

BIZET**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	7 175
Nb pères différents	95
Nb max de descendants par père	183
Nb grands-pères paternels différents	54
Nb max de descendants par GPP	304
Nb mères différentes	3 611
Nb max de descendants par mère	8
Nb grands-pères maternels différents	174
Nb max de descendants par GPM	184
Nb d'animaux avec deux parents connus	4 276

Rapport 2 parents connus/total des femelles 60%

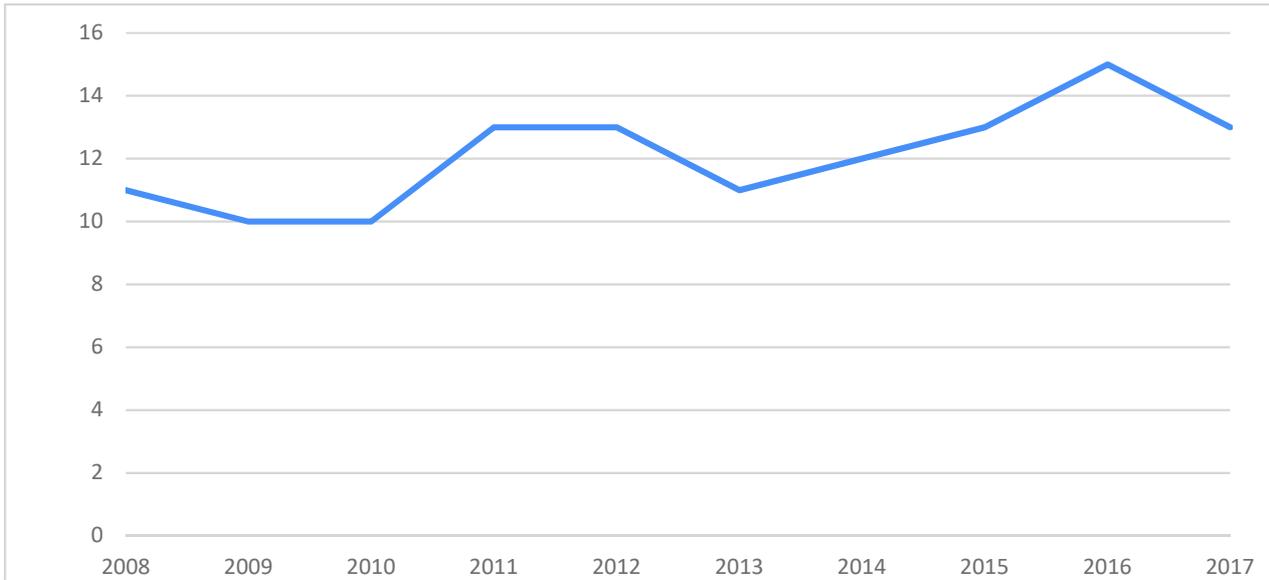
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

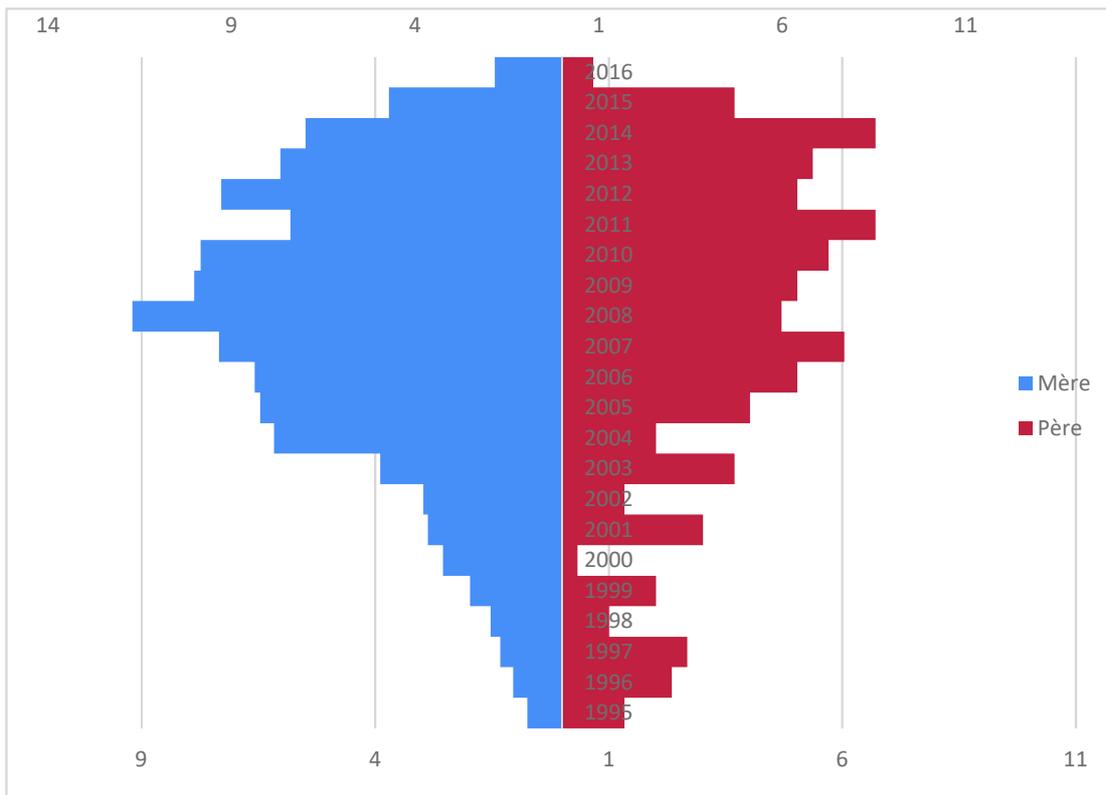
Croissance démographique 🟡-2

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



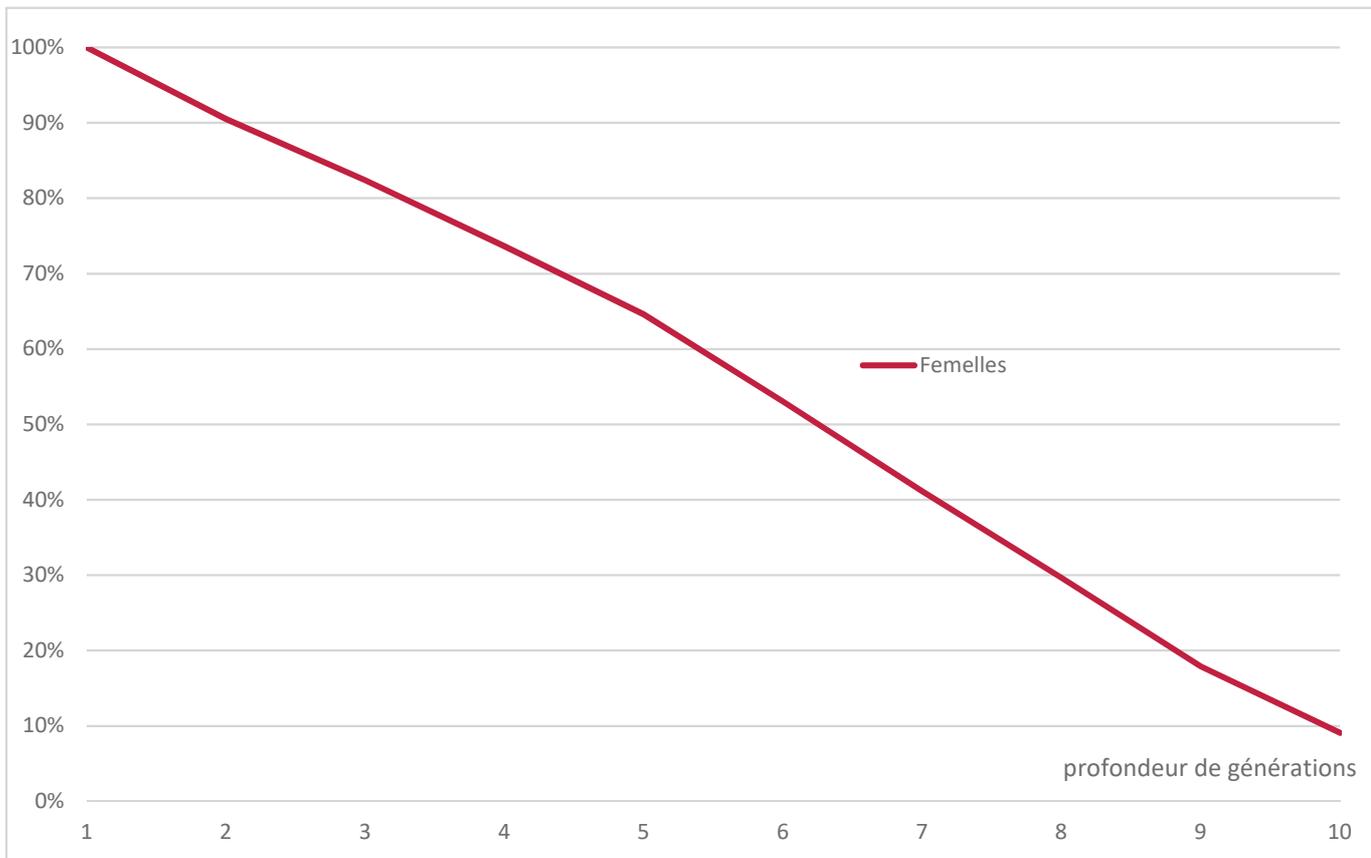
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,0
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,1
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,5
Moyenne 4 voies	3,9

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	4 276
Nb moyen de générations remontées	5,7
Nb moyen d'ancêtres connus	625
Nb maximum de générations remontées	20

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	2 825
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	203
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	77
Ratio Ae/Fe	37,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,1%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	28

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	15127027930134	930134	M	1993	5,1%	5,1%	5,1%
2	32587281552	81552	M	2008	4,6%	4,0%	9,1%
3	12044156000048	000048	M	2000	3,0%	3,0%	12,1%
4	15127027900050	900050	M	1990	3,0%	2,9%	15,0%
5	15042243870569	870569	M	1988	3,0%	2,8%	17,8%
6	15207300980149	980149	M	1998	2,6%	2,6%	20,4%
7	32587281267	81267	M	2008	2,5%	2,3%	22,7%
8	43258015840528	840528	M	1985	3,4%	2,1%	24,8%
9	32587290949	90949	M	2009	2,5%	2,0%	26,8%
10	15127027970069	970069	M	1997	1,8%	1,8%	28,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,7
Consanguinité moyenne (%)	0,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	1,4
Consanguinité des parents (%)	0,5
Parentés des parents (%)	0,7
Taille efficace (méthode Cervantès)	201
Taille efficace (méthode démographique)	370

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

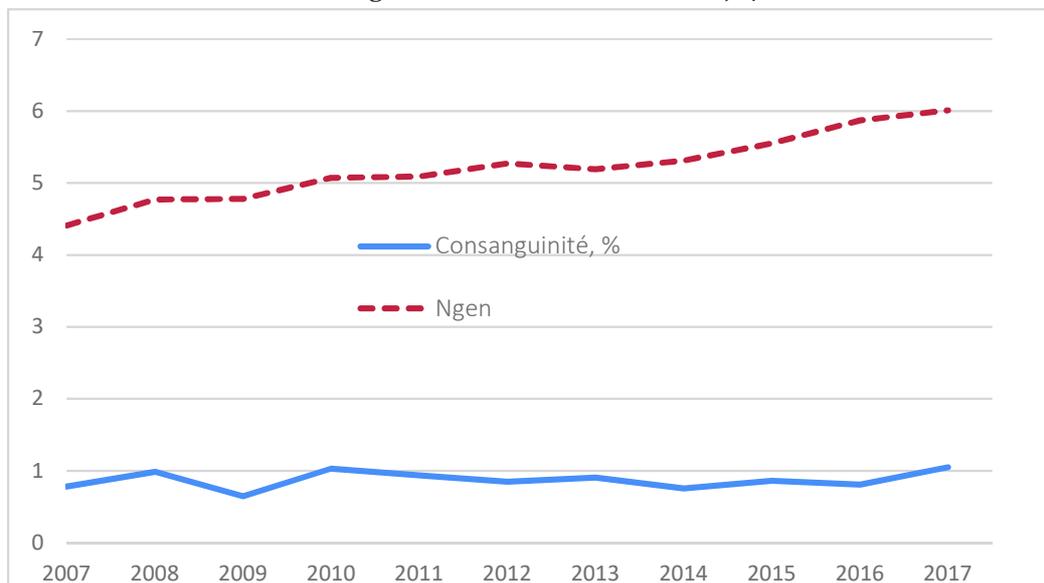
0% de consanguinité	14,9%
entre 0 à 3,125% inclus	80,8%
entre 3,125% à 6,25% inclus	3,5%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,5%
entre 12,5% à 25% inclus	0,0%
plus de 25%	0,3%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **0,8%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,27



BLANC DU MASSIF CENTRAL**Informations démographiques**

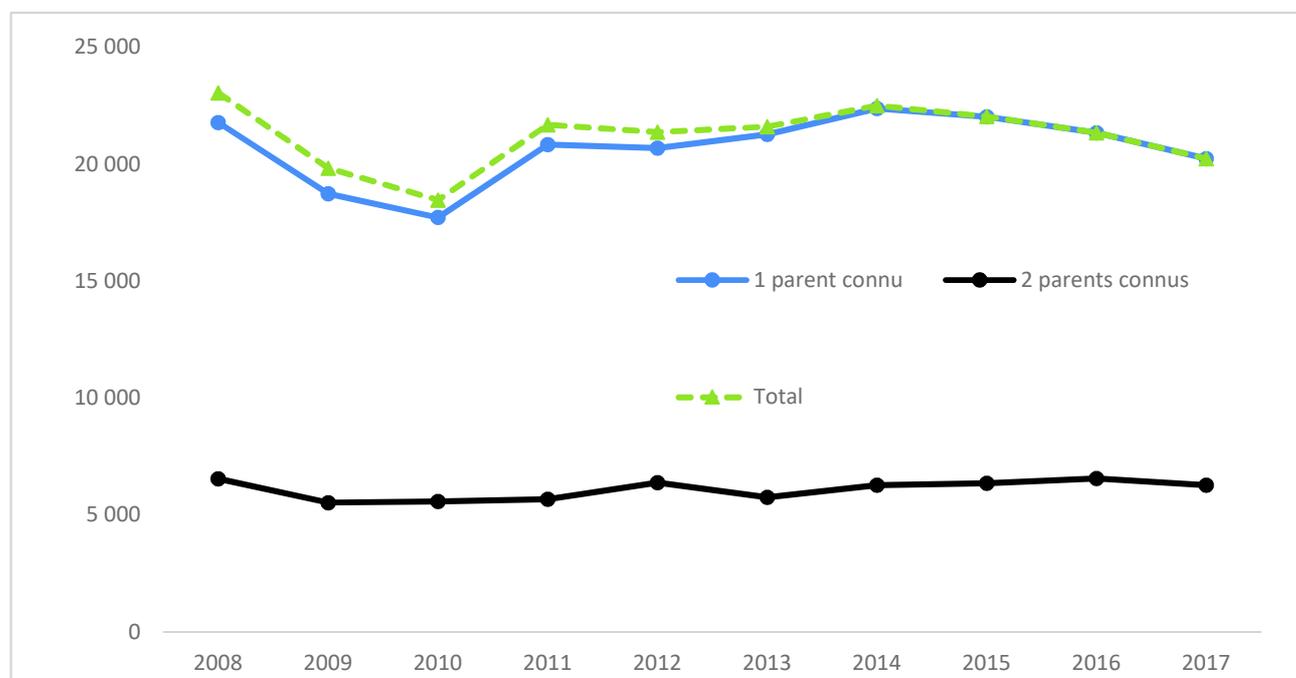
Période de naissance des femelles 2014 -2017

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	86 116	120
Nb pères différents	509	69
Nb max de descendants par père	667	9
Nb grands-pères paternels différents	205	52
Nb max de descendants par GPP	1 486	10
Nb mères différentes	37 161	119
Nb max de descendants par mère	10	2
Nb grands-pères maternels différents	910	52
Nb max de descendants par GPM	810	5
Nb d'animaux avec deux parents connus	25 503	120

* père des femelles

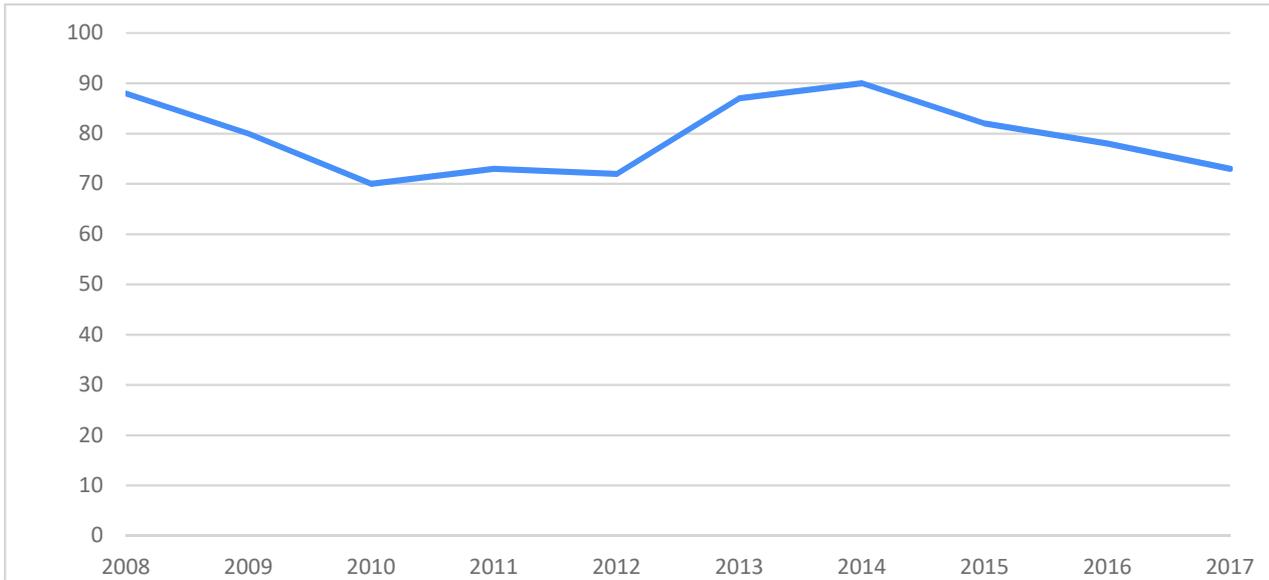
Rapport 2 parents connus/total des femelles 30%

% femelles issues IA 15

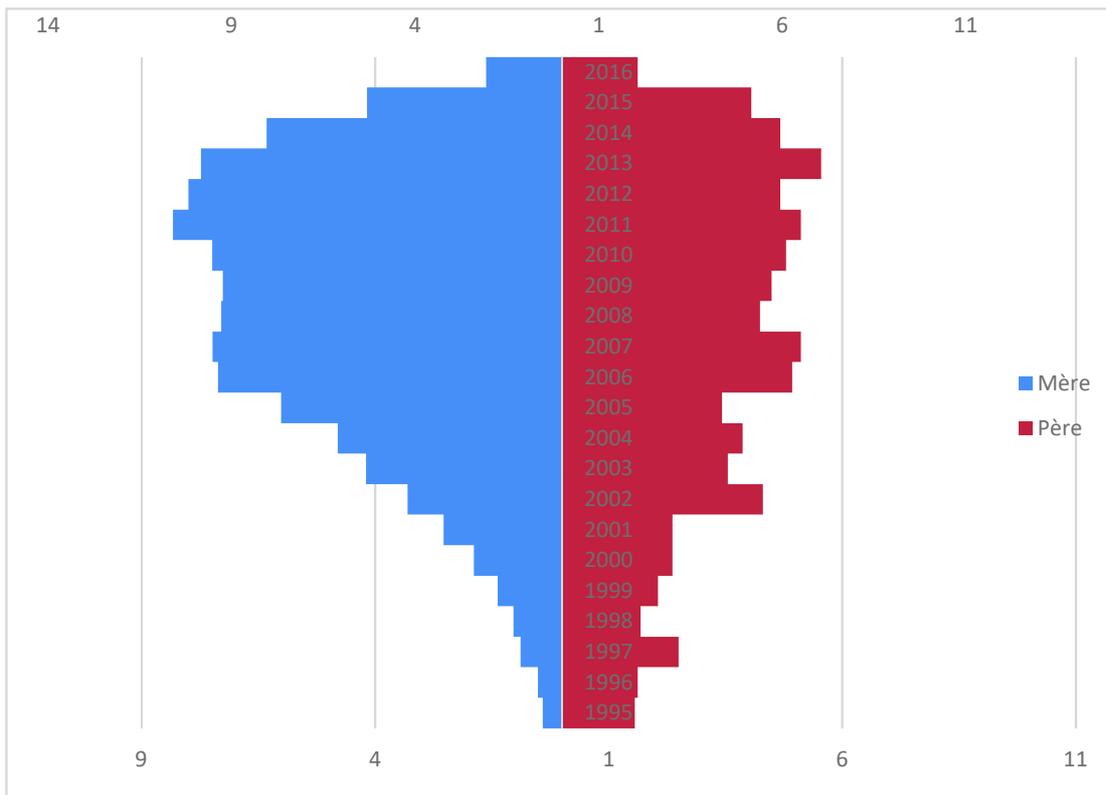
Evolution de la population femelle**Croissance démographique ●3**

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

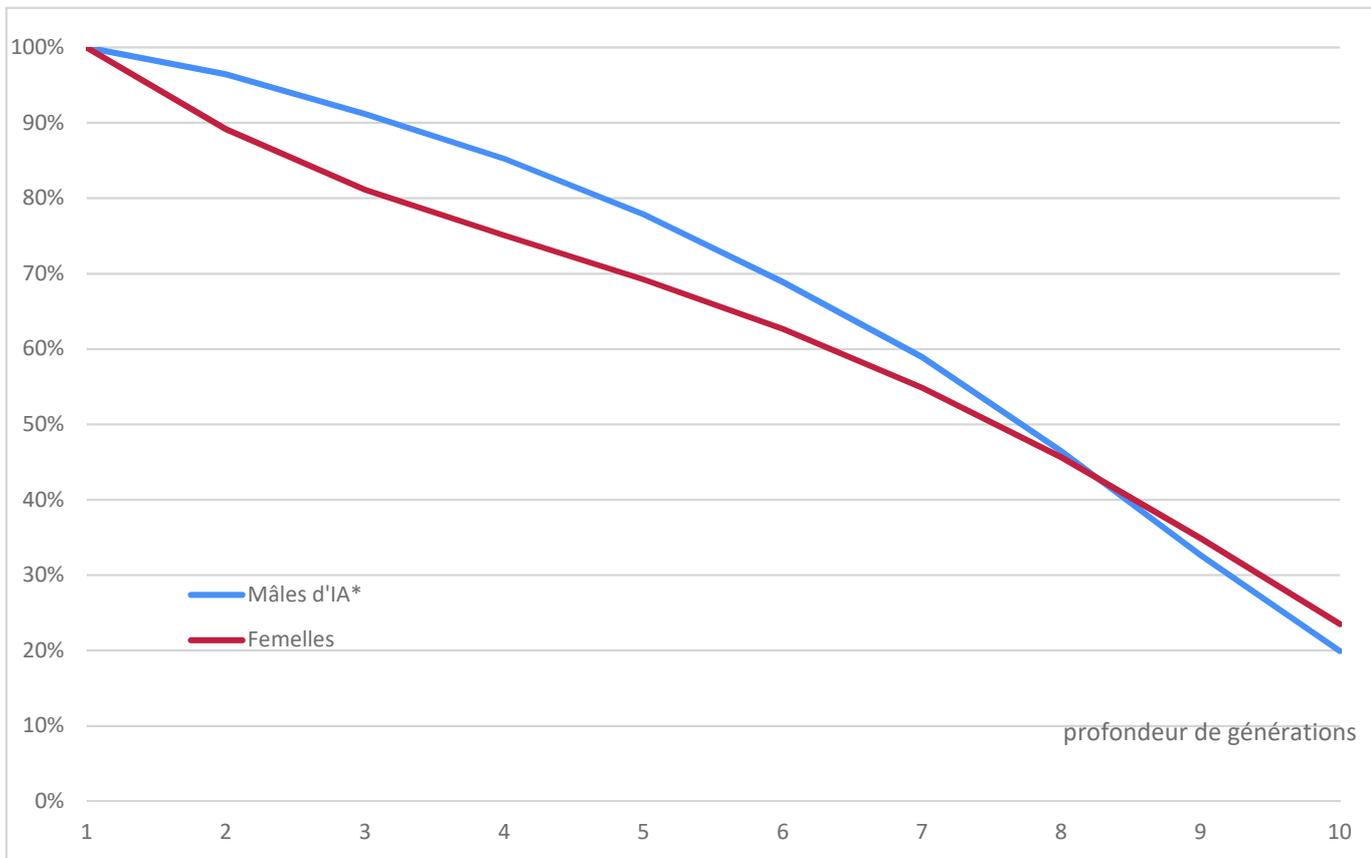
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,2
Moyenne 4 voies	3,6

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	25 502	120
Nb moyen de générations remontées	6,6	7,0
Nb moyen d'ancêtres connus	1 890	1 409
Nb maximum de générations remontées	21	19

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	17 646
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	421
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	125
Ratio Ae/Fe	29,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	2,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	52

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	43242008050054	050054	M	2005	2,9%	2,9%	2,9%
2	15108060030053	030053	M	2003	2,7%	2,7%	5,6%
3	15187062810508	810508	M	1982	2,7%	2,7%	8,2%
4	34253003030289	030289	M	2003	2,6%	2,5%	10,7%
5	35570570125	70125	M	2007	2,7%	2,4%	13,1%
6	34522180264	80264	M	2008	2,5%	2,4%	15,5%
7	35571380209	80209	M	2008	2,4%	2,2%	17,7%
8	48081025990108	990108	M	1999	1,9%	1,9%	19,7%
9	15007001770555	770555	M	1978	2,4%	1,8%	21,5%
10	23176860027	60027	M	2006	1,9%	1,7%	23,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,6
Consanguinité moyenne (%)	0,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,3
Parenté (%)	0,9
Consanguinité des parents (%)	0,2
Parentés des parents (%)	0,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	384
Taille efficace (méthode démographique)	2 008

