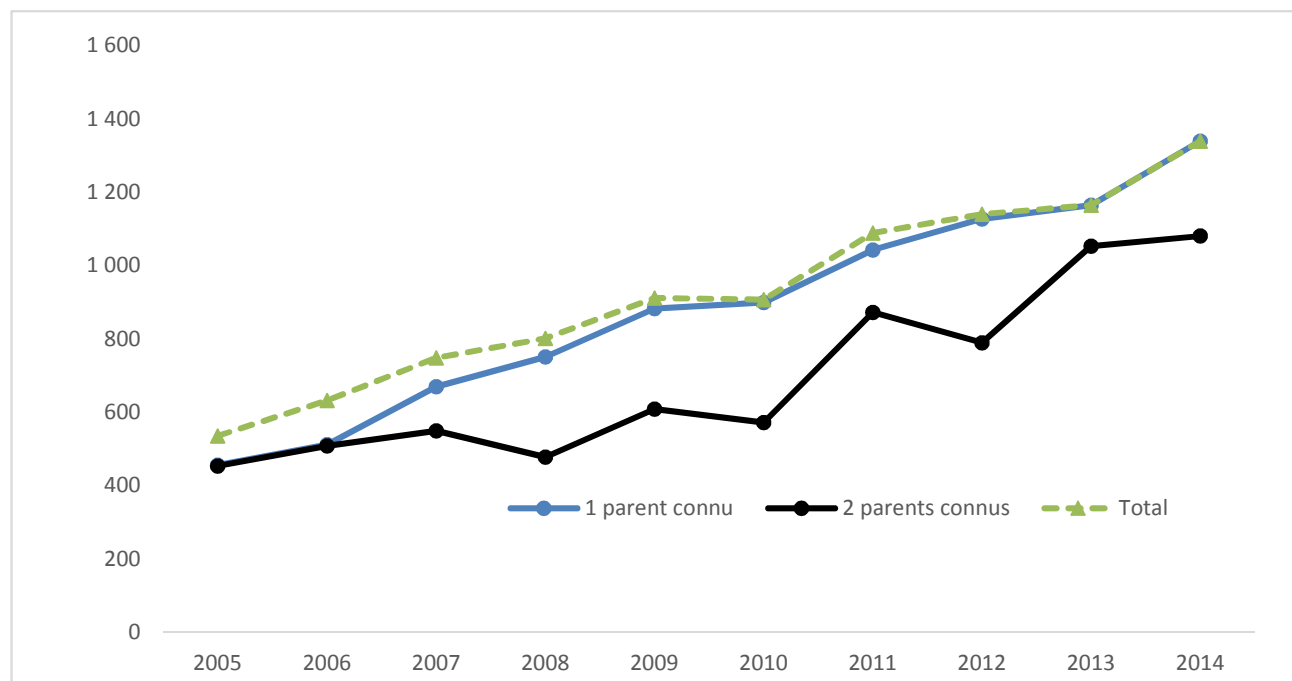
Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	4 675
Nb pères différents	153
Nb max de descendants par père	111
Nb grands-pères paternels différents	74
Nb max de descendants par GPP	209
Nb mères différentes	2 391
Nb max de descendants par mère	7
Nb grands-pères maternels différents	190
Nb max de descendants par GPM	94
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 797

