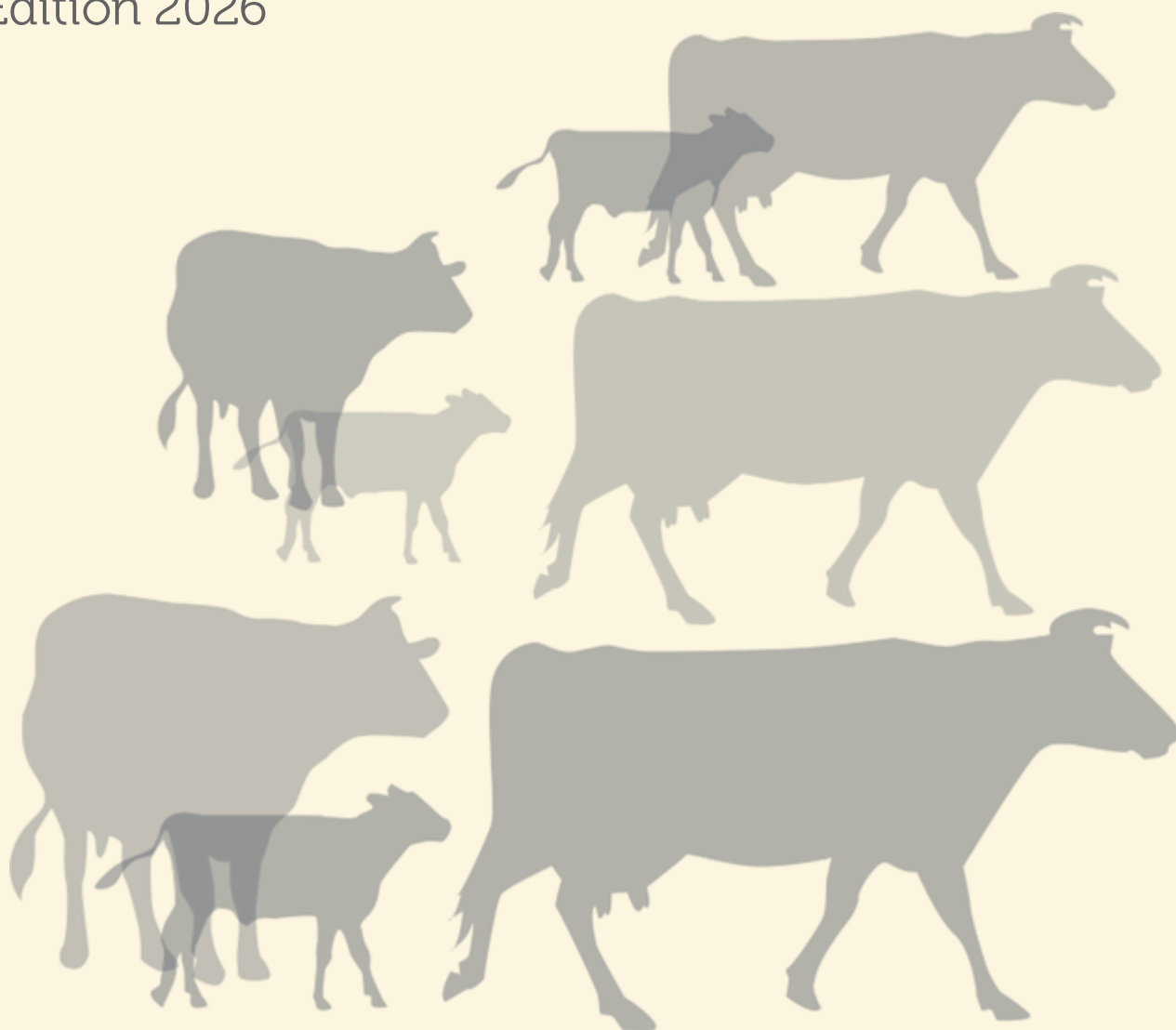


Bilan de variabilité génétique à partir des données de généalogies

Races bovines allaitantes

Édition 2026



Collection

Résultats

Responsable de la rédaction :

Stéphanie MINERY (Institut de l'Élevage)

Bilan de variabilité génétique à partir des données de généalogies Races bovines allaitantes

Edition 2026

Races analysées :

- Aubrac
- Blonde d'Aquitaine
- Charolaise
- Gasconne des Pyrénées
- Limousine
- Parthenaise
- Rouge des Prés
- Salers

Populations analysées intra-race : femelles avec deux parents connus nées entre 2022 et 2025

Figure 1: Qualité des généalogies (Ngen, à droite) et niveau de consanguinité proche (F3G = trois générations) et totale (F) de la pop analysées (% à gauche)

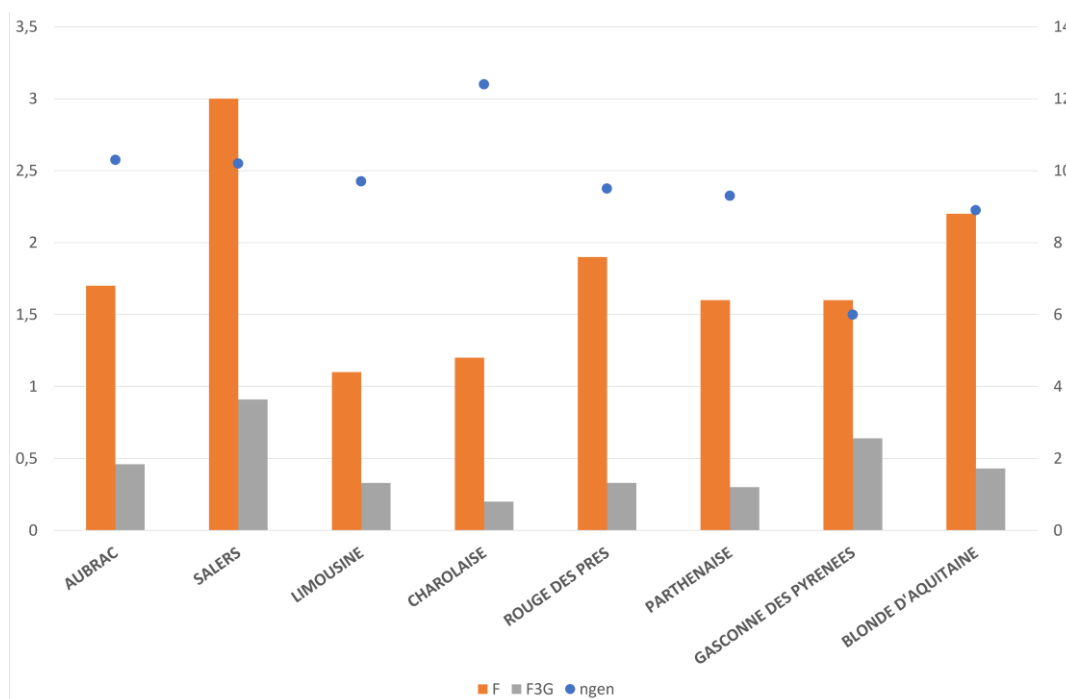
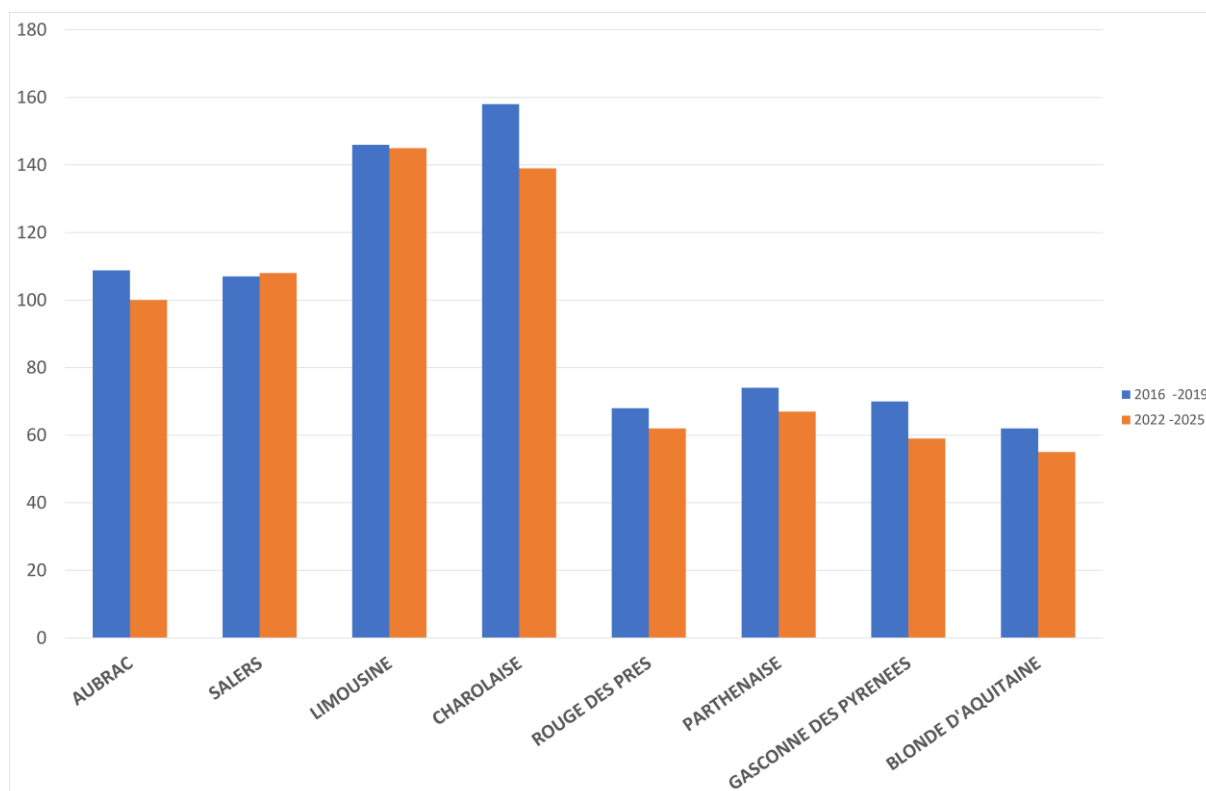


Figure 2: Evolution du nombre d'ancêtres efficaces par période de population analysée (femelles dont les deux parents sont connus)



AUBRAC

Informations démographiques

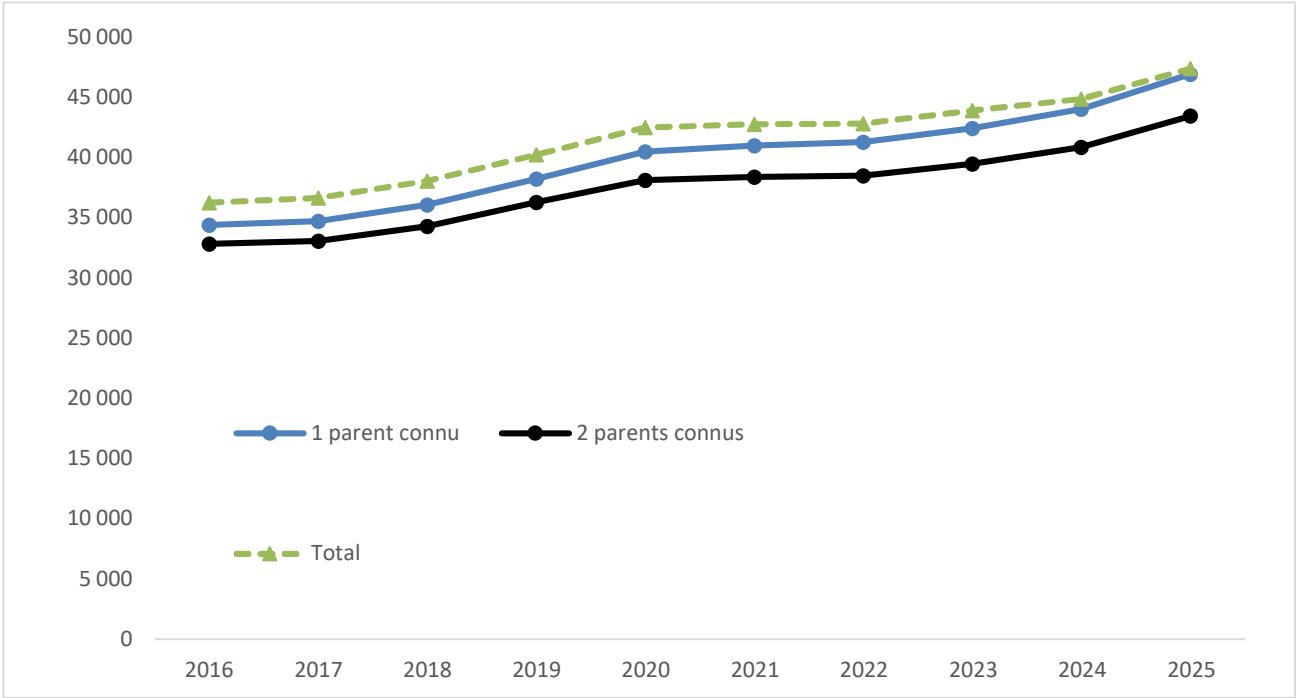
	Période de naissance des femelles 2022 -2025	
	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	179 161	95
Nb pères différents	8 845	90
Nb max de descendants par père	1 247	2
Nb grands-pères paternels différents	2 905	81
Nb max de descendants par GPP	3 004	3
Nb mères différentes	113 099	94
Nb max de descendants par mère	14	2
Nb grands-pères maternels différents	11 148	81
Nb max de descendants par GPM	6 731	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	162 419	95