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

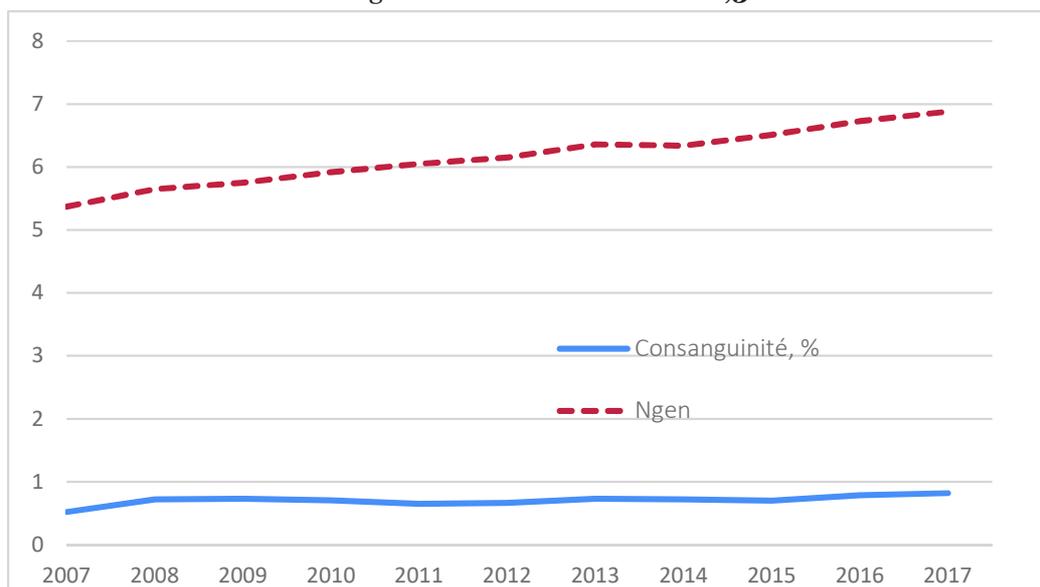
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	16,9%
entre 0 à 3,125% inclus	79,8%
entre 3,125% à 6,25% inclus	1,6%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,9%
entre 12,5% à 25% inclus	0,5%
plus de 25%	0,4%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **1,7%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans **0,3**



CAUSSES DU LOT**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

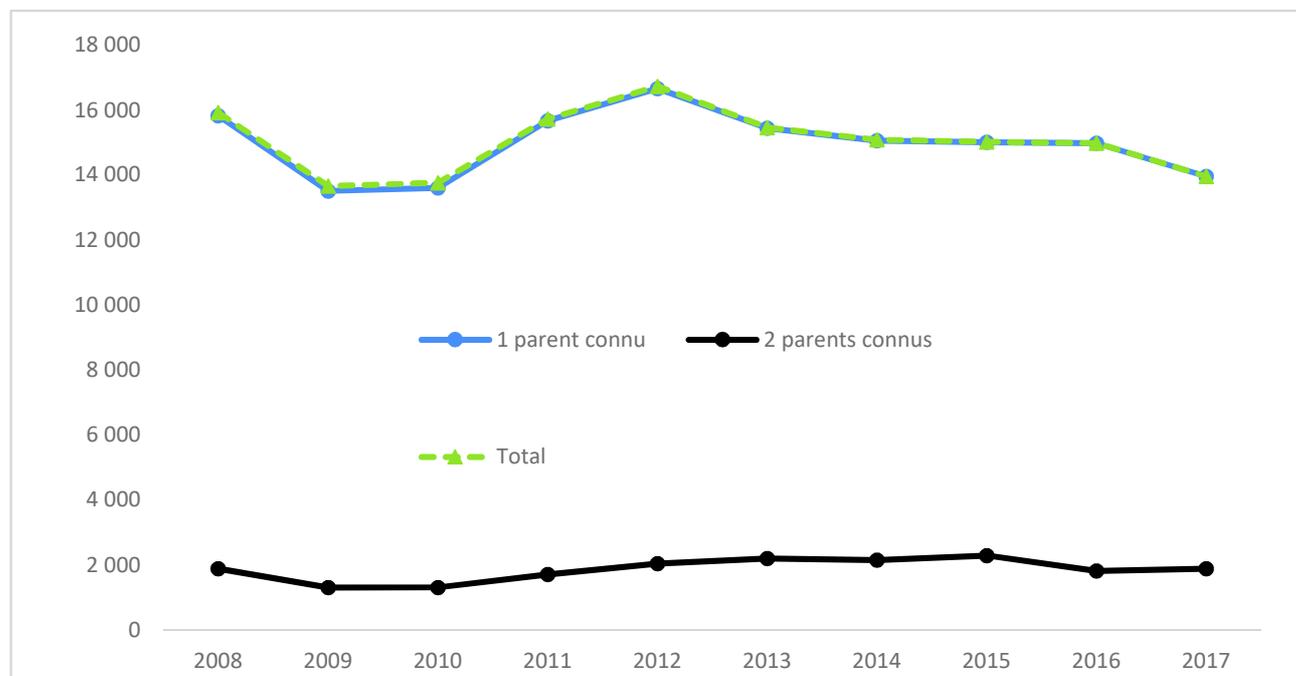
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	59 070	100
Nb pères différents	107	51
Nb max de descendants par père	286	10
Nb grands-pères paternels différents	54	40
Nb max de descendants par GPP	898	11
Nb mères différentes	27 353	98
Nb max de descendants par mère	9	2
Nb grands-pères maternels différents	228	40
Nb max de descendants par GPM	690	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	8 170	100

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 14%

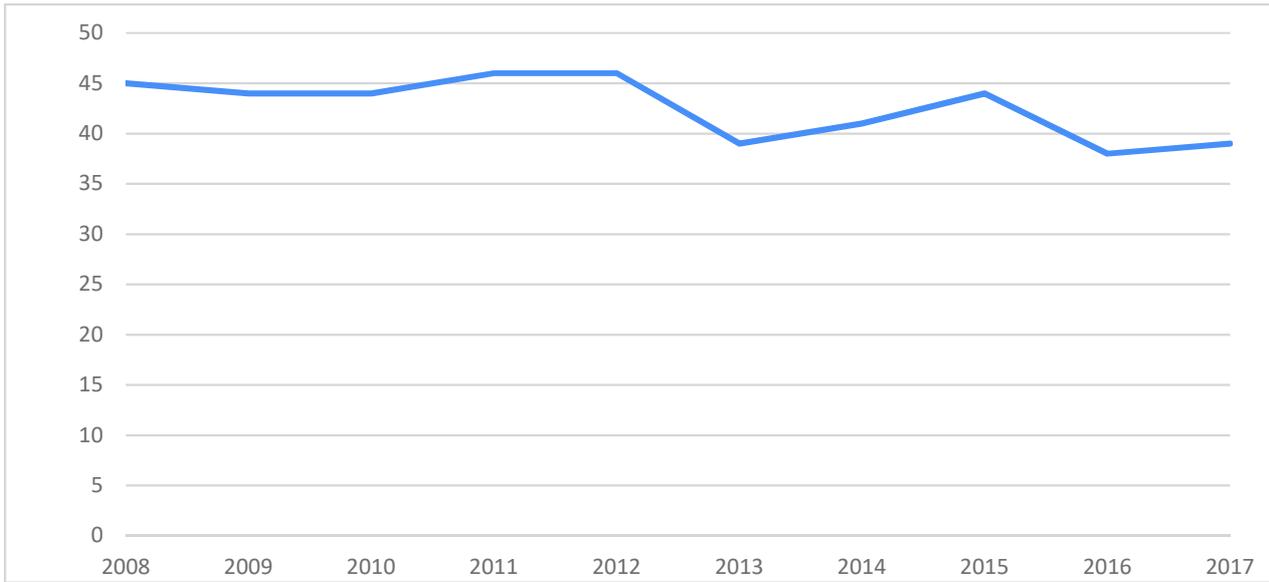
% femelles issues IA 13

Evolution de la population femelle

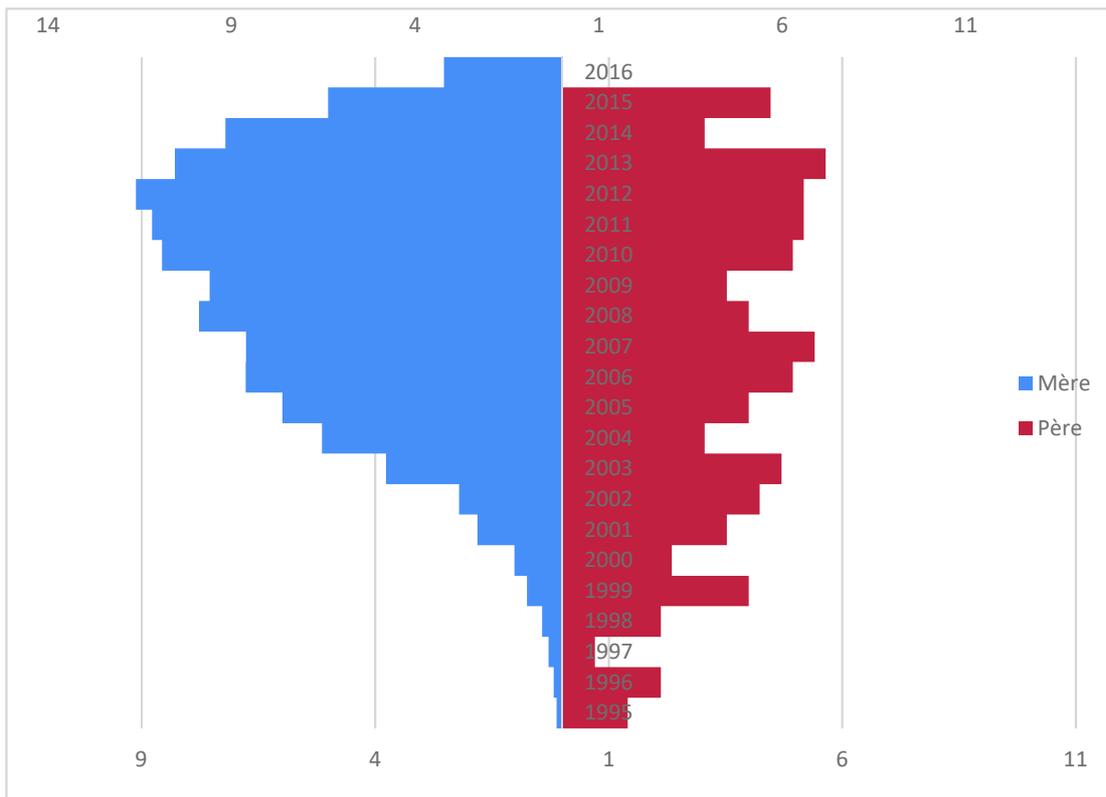
Croissance démographique ●-2

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

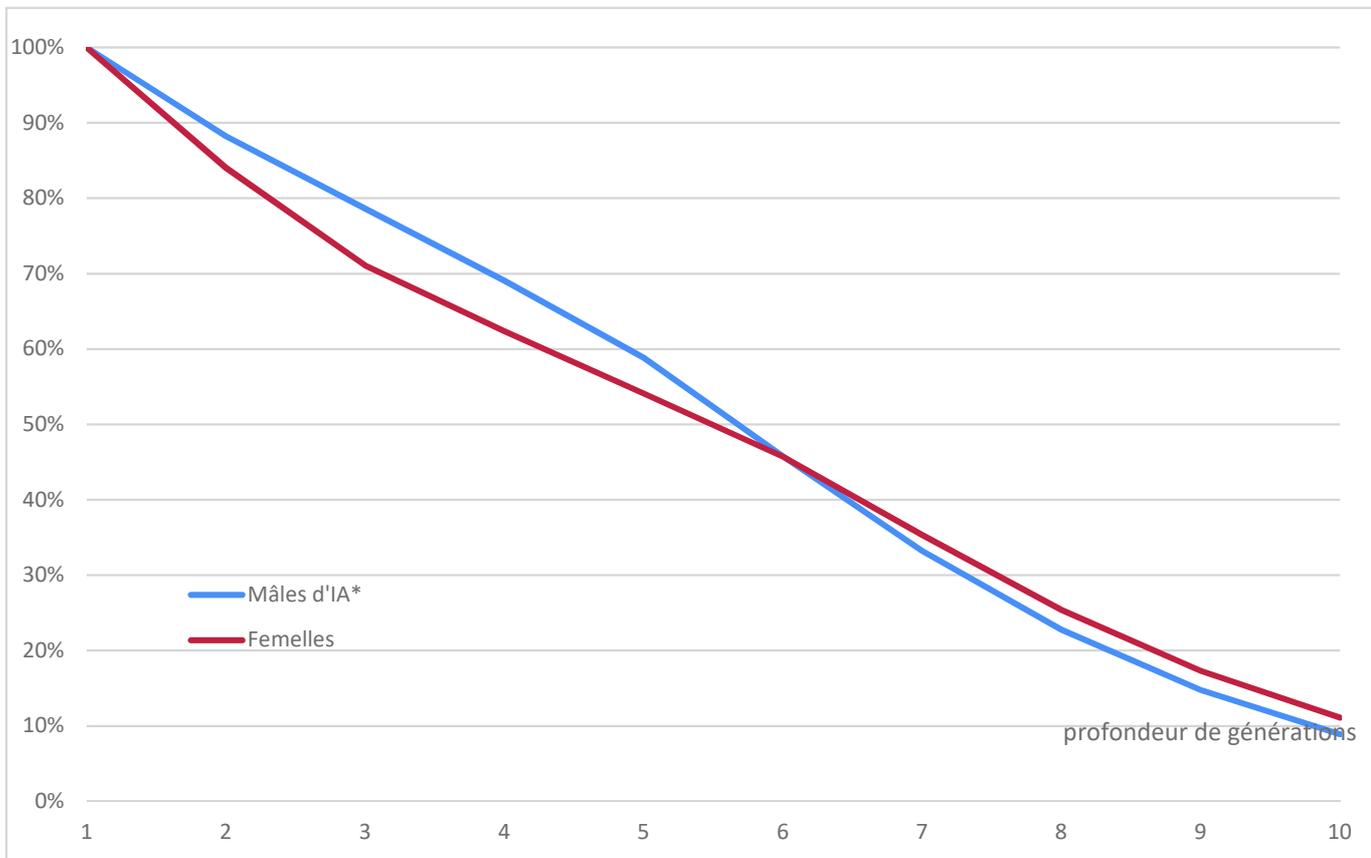
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	4,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,2
Moyenne 4 voies	4,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	8 170	100
Nb moyen de générations remontées	5,2	5,3
Nb moyen d'ancêtres connus	894	614
Nb maximum de générations remontées	20	18

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	12 779
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	553
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	98
Ratio Ae/Fe	17,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,2%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	41

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	34530460020	60020	M	2006	4,2%	4,2%	4,2%
2	34522070114	70114	M	2007	3,8%	3,8%	7,9%
3	46094032990562	990562	M	2000	3,5%	3,5%	11,4%
4	34518100196	00196	M	2010	2,8%	2,8%	14,2%
5	46018013940710	940710	M	1995	2,7%	2,5%	16,7%
6	46204002930113	930113	M	1994	2,9%	2,4%	19,1%
7	46003006860471	860471	M	1987	2,2%	2,2%	21,3%
8	46275023910367	910367	M	1992	2,3%	1,7%	23,0%
9	34518160847	60847	F	2006	1,6%	1,6%	24,6%
10	46144002870157	870157	M	1988	2,2%	1,6%	26,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,2
Consanguinité moyenne (%)	0,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,3
Parenté (%)	1,1
Consanguinité des parents (%)	0,2
Parentés des parents (%)	0,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	244
Taille efficace (méthode démographique)	426

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

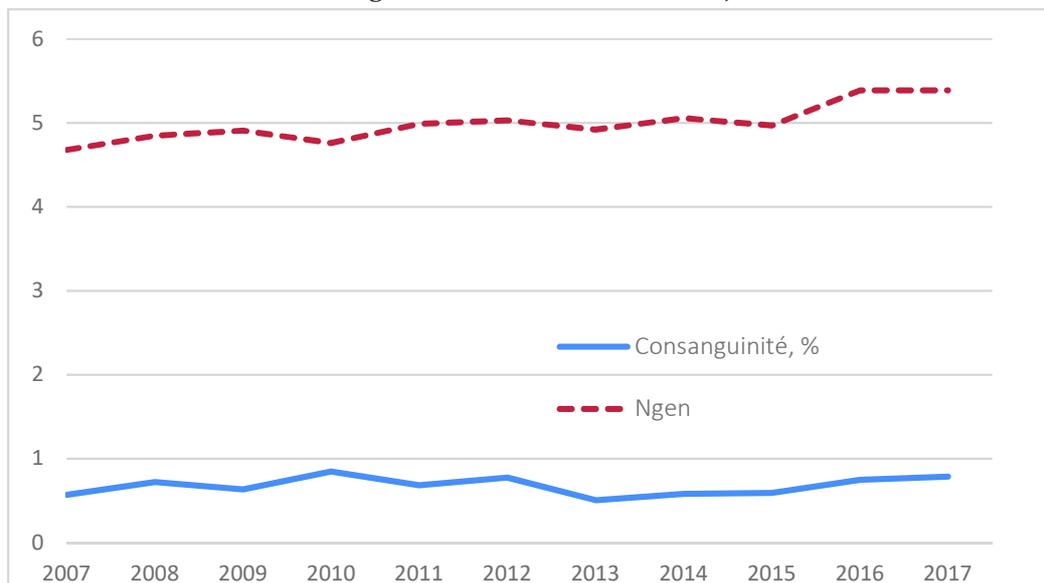
0% de consanguinité	20,7%
entre 0 à 3,125% inclus	74,7%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,6%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,3%
entre 12,5% à 25% inclus	0,6%
plus de 25%	0,2%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **2,0%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,22



EST A LAINE MERINOS**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

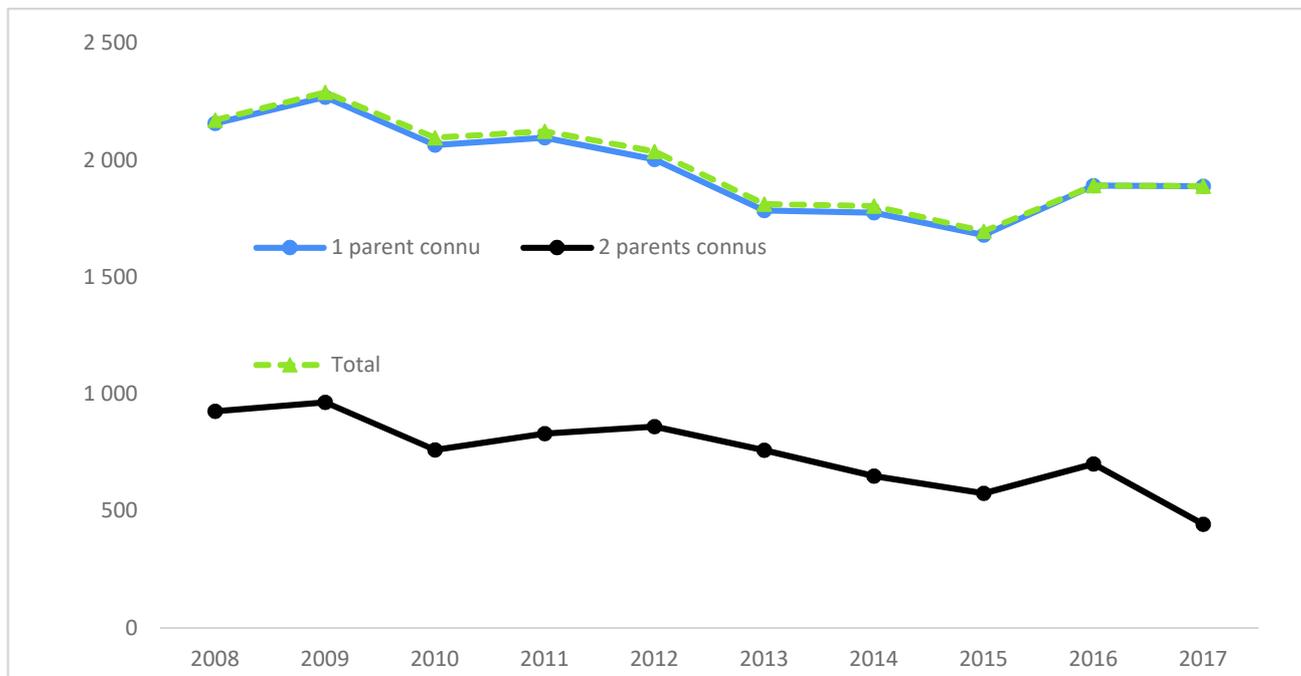
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	7 280	29
Nb pères différents	72	24
Nb max de descendants par père	127	3
Nb grands-pères paternels différents	45	20
Nb max de descendants par GPP	174	4
Nb mères différentes	3 445	29
Nb max de descendants par mère	11	1
Nb grands-pères maternels différents	165	20
Nb max de descendants par GPM	265	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	2 372	29

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 33%

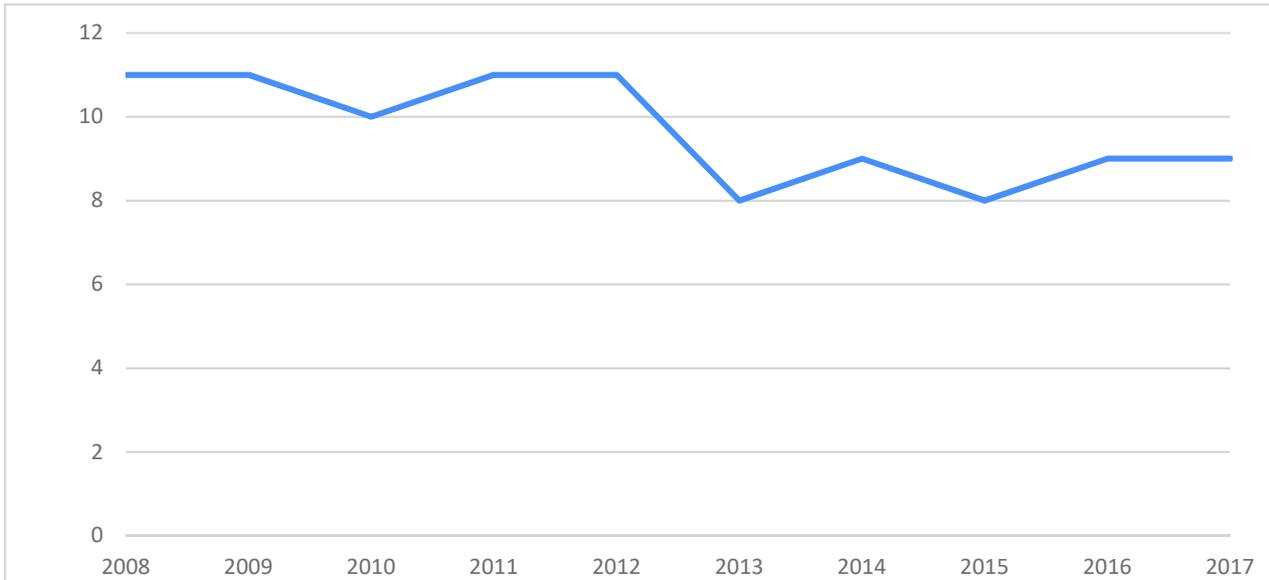
% femelles issues IA 12

Evolution de la population femelle

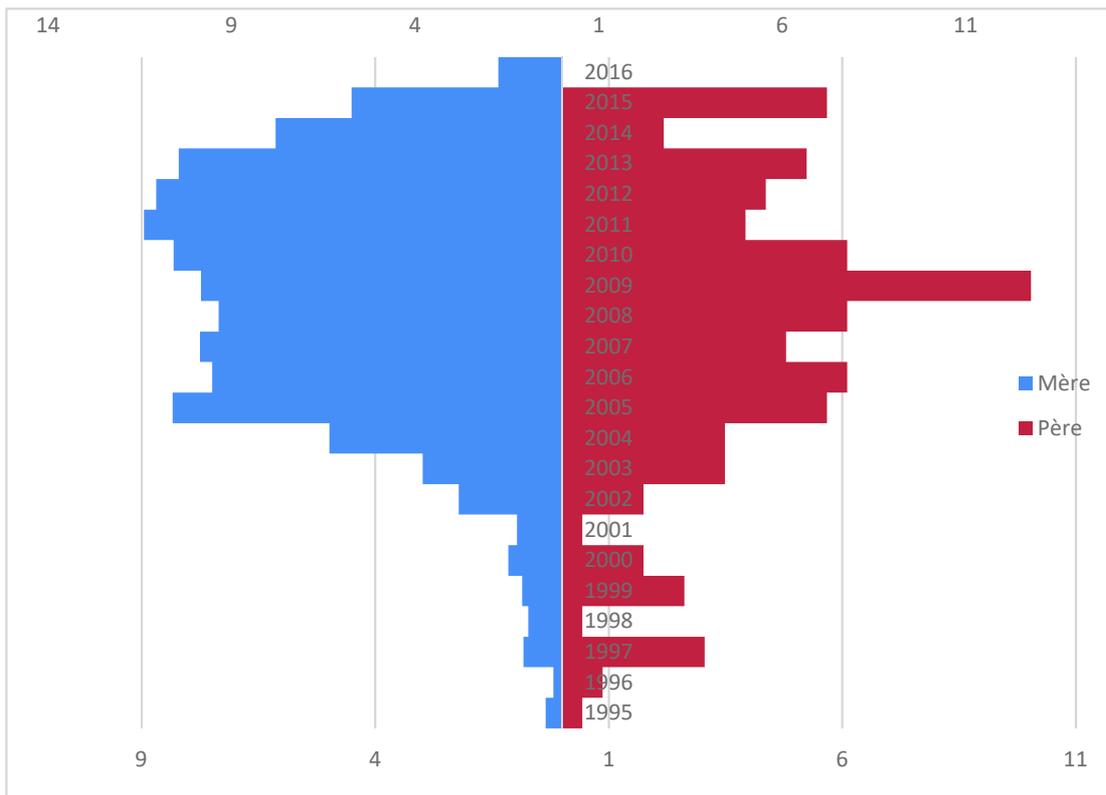
Croissance démographique ●-15

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

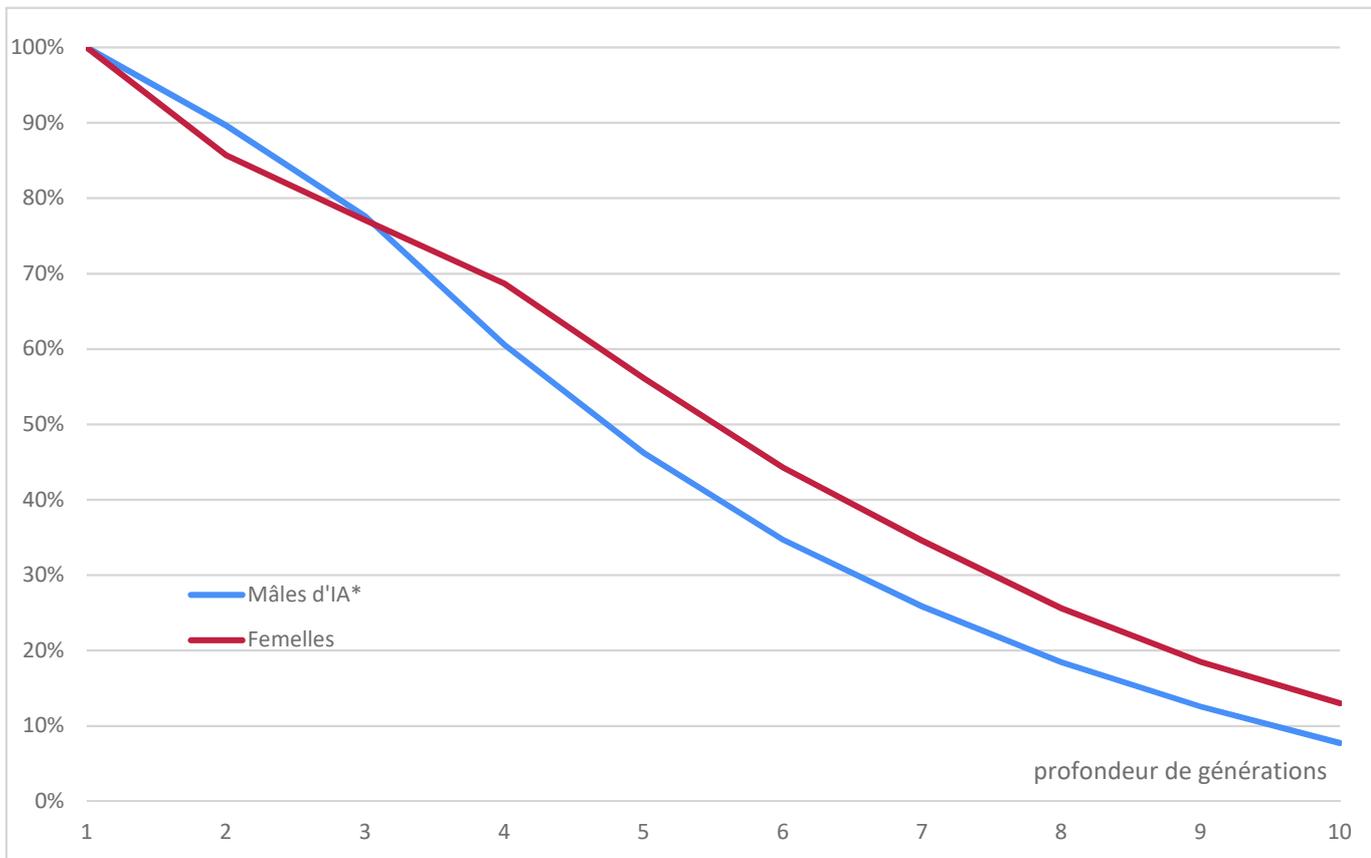
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,2
Moyenne 4 voies	3,8