Rapport 2 parents connus/total des femelles 80%

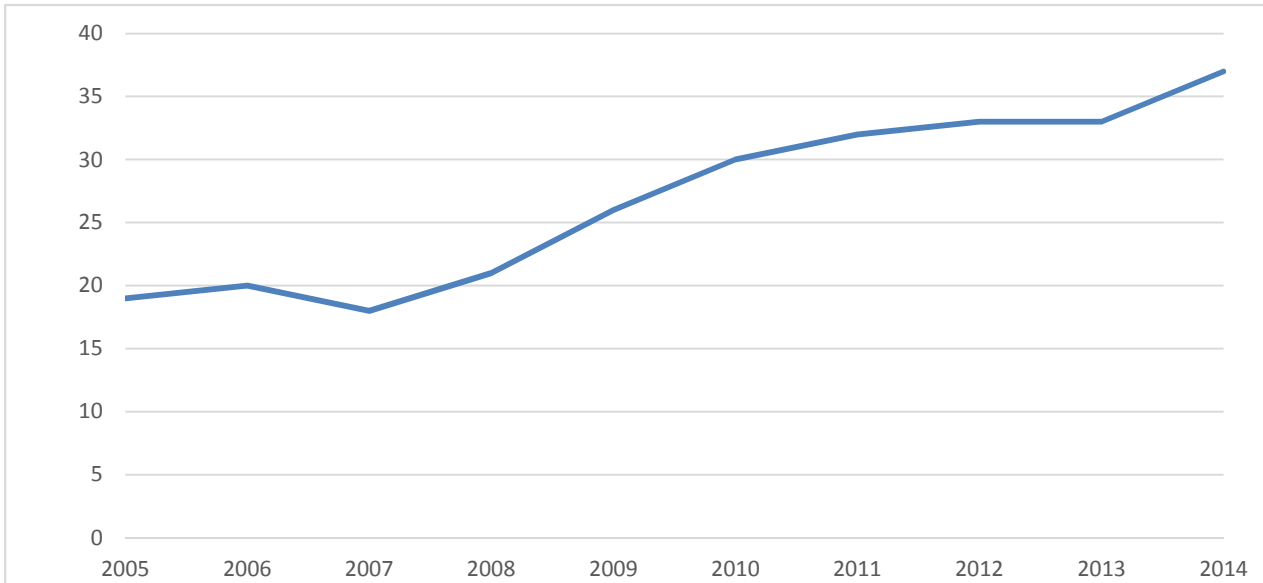
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