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 91%

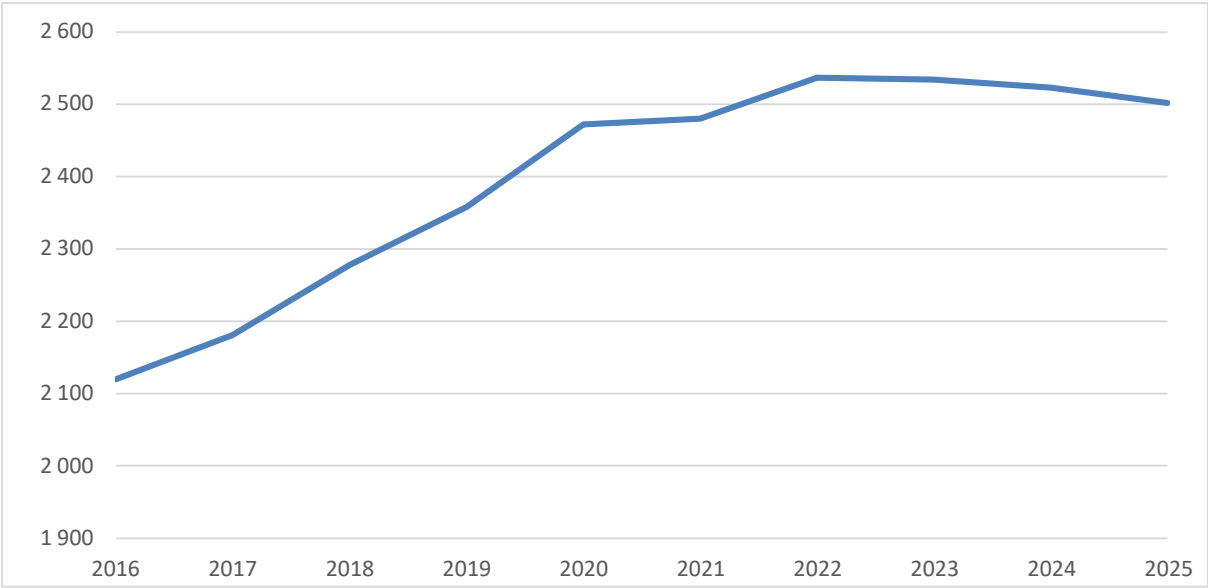
% femelles issues IA 10

Evolution de la population femelle

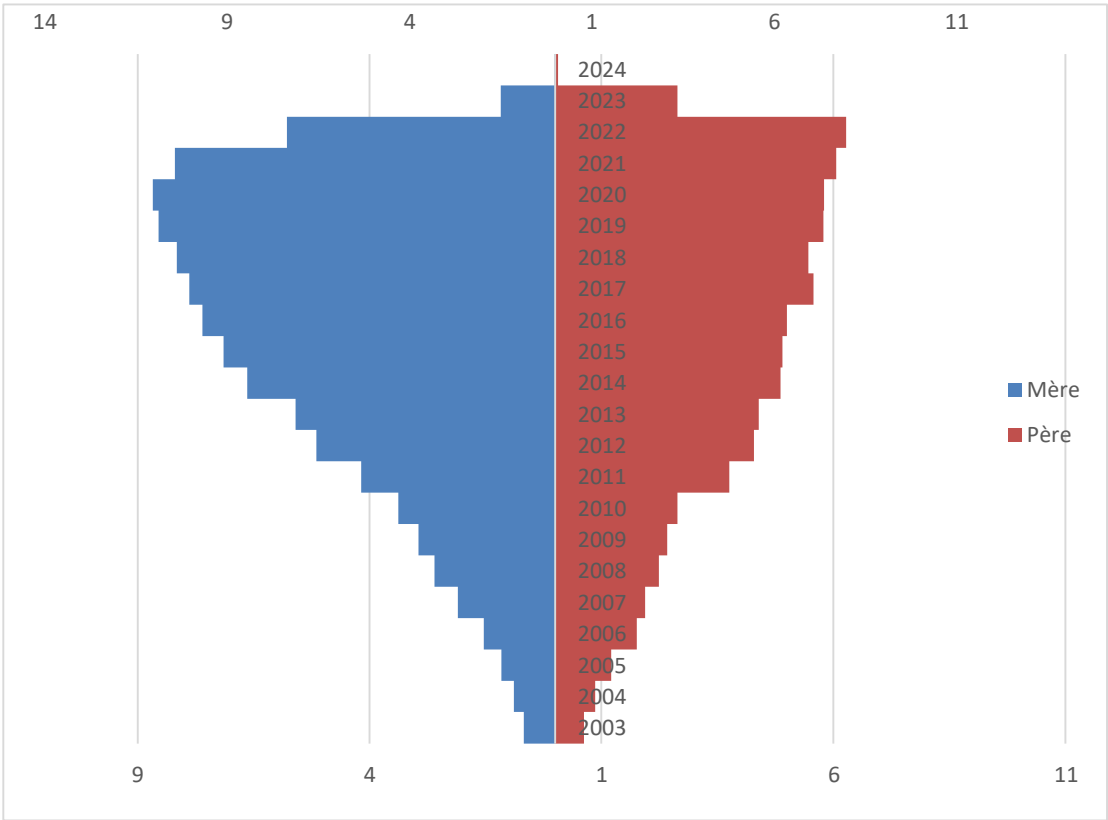


Croissance démographique 14
(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

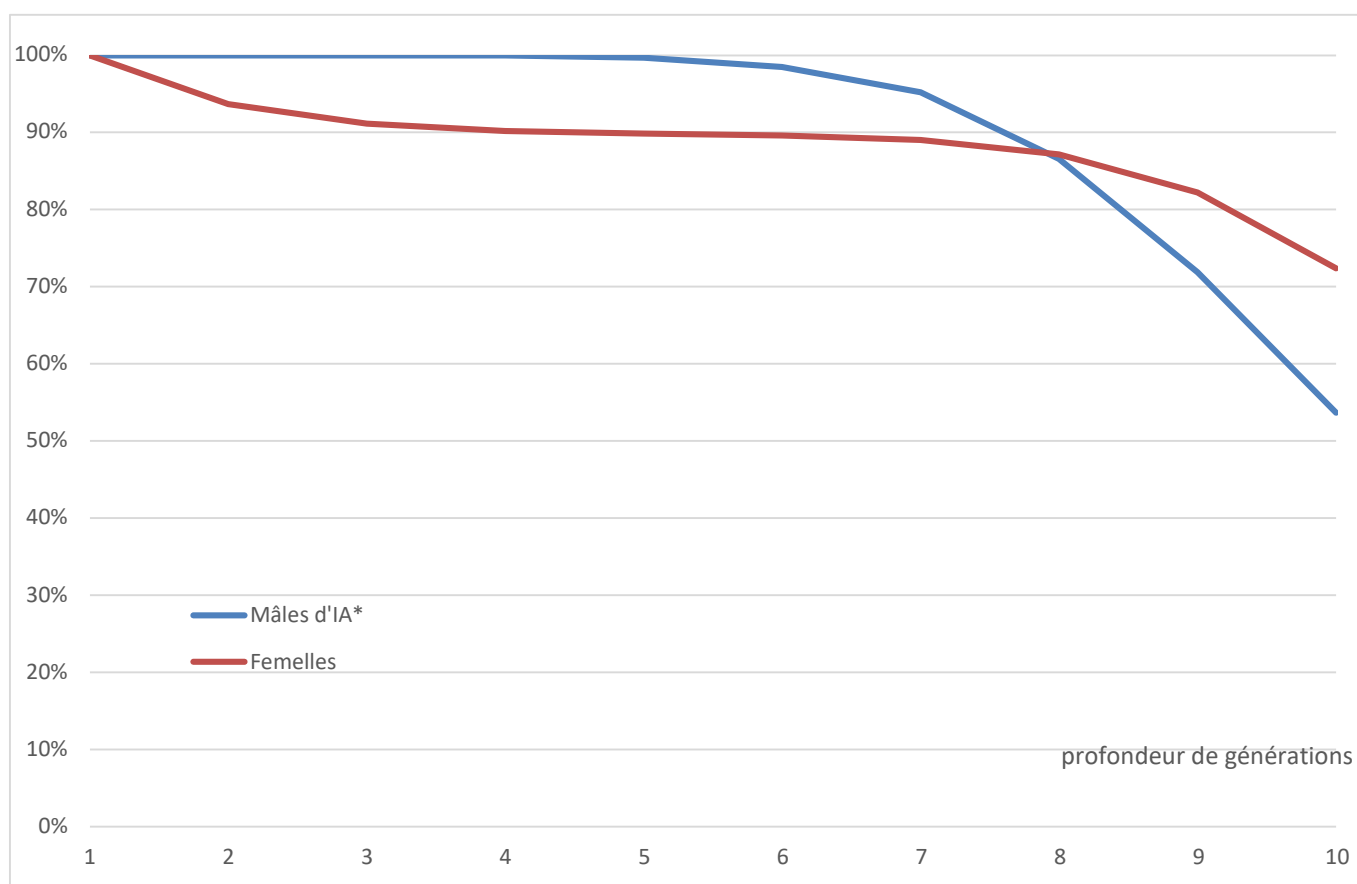
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,5
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	6,8
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	6,1
Moyenne 4 voies	6,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	162 383	95
Nb moyen de générations remontées	10,3	9,8
Nb moyen d'ancêtres connus	13 964	6 337
Nb maximum de générations remontées	27	24

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2022 -2025

Nombre de fondateurs	31 699
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	202
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	100
Ratio Ae/Fe	49,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,5%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	42

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR1210454175	BIZERT	M	1967	5,5%	5,5%	5,5%
2	FR1210345497	MARQUIS	M	1971	2,6%	2,6%	8,1%
3	FR1277042573	FROMENT	M	1977	2,4%	2,4%	10,5%
4	FR1292013981	HARPON	M	1992	2,5%	2,4%	13,0%
5	FR1595031647	LIORAN	M	1995	2,5%	2,4%	15,4%
6	FR1569169029		M	1966	2,2%	2,2%	17,5%
7	FR1278042416	LEBROU *	M	1978	1,7%	1,7%	19,2%
8	FR1285047417	ASEIGNOUR	M	1985	1,6%	1,6%	20,7%
9	FR1288017380	DUCHES	M	1988	2,0%	1,5%	22,3%
10	FR1289016319	ESPAGNOU	M	1989	1,5%	1,5%	23,7%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	10,3
Consanguinité moyenne (%) sur 10 ans	1,6
Consanguinité moyenne (%) Pop Analysée	1,7
Consanguinité sur 3 générations* (%)	0,46
Parenté* (%)	1,2
Consanguinité des parents* (%)	1,3
Parentés des parents* (%)	0,9
Taille efficace (méthode Cervantès)	453
Taille efficace (méthode démographique)	32 814

* de la pop analysée

La consanguinité de la pop analysée apparaît en vert si elle est inf. à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

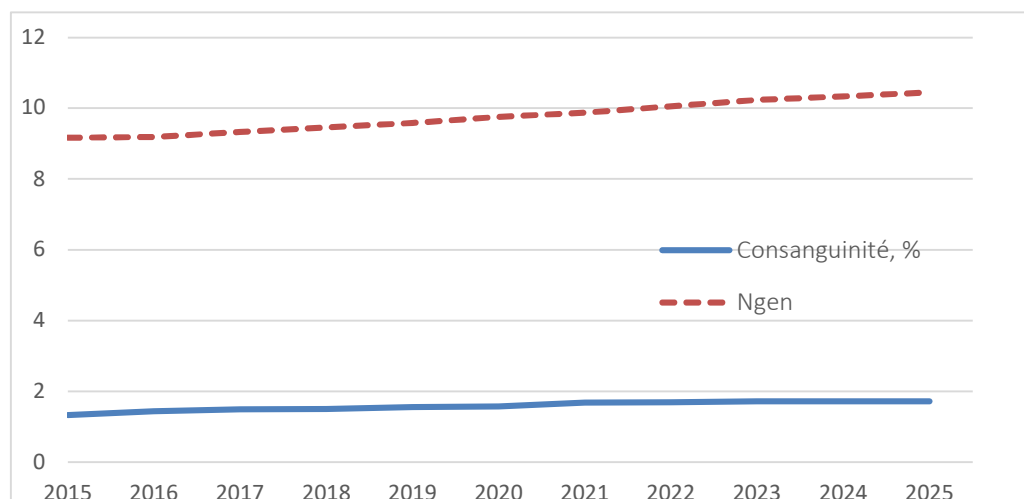
0% de consanguinité	11,9%
entre 0 à 3,125% inclus	80,3%
entre 3,125% à 6,25% inclus	4,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,8%
entre 12,5% à 25% inclus	1,0%
plus de 25%	0,6%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 3,3%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,38



BLONDE D'AQUITAINE

Informations démographiques

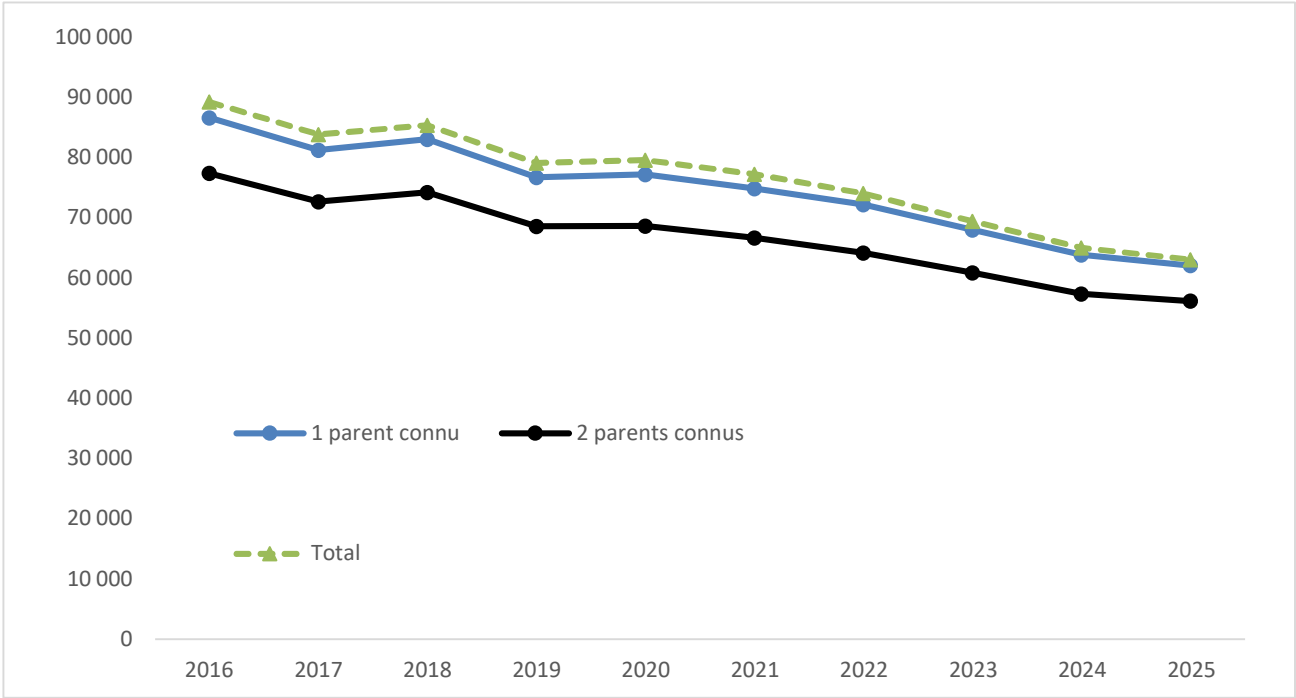
	Période de naissance des femelles	2022 -2025
	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	271 862	375
Nb pères différents	8 922	246
Nb max de descendants par père	6 023	13
Nb grands-pères paternels différents	2 470	179
Nb max de descendants par GPP	12 941	19
Nb mères différentes	178 705	352
Nb max de descendants par mère	29	2
Nb grands-pères maternels différents	14 112	179
Nb max de descendants par GPM	10 595	13
Nb d'animaux avec deux parents connus	238 847	375