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	2 371	29
Nb moyen de générations remontées	5,4	4,8
Nb moyen d'ancêtres connus	1 164	548
Nb maximum de générations remontées	19	18

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	2 147
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	164
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	65
Ratio Ae/Fe	39,5%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,6%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	23

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	57383003050059	050059	M	2005	4,6%	4,6%	4,6%
2	54435301970203	970203	M	1997	4,4%	4,4%	8,9%
3	54498303910003	910003	M	1991	4,2%	3,9%	12,8%
4	39545560105	560105	M	2006	3,7%	3,5%	16,3%
5	39500480257	480257	M	2008	3,9%	3,3%	19,6%
6	54329201040039	040039	M	2004	3,4%	3,2%	22,8%
7	57268011990352	990352	M	1999	3,0%	2,7%	25,5%
8	41012220041	220041	M	2012	3,2%	2,3%	27,7%
9	54322138050046	050046	M	2005	2,5%	2,2%	29,9%
10	41022190102	190102	M	2009	2,1%	2,1%	32,0%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,4
Consanguinité moyenne (%)	1,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,4
Parenté (%)	1,6
Consanguinité des parents (%)	0,6
Parentés des parents (%)	0,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	170
Taille efficace (méthode démographique)	282

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

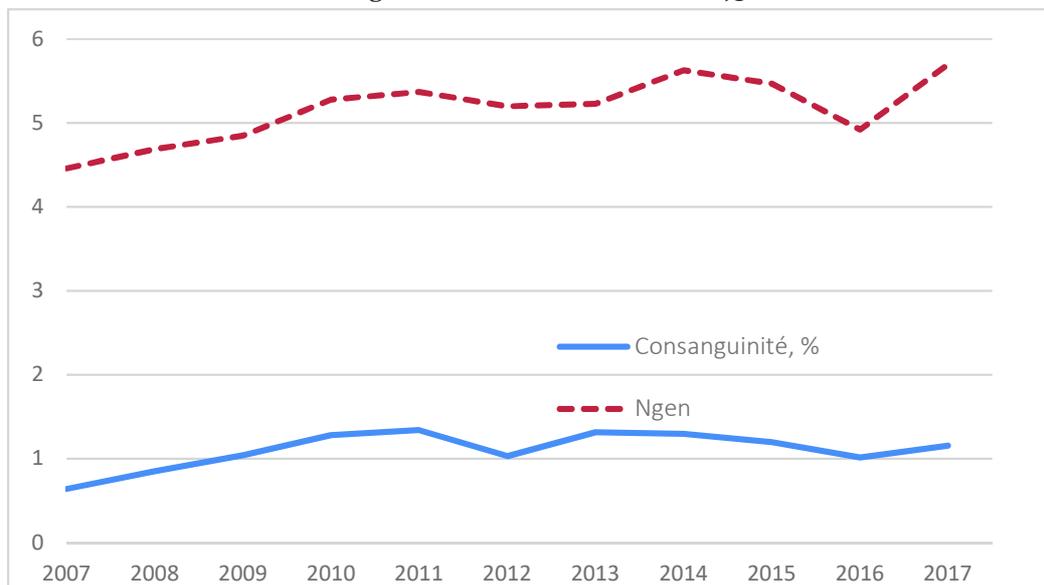
0% de consanguinité	14,7%
entre 0 à 3,125% inclus	76,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	5,2%
entre 6,25% à 12,5% inclus	2,7%
entre 12,5% à 25% inclus	0,8%
plus de 25%	0,4%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **3,9%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,51



GRIVETTE**Informations démographiques**

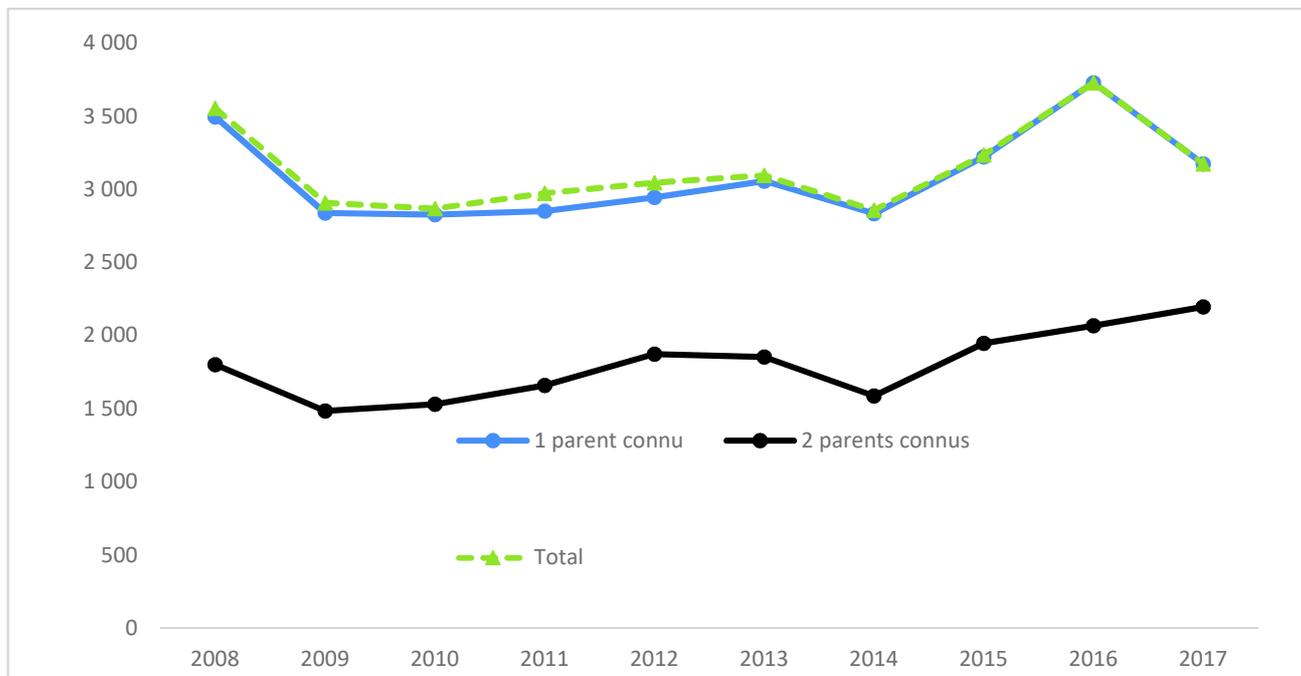
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	12 930
Nb pères différents	180
Nb max de descendants par père	181
Nb grands-pères paternels différents	98
Nb max de descendants par GPP	601
Nb mères différentes	5 868
Nb max de descendants par mère	10
Nb grands-pères maternels différents	287
Nb max de descendants par GPM	233
Nb d'animaux avec deux parents connus	7 787

Rapport 2 parents connus/total des femelles 60%

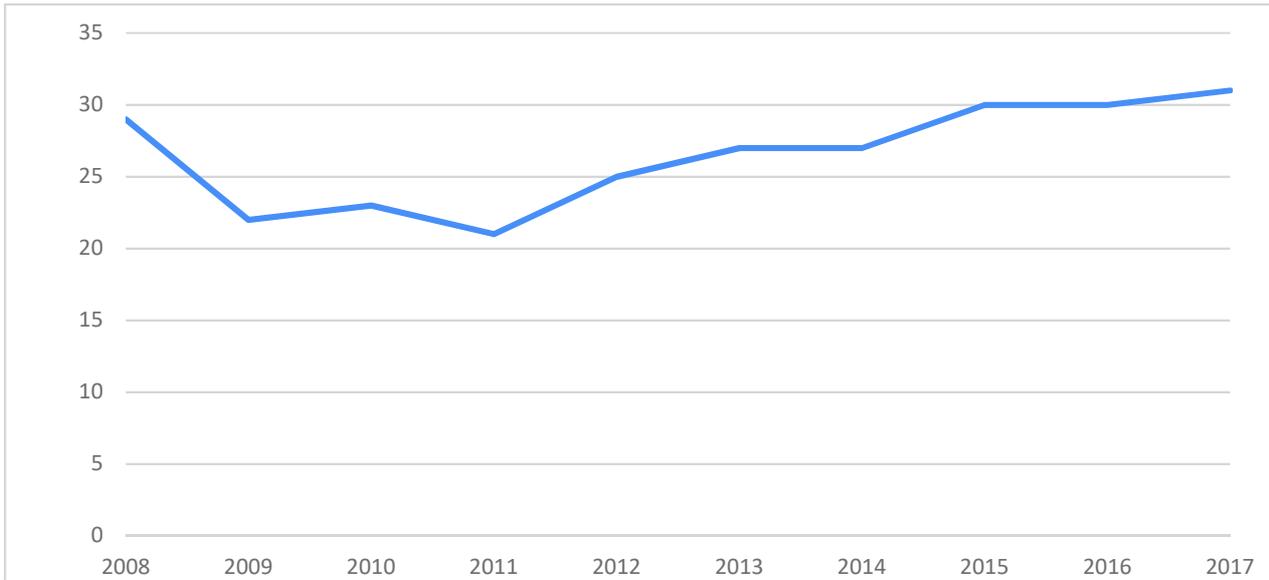
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

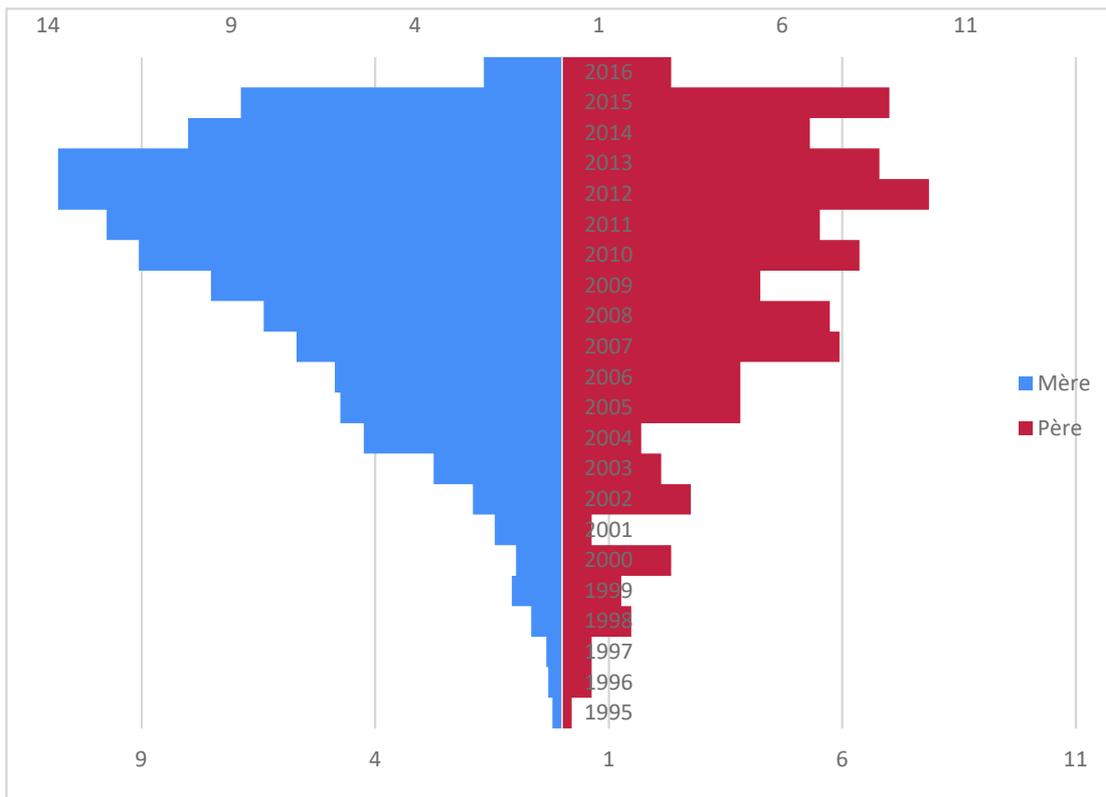
Croissance démographique ●5

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



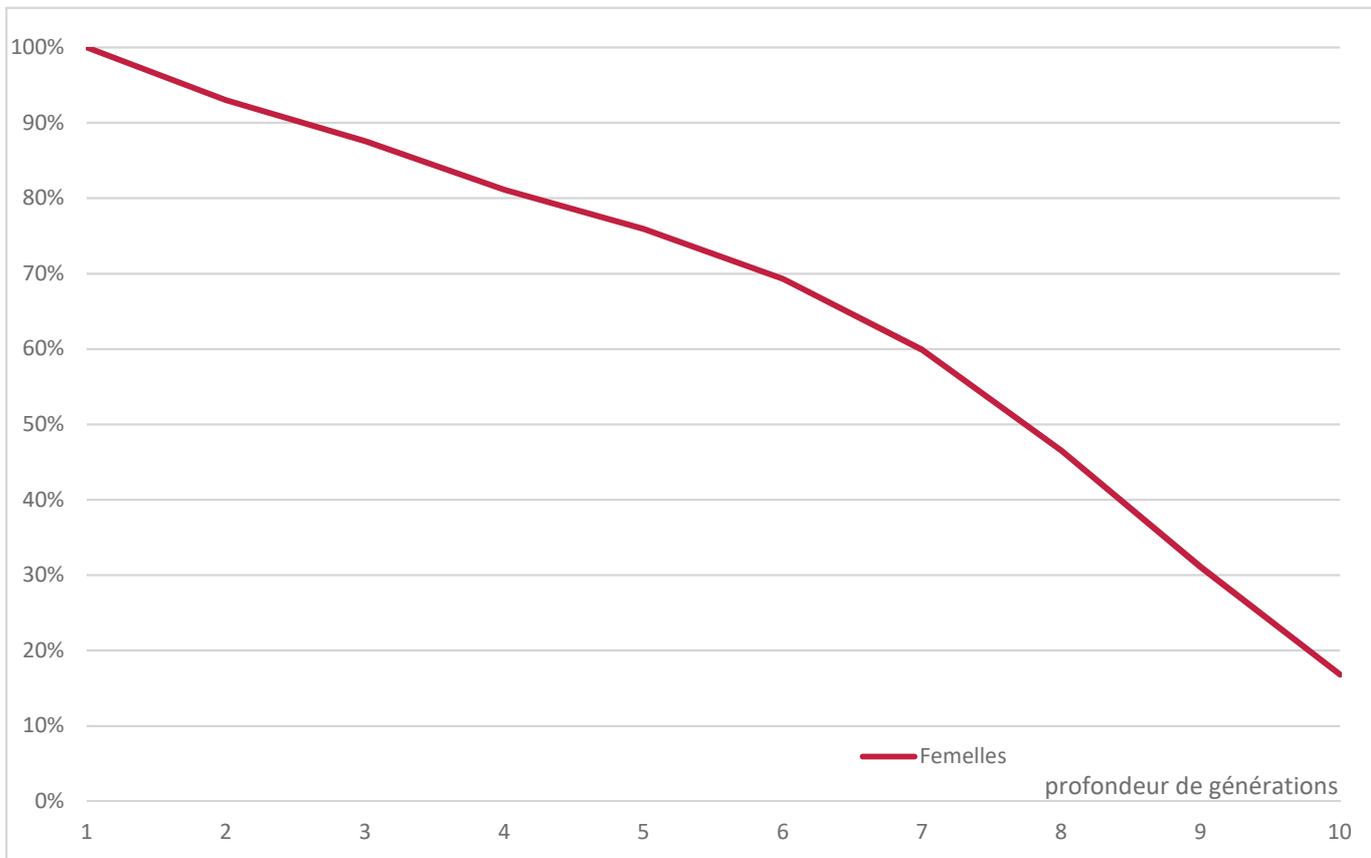
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,0
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,9
Moyenne 4 voies	3,4

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	7 787
Nb moyen de générations remontées	6,7
Nb moyen d'ancêtres connus	914
Nb maximum de générations remontées	20

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	3 684
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	334
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	83
Ratio Ae/Fe	25,0%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,8%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	34

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	69190080970232	970232	M	1997	5,8%	5,8%	5,8%
2	63066116011180	011180	M	2002	3,7%	3,2%	9,1%
3	11107005000598	000598	M	2000	3,2%	3,2%	12,2%
4	38517007020273	020273	M	2003	2,9%	2,9%	15,1%
5	48552360095	60095	M	2006	2,1%	2,1%	17,3%
6	69187271950155	950155	M	1996	4,9%	2,0%	19,2%
7	69190115020751	020751	M	2002	1,8%	1,8%	21,0%
8	32117160138	60138	M	2006	3,2%	1,6%	22,6%
9	42286181990367	990367	F	1999	1,6%	1,6%	24,2%
10	69014260920392	920392	M	1993	1,6%	1,6%	25,8%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,7
Consanguinité moyenne (%)	0,8
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,1
Parenté (%)	1,4
Consanguinité des parents (%)	0,5
Parentés des parents (%)	0,7
Taille efficace (méthode Cervantès)	241
Taille efficace (méthode démographique)	699

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

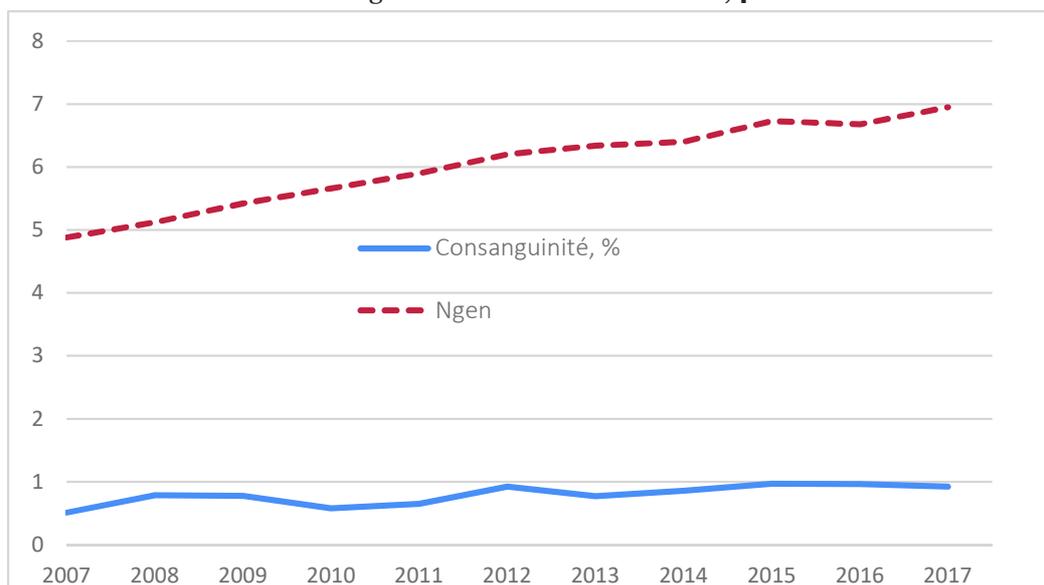
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	7,2%
entre 0 à 3,125% inclus	90,9%
entre 3,125% à 6,25% inclus	1,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,2%
entre 12,5% à 25% inclus	0,1%
plus de 25%	0,5%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	0,8%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,41



LACAUNE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

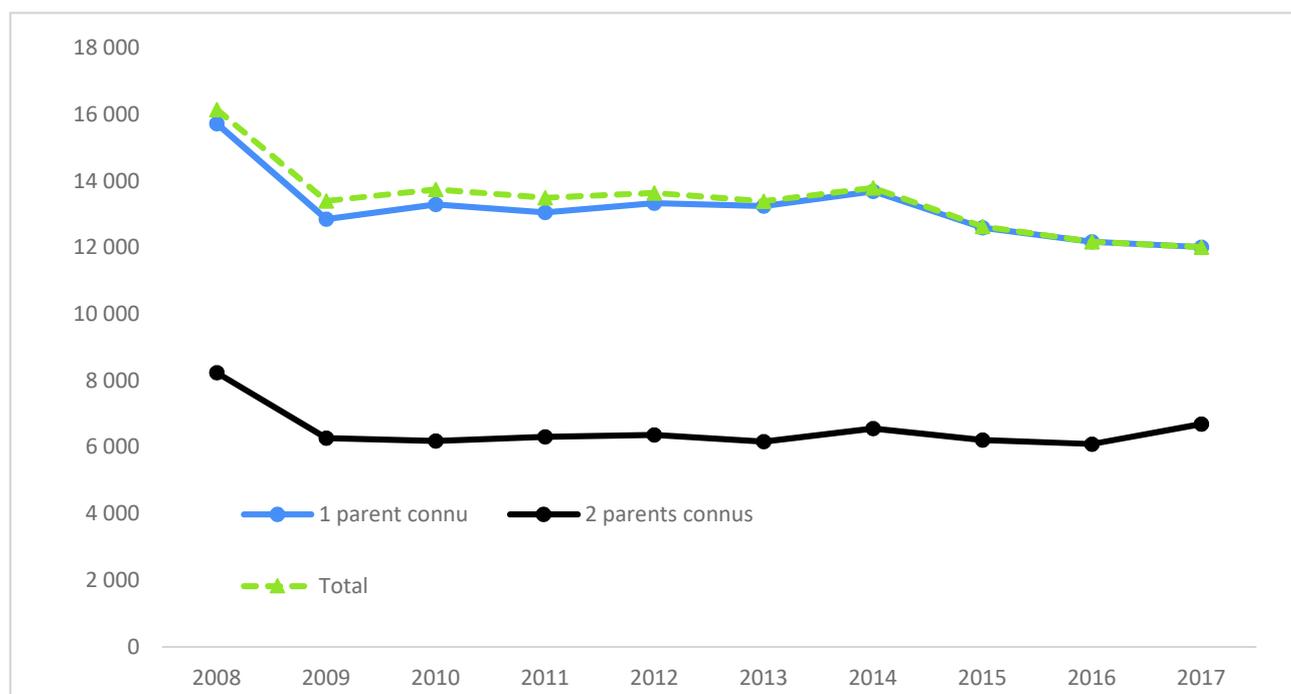
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	50 645	184
Nb pères différents	294	79
Nb max de descendants par père	963	16
Nb grands-pères paternels différents	113	64
Nb max de descendants par GPP	2 471	16
Nb mères différentes	19 769	175
Nb max de descendants par mère	13	2
Nb grands-pères maternels différents	598	64
Nb max de descendants par GPM	1 758	9
Nb d'animaux avec deux parents connus	25 591	183