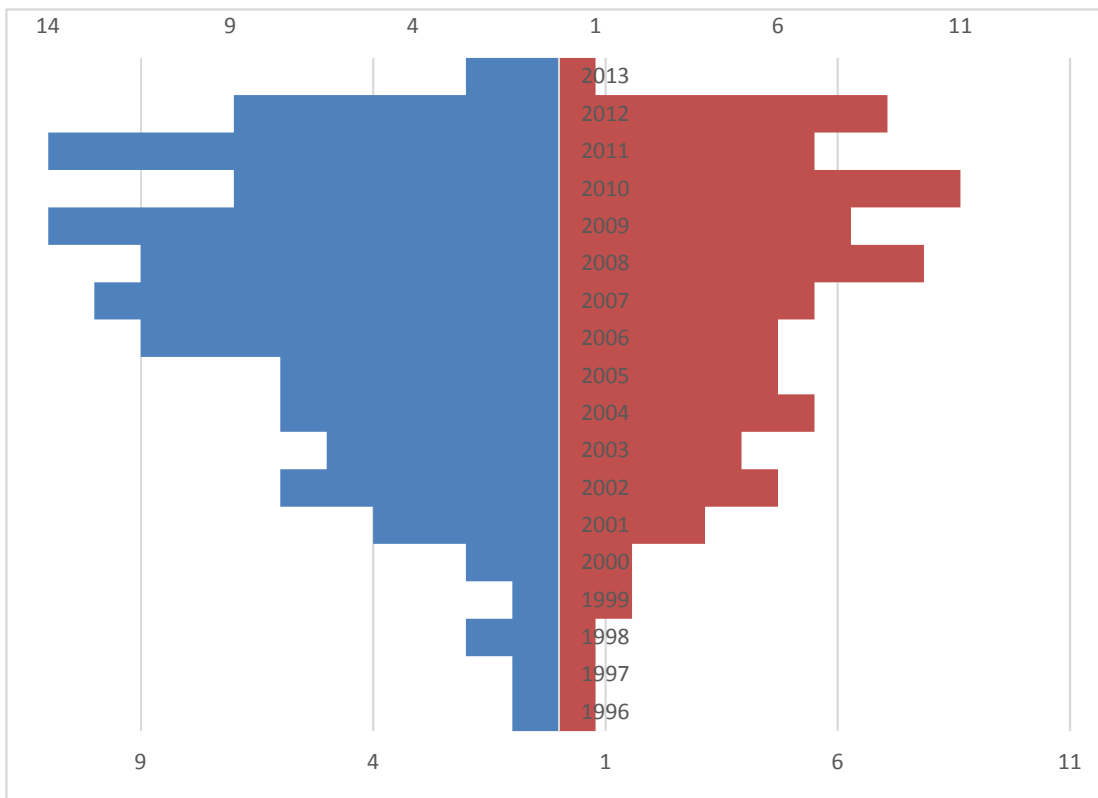
Croissance démographique ● 55

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



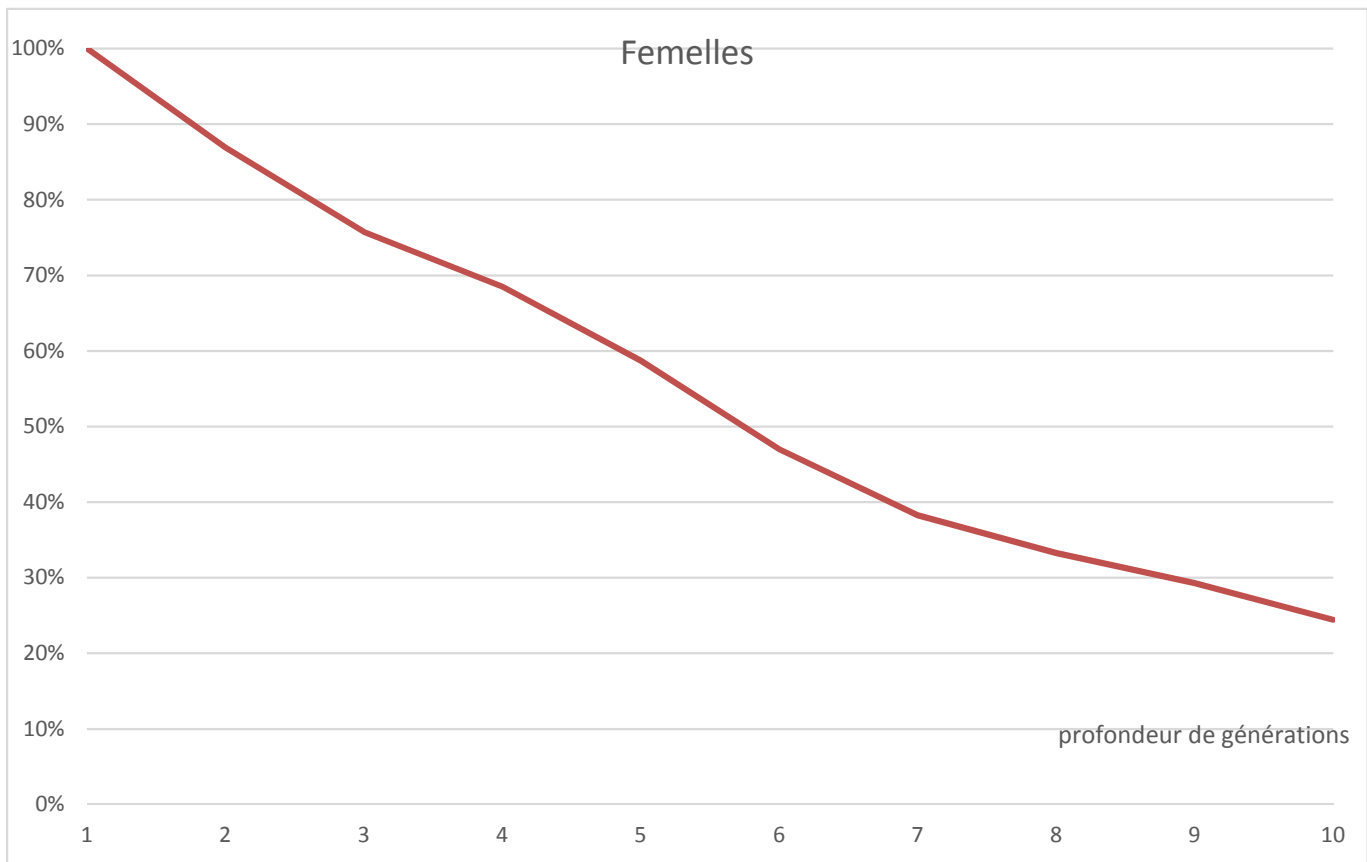
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,0
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,1
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,1
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,1
Moyenne 4 voies	3,6

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	3 797
Nb moyen de générations remontées	6,0
Nb moyen d'ancêtres connus	2 470
Nb maximum de générations remontées	22

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	1 349
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	197
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	82
Ratio Ae/Fe	41,8%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,3%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	30