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 88%

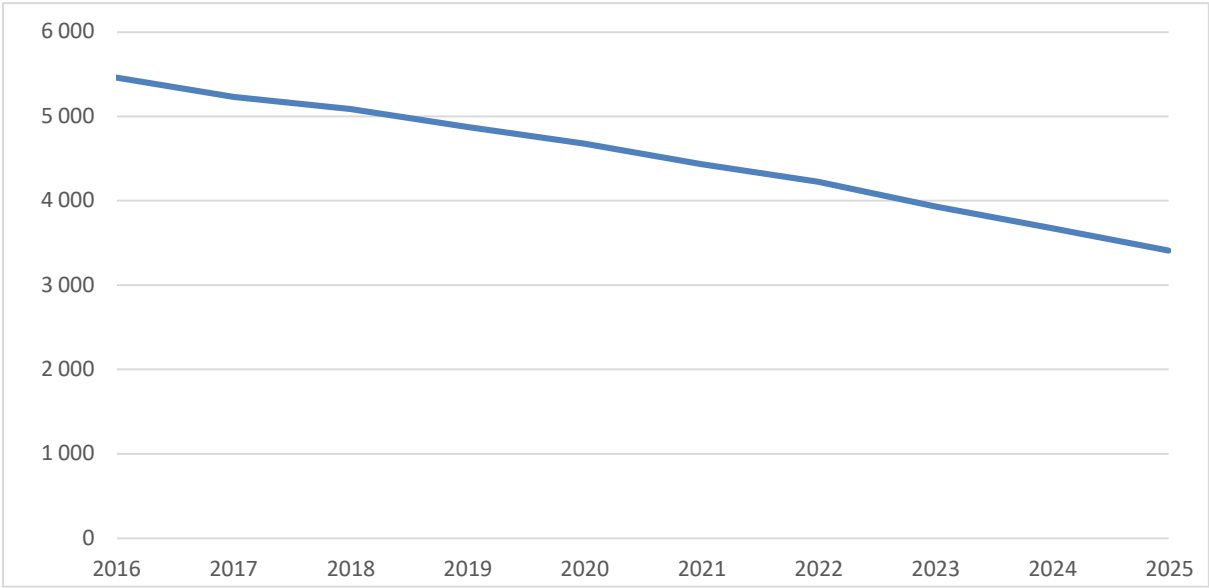
% femelles issues IA 28

Evolution de la population femelle

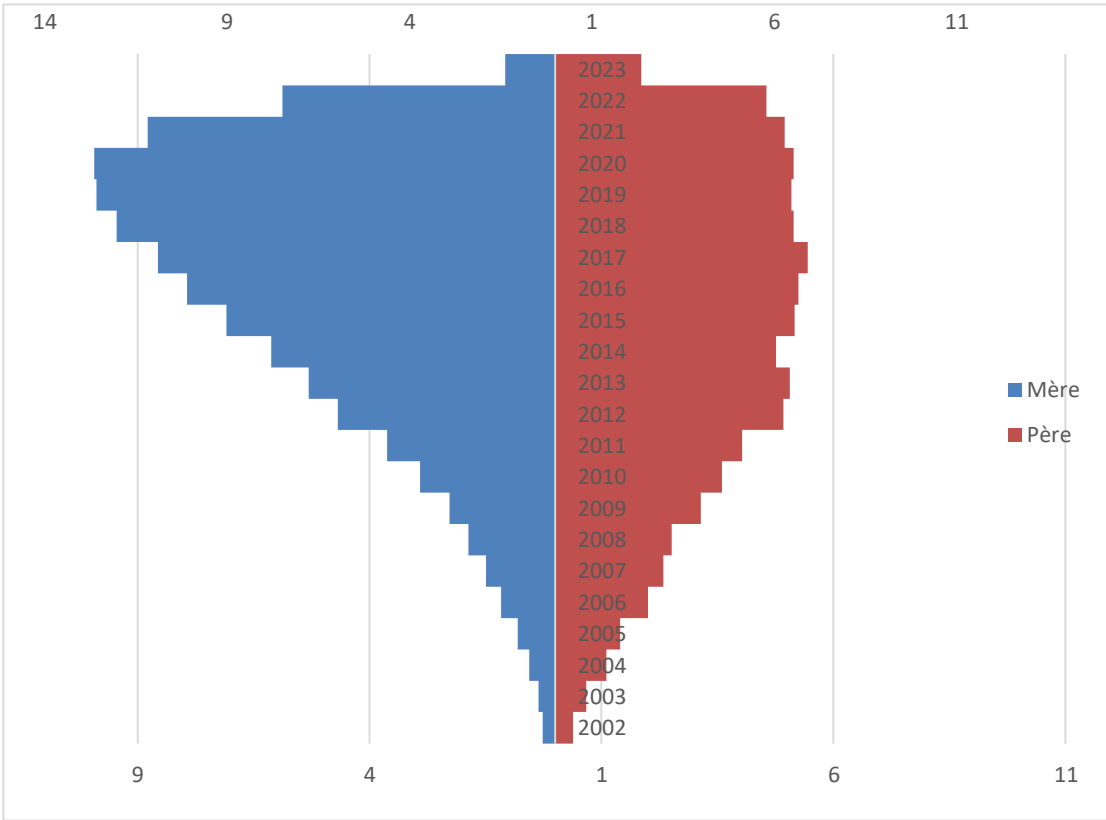


Croissance démographique ●-16
(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

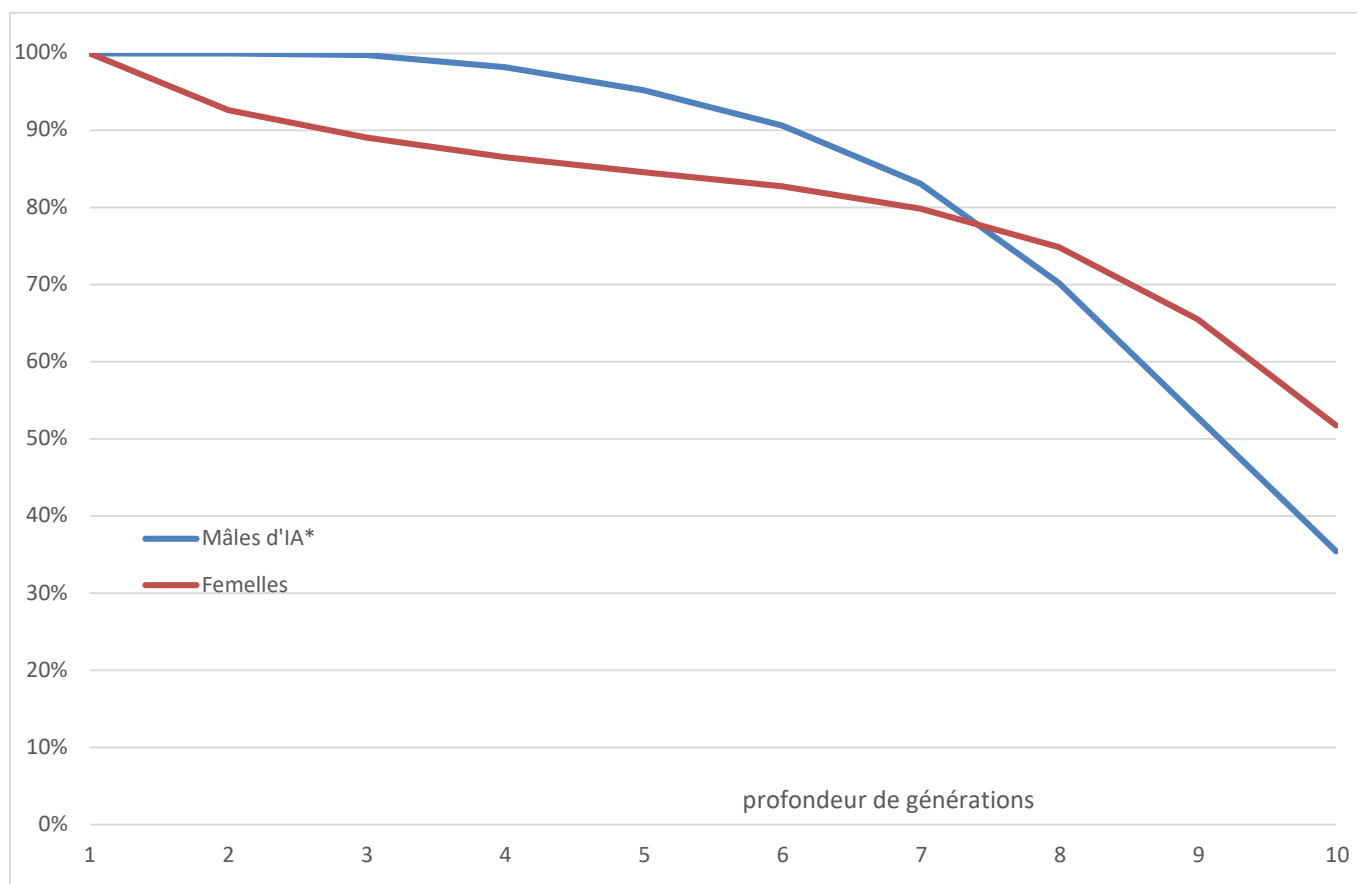
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	6,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	6,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,8
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,5
Moyenne 4 voies	6,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	238 726	375
Nb moyen de générations remontées	8,9	8,6
Nb moyen d'ancêtres connus	6 579	2 972
Nb maximum de générations remontées	26	21

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2022 -2025

Nombre de fondateurs	84 739
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	160
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	55
Ratio Ae/Fe	34,4%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	7,6%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	26

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR4770131060	FURET	M	1970	7,6%	7,6%	7,6%
2	FR1295135021	LEO	M	1995	6,9%	6,0%	13,6%
3	FR4702301B13	BARICAUT	M	1966	5,1%	5,1%	18,7%
4	FRoBL0000954	KAPUCIN	M	1960	4,4%	3,6%	22,3%
5	FR8294130136	JIRENS	M	1994	3,1%	2,6%	24,9%
6	FR6490016449	FALLOU	M	1990	2,9%	2,1%	27,0%
7	FR4715717C01	CERVANTES	M	1967	2,6%	2,0%	29,0%
8	FR5622917894	VIDOCQ	M	2004	2,4%	1,9%	30,9%
9	FR4642162440	OULOU	M	1998	2,1%	1,6%	32,5%
10	FR8192132463	HIBERNATUS	M	1992	2,4%	1,6%	34,0%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	8,9
Consanguinité moyenne (%) sur 10 ans	2,0
Consanguinité moyenne (%) Pop Analysée	2,2
Consanguinité sur 3 générations* (%)	0,43
Parenté* (%)	1,9
Consanguinité des parents* (%)	1,5
Parentés des parents* (%)	1,3
Taille efficace (méthode Cervantès)	237
Taille efficace (méthode démographique)	33 991

* de la pop analysée

La consanguinité de la pop analysée apparaît en vert si elle est inf. à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

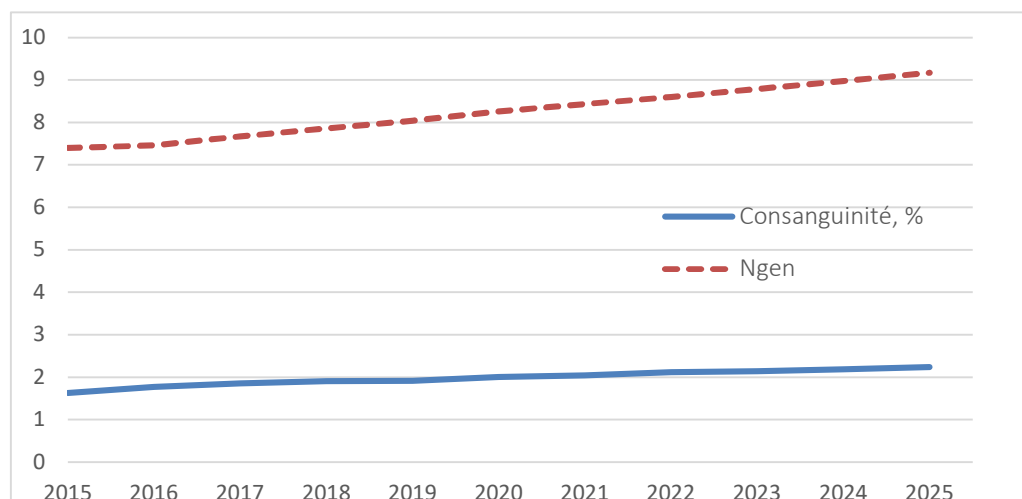
0% de consanguinité	14,3%
entre 0 à 3,125% inclus	72,6%
entre 3,125% à 6,25% inclus	10,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,4%
entre 12,5% à 25% inclus	0,6%
plus de 25%	0,8%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 2,8%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,61