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 51%

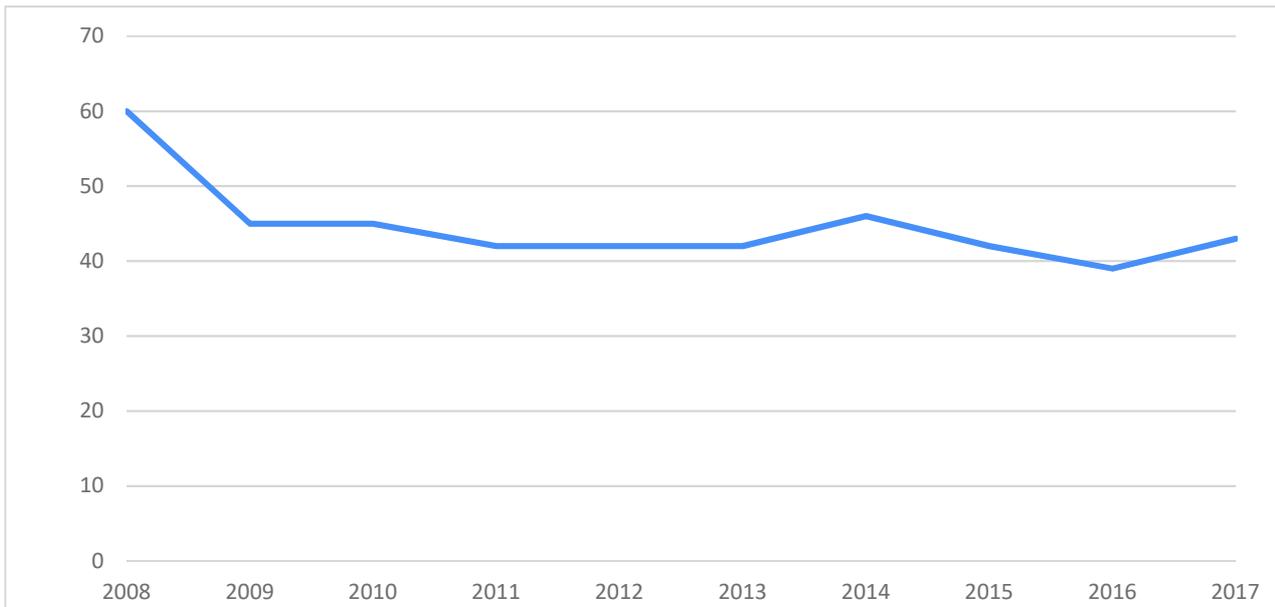
% femelles issues IA 44

Evolution de la population femelle

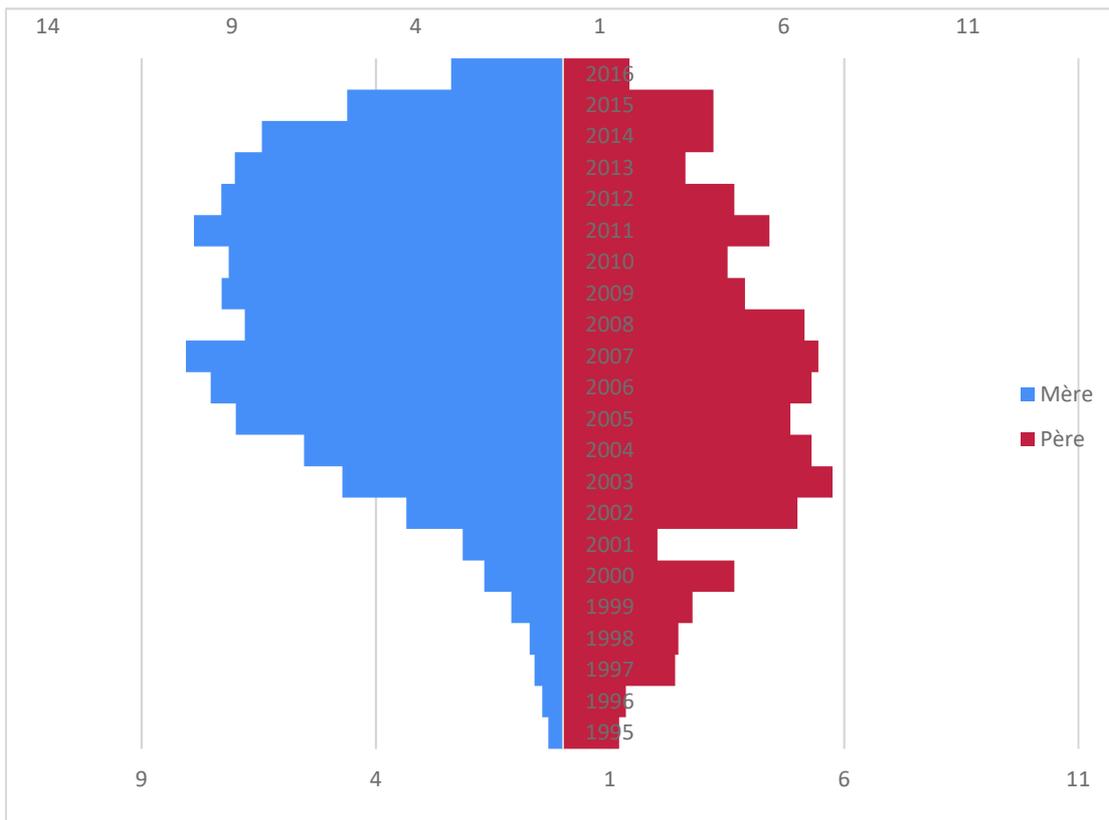
Croissance démographique ●-9

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

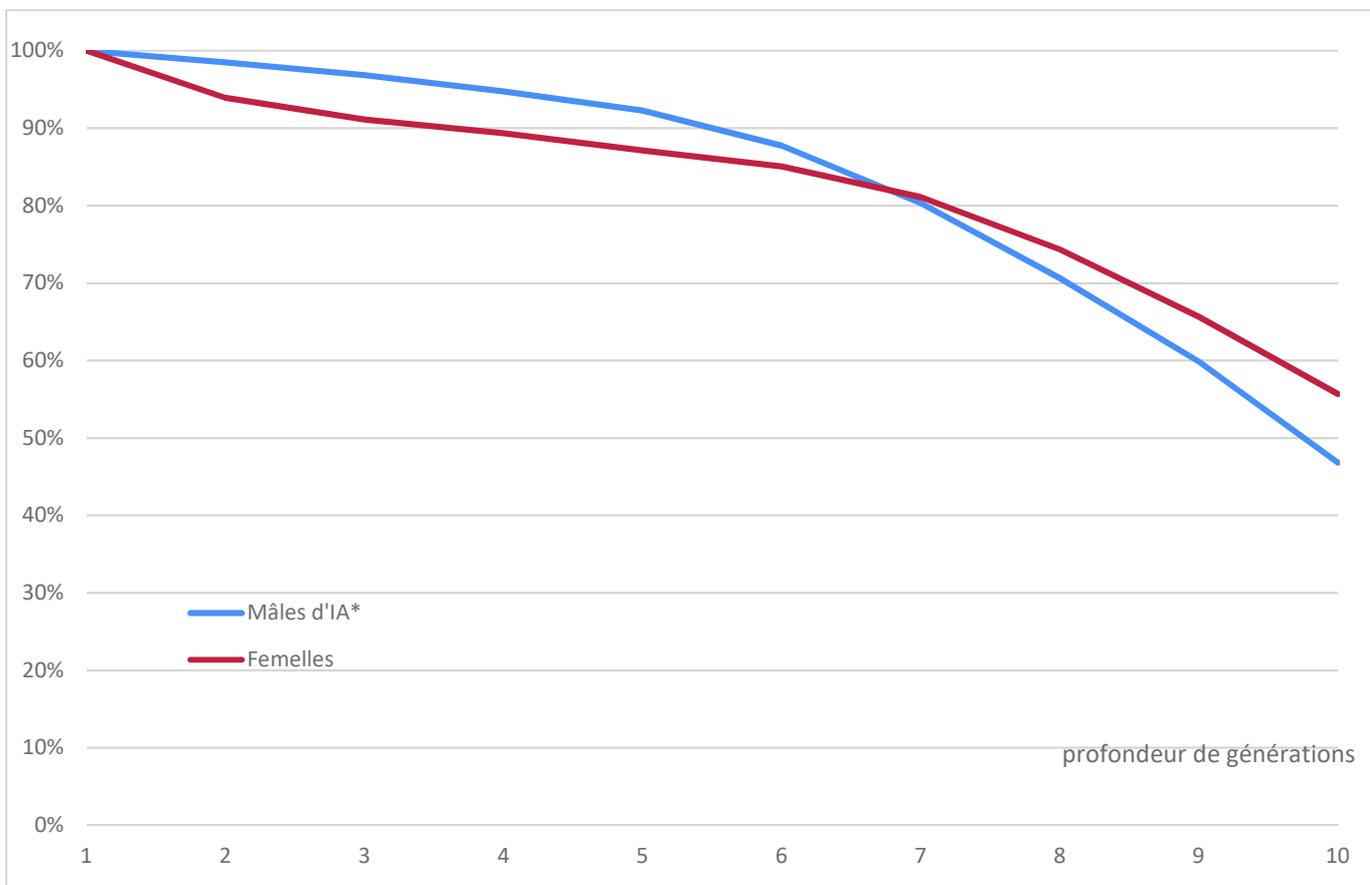
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	4,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,1
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,9
Moyenne 4 voies	3,9

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	25 591	183
Nb moyen de générations remontées	9,3	8,9
Nb moyen d'ancêtres connus	8 545	4 790
Nb maximum de générations remontées	25	22

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	7 654
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	207
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	50
Ratio Ae/Fe	24,3%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	6,8%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	19

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	12194081950068	950068	M	1995	6,8%	6,8%	6,8%
2	81299230000094	000094	M	2000	5,3%	5,3%	12,1%
3	55000170003	70003	M	2007	5,2%	5,2%	17,3%
4	81266181030151	030151	M	2003	4,4%	3,9%	21,2%
5	12199294900029	900029	M	1990	4,5%	3,6%	24,8%
6	12199294950079	950079	M	1995	2,8%	2,8%	27,6%
7	81266191030269	030269	M	2003	3,1%	2,7%	30,3%
8	12169025900004	900004	M	1990	2,6%	2,3%	32,6%
9	12255104830124	830124	M	1983	4,0%	2,3%	34,9%
10	12110149960146	960146	M	1996	2,1%	2,1%	37,0%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	9,3
Consanguinité moyenne (%)	2,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,5
Parenté (%)	2,5
Consanguinité des parents (%)	1,4
Parentés des parents (%)	1,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	185
Taille efficace (méthode démographique)	1 159

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

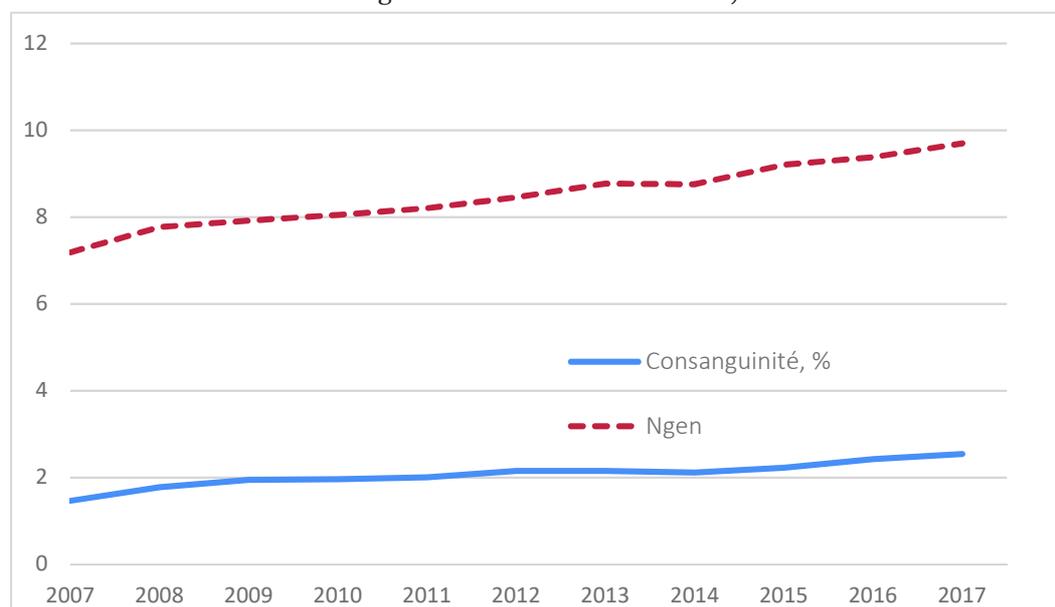
Répartition de la consanguinité (% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	6,1%
entre 0 à 3,125% inclus	78,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	12,9%
entre 6,25% à 12,5% inclus	2,0%
entre 12,5% à 25% inclus	0,7%
plus de 25%	0,2%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **2,9%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans **1,08**



LIMOUSINE**Informations démographiques**

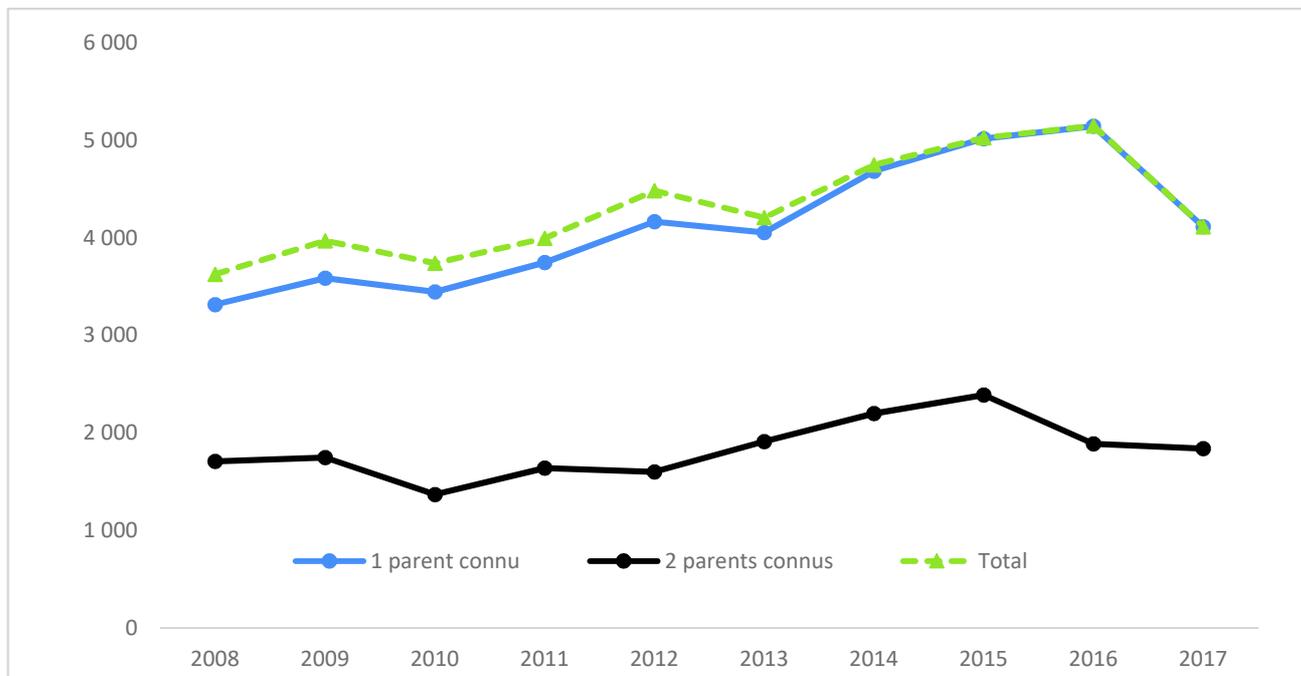
Période de naissance des femelles 2014 -2017

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	19 054	13
Nb pères différents	205	12
Nb max de descendants par père	207	2
Nb grands-pères paternels différents	84	9
Nb max de descendants par GPP	527	2
Nb mères différentes	10 529	13
Nb max de descendants par mère	8	1
Nb grands-pères maternels différents	295	9
Nb max de descendants par GPM	154	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	8 326	13

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 44%

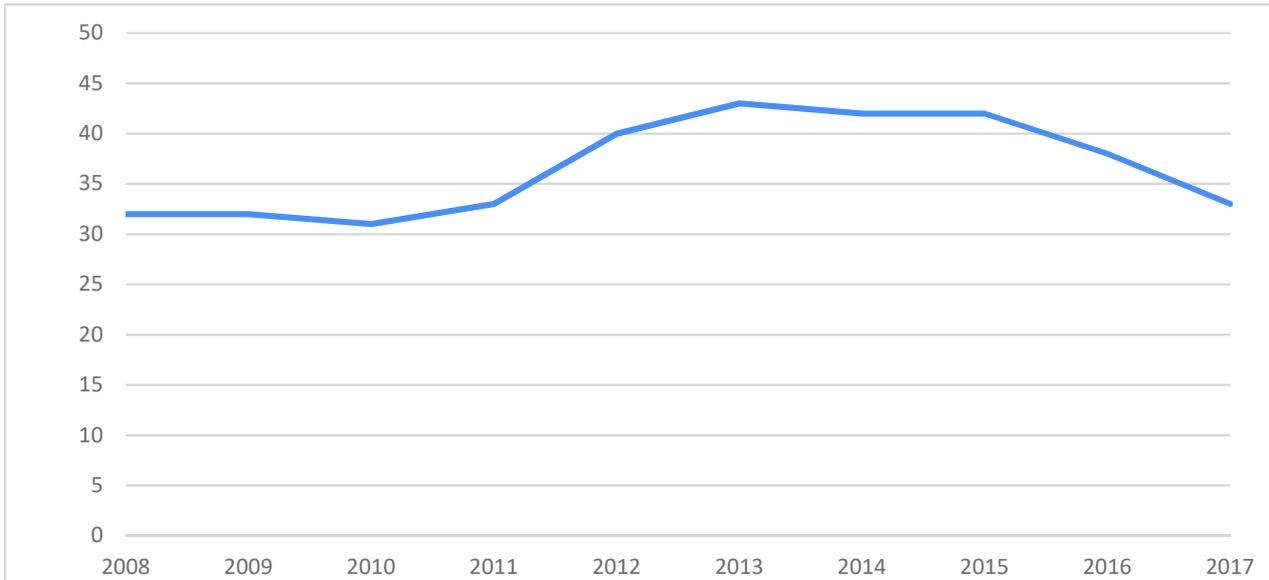
% femelles issues IA 7

Evolution de la population femelle

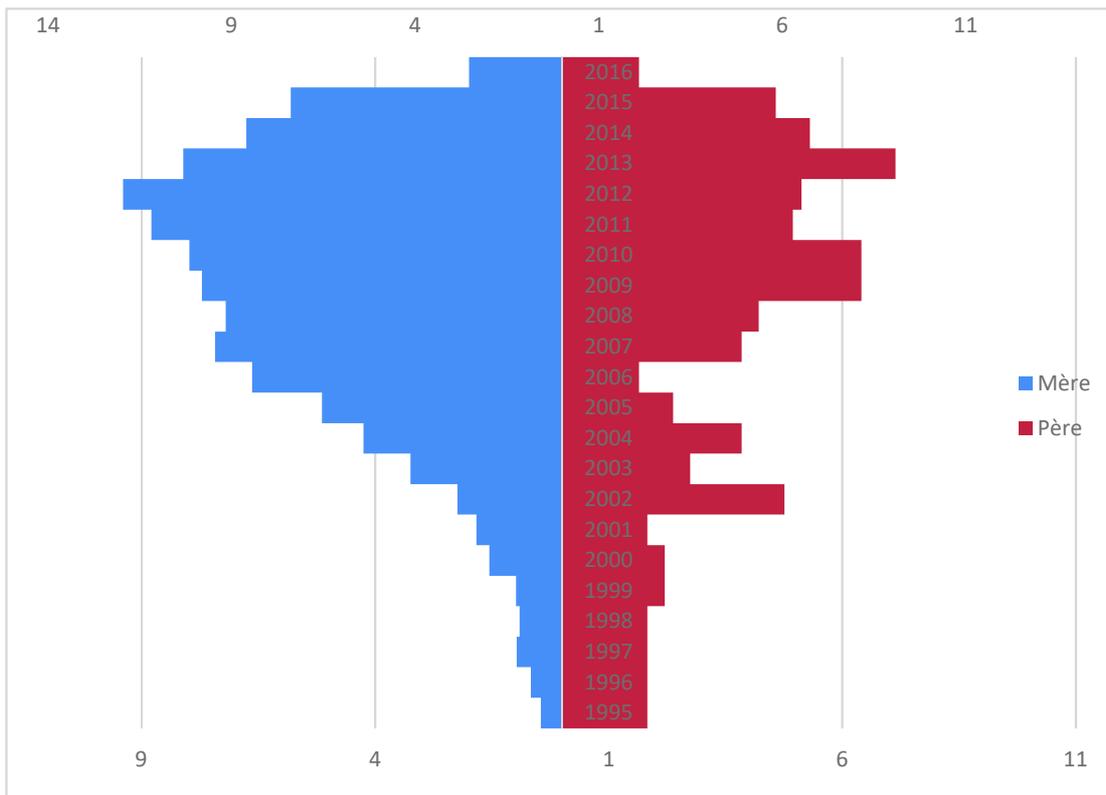
Croissance démographique ●17

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

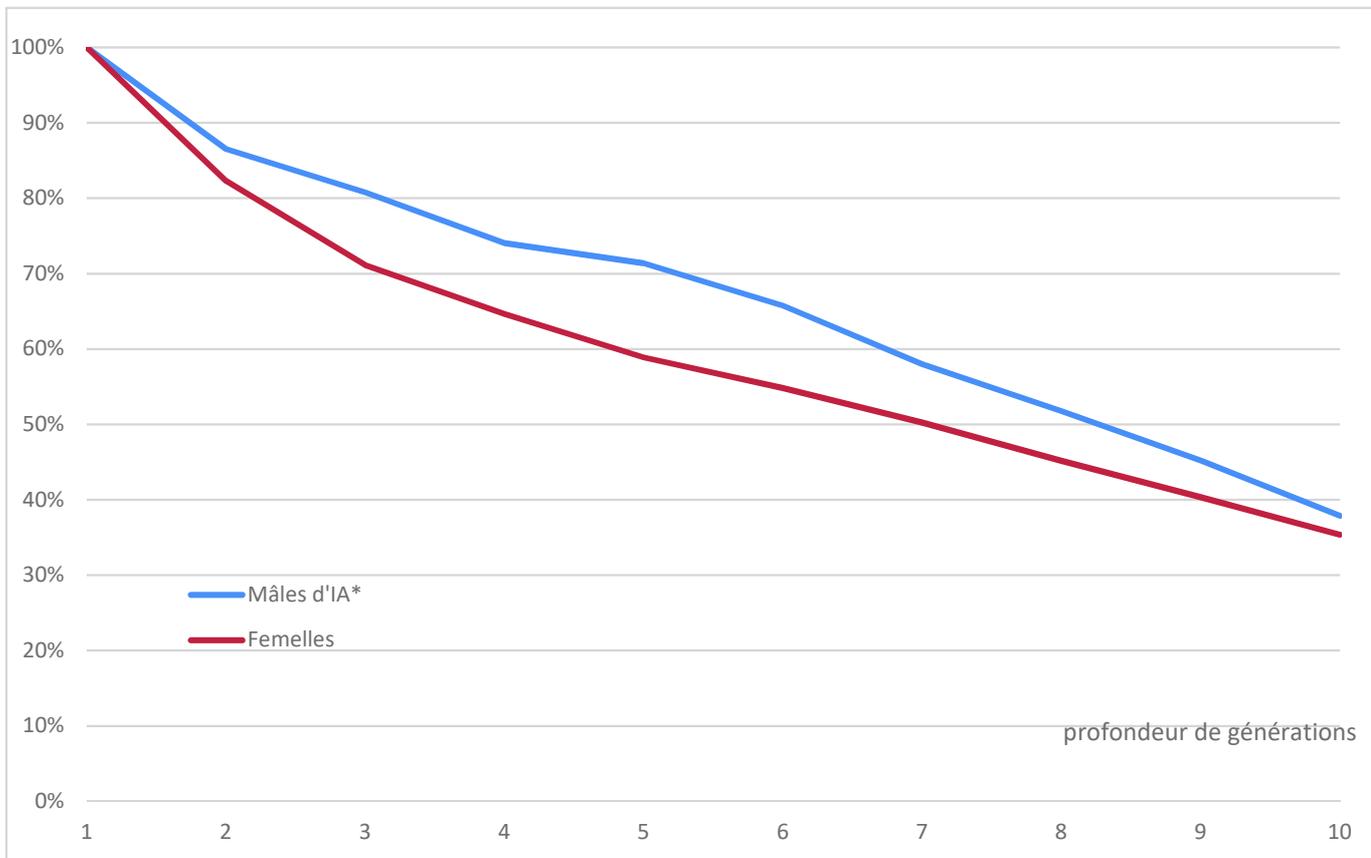
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	4,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,7
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,5
Moyenne 4 voies	4,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	8 325	13
Nb moyen de générations remontées	6,8	7,4
Nb moyen d'ancêtres connus	8 863	5 499
Nb maximum de générations remontées	26	22

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	6 674
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	292
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	87
Ratio Ae/Fe	29,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,0%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	36

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	20557473046	73046	M	2007	5,0%	5,0%	5,0%
2	23090163820062	820062	M	1982	4,9%	4,6%	9,6%
3	23090163770263	770263	M	1978	3,3%	3,1%	12,7%
4	23090171900343	900343	M	1991	3,5%	2,4%	15,1%
5	19164123050117	050117	M	2005	2,7%	2,3%	17,4%
6	18501890334	90334	M	2010	2,3%	2,2%	19,6%
7	19136162030055	030055	M	2003	2,2%	1,9%	21,5%
8	23090212860185	860185	M	1987	2,4%	1,8%	23,3%
9	19164129980010	980010	M	1998	2,2%	1,8%	25,1%
10	23081303030012	030012	M	2003	2,1%	1,6%	26,7%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,8
Consanguinité moyenne (%)	2,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,5
Parenté (%)	1,6
Consanguinité des parents (%)	0,7
Parentés des parents (%)	0,5
Taille efficace (méthode Cervantès)	231
Taille efficace (méthode démographique)	804

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

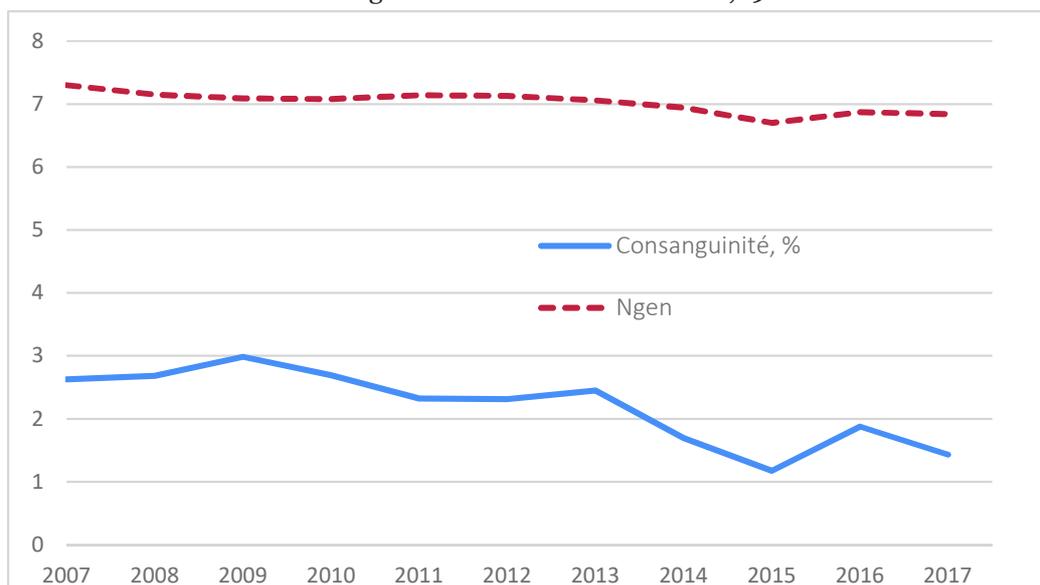
0% de consanguinité	16,2%
entre 0 à 3,125% inclus	68,9%
entre 3,125% à 6,25% inclus	8,3%
entre 6,25% à 12,5% inclus	3,3%
entre 12,5% à 25% inclus	1,9%
plus de 25%	1,3%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **6,5%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-1,19