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	18037037960052		M	1996	4,3%	4,3%	4,3%
2	18037037890007		M	1989	3,5%	3,5%	7,8%
3	18159094010033		M	2001	3,4%	3,4%	11,2%
4	45101516970382		M	1997	2,9%	2,9%	14,0%
5	45171605980037		M	1998	2,6%	2,6%	16,6%
6	41185224980006		M	1998	2,9%	2,5%	19,1%
7	86193083970042		M	1997	2,4%	2,4%	21,5%
8	41185224050001		M	2005	2,3%	2,0%	23,5%
9	18115916950066		M	1995	1,9%	1,9%	25,4%
10	18159094040068		M	2004	1,8%	1,8%	27,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,0
Consanguinité moyenne (%)	1,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,7
Parenté (%)	1,5
Consanguinité des parents (%)	1,3
Parentés des parents (%)	0,8
Taille efficace (méthode Cervantès)	211
Taille efficace (méthode démographique)	575

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

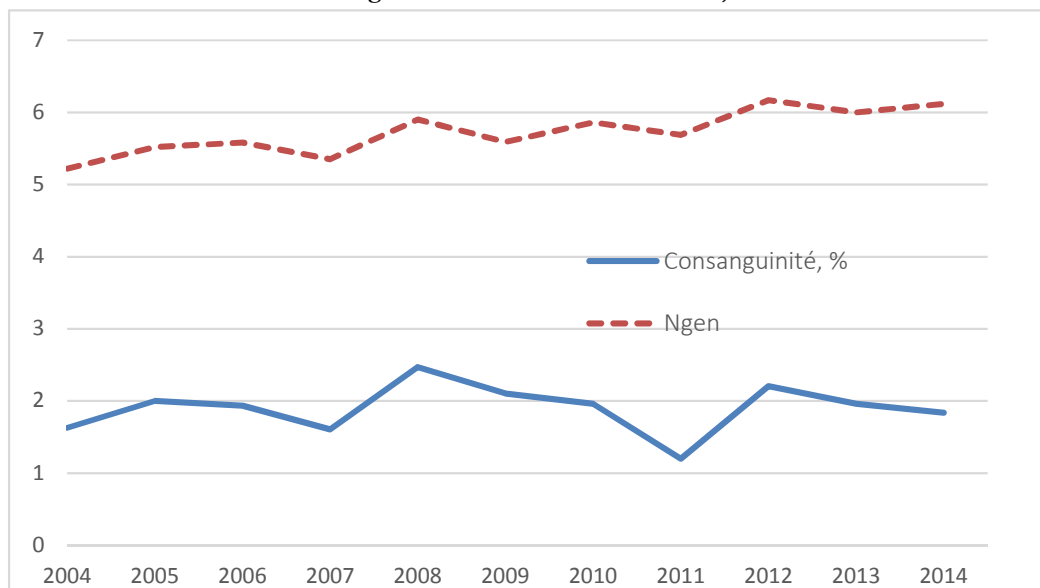
0% de consanguinité	26,0%
entre 0 à 3,125% inclus	56,3%
entre 3,125% à 6,25% inclus	12,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	3,4%
entre 12,5% à 25% inclus	0,4%
plus de 25%	1,5%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **5,3%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,21