CHAROLAISE

Informations démographiques

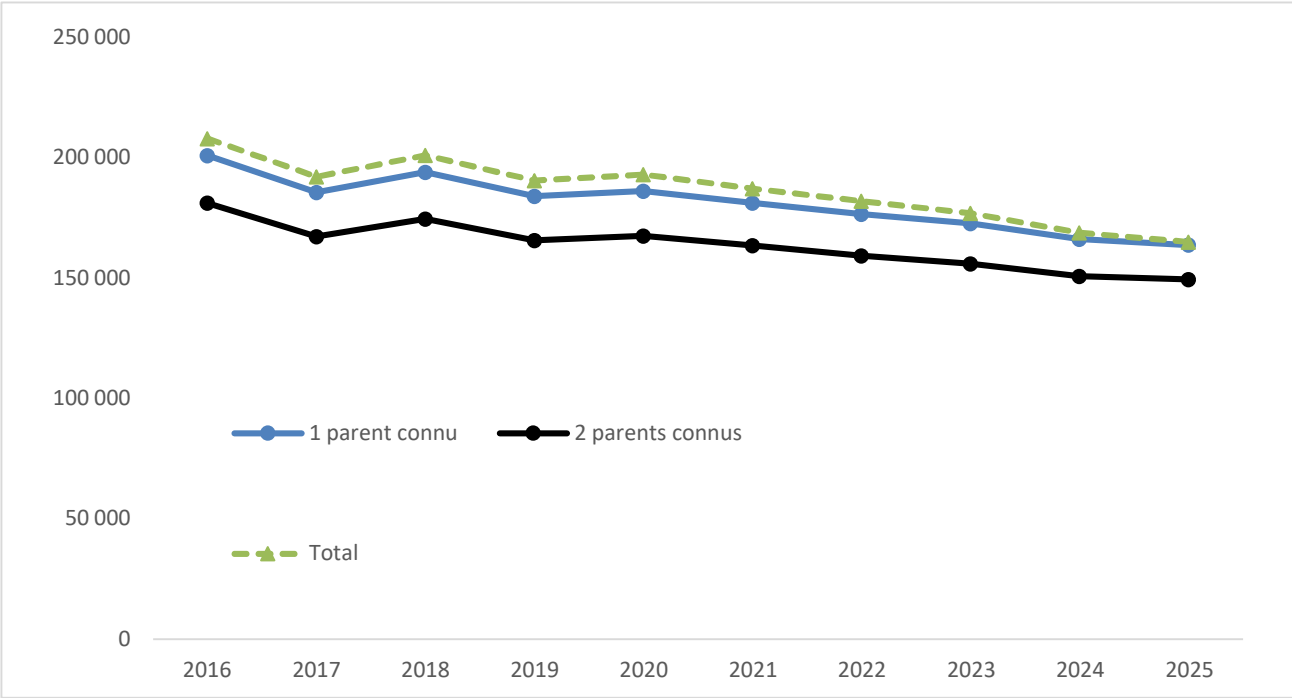
	Période de naissance des femelles	2022 -2025
	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	693 262	785
Nb pères différents	27 199	472
Nb max de descendants par père	7 719	11
Nb grands-pères paternels différents	7 599	350
Nb max de descendants par GPP	21 780	19
Nb mères différentes	442 334	723
Nb max de descendants par mère	14	4
Nb grands-pères maternels différents	38 833	350
Nb max de descendants par GPM	26 746	15
Nb d'animaux avec deux parents connus	615 774	785

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 89%

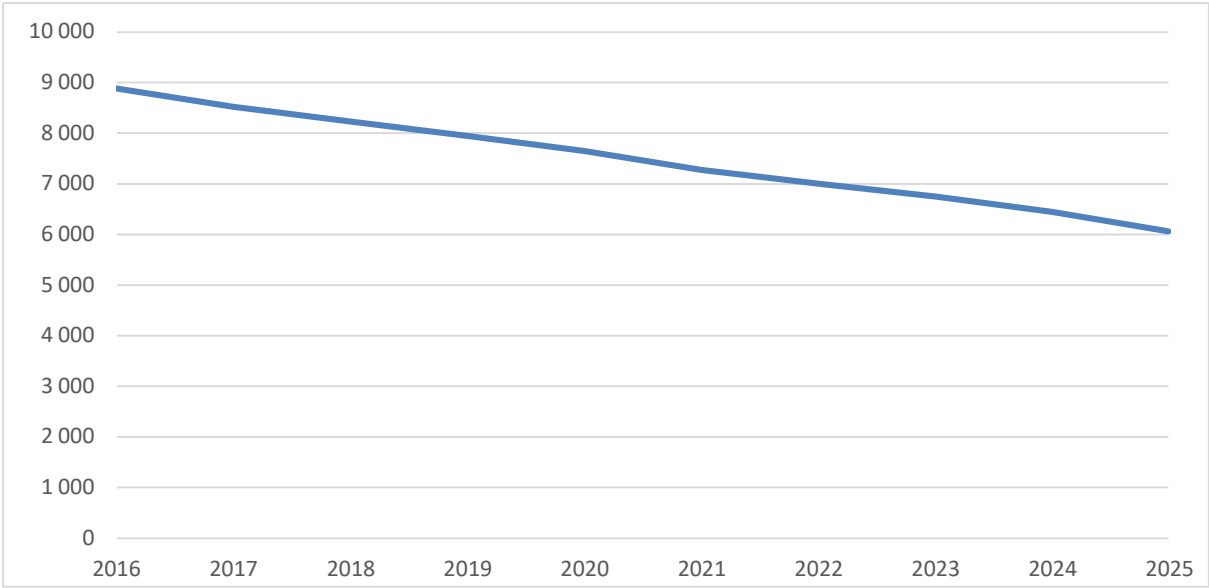
% femelles issues IA 31

Evolution de la population femelle

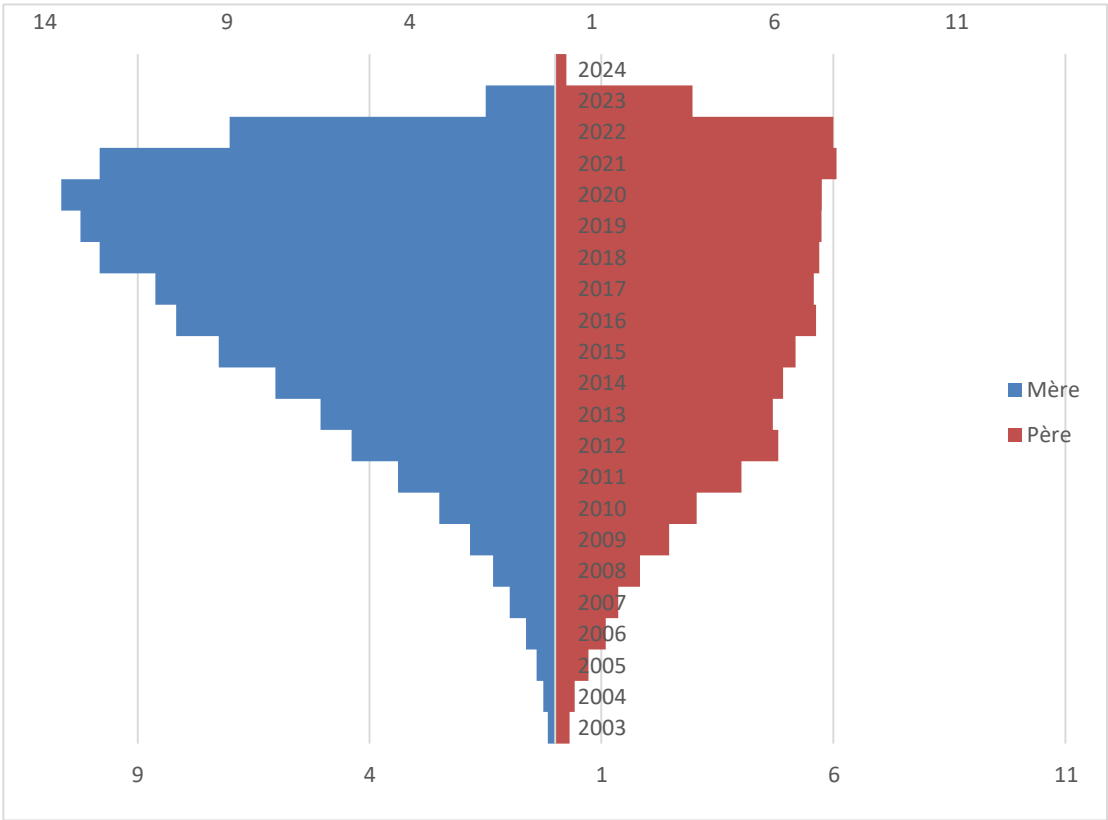


Croissance démographique -11
(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

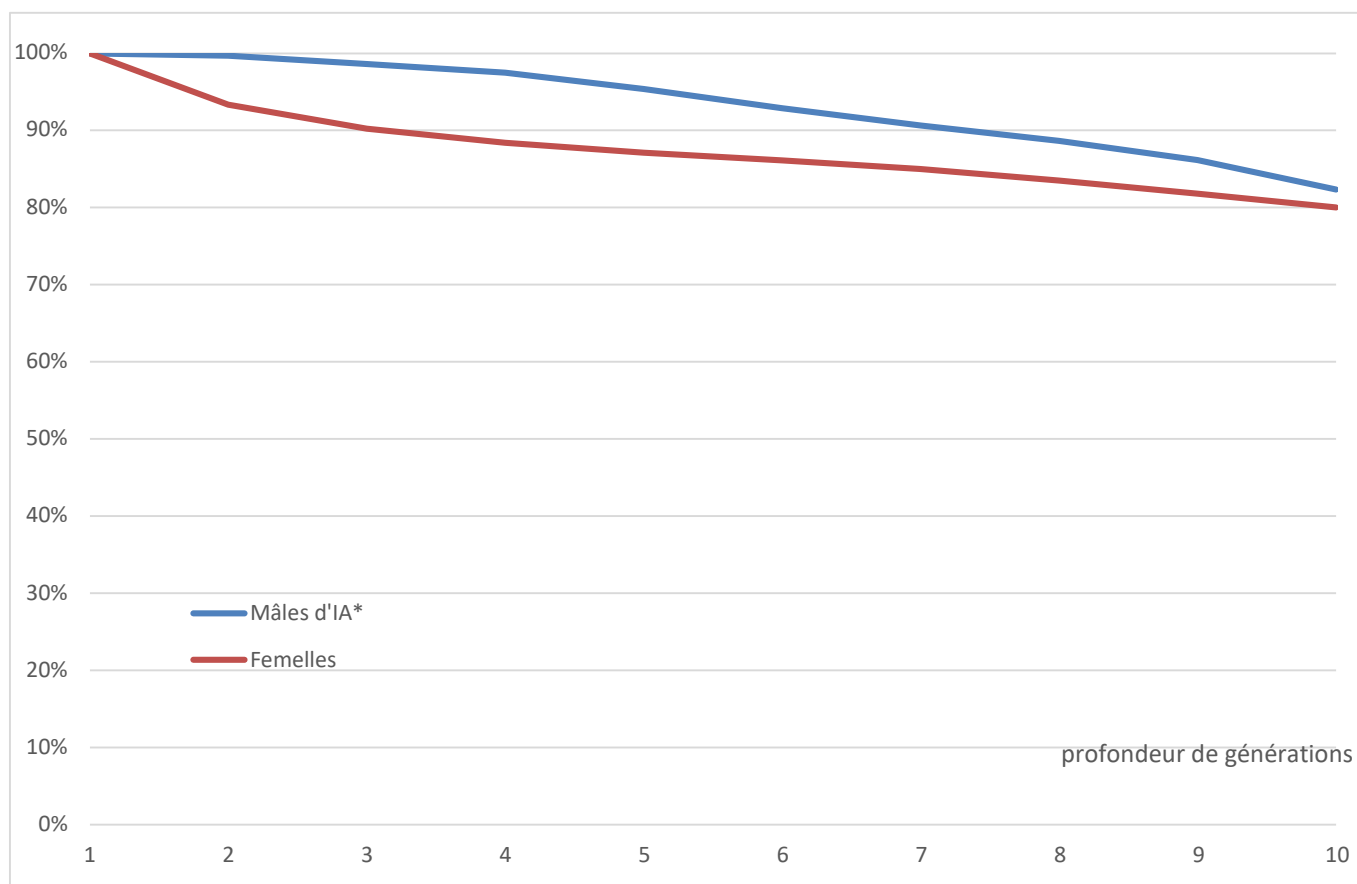
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	6,0
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,7
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,3
Moyenne 4 voies	5,6

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	615 474	785
Nb moyen de générations remontées	12,4	12,0
Nb moyen d'ancêtres connus	122 760	46 168
Nb maximum de générations remontées	33	27

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2022 -2025

Nombre de fondateurs	176 311
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	401
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	139
Ratio Ae/Fe	34,8%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	2,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	52

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR4286100325	BLASON	M	1986	2,9%	2,9%	2,9%
2	FR0370119503	FLAMBEAU	M	1970	2,6%	2,6%	5,5%
3	FR6146791641	CASTOR	M	2007	2,4%	2,3%	7,9%
4	FR5869101650	ECHO	M	1969	2,3%	2,3%	10,2%
5	FR4580102372	RITOURNELL	F	1980	1,9%	1,9%	12,0%
6	FR7992101442	HABIT	M	1992	2,0%	1,9%	13,9%
7	FR0384106449	VLADIMIR	M	1984	2,1%	1,8%	15,6%
8	FR6334971421	RUSS	M	2000	1,9%	1,7%	17,4%
9	FR2178102945	OFFICINE	F	1978	1,5%	1,5%	18,8%
10	FR2168105211	DURANDAL	M	1968	1,6%	1,5%	20,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	12,4
Consanguinité moyenne (%) sur 10 ans	1,1
Consanguinité moyenne (%) Pop Analysée	1,2
Consanguinité sur 3 générations* (%)	0,20
Parenté* (%)	1,0
Consanguinité des parents* (%)	0,8
Parentés des parents* (%)	0,7
Taille efficace (méthode Cervantès)	640
Taille efficace (méthode démographique)	102 494