MARTINIK**Informations démographiques**

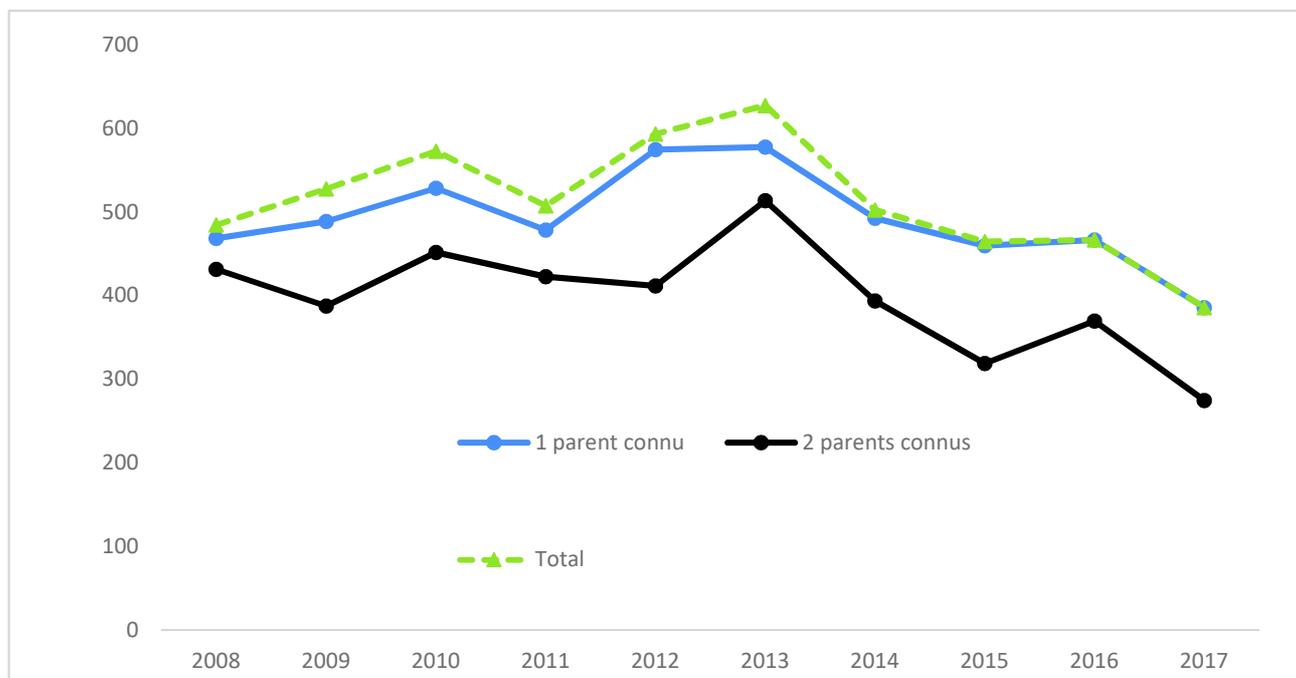
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	1 806
Nb pères différents	43
Nb max de descendants par père	125
Nb grands-pères paternels différents	15
Nb max de descendants par GPP	126
Nb mères différentes	922
Nb max de descendants par mère	8
Nb grands-pères maternels différents	68
Nb max de descendants par GPM	131
Nb d'animaux avec deux parents connus	1 358

Rapport 2 parents connus/total des femelles 75%

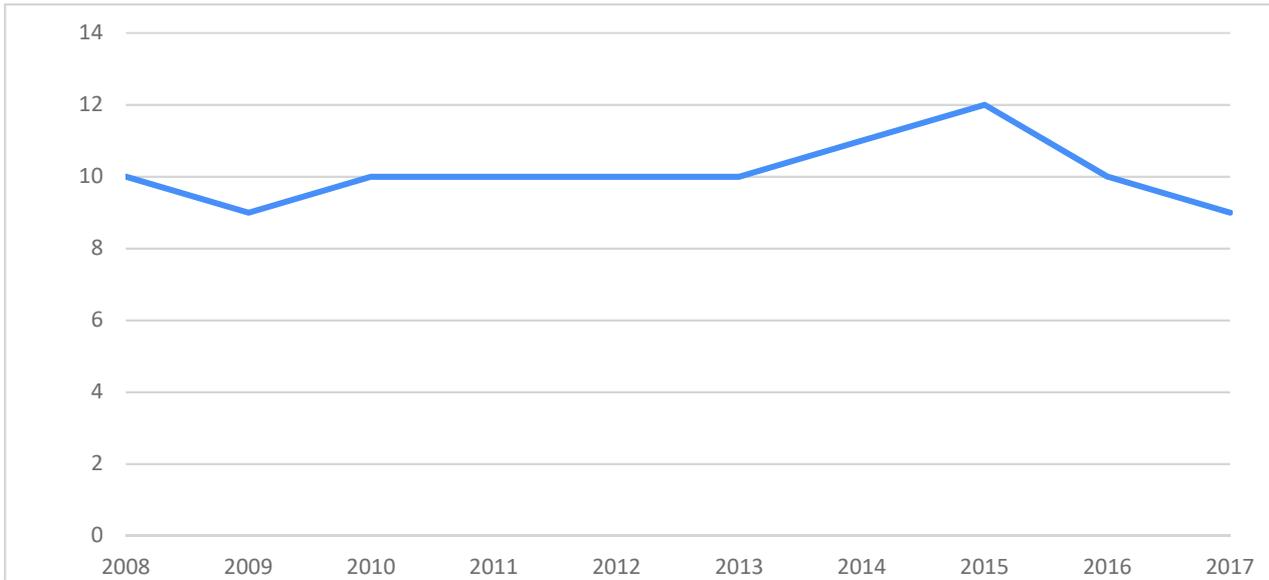
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

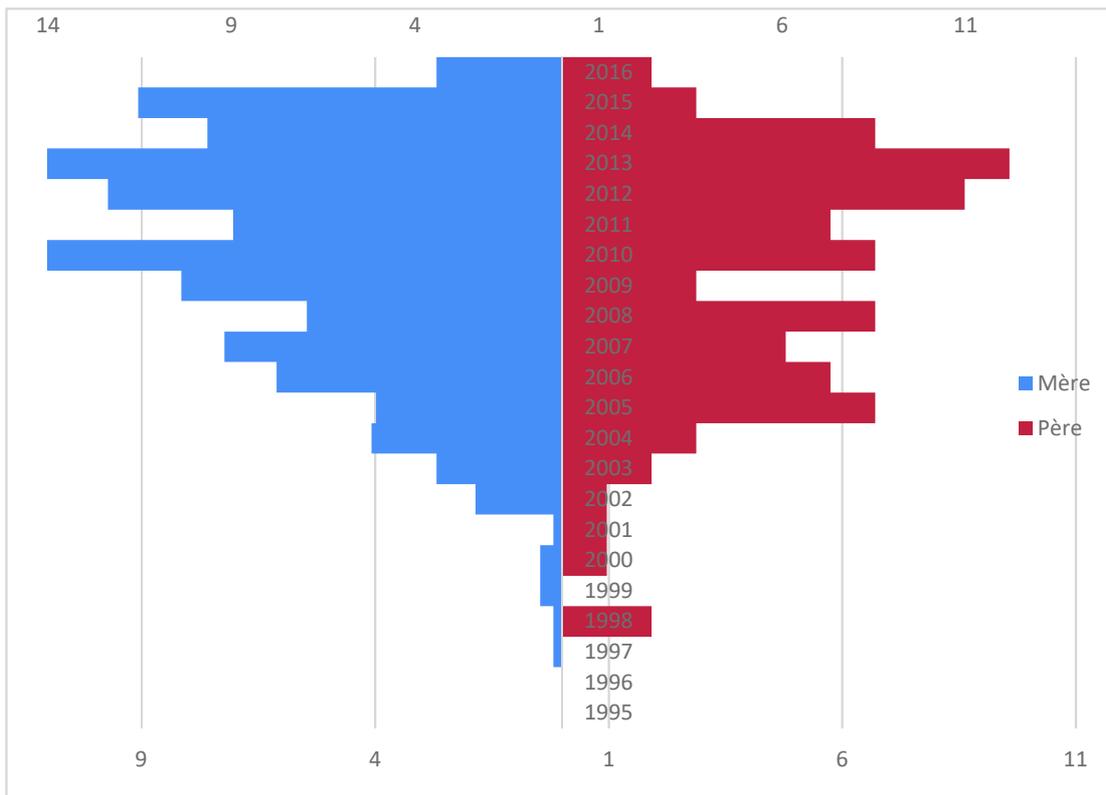
Croissance démographique 🟡-9

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



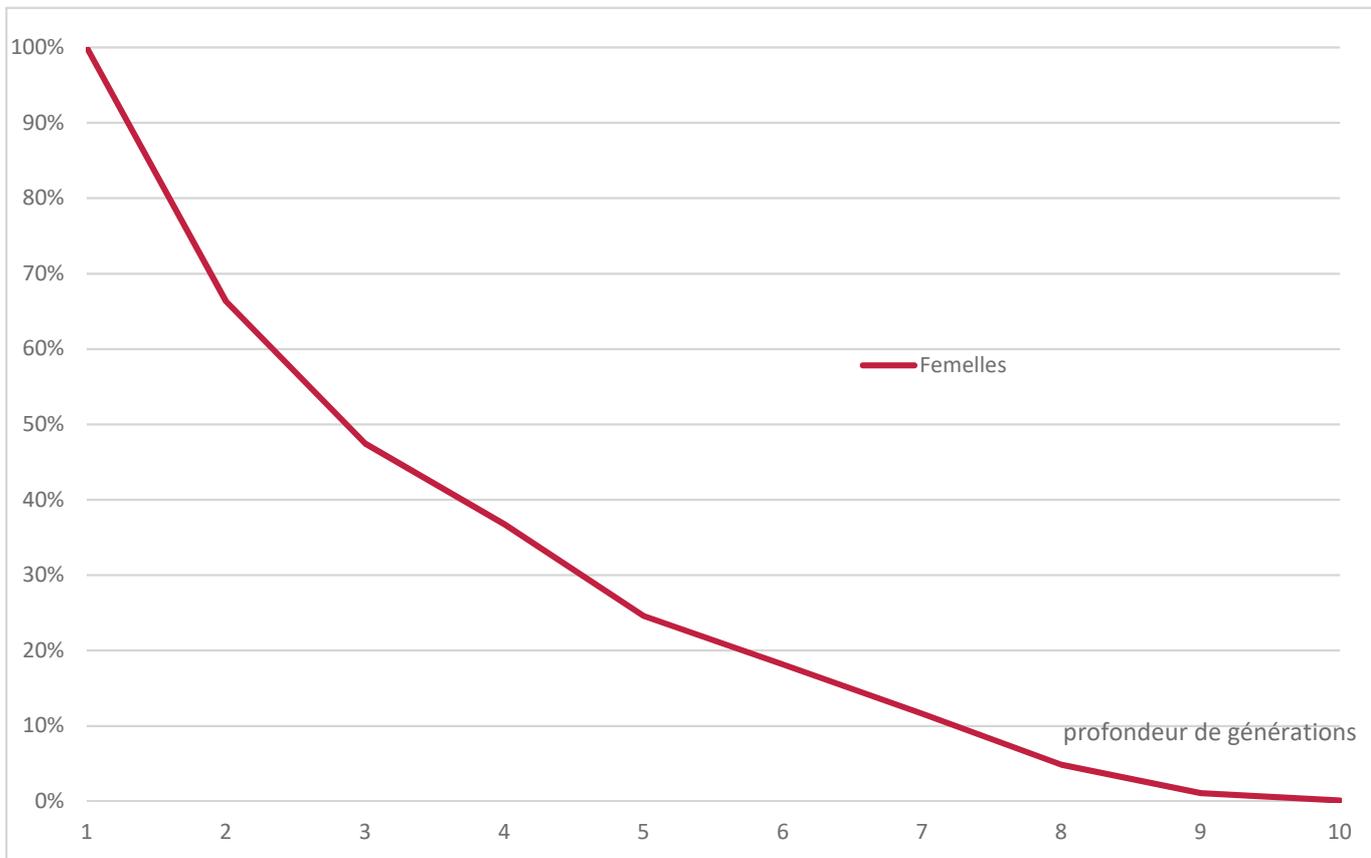
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,7
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,7
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,1
Moyenne 4 voies	3,4

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	1 358
Nb moyen de générations remontées	3,1
Nb moyen d'ancêtres connus	68
Nb maximum de générations remontées	12

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	691
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	94
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	53
Ratio Ae/Fe	56,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,8%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	18

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	62516008096	08096	M	2008	5,8%	5,8%	5,8%
2	62516030175	30175	M	2013	4,9%	4,9%	10,7%
3	97226022050085	050085	M	2005	4,1%	4,1%	14,7%
4	61514911056	11056	M	2012	4,0%	4,0%	18,7%
5	61514911066	11066	M	2011	3,8%	3,8%	22,6%
6	61514911064	11064	M	2011	3,2%	3,2%	25,8%
7	62520020065	20065	M	2012	3,9%	3,0%	28,7%
8	97226022030115	030115	M	2003	2,9%	2,9%	31,6%
9	97226006050033	050033	M	2005	5,8%	2,9%	34,5%
10	62516020082	20082	M	2012	2,7%	2,7%	37,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	3,1
Consanguinité moyenne (%)	1,3
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,9
Parenté (%)	1,6
Consanguinité des parents (%)	0,7
Parentés des parents (%)	0,8
Taille efficace (méthode Cervantès)	107
Taille efficace (méthode démographique)	164

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

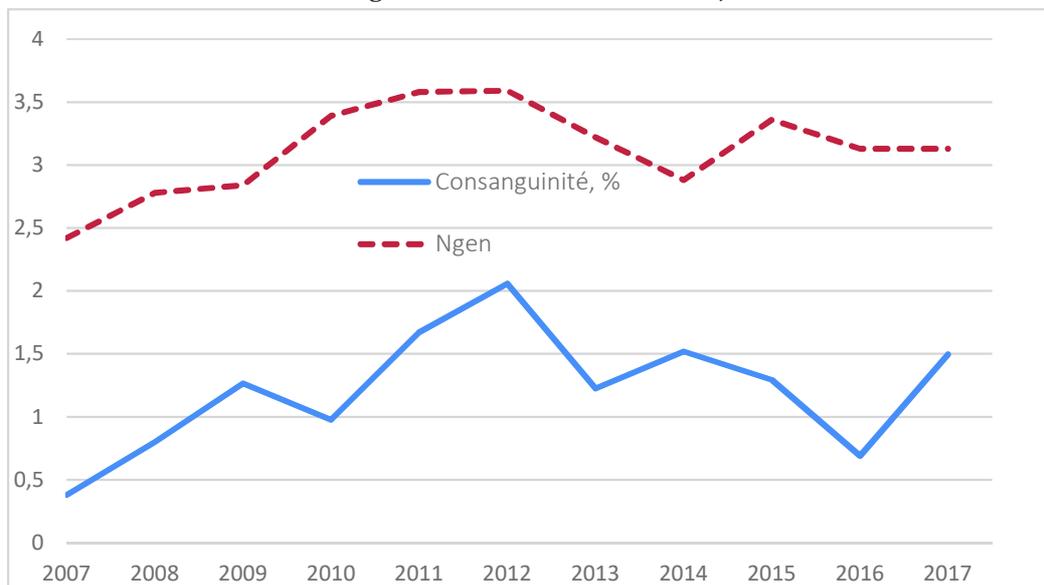
0% de consanguinité	56,0%
entre 0 à 3,125% inclus	31,7%
entre 3,125% à 6,25% inclus	4,6%
entre 6,25% à 12,5% inclus	5,4%
entre 12,5% à 25% inclus	1,0%
plus de 25%	1,2%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **7,7%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

1,12



MERINOS D'ARLES**Informations démographiques**

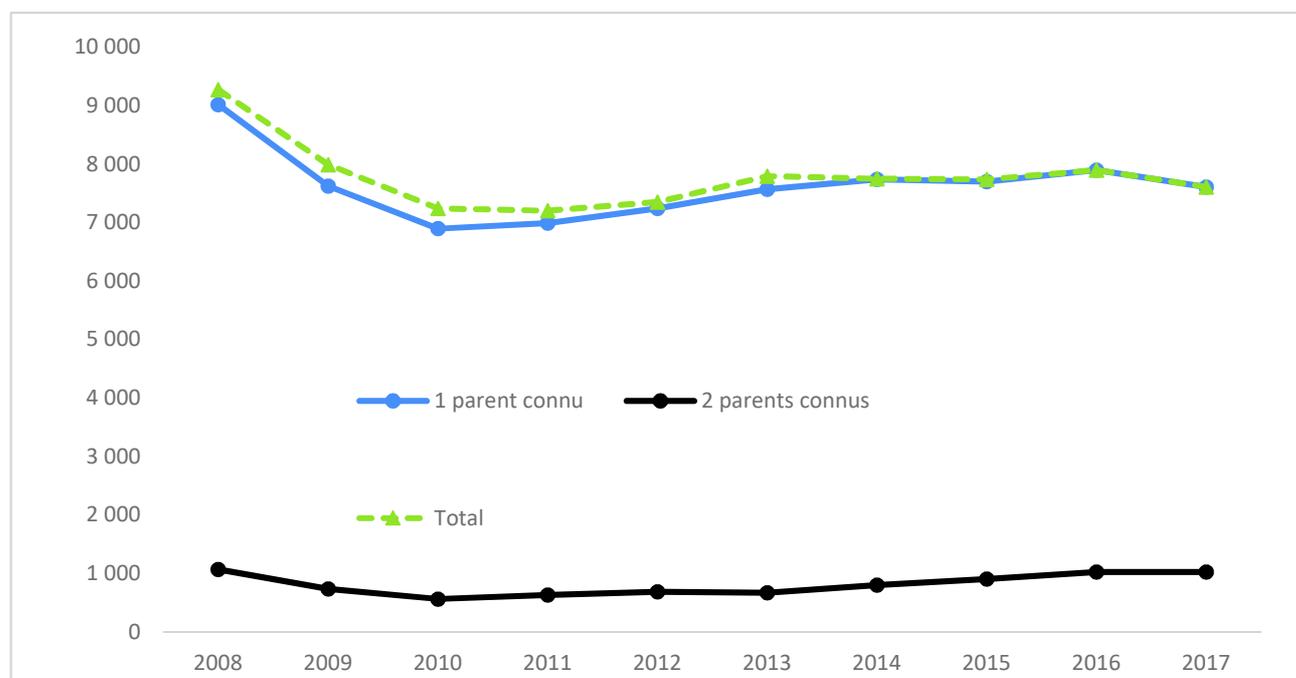
Période de naissance des femelles 2014 -2017

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	31 002	12
Nb pères différents	185	11
Nb max de descendants par père	152	2
Nb grands-pères paternels différents	77	9
Nb max de descendants par GPP	310	2
Nb mères différentes	16 807	12
Nb max de descendants par mère	8	1
Nb grands-pères maternels différents	314	9
Nb max de descendants par GPM	181	1
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 767	12

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 12%

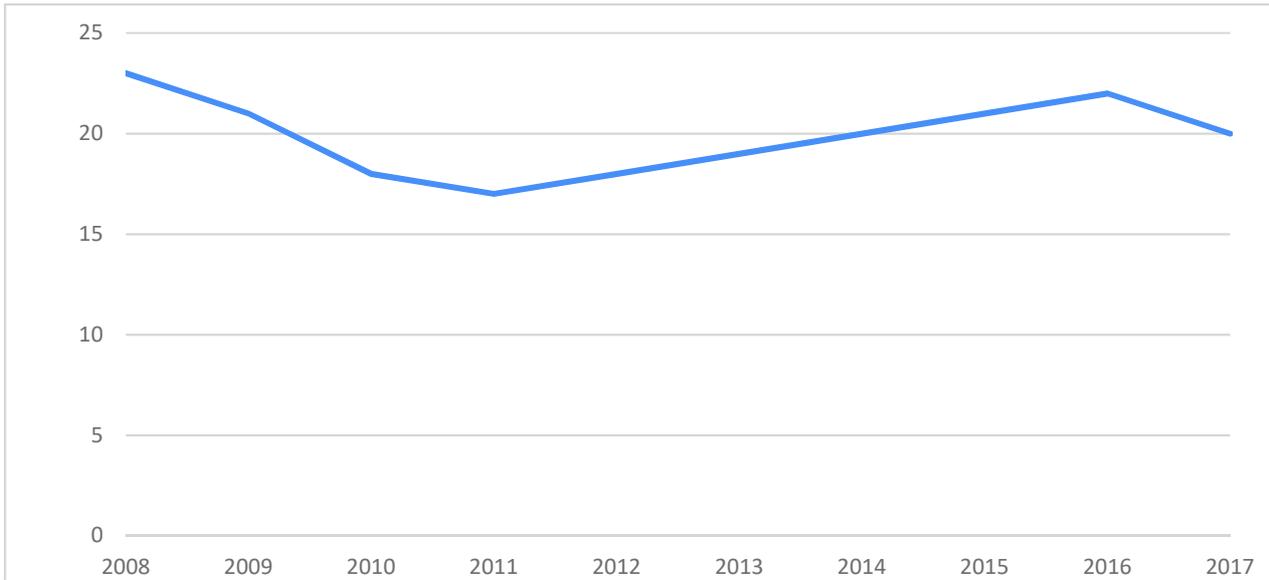
% femelles issues IA 3

Evolution de la population femelle

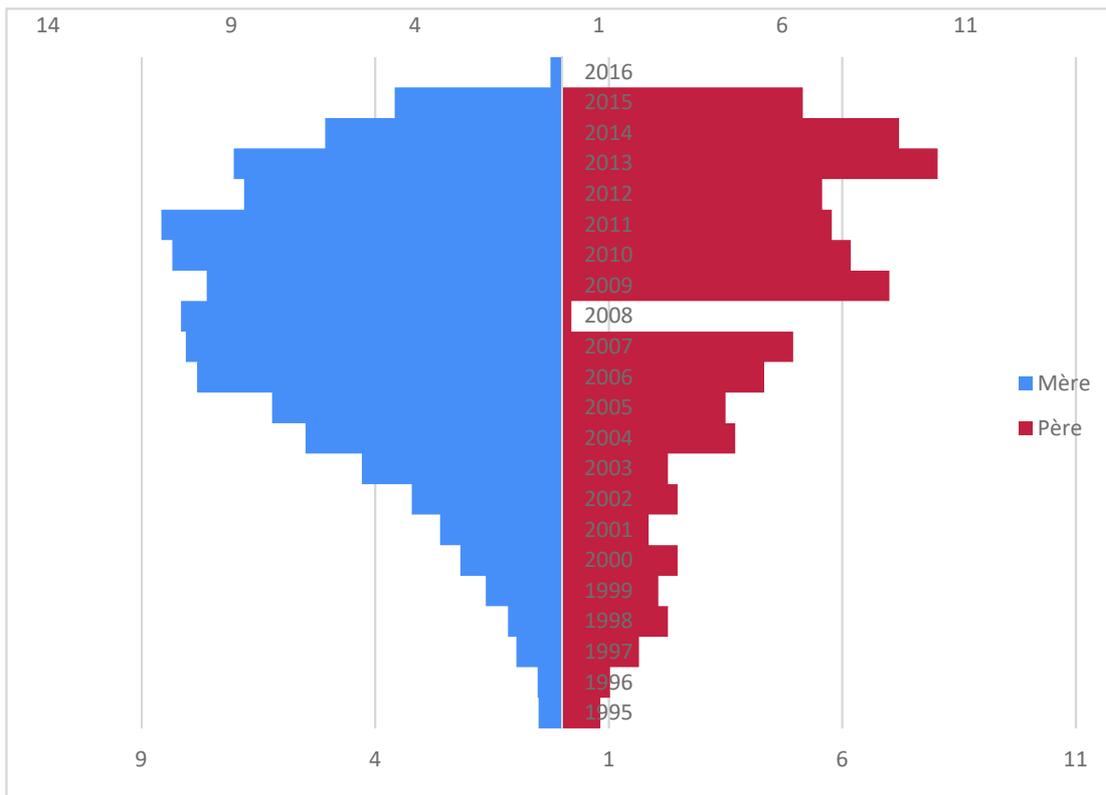
Croissance démographique ●-1

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

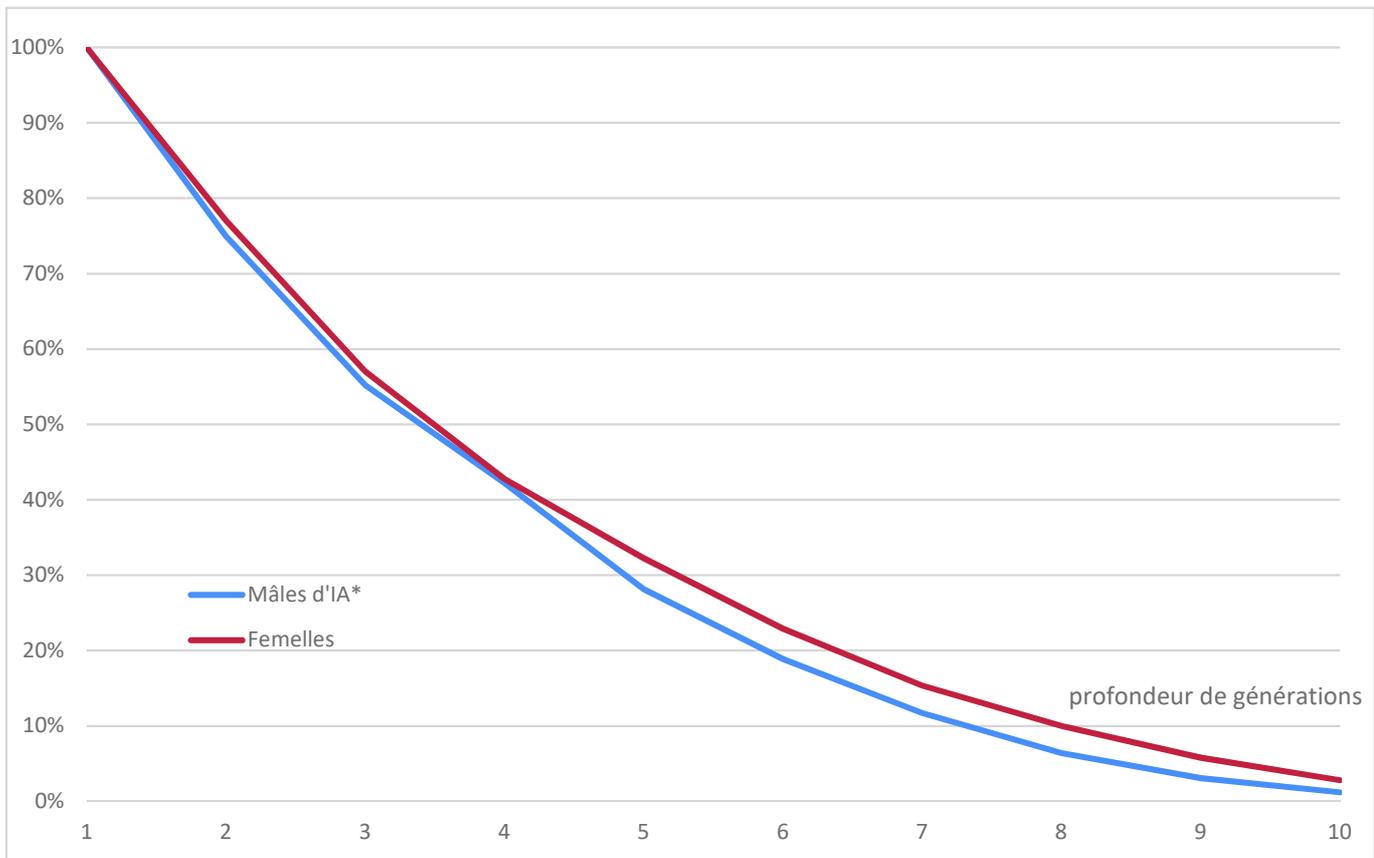
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,8
Moyenne 4 voies	4,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	3 767	12
Nb moyen de générations remontées	3,7	3,4
Nb moyen d'ancêtres connus	189	104
Nb maximum de générations remontées	15	13