SOUTHDOWN**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

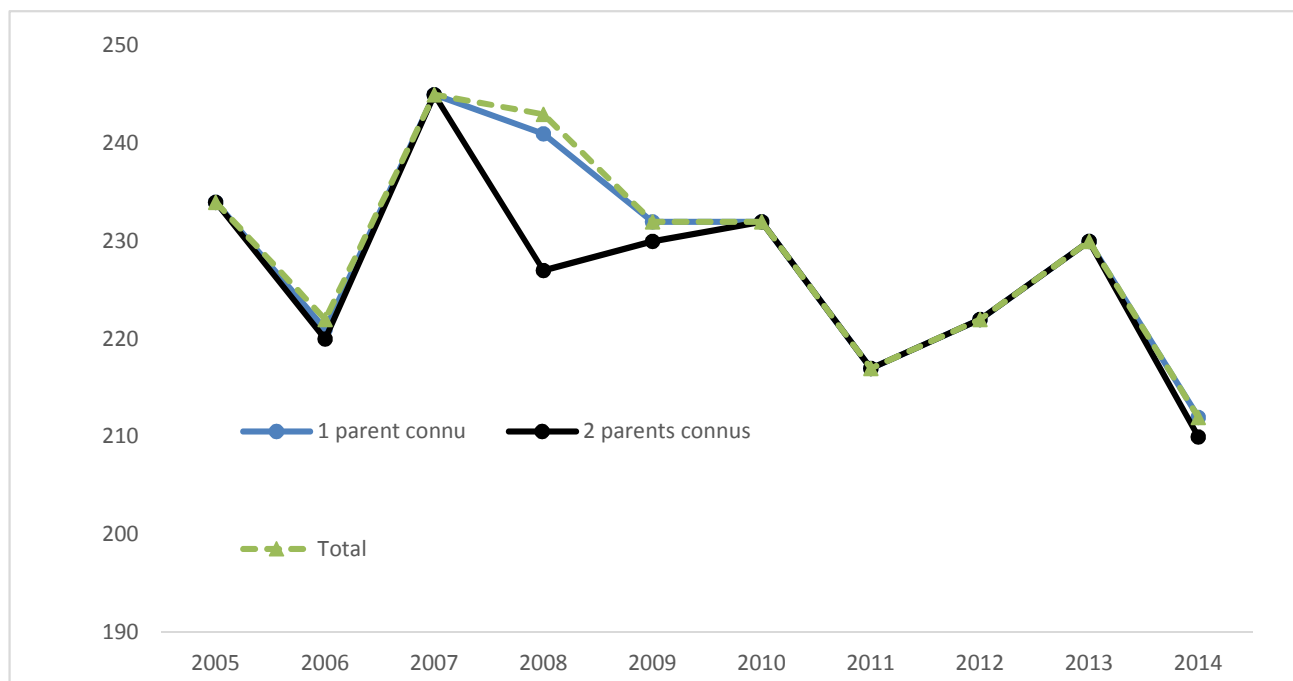
Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	881
Nb pères différents	37
Nb max de descendants par père	71
Nb grands-pères paternels différents	20
Nb max de descendants par GPP	141
Nb mères différentes	452
Nb max de descendants par mère	6
Nb grands-pères maternels différents	52
Nb max de descendants par GPM	80
Nb d'animaux avec deux parents connus	879

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 100%

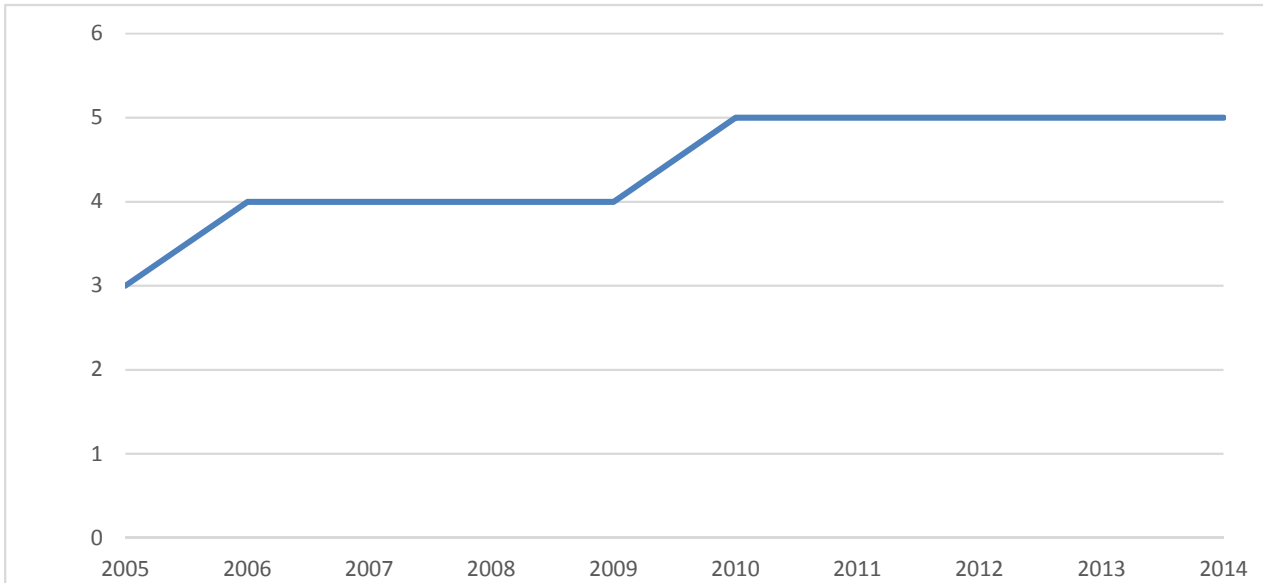
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