* de la pop analysée

La consanguinité de la pop analysée apparaît en vert si elle est inf. à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

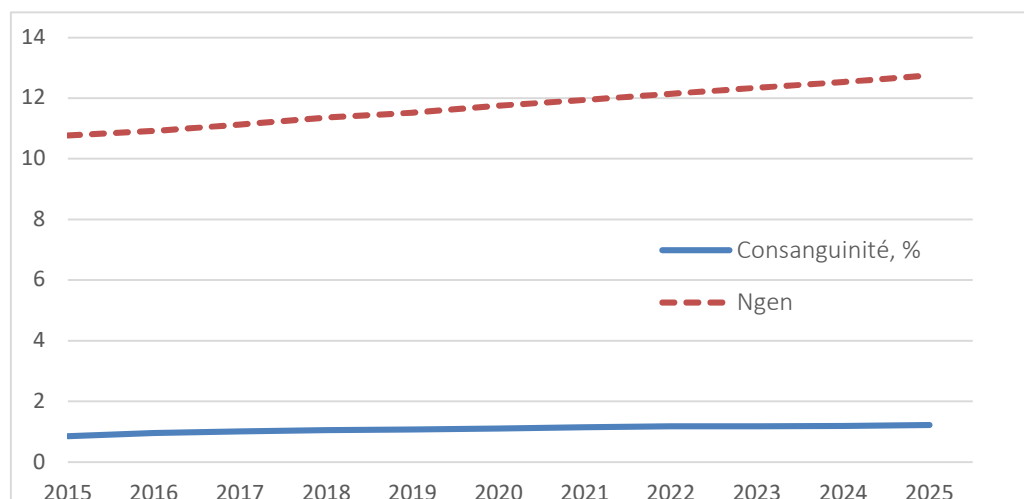
0% de consanguinité	13,2%
entre 0 à 3,125% inclus	83,5%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,2%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,5%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,4%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 1,2%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,36



GASCONNE

Informations démographiques

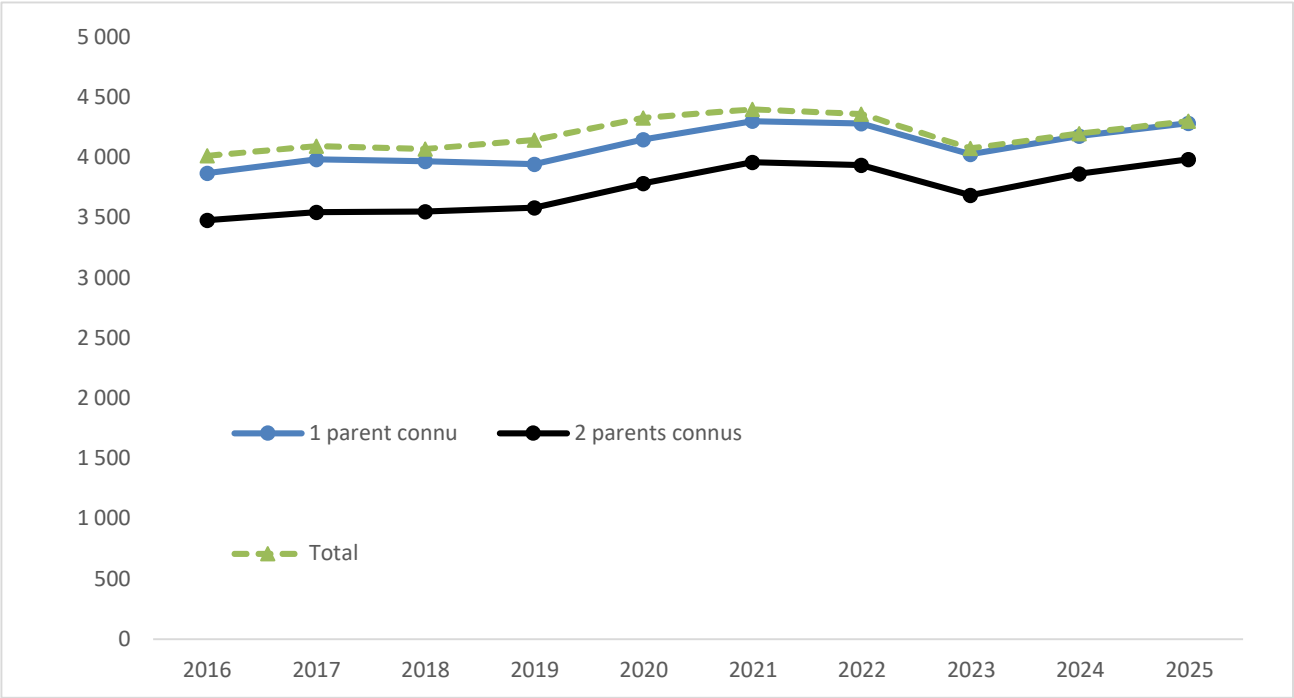
	Période de naissance des femelles	2022 -2025
	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	16 960	33
Nb pères différents	809	29
Nb max de descendants par père	477	2
Nb grands-pères paternels différents	311	24
Nb max de descendants par GPP	980	3
Nb mères différentes	10 870	32
Nb max de descendants par mère	6	2
Nb grands-pères maternels différents	1 083	24
Nb max de descendants par GPM	840	2
Nb d'animaux avec deux parents connus	15 488	33

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 91%

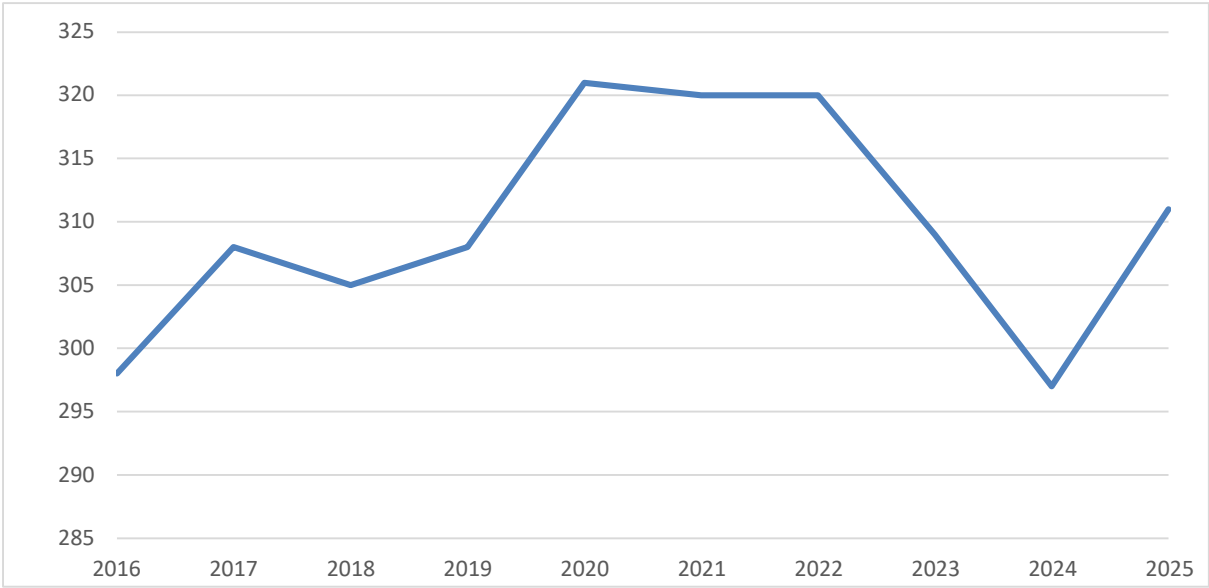
% femelles issues IA 14

Evolution de la population femelle

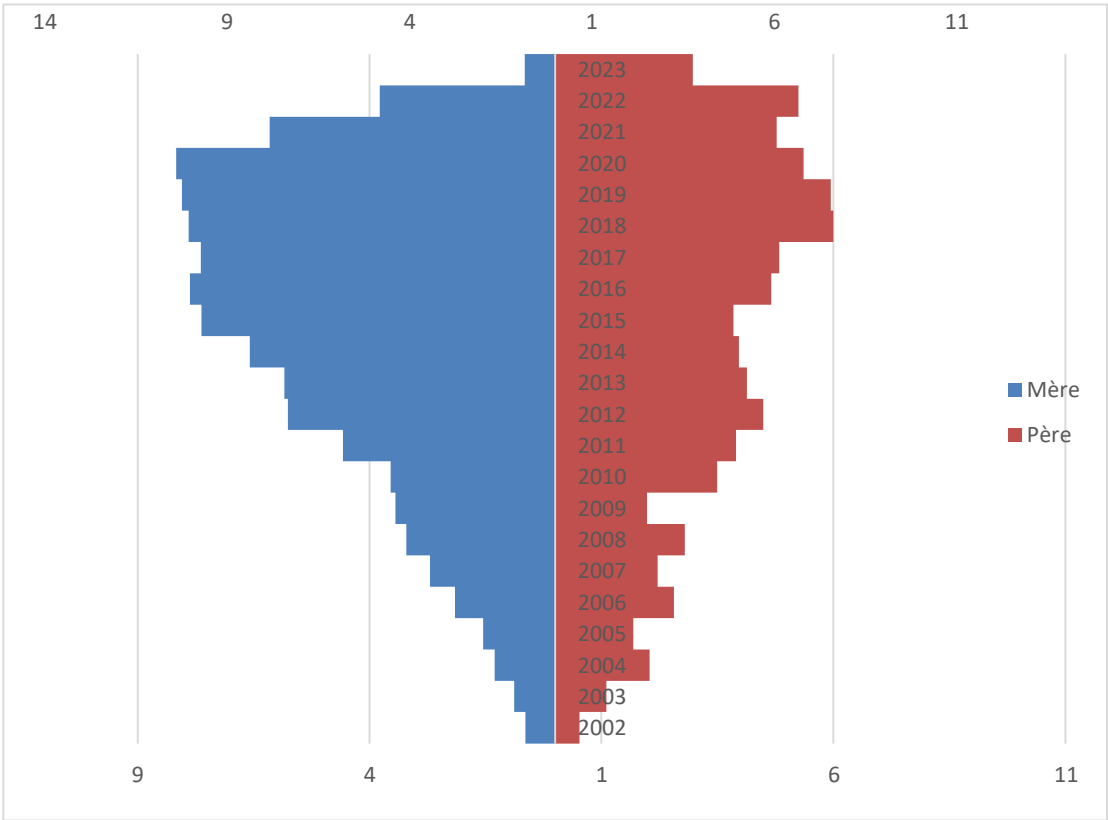


Croissance démographique 3
(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

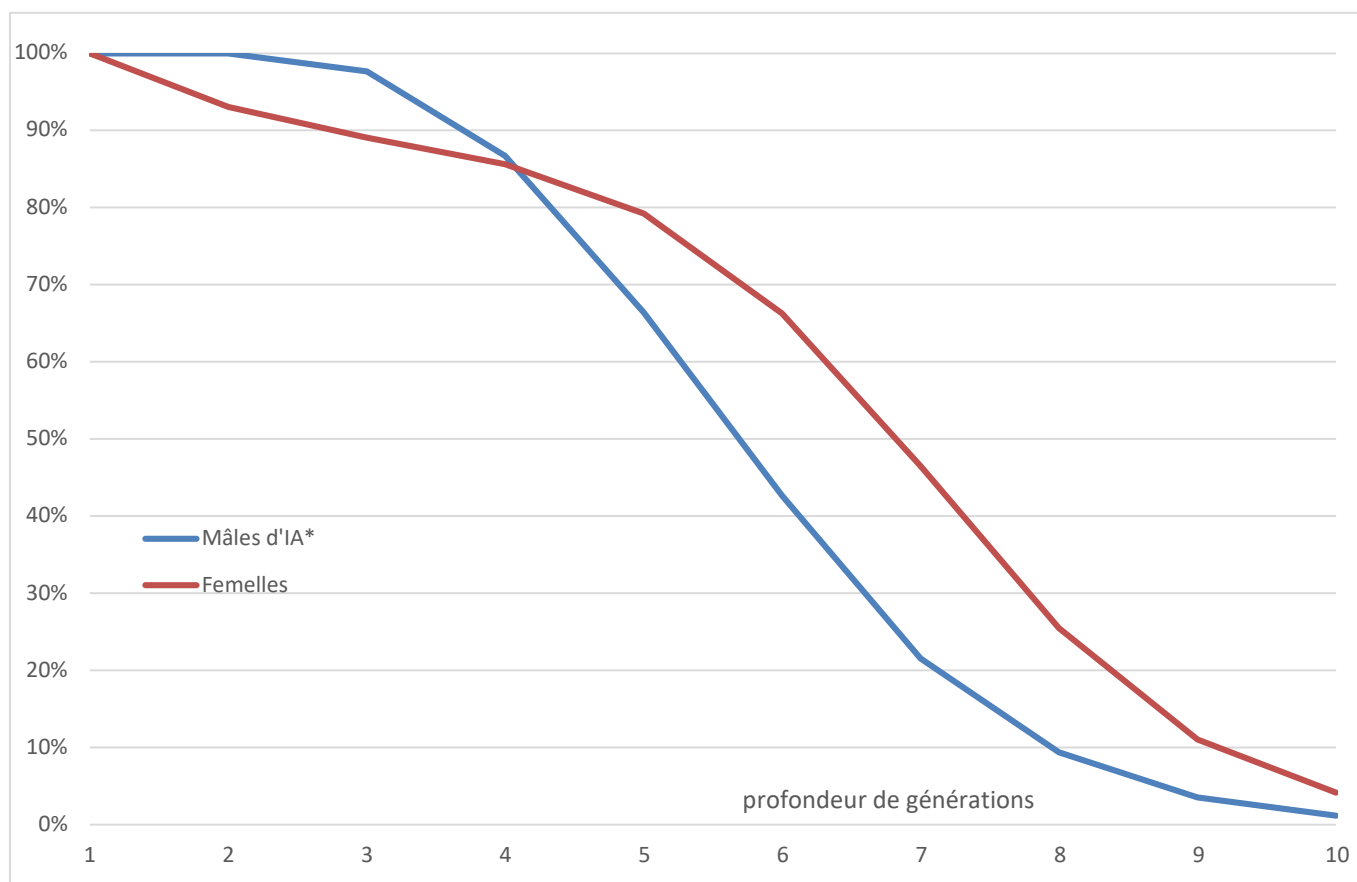
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	6,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	6,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	6,9
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	6,5
Moyenne 4 voies	6,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	15 487	33
Nb moyen de générations remontées	6,0	5,3
Nb moyen d'ancêtres connus	386	175
Nb maximum de générations remontées	23	16