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	8 086
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	749
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	191
Ratio Ae/Fe	25,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	3,3%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des genes	91

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	17000591047	91047	M	2010	3,3%	3,3%	3,3%
2	17000591051	91051	M	2010	2,1%	2,1%	5,5%
3	56513111011	11011	M	2012	2,0%	2,0%	7,5%
4	51071830077	30077	M	2013	2,0%	2,0%	9,5%
5	17000581059	81059	M	2009	1,4%	1,4%	11,0%
6	17080831044	31044	M	2014	1,4%	1,4%	12,3%
7	17033590301	90301	M	2010	1,3%	1,3%	13,6%
8	13097746045066	045066	M	2005	1,3%	1,3%	14,9%
9	13097746006274	006274	M	2001	1,2%	1,2%	16,1%
10	12550090708	90708	M	2010	1,1%	1,1%	17,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	3,7
Consanguinité moyenne (%)	0,4
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,1
Parenté (%)	0,4
Consanguinité des parents (%)	0,1
Parentés des parents (%)	0,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	449
Taille efficace (méthode démographique)	732

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

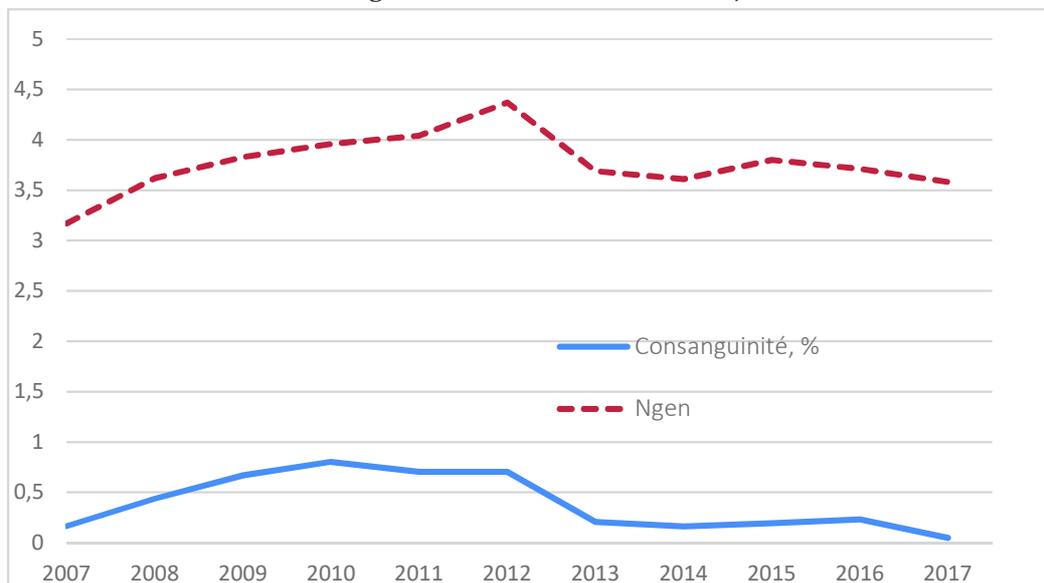
0% de consanguinité	50,7%
entre 0 à 3,125% inclus	45,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,8%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,1%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **1,5%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-0,12



NOIR DU VELAY**Informations démographiques**

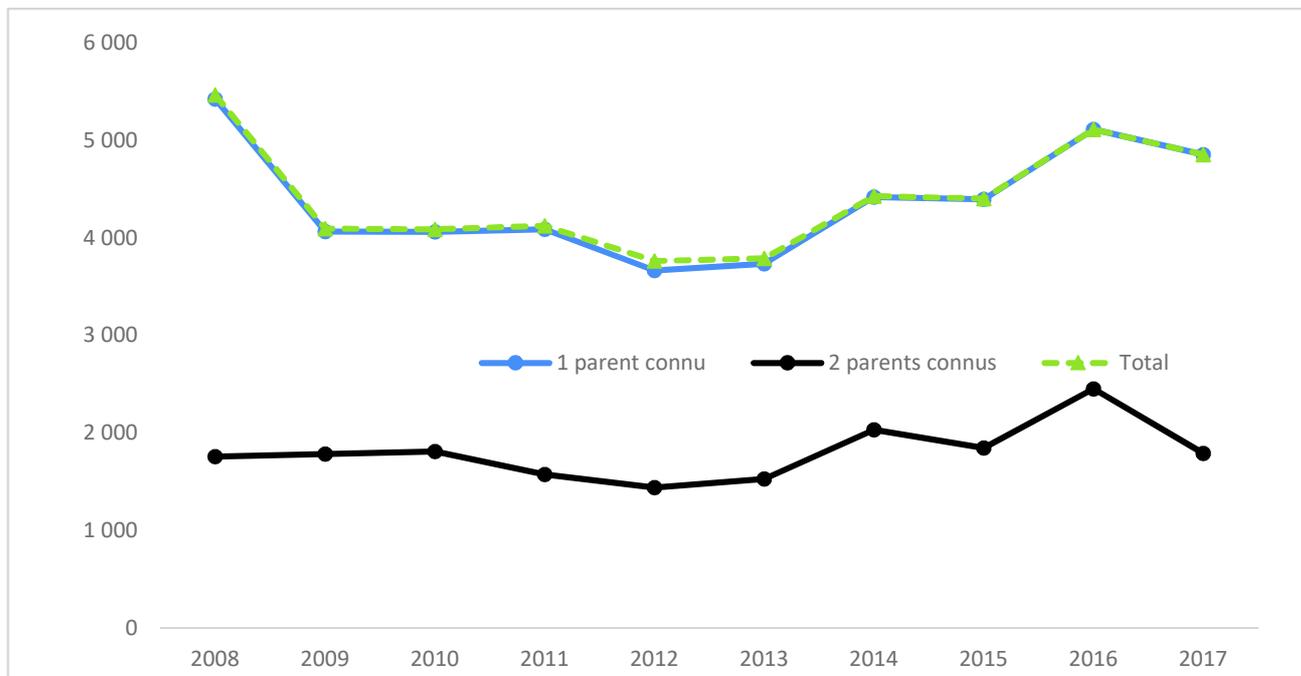
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	18 792
Nb pères différents	151
Nb max de descendants par père	383
Nb grands-pères paternels différents	77
Nb max de descendants par GPP	691
Nb mères différentes	7 610
Nb max de descendants par mère	14
Nb grands-pères maternels différents	258
Nb max de descendants par GPM	298
Nb d'animaux avec deux parents connus	8 128

Rapport 2 parents connus/total des femelles 43%

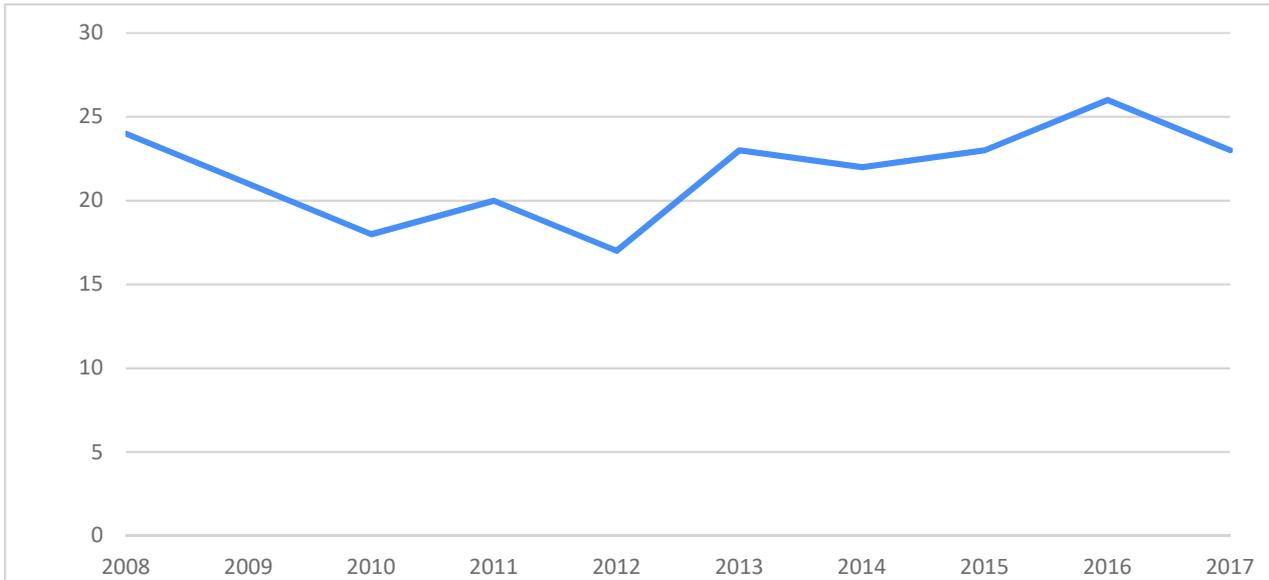
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

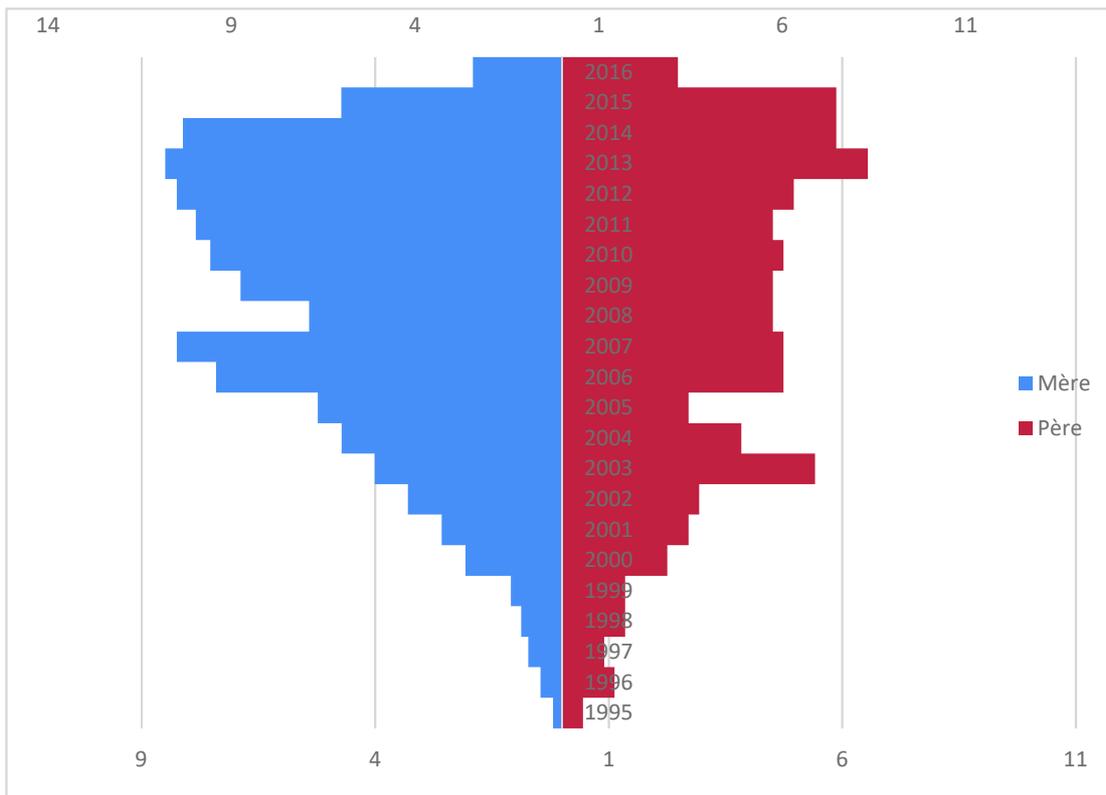
Croissance démographique ●5

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



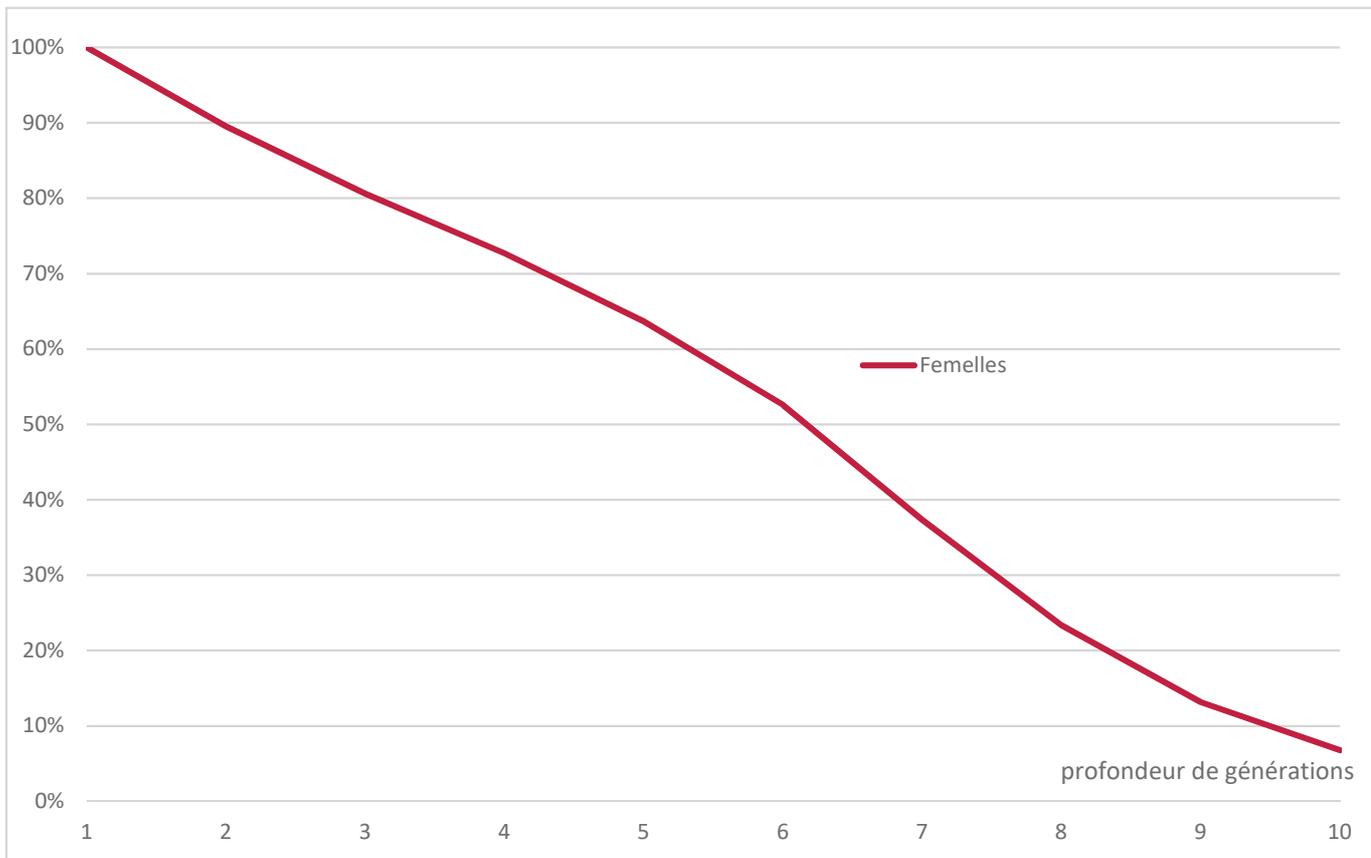
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,5
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,0
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,0
Moyenne 4 voies	3,3

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	8 128
Nb moyen de générations remontées	5,4
Nb moyen d'ancêtres connus	498
Nb maximum de générations remontées	18

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	5 811
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	483
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	107
Ratio Ae/Fe	22,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	3,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	42

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	32561790053	90053	M	2009	3,9%	3,9%	3,9%
2	43135134000005	000005	M	2000	3,5%	3,5%	7,4%
3	43135170050116	050116	M	2005	2,7%	2,7%	10,1%
4	43135170050117	050117	M	2005	2,4%	2,4%	12,5%
5	43143012040017	040017	M	2004	2,3%	2,3%	14,8%
6	32513320259	20259	M	2012	2,1%	2,0%	16,7%
7	32561700010	00010	M	2010	2,5%	1,9%	18,6%
8	32551340073	40073	M	2014	2,4%	1,9%	20,5%
9	32504480023	80023	M	2008	1,9%	1,9%	22,4%
10	32533680057	80057	M	2008	2,0%	1,8%	24,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,4
Consanguinité moyenne (%)	0,6
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	1,0
Consanguinité des parents (%)	0,2
Parentés des parents (%)	0,4
Taille efficace (méthode Cervantès)	274
Taille efficace (méthode démographique)	592

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

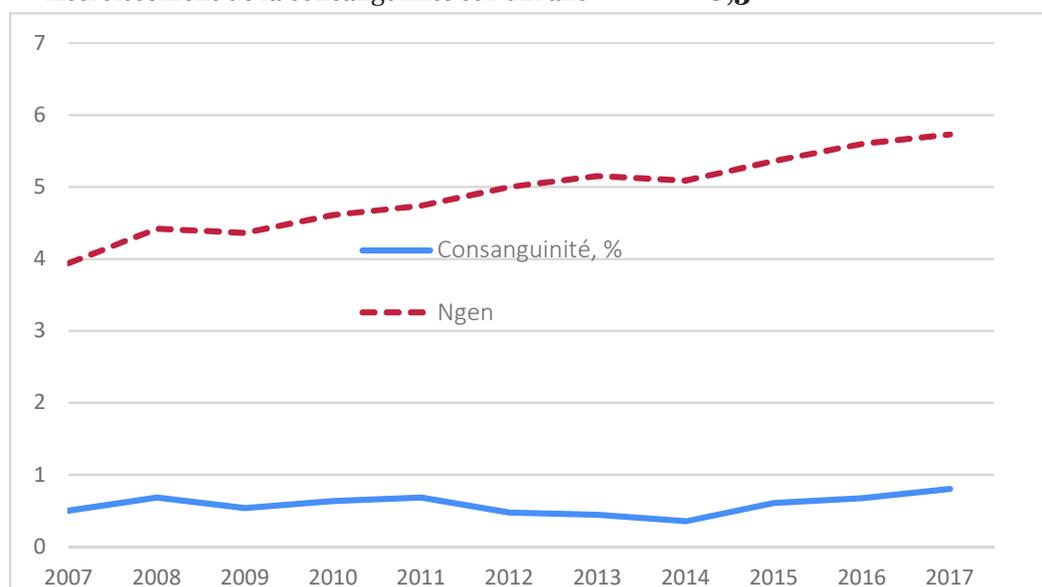
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	21,3%
entre 0 à 3,125% inclus	77,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	0,2%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,3%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,8%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 1,4%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans 0,3



PREALPES DU SUD**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

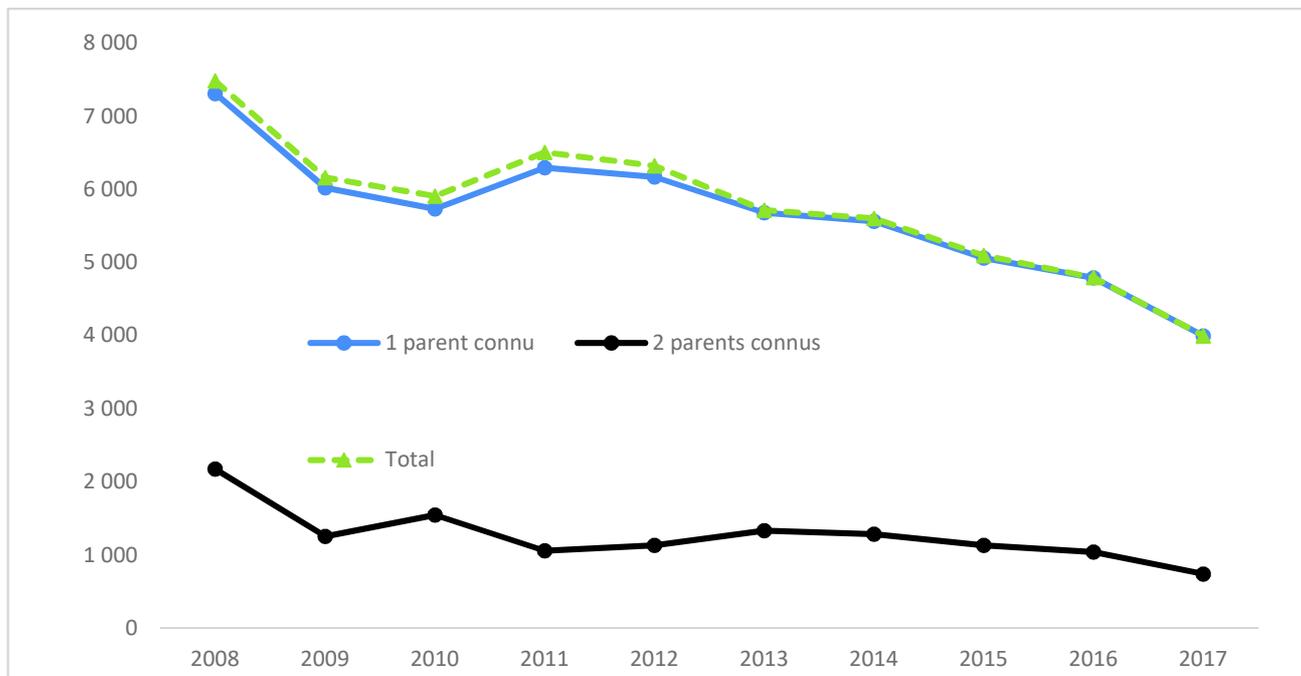
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	19 495	17
Nb pères différents	165	12
Nb max de descendants par père	176	3
Nb grands-pères paternels différents	64	11
Nb max de descendants par GPP	319	3
Nb mères différentes	10 319	16
Nb max de descendants par mère	8	2
Nb grands-pères maternels différents	376	11
Nb max de descendants par GPM	125	1
Nb d'animaux avec deux parents connus	4 198	17