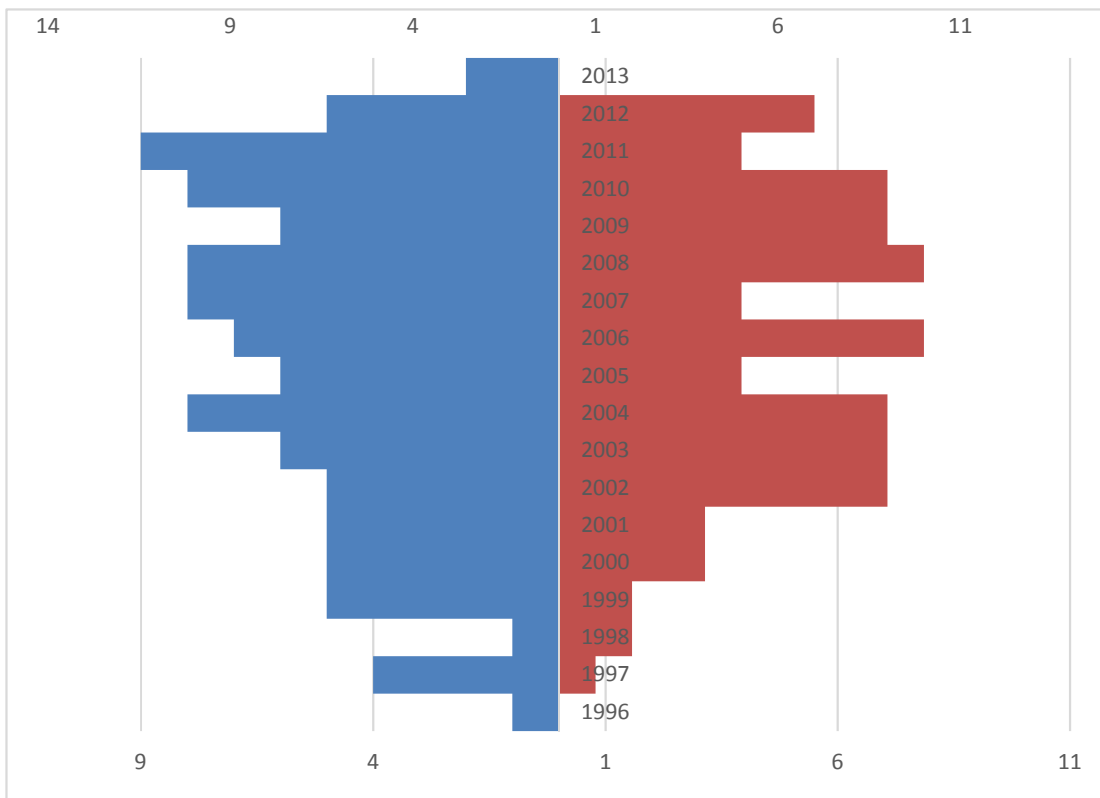
Croissance démographique ● -5

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



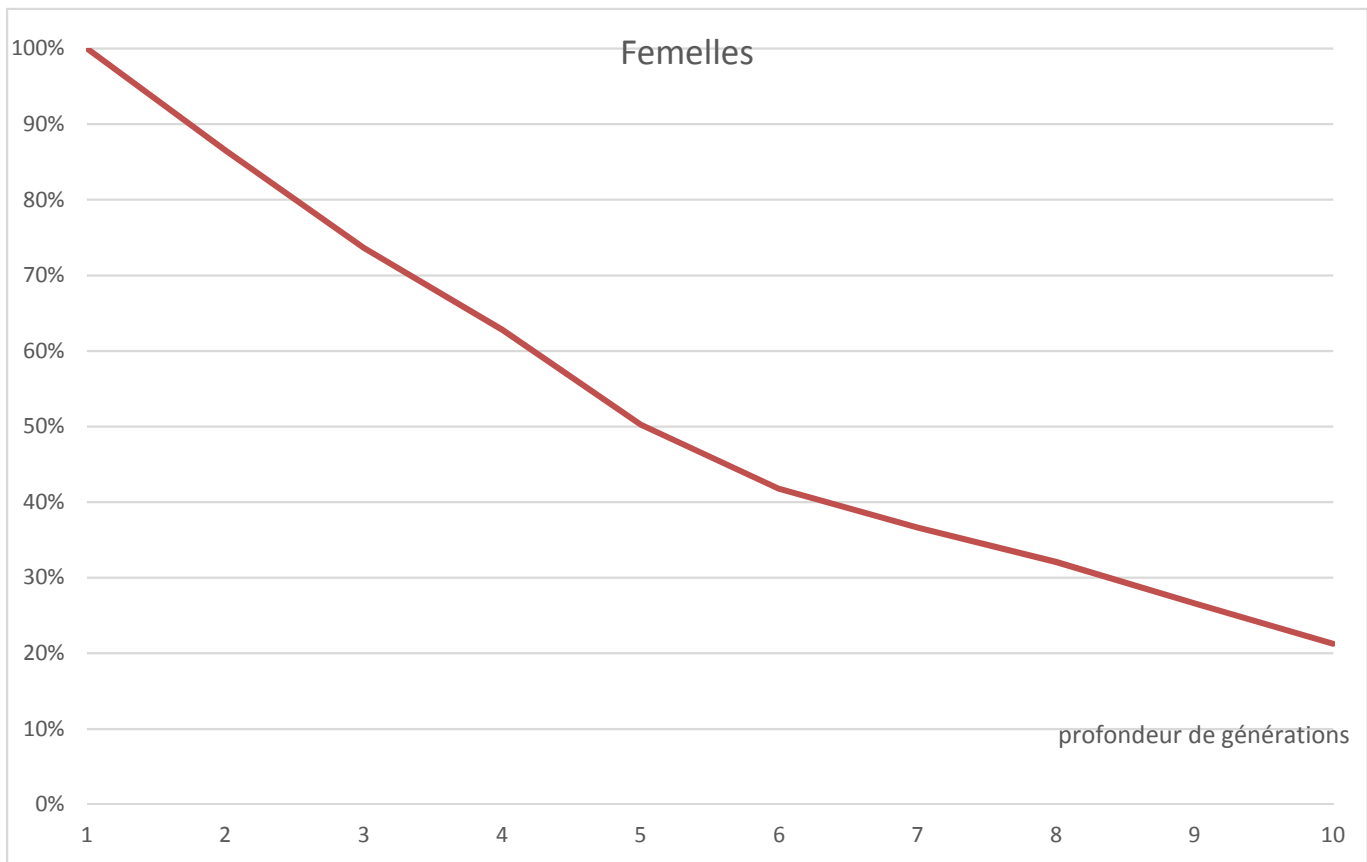
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,5
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,0
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,1
Moyenne 4 voies	3,8

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	879
Nb moyen de générations remontées	5,6
Nb moyen d'ancêtres connus	1 861
Nb maximum de générations remontées	19

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	217
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	30
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	25
Ratio Ae/Fe	82,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	10,4%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	9

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	03129001960006		M	1996	10,4%	10,4%	10,4%
2	63237027050014		M	2005	9,3%	7,0%	17,4%
3	UK244099571509		M	2009	5,9%	5,9%	23,3%
4	36060021970007		M	1997	5,8%	5,8%	29,1%
5	36060021040089		M	2004	4,6%	4,6%	33,7%
6	03129001980025		M	1998	4,4%	4,4%	38,2%
7	UK262667168109		M	2009	4,2%	4,2%	42,3%
8	21629038010024		M	2001	4,1%	4,1%	46,4%
9	36073099870140		M	1987	4,1%	3,9%	50,3%
10	UK262667002210		M	2010	3,4%	3,4%	53,7%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,6
Consanguinité moyenne (%)	3,0
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,7
Parenté (%)	3,8
Consanguinité des parents (%)	2,2
Parentés des parents (%)	3,4
Taille efficace (méthode Cervantès)	72
Taille efficace (méthode démographique)	137

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	24,5%
entre 0 à 3,125% inclus	43,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	16,7%
entre 6,25% à 12,5% inclus	12,4%
entre 12,5% à 25% inclus	3,1%
plus de 25%	0,3%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	15,8%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-1,61