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2022 -2025

Nombre de fondateurs	8 723
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	177
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	59
Ratio Ae/Fe	33,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	8,0%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	28

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR1140029030	RELIEF	M	2000	8,0%	8,0%	8,0%
2	FR0904916416	COURNIER	M	1987	5,0%	5,0%	13,0%
3	FR0910924061	ESSENTIEL	M	2009	4,4%	3,8%	16,8%
4	FR6506203674	ULSTER	M	2003	3,0%	3,0%	19,8%
5	FR3192042121	HERACLES	M	1992	3,3%	3,0%	22,8%
6	FR1146019610	BLACK	M	2006	2,9%	2,9%	25,6%
7	FR1109402256	EVEQUE	M	1989	2,9%	2,8%	28,4%
8	FR8128041867	GALION	M	2011	2,6%	2,0%	30,4%
9	FR0900100565	RODIN	M	2000	1,8%	1,8%	32,2%
10	FR1197001618	NOBEL	M	1997	1,7%	1,7%	33,8%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,0
Consanguinité moyenne (%) sur 10 ans	1,5
Consanguinité moyenne (%) Pop Analysée	1,6
Consanguinité sur 3 générations* (%)	0,64
Parenté* (%)	1,4
Consanguinité des parents* (%)	1,0
Parentés des parents* (%)	0,9
Taille efficace (méthode Cervantès)	211
Taille efficace (méthode démographique)	3 012

* de la pop analysée

La consanguinité de la pop analysée apparaît en vert si elle est inf. à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

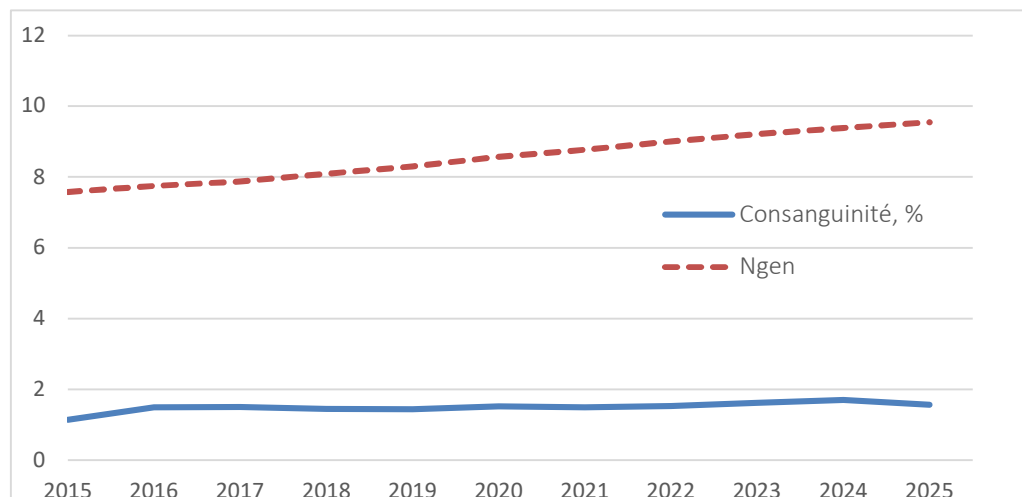
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	15,4%
entre 0 à 3,125% inclus	74,3%
entre 3,125% à 6,25% inclus	5,9%
entre 6,25% à 12,5% inclus	2,1%
entre 12,5% à 25% inclus	1,3%
plus de 25%	1,0%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	4,4%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,42



LIMOUSINE

Informations démographiques

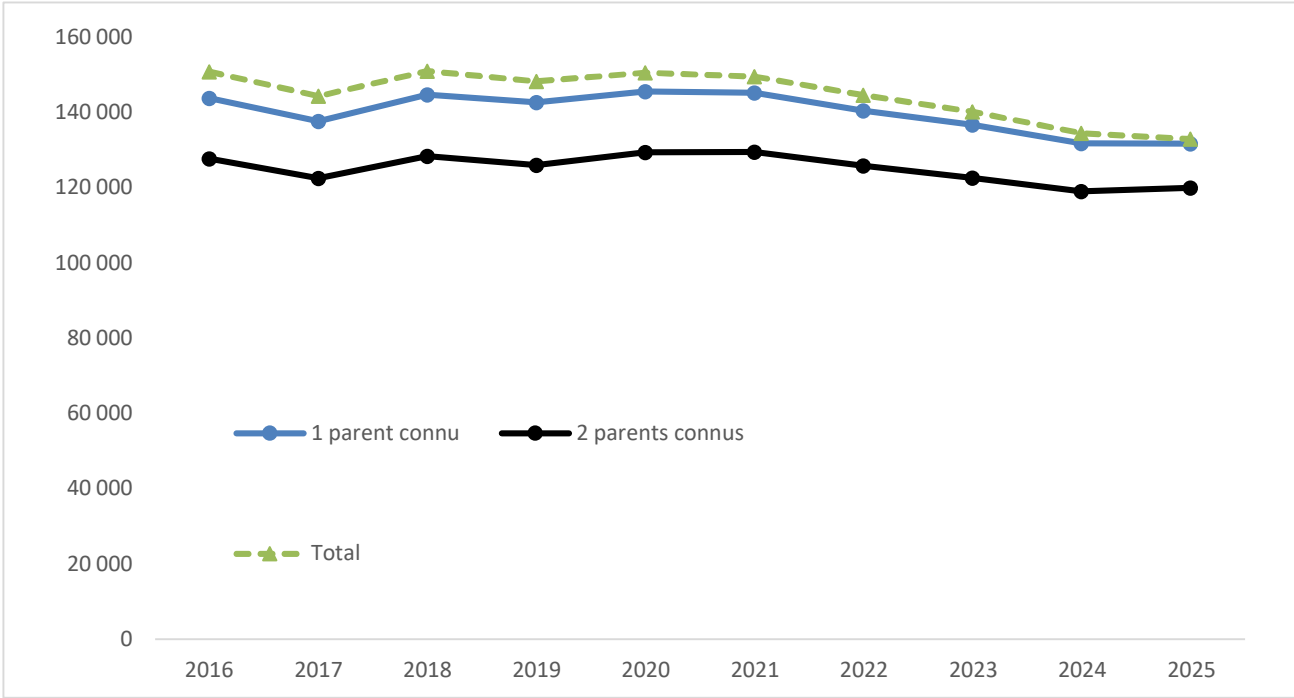
	Période de naissance des femelles	2022 -2025
	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	552 707	545
Nb pères différents	22 378	383
Nb max de descendants par père	3 395	9
Nb grands-pères paternels différents	7 086	313
Nb max de descendants par GPP	12 981	18
Nb mères différentes	350 017	535
Nb max de descendants par mère	13	2
Nb grands-pères maternels différents	31 418	313
Nb max de descendants par GPM	23 878	11
Nb d'animaux avec deux parents connus	487 774	545

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 88%

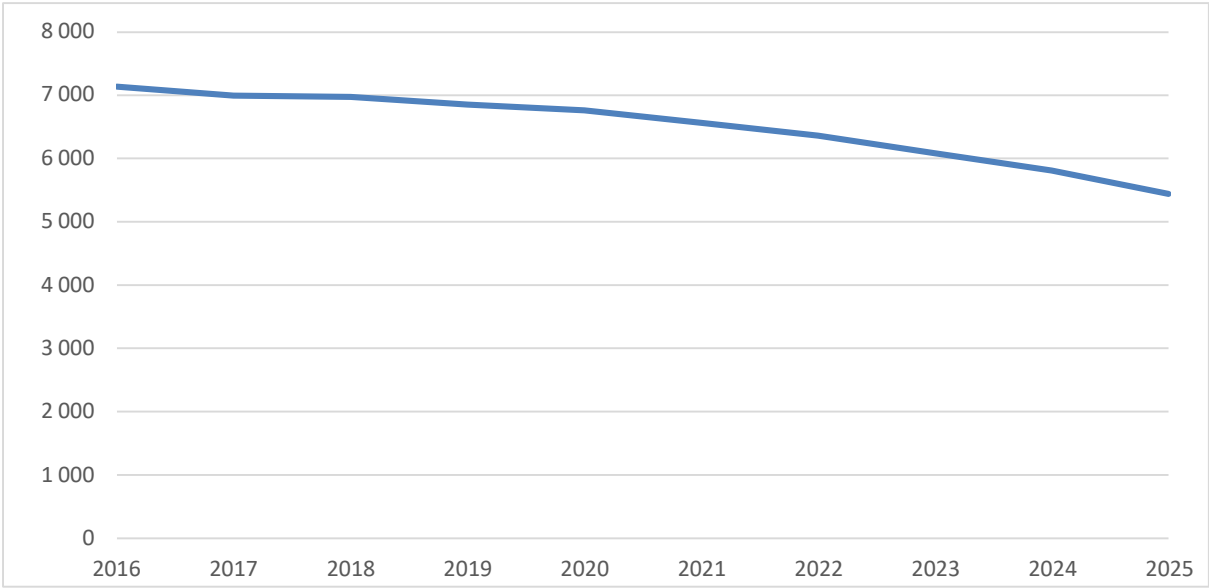
% femelles issues IA 14

Evolution de la population femelle

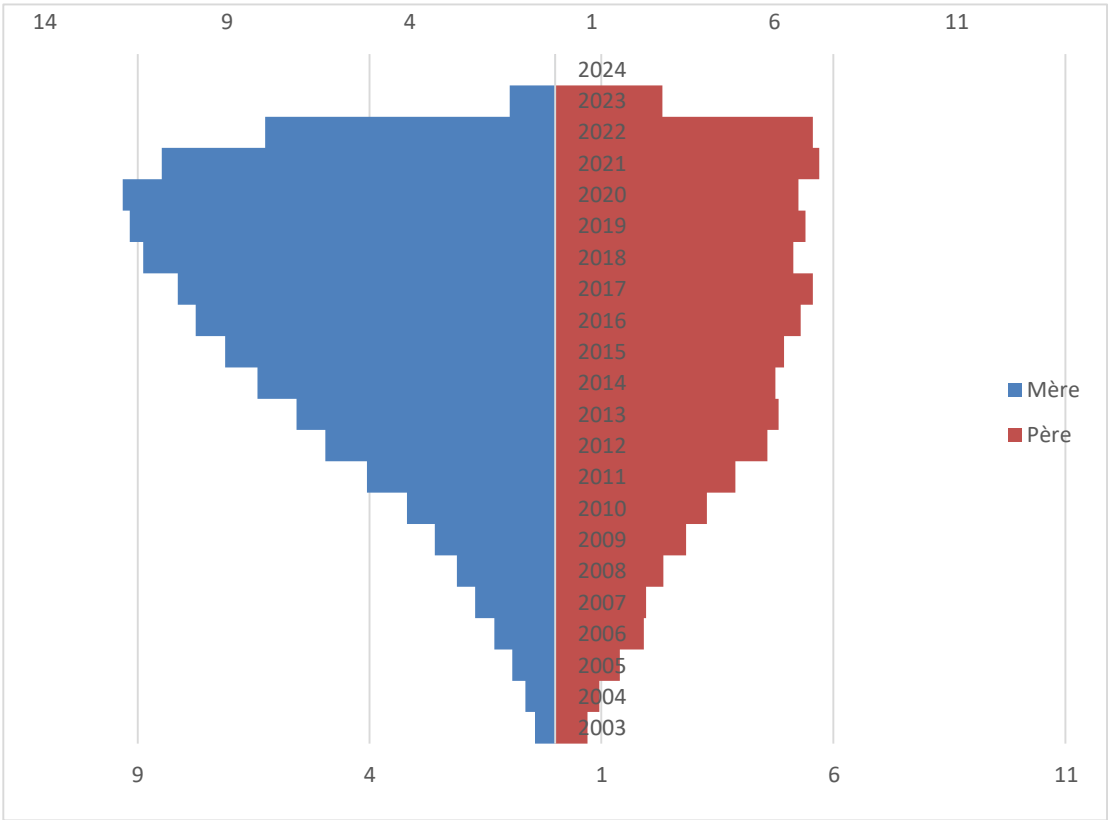


Croissance démographique -6
(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