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 22%

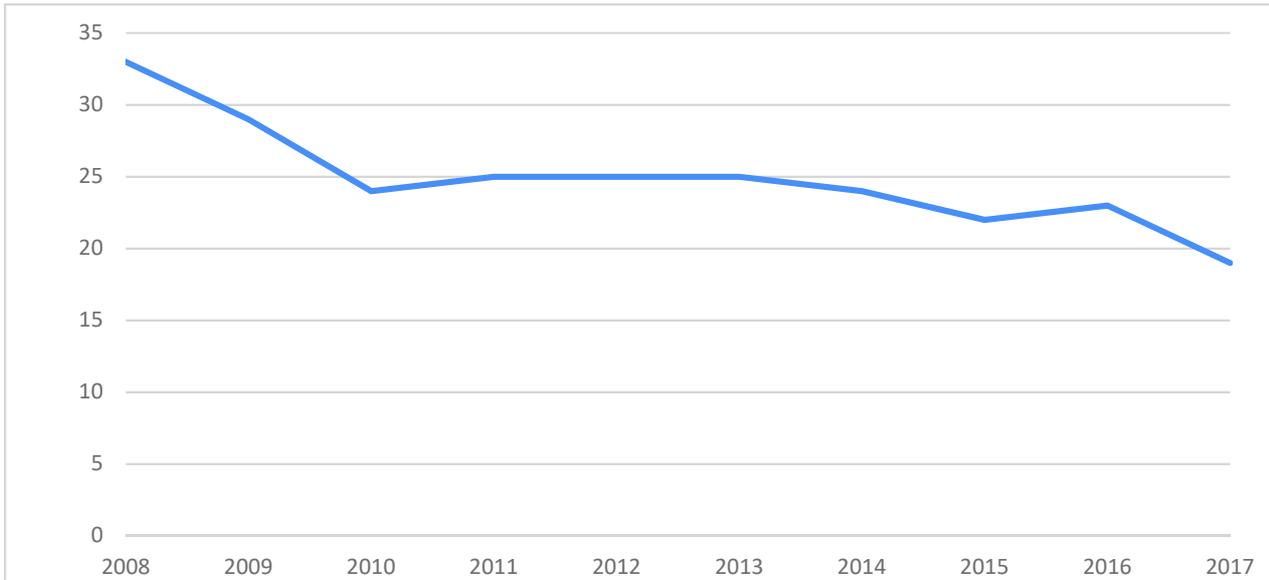
% femelles issues IA 3

Evolution de la population femelle

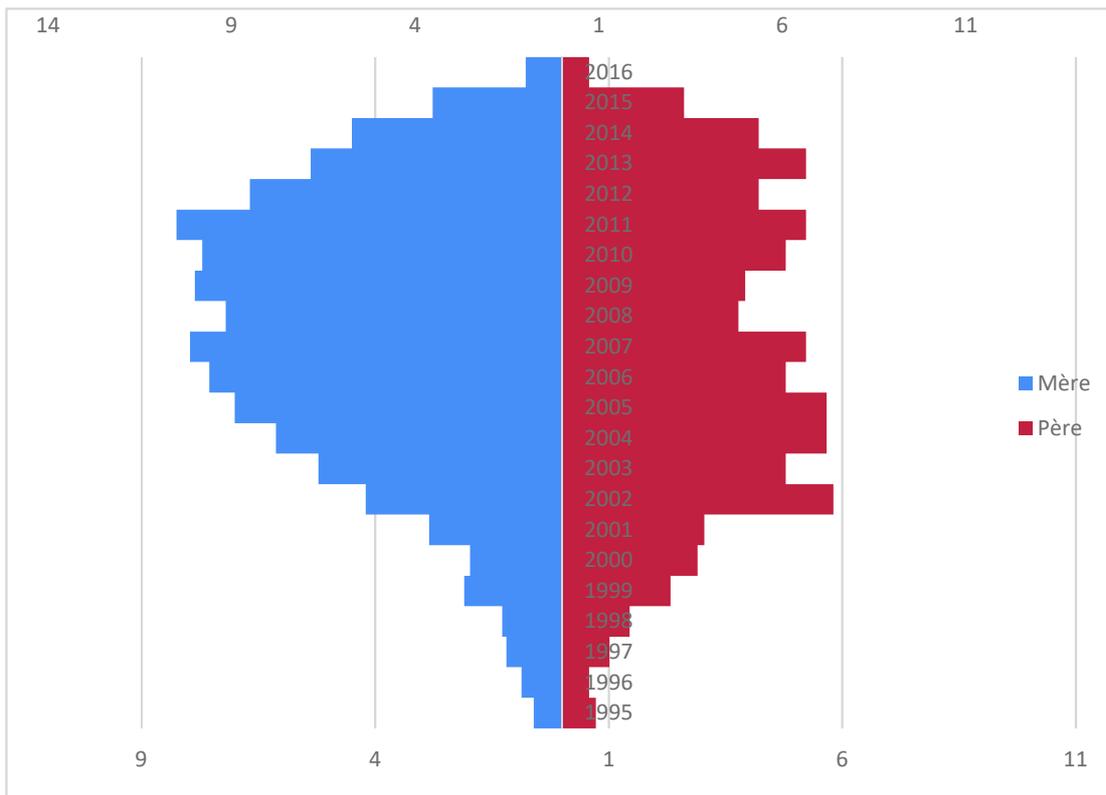
Croissance démographique ● -22

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

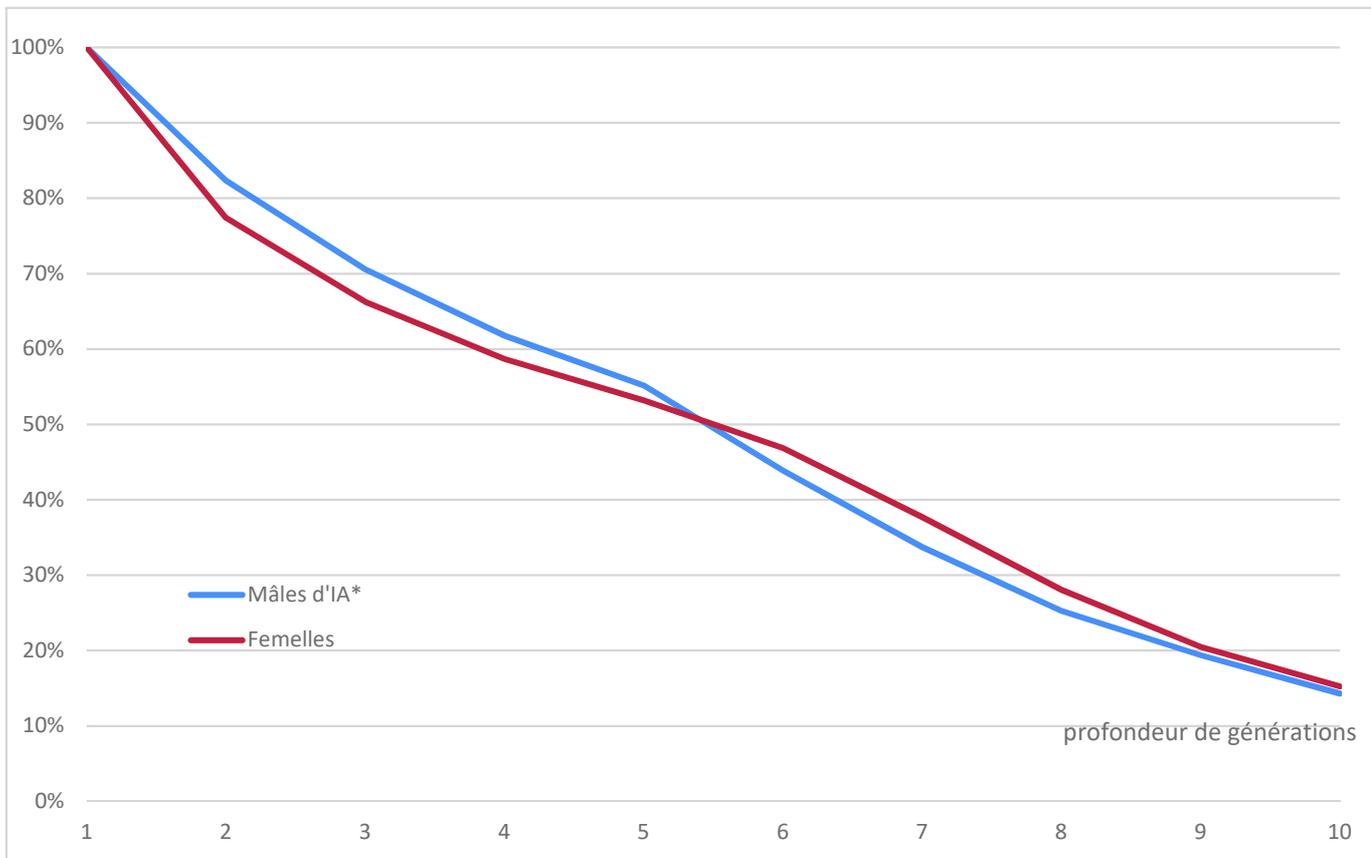
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,3
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,5
Moyenne 4 voies	4,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	4 182	17
Nb moyen de générations remontées	5,2	5,2
Nb moyen d'ancêtres connus	1 474	1 023
Nb maximum de générations remontées	20	17

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	6 048
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	469
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	120
Ratio Ae/Fe	25,5%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,4%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	58

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	26047363930542	930542	M	1994	5,4%	5,4%	5,4%
2	26228031890117	890117	M	1989	5,1%	2,4%	7,8%
3	24008860413	60413	M	2006	2,4%	2,2%	10,0%
4	13549590629	90629	M	2010	2,6%	2,0%	12,0%
5	12529490631	90631	M	2010	2,2%	1,9%	13,9%
6	07181006940616	940616	M	1995	1,9%	1,9%	15,8%
7	12570560171	60171	M	2007	2,1%	1,8%	17,6%
8	24000410081	10081	M	2011	2,0%	1,6%	19,3%
9	17019580604	80604	F	2009	1,3%	1,2%	20,5%
10	24000111165	11165	M	2011	1,3%	1,1%	21,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,2
Consanguinité moyenne (%)	1,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,3
Parenté (%)	0,8
Consanguinité des parents (%)	0,3
Parentés des parents (%)	0,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	326
Taille efficace (méthode démographique)	650

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

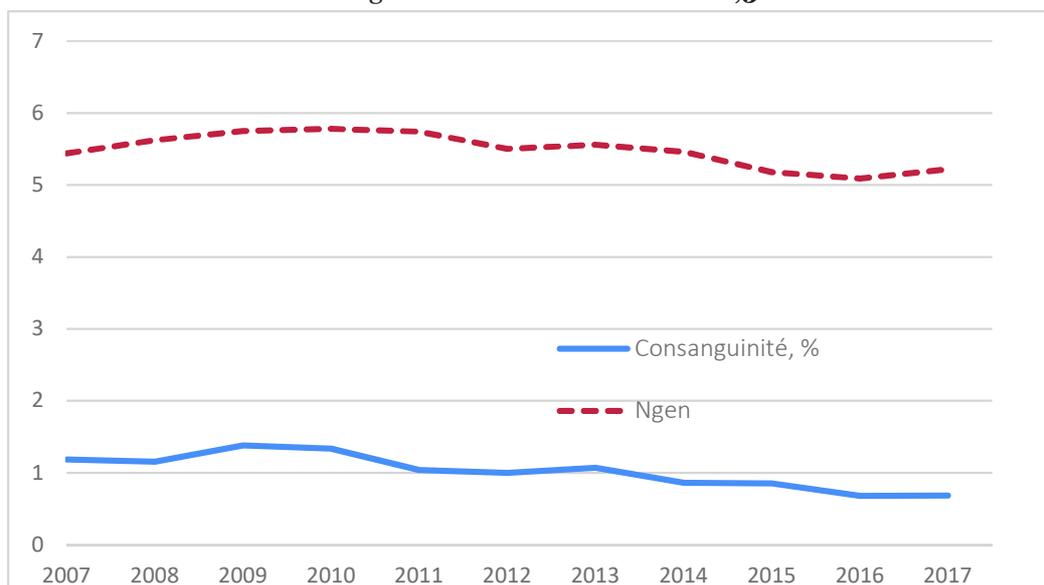
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	16,3%
entre 0 à 3,125% inclus	77,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	3,6%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,5%
entre 12,5% à 25% inclus	0,8%
plus de 25%	0,5%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **2,8%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans **-0,5**



RAVA**Informations démographiques**

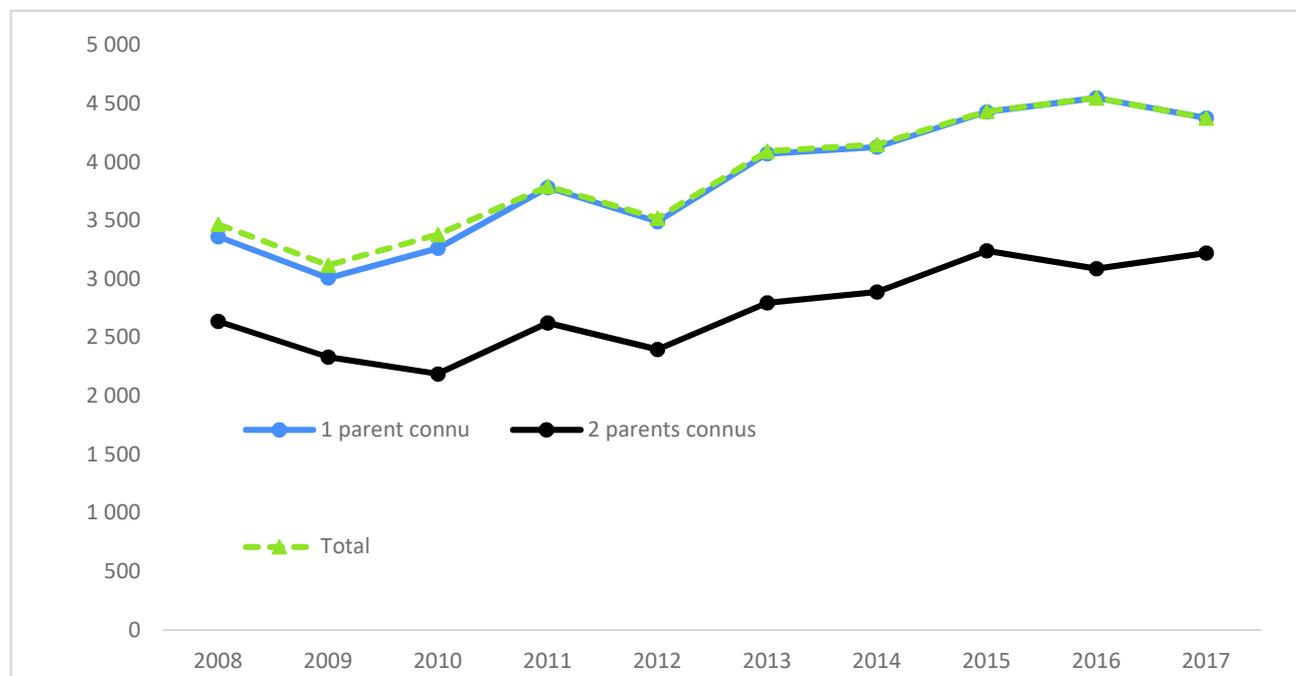
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	17 515
Nb pères différents	188
Nb max de descendants par père	316
Nb grands-pères paternels différents	103
Nb max de descendants par GPP	852
Nb mères différentes	8 539
Nb max de descendants par mère	10
Nb grands-pères maternels différents	311
Nb max de descendants par GPM	347
Nb d'animaux avec deux parents connus	12 450

Rapport 2 parents connus/total des femelles 71%

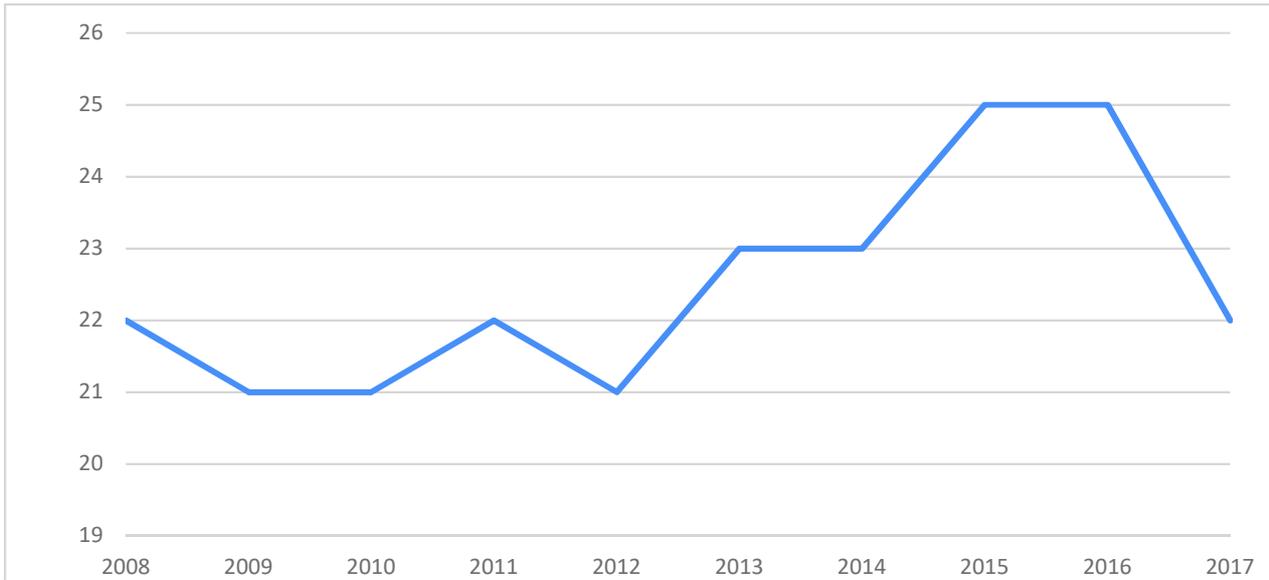
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

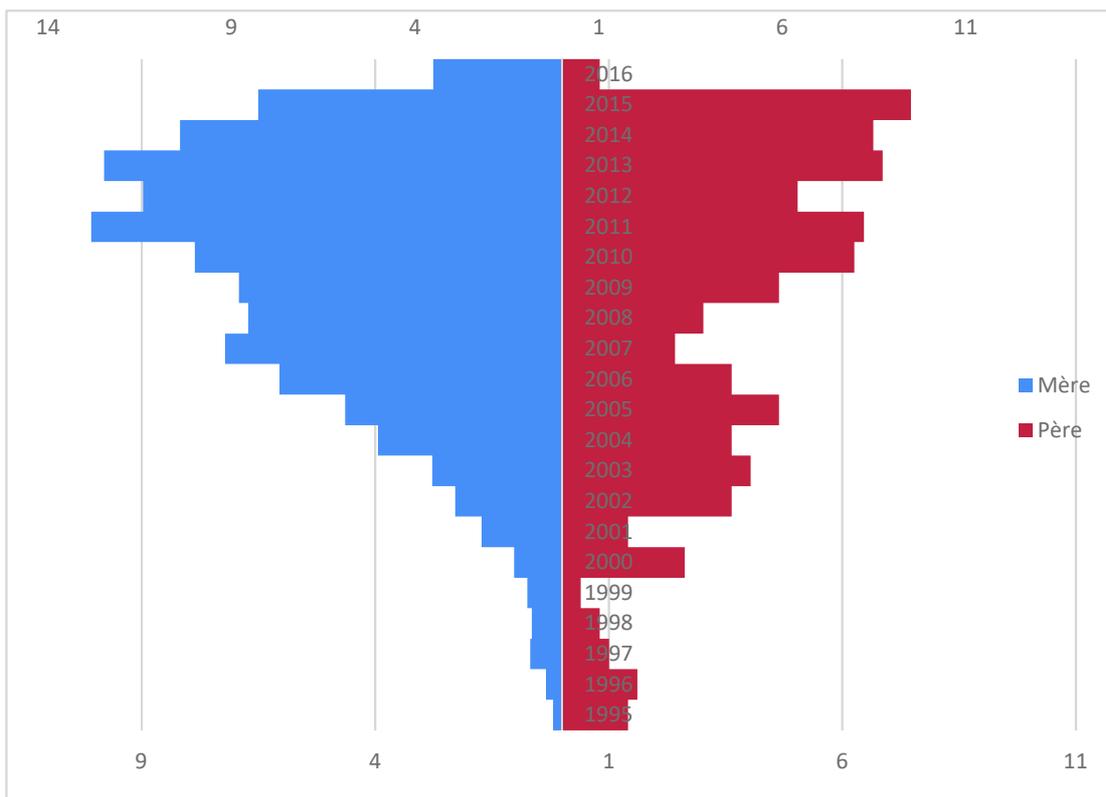
Croissance démographique ● 25

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



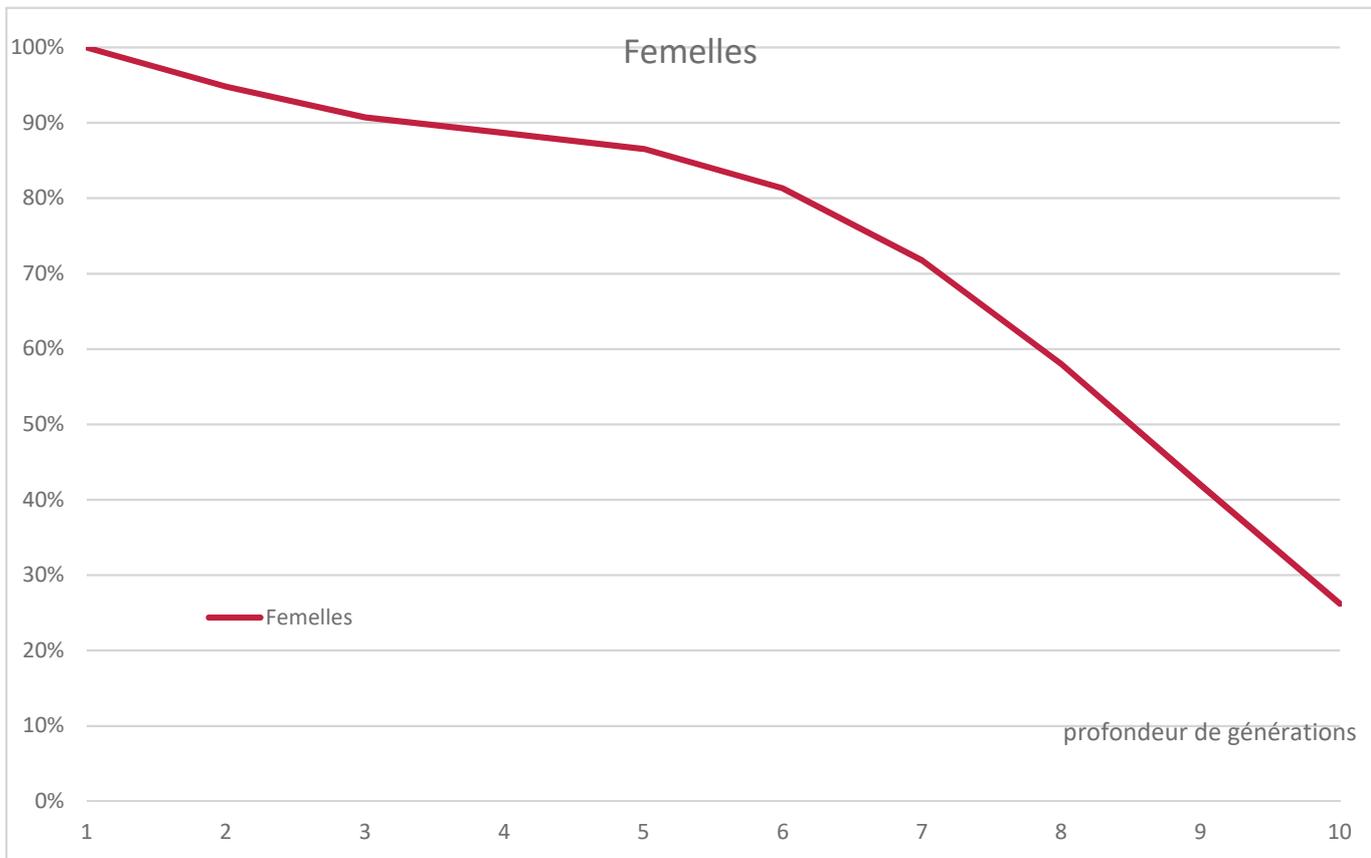
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,5
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,2
Moyenne 4 voies	4,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	12 441
Nb moyen de générations remontées	7,6
Nb moyen d'ancêtres connus	1 686
Nb maximum de générations remontées	21

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	4 230
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	152
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	49
Ratio Ae/Fe	32,1%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	7,1%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	18

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	63024063820693		M	1983	7,1%	7,1%	7,1%
2	63259016870620		M	1988	5,9%	5,9%	13,0%
3	63259016050046		M	2005	5,6%	4,7%	17,7%
4	63123034960105		M	1996	6,1%	3,8%	21,5%
5	63395022030733		M	2003	4,2%	3,4%	24,9%
6	63085131000590		M	2000	2,9%	2,8%	27,7%
7	63395022870429		F	1988	2,7%	2,7%	30,4%
8	63026119010020		M	2001	2,5%	2,5%	32,9%
9	63395022900044		M	1990	2,4%	2,4%	35,3%
10	63395022890215		M	1989	2,3%	2,2%	37,4%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,6
Consanguinité moyenne (%)	1,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,3
Parenté (%)	2,4
Consanguinité des parents (%)	1,2
Parentés des parents (%)	1,3
Taille efficace (méthode Cervantès)	158
Taille efficace (méthode démographique)	736

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

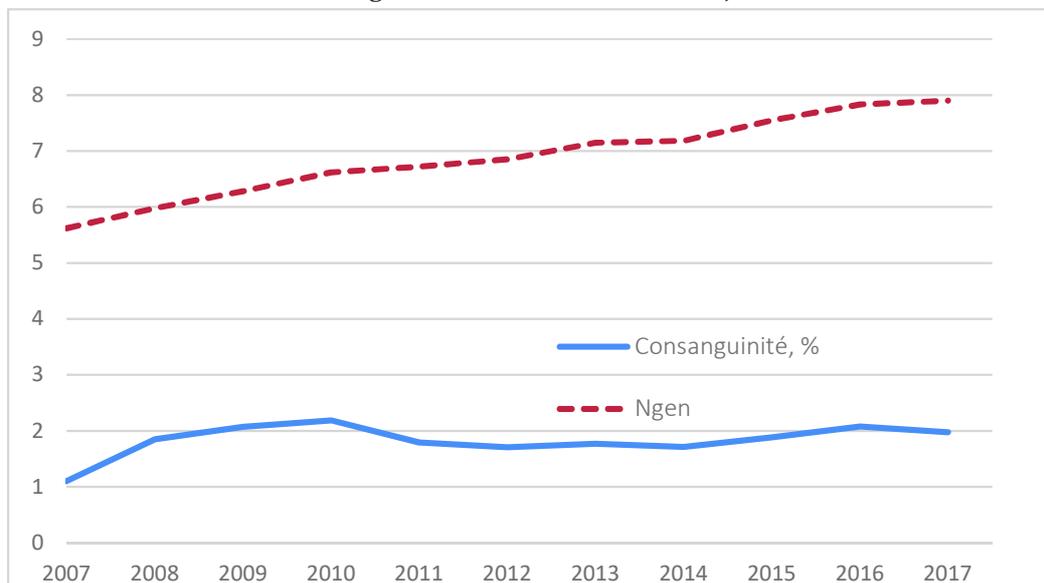
0% de consanguinité	6,0%
entre 0 à 3,125% inclus	83,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	8,8%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,9%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,8%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **2,0%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,88



ROMANE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

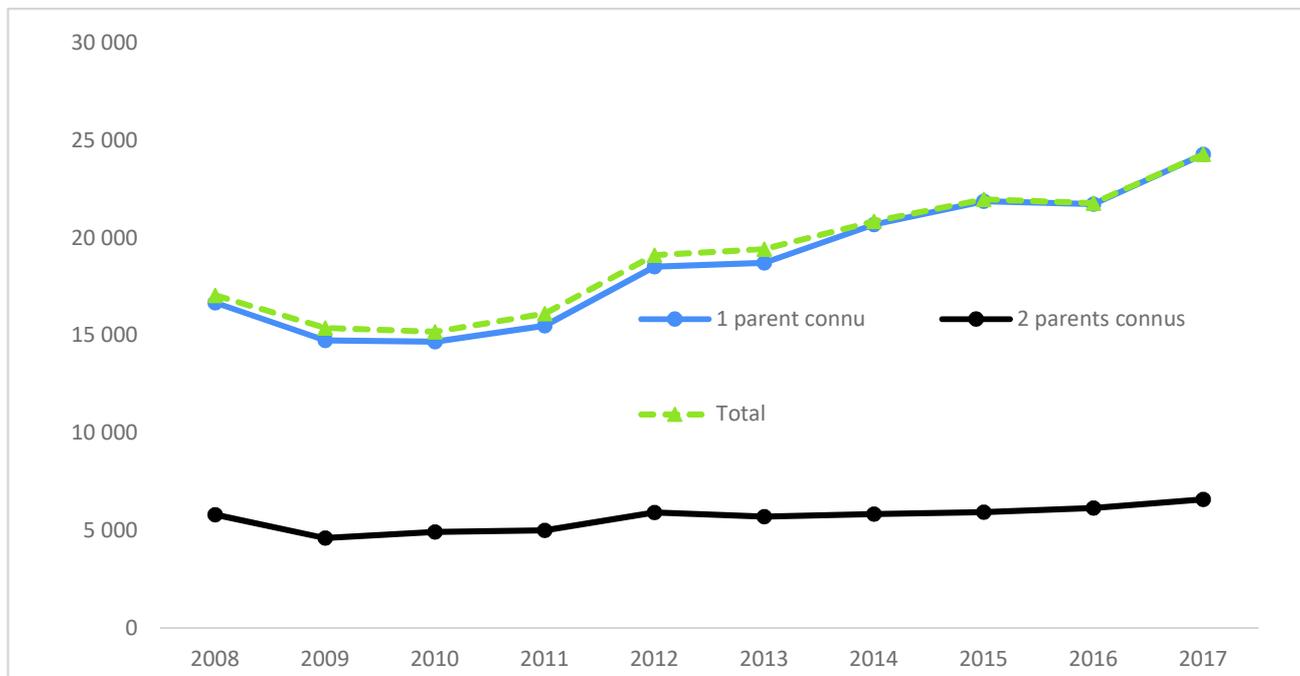
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	88 960	85
Nb pères différents	541	64
Nb max de descendants par père	361	3
Nb grands-pères paternels différents	247	59
Nb max de descendants par GPP	872	4
Nb mères différentes	32 613	84
Nb max de descendants par mère	12	2
Nb grands-pères maternels différents	907	59
Nb max de descendants par GPM	467	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	24 555	85