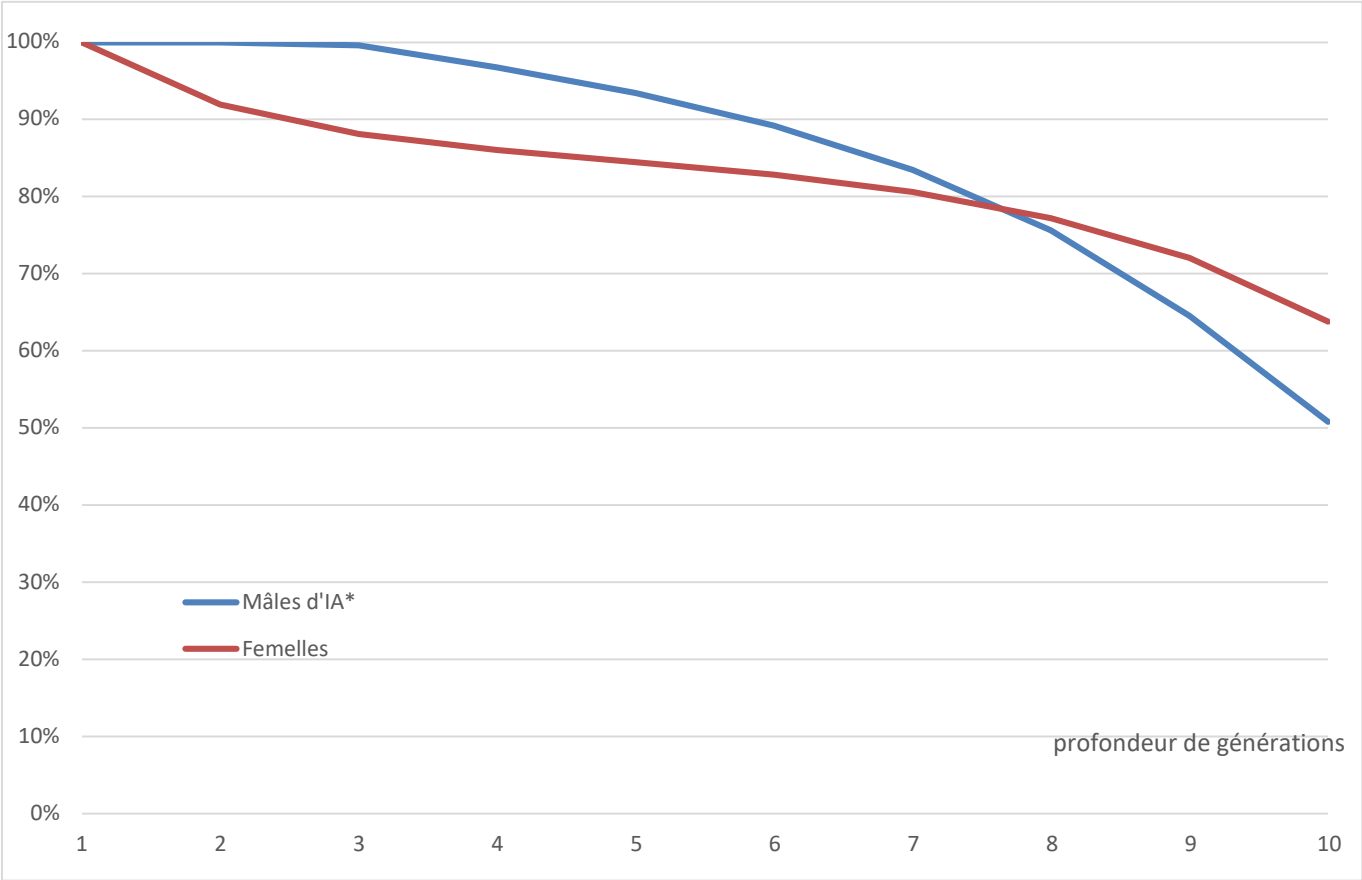
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,5
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,9
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,8
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,7
Moyenne 4 voies	5,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	487 483	545
Nb moyen de générations remontées	9,7	9,3
Nb moyen d'ancêtres connus	16 335	6 729
Nb maximum de générations remontées	28	23

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2022 -2025

Nombre de fondateurs	138 015
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	566
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	145
Ratio Ae/Fe	25,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	3,1%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	69

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR0060139447	ROSSIGNOL	M	1960	3,1%	3,1%	3,1%
2	FR1988004715	DAUPHIN	M	1988	3,0%	3,0%	6,2%
3	FR0059126024	LAUREAT	M	1959	2,5%	2,5%	8,7%
4	FR3615069746	ON DIT	M	1998	2,6%	2,5%	11,2%
5	FR2297004114	NEUF	M	1997	2,2%	2,1%	13,3%
6	FR2287033854	CESARHENON	M	1987	2,6%	1,7%	15,0%
7	FR1692111209	HIGHLANDER	M	1992	1,8%	1,7%	16,7%
8	FR2396032213	MAS DU CLO	M	1996	1,8%	1,6%	18,3%
9	FR8789003682	EPSON	M	1989	1,6%	1,5%	19,8%
10	FR1717626948	REMIX	M	2000	1,6%	1,5%	21,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	9,7
Consanguinité moyenne (%) sur 10 ans	1,1
Consanguinité moyenne (%) Pop Analysée	1,1
Consanguinité sur 3 générations* (%)	0,33
Parenté* (%)	0,7
Consanguinité des parents* (%)	0,8
Parentés des parents* (%)	0,5
Taille efficace (méthode Cervantès)	681
Taille efficace (méthode démographique)	84 133

* de la pop analysée

La consanguinité de la pop analysée apparaît en vert si elle est inf. à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

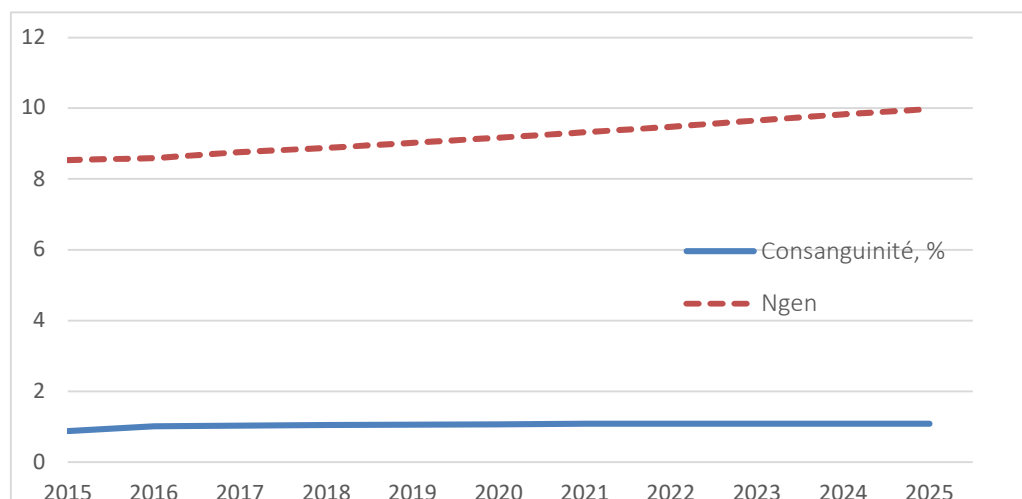
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	15,3%
entre 0 à 3,125% inclus	80,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,5%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,9%
entre 12,5% à 25% inclus	0,5%
plus de 25%	0,7%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	2,1%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,21



PARTHENAISE

Informations démographiques

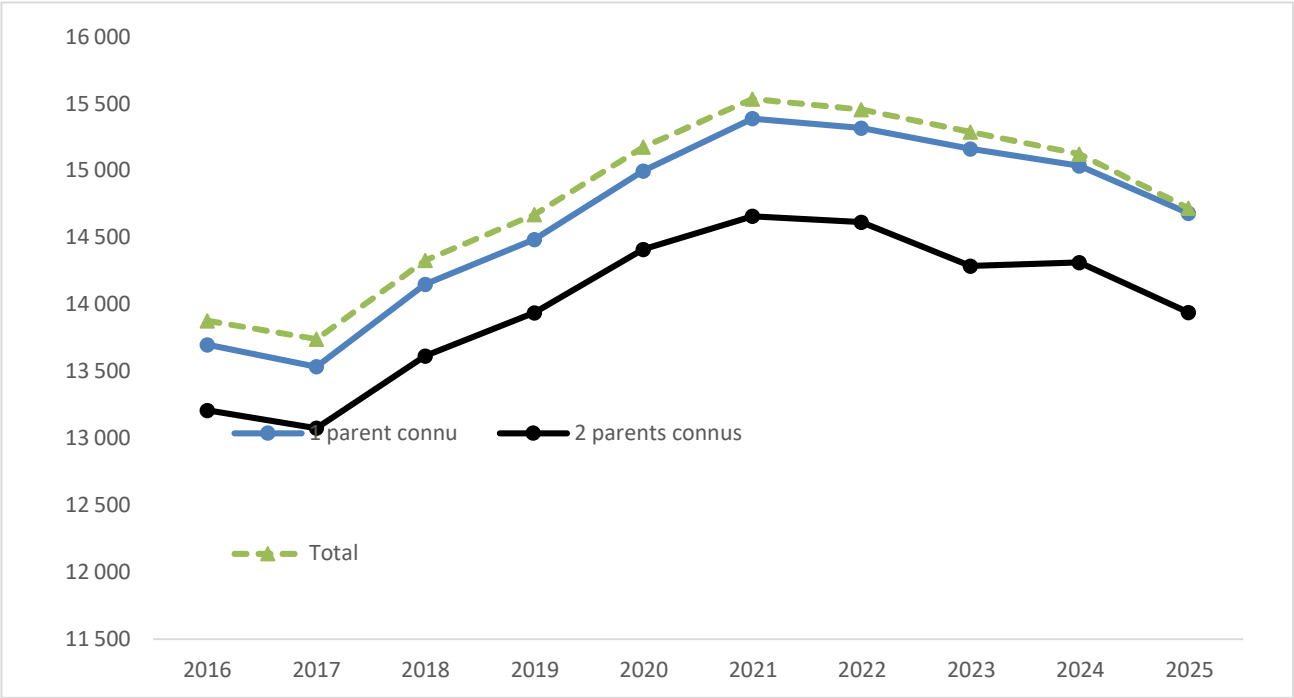
	Période de naissance des femelles	2022 -2025
	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	60 614	76
Nb pères différents	2 153	68
Nb max de descendants par père	2 128	3
Nb grands-pères paternels différents	729	60
Nb max de descendants par GPP	3 308	5
Nb mères différentes	40 375	74
Nb max de descendants par mère	10	2
Nb grands-pères maternels différents	2 837	60
Nb max de descendants par GPM	2 747	4
Nb d'animaux avec deux parents connus	57 175	76

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 94%

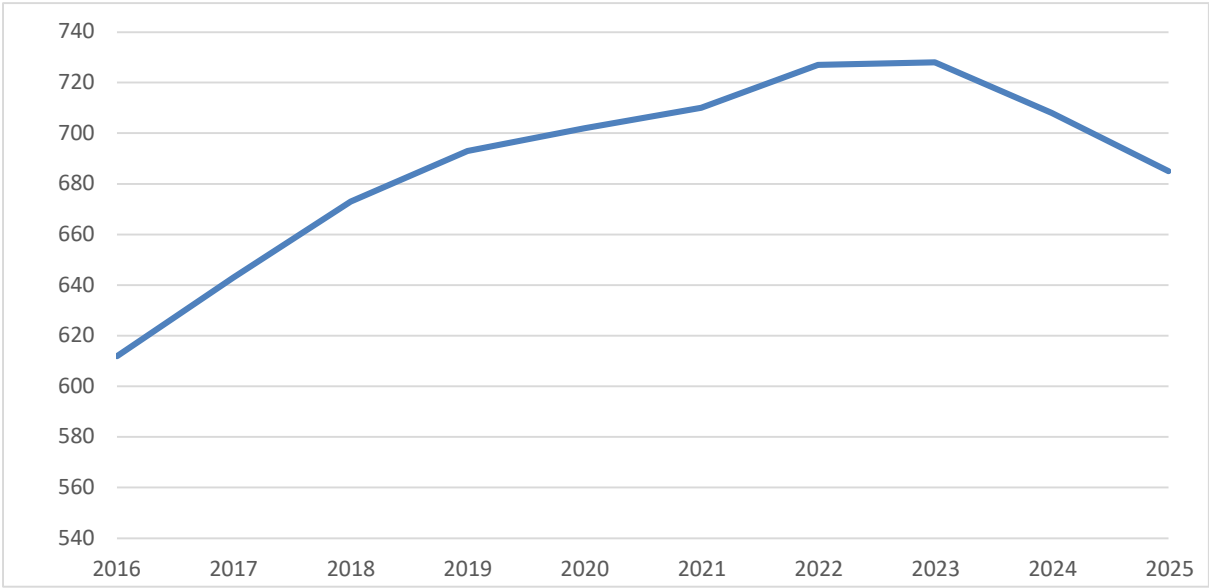
% femelles issues IA 28

Evolution de la population femelle

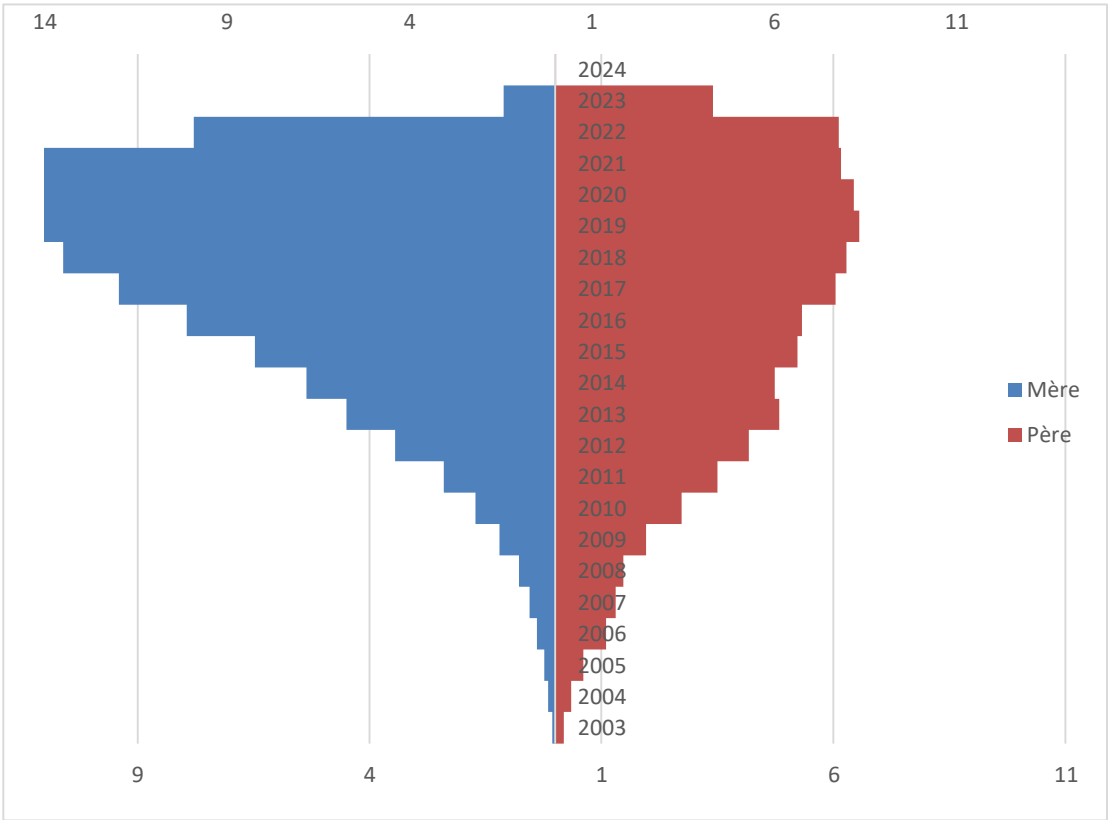


Croissance démographique 6
(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