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 28%

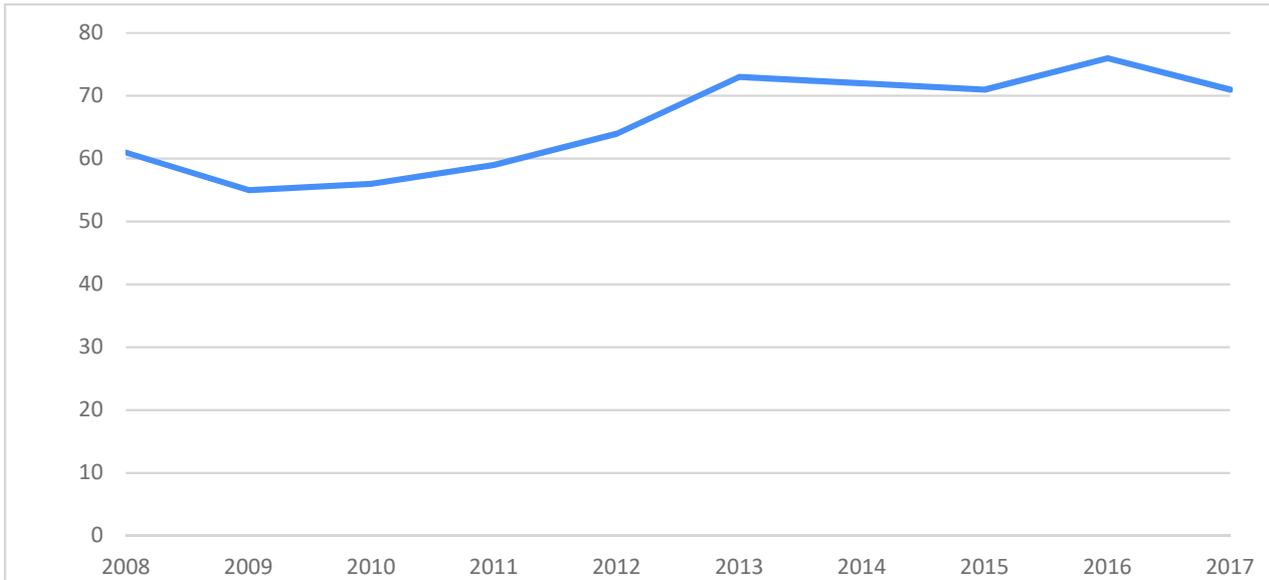
% femelles issues IA 11

Evolution de la population femelle

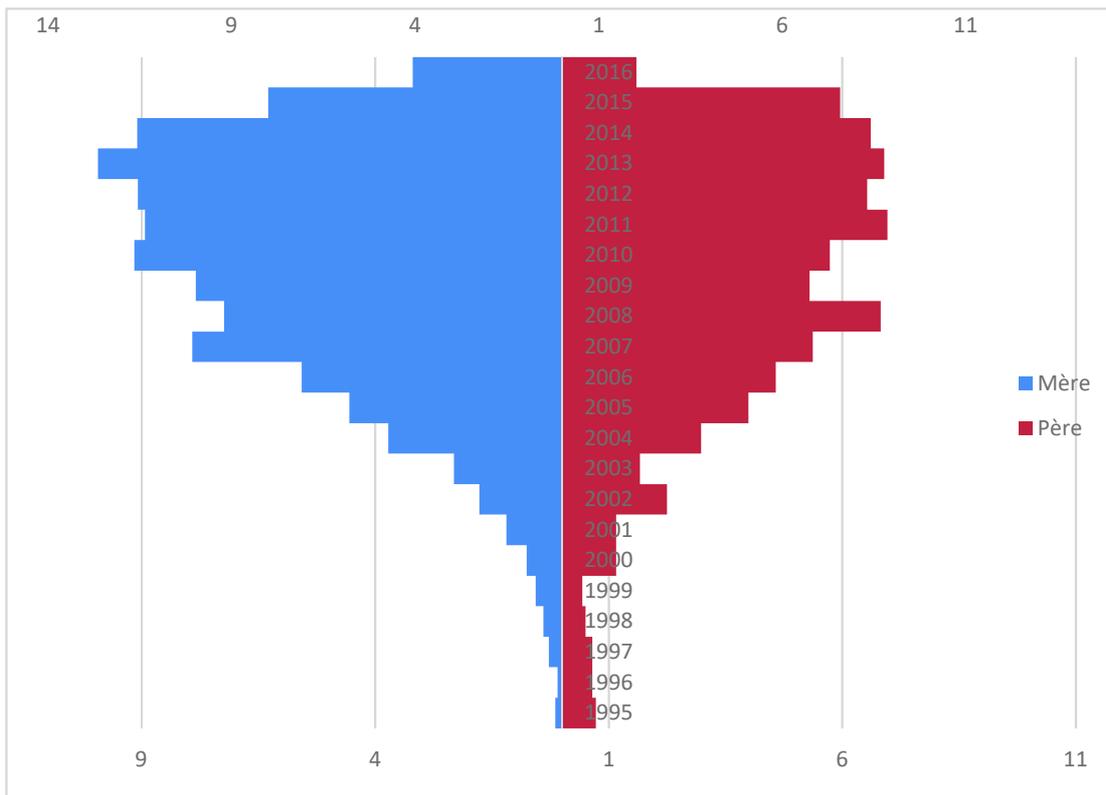
Croissance démographique ●31

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

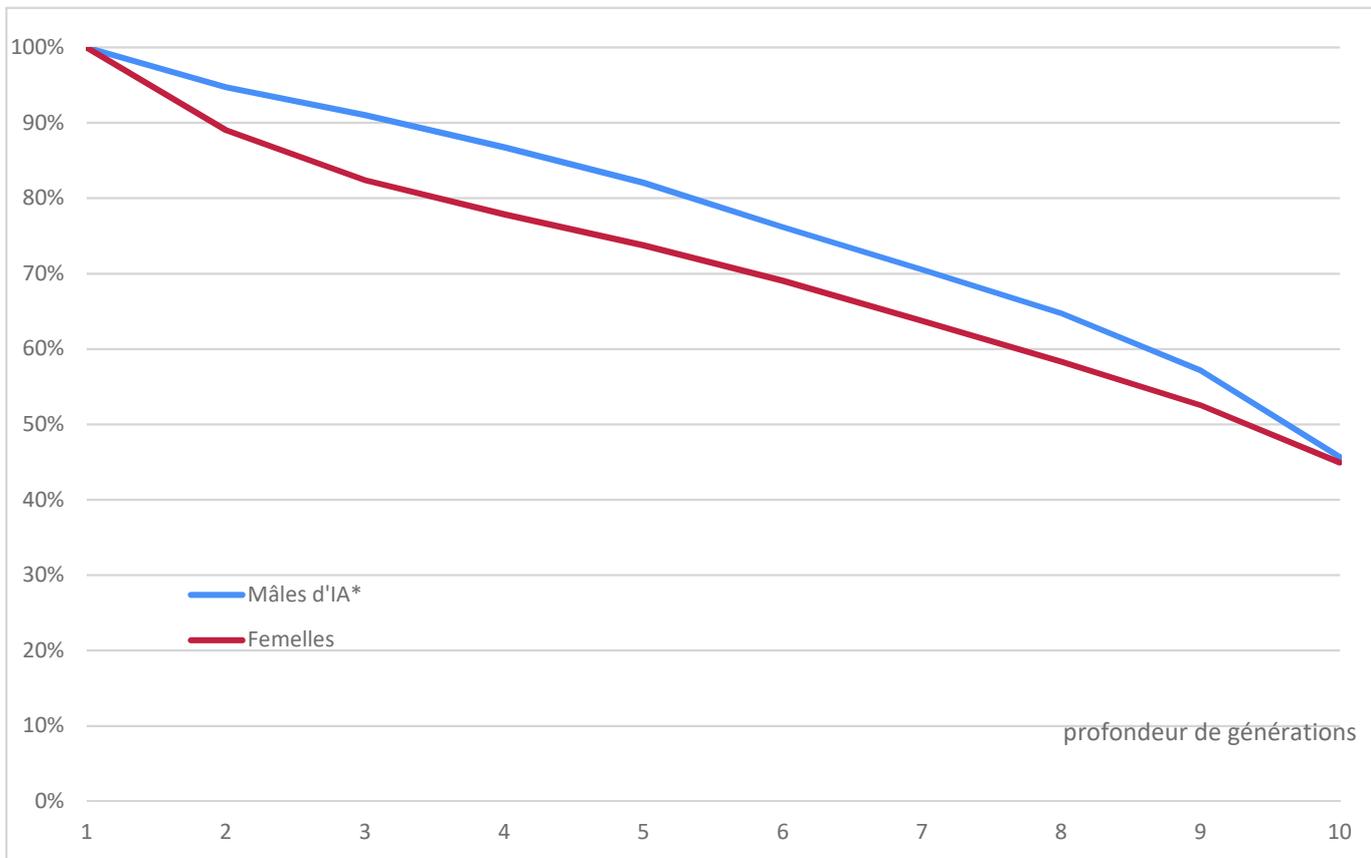
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,4
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,7
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,1
Moyenne 4 voies	3,4

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	24 555	85
Nb moyen de générations remontées	7,9	8,3
Nb moyen d'ancêtres connus	5 732	3 976
Nb maximum de générations remontées	23	20

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	12 349
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	273
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	154
Ratio Ae/Fe	56,5%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	3,4%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des genes	69

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	18174901970650	970650	M	1997	3,4%	3,4%	3,4%
2	18174901970855	970855	M	1997	3,3%	3,3%	6,7%
3	18174901763049	763049	M	1976	2,9%	2,6%	9,3%
4	15021580595	80595	M	2008	1,9%	1,6%	10,9%
5	18174901970554	970554	M	1997	1,7%	1,6%	12,5%
6	18174901920482	920482	M	1992	1,8%	1,5%	14,0%
7	21531110173	10173	M	2011	1,4%	1,4%	15,3%
8	15532720840	20840	M	2012	1,5%	1,1%	16,5%
9	18174901753111	753111	M	1974	1,3%	1,1%	17,6%
10	18174901960632	960632	M	1996	1,3%	1,1%	18,7%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,9
Consanguinité moyenne (%)	0,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	0,9
Consanguinité des parents (%)	0,3
Parentés des parents (%)	0,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	458
Taille efficace (méthode démographique)	2 129

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

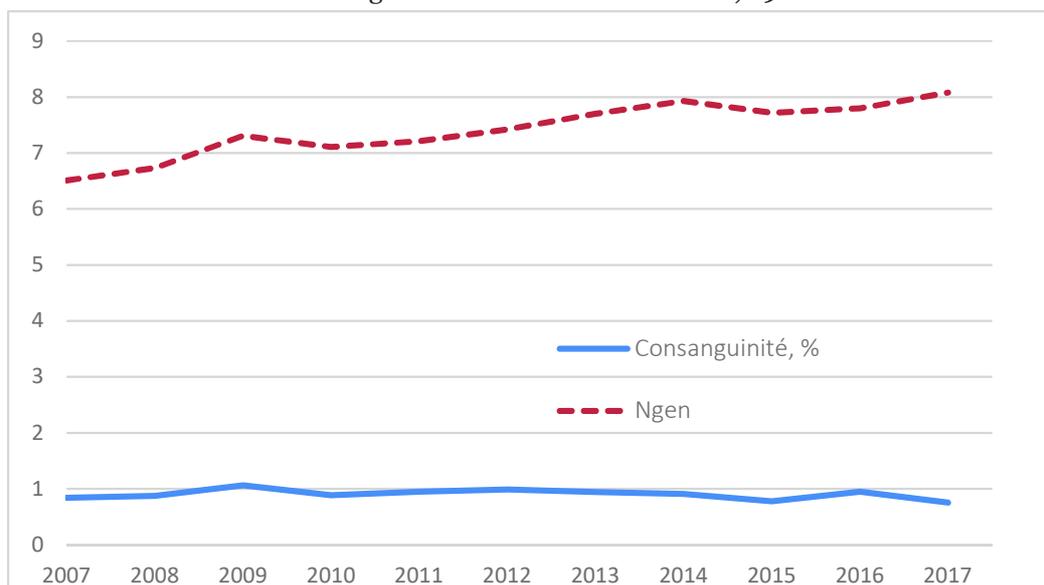
0% de consanguinité	14,3%
entre 0 à 3,125% inclus	82,4%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,2%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,6%
entre 12,5% à 25% inclus	0,2%
plus de 25%	0,3%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **1,2%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-0,09



TARASCONNAISE**Informations démographiques**

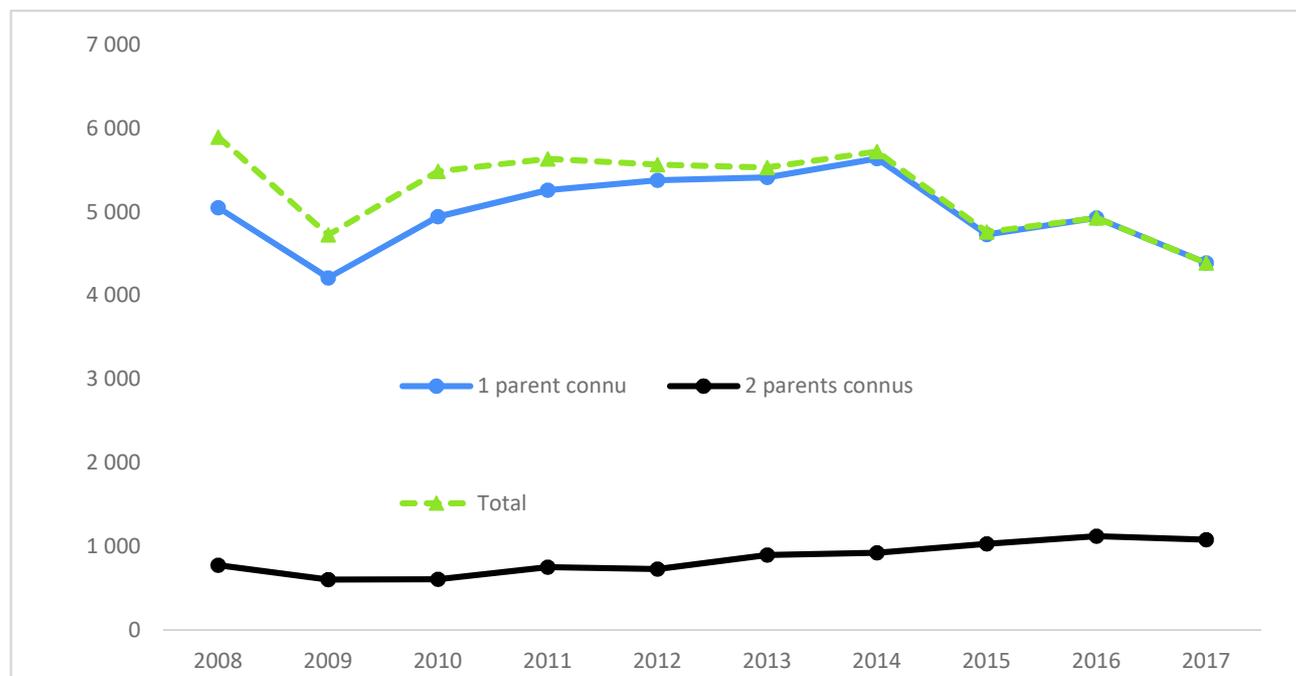
Période de naissance des femelles 2014 -2017

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	19 819	16
Nb pères différents	160	14
Nb max de descendants par père	118	2
Nb grands-pères paternels différents	49	11
Nb max de descendants par GPP	423	3
Nb mères différentes	11 226	15
Nb max de descendants par mère	8	2
Nb grands-pères maternels différents	224	11
Nb max de descendants par GPM	154	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	4 170	16

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 21%

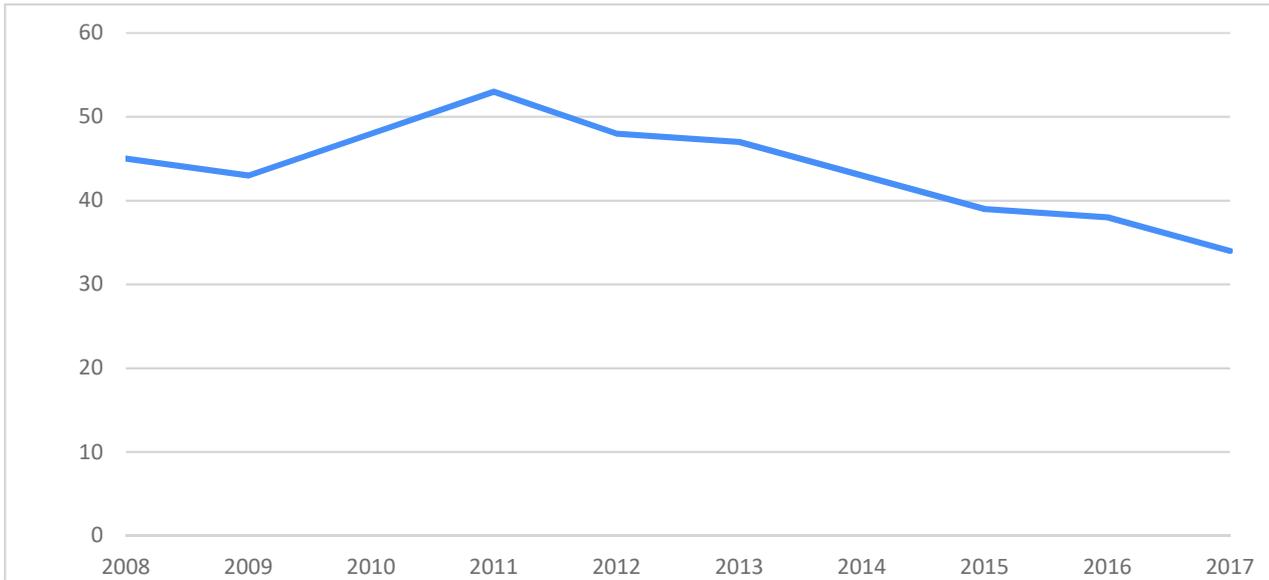
% femelles issues IA 4

Evolution de la population femelle

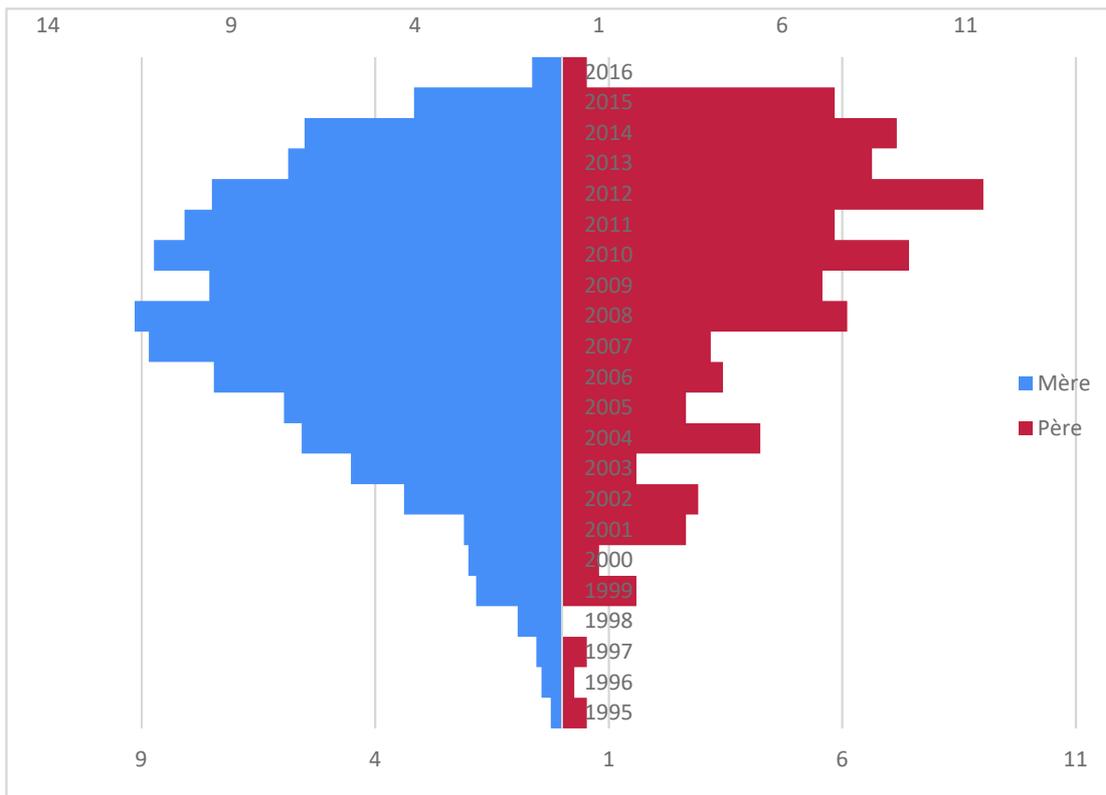
Croissance démographique 🟡-7

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

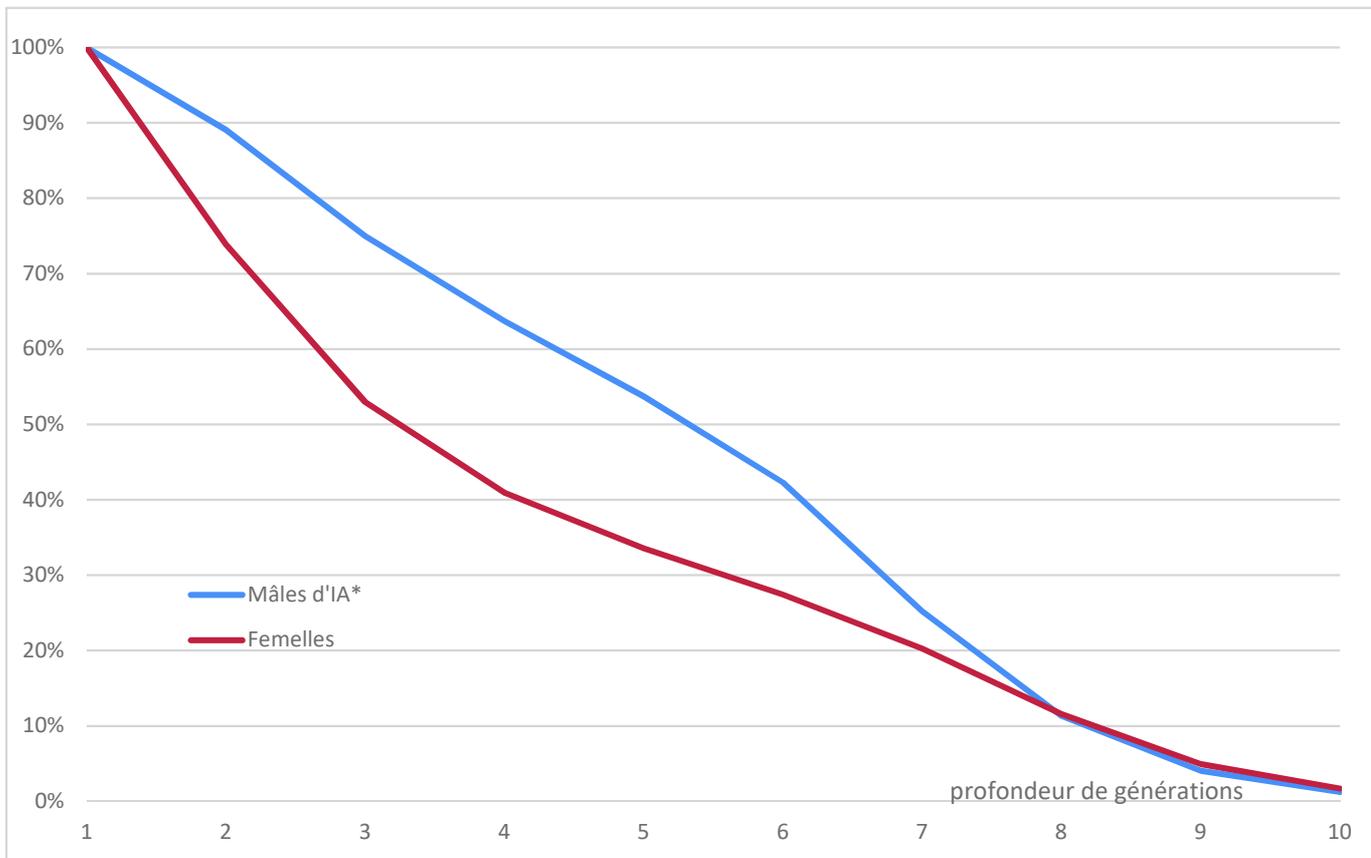
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,7
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,5
Moyenne 4 voies	3,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	4 169	16
Nb moyen de générations remontées	3,7	4,7
Nb moyen d'ancêtres connus	167	178
Nb maximum de générations remontées	16	14

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	4 515
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	310
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	124
Ratio Ae/Fe	40,0%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,3%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	60

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	31123001920019	920019	M	1992	4,3%	4,3%	4,3%
2	14534970062	70062	M	2007	4,0%	4,0%	8,4%
3	09138014880053	880053	M	1988	2,6%	2,6%	11,0%
4	09202040040037	040037	F	2004	2,1%	1,7%	12,7%
5	26551820110	20110	M	2012	1,9%	1,6%	14,2%
6	14532810286	10286	M	2011	1,5%	1,5%	15,8%
7	46509920046	20046	M	2012	1,5%	1,5%	17,2%
8	26659090187	90187	M	2009	1,8%	1,4%	18,6%
9	26764410050	10050	M	2011	1,6%	1,4%	19,9%
10	26764440087	40087	M	2014	1,2%	1,2%	21,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	3,7
Consanguinité moyenne (%)	0,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,3
Parenté (%)	0,7
Consanguinité des parents (%)	0,1
Parentés des parents (%)	0,1
Taille efficace (méthode Cervantès)	280
Taille efficace (méthode démographique)	631

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	58,4%
entre 0 à 3,125% inclus	38,3%
entre 3,125% à 6,25% inclus	1,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,7%
entre 12,5% à 25% inclus	0,7%
plus de 25%	0,5%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **1,9%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-0,97