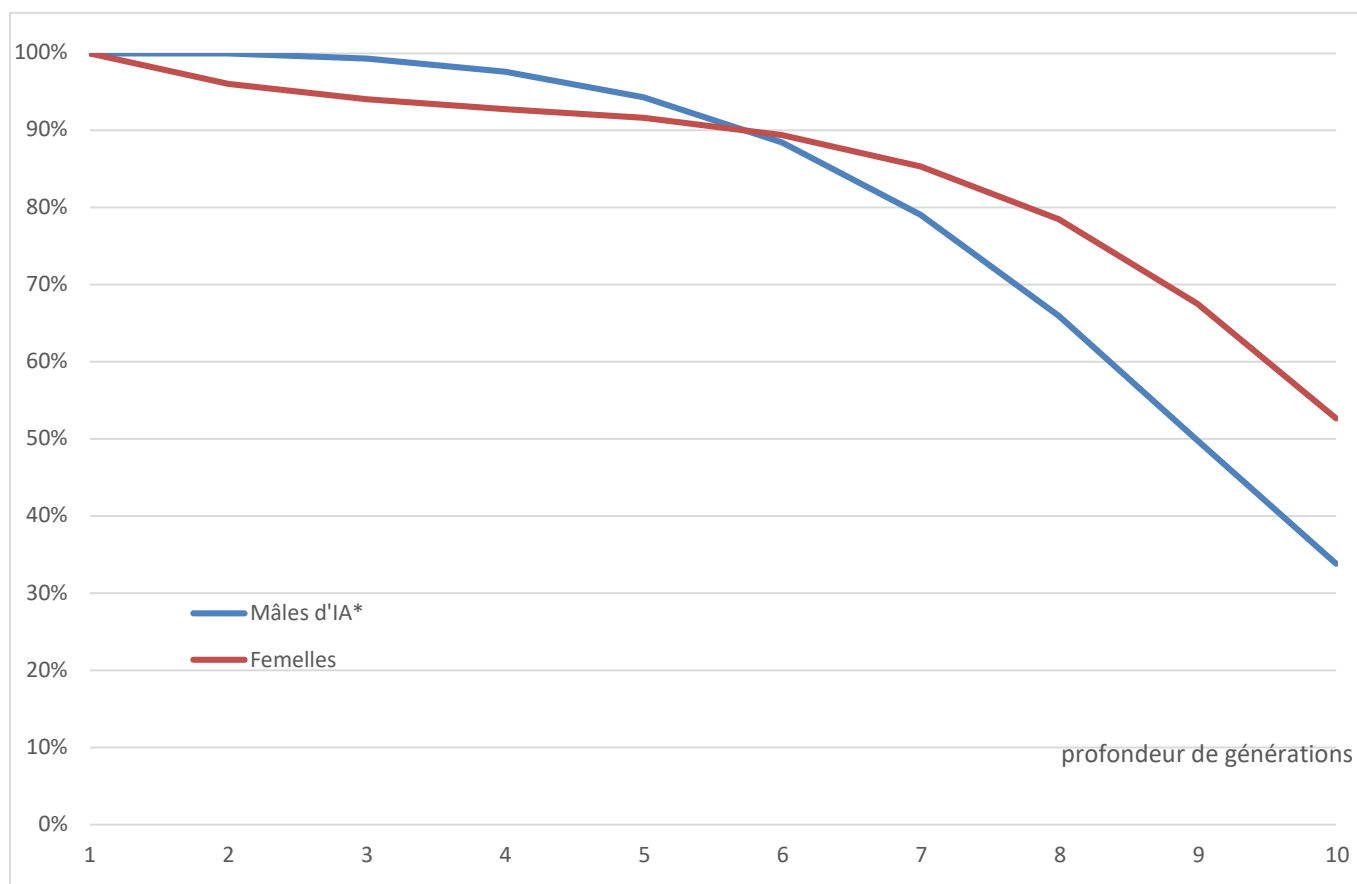
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,5
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,9
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,0
Moyenne 4 voies	5,4

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	57 138	76
Nb moyen de générations remontées	9,3	8,5
Nb moyen d'ancêtres connus	6 611	3 050
Nb maximum de générations remontées	27	23

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2022 -2025

Nombre de fondateurs	17 878
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	183
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	67
Ratio Ae/Fe	36,4%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,6%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	23

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR7922662092	FAUSSET	M	2010	4,6%	4,6%	4,6%
2	FR7903520279	TURBO	M	2002	4,0%	4,0%	8,6%
3	FR7989003629	ECUSSON	M	1989	3,6%	3,6%	12,2%
4	FR7991004851	GRILLON	M	1991	3,5%	3,5%	15,7%
5	FR7949950013	POTIRON	M	1999	3,5%	3,5%	19,2%
6	FR7984001884	VELODROME	M	1984	3,9%	3,4%	22,5%
7	FR8564012758	LEGEND	M	2015	3,4%	2,8%	25,4%
8	FR4438833353	ILUS	M	2013	3,0%	2,7%	28,1%
9	FR7992001275	HANNETON	M	1992	2,8%	2,4%	30,4%
10	FR7978001955	ORATEUR	M	1978	2,6%	2,1%	32,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	9,3
Consanguinité moyenne (%) sur 10 ans	1,5
Consanguinité moyenne (%) Pop Analysée	1,6
Consanguinité sur 3 générations* (%)	0,30
Parenté* (%)	1,7
Consanguinité des parents* (%)	1,2
Parentés des parents* (%)	1,3
Taille efficace (méthode Cervantès)	272
Taille efficace (méthode démographique)	8 176

* de la pop analysée

La consanguinité de la pop analysée apparaît en vert si elle est inf. à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

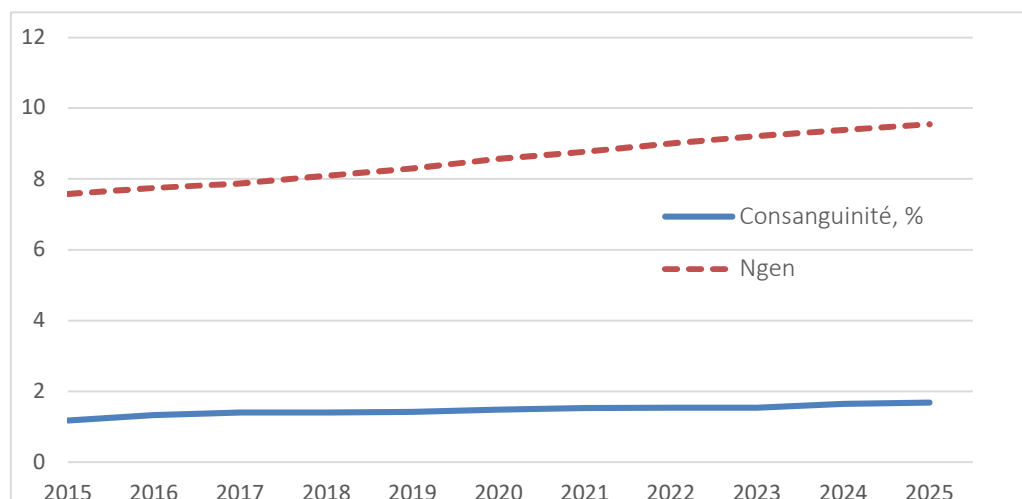
0% de consanguinité	8,4%
entre 0 à 3,125% inclus	85,6%
entre 3,125% à 6,25% inclus	4,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,1%
entre 12,5% à 25% inclus	0,5%
plus de 25%	0,4%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 2,0%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,51



ROUGE DES PRES

Informations démographiques

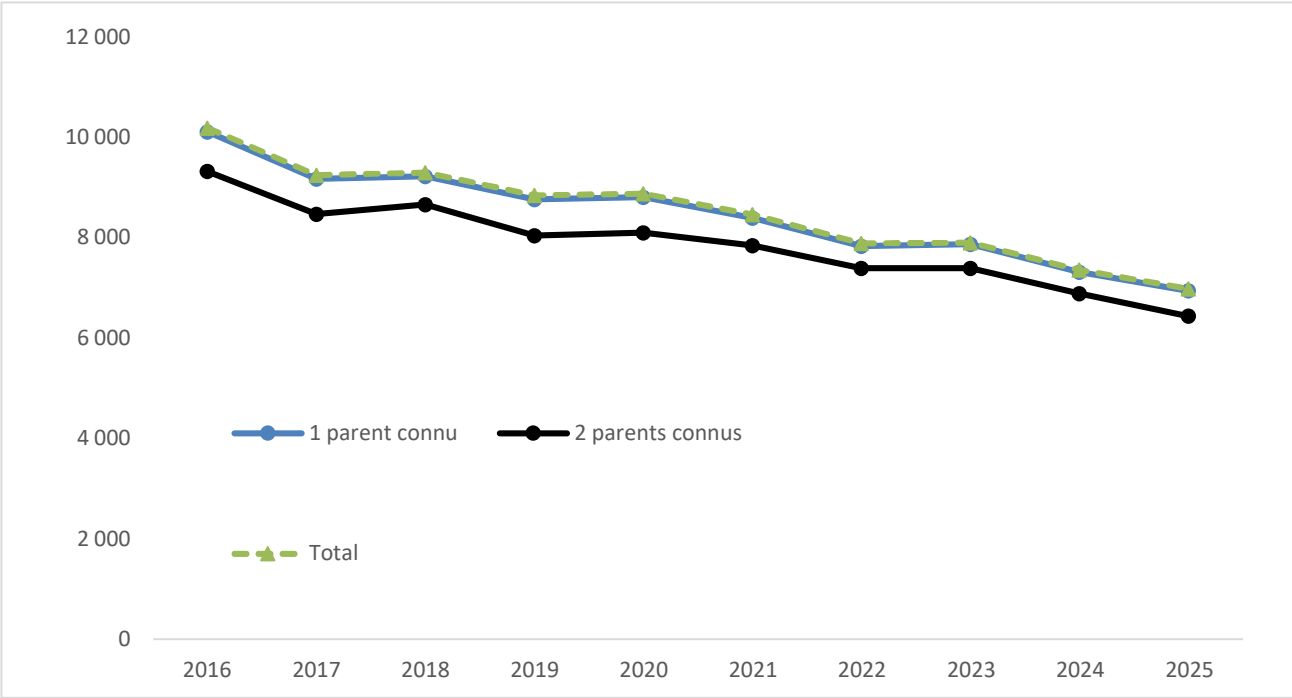
	Période de naissance des femelles	2022 -2025
	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	30 175	73
Nb pères différents	1 186	71
Nb max de descendants par père	994	2
Nb grands-pères paternels différents	401	63
Nb max de descendants par GPP	1 209	3
Nb mères différentes	19 800	73
Nb max de descendants par mère	10	1
Nb grands-pères maternels différents	1 812	63
Nb max de descendants par GPM	923	4
Nb d'animaux avec deux parents connus	28 143	73

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 93%

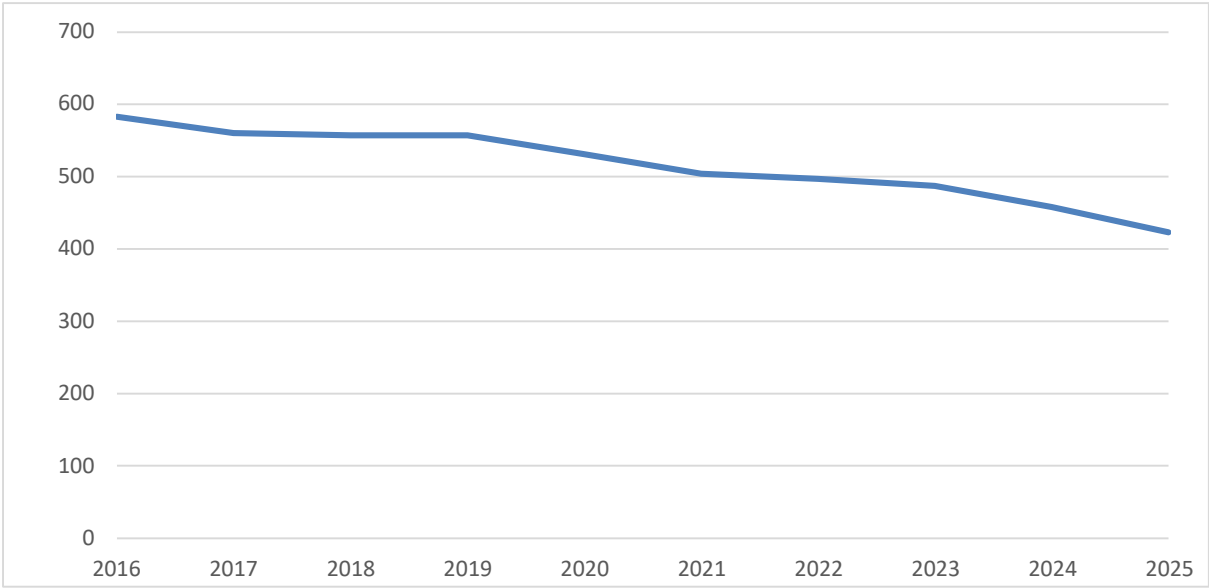
% femelles issues IA 22

Evolution de la population femelle

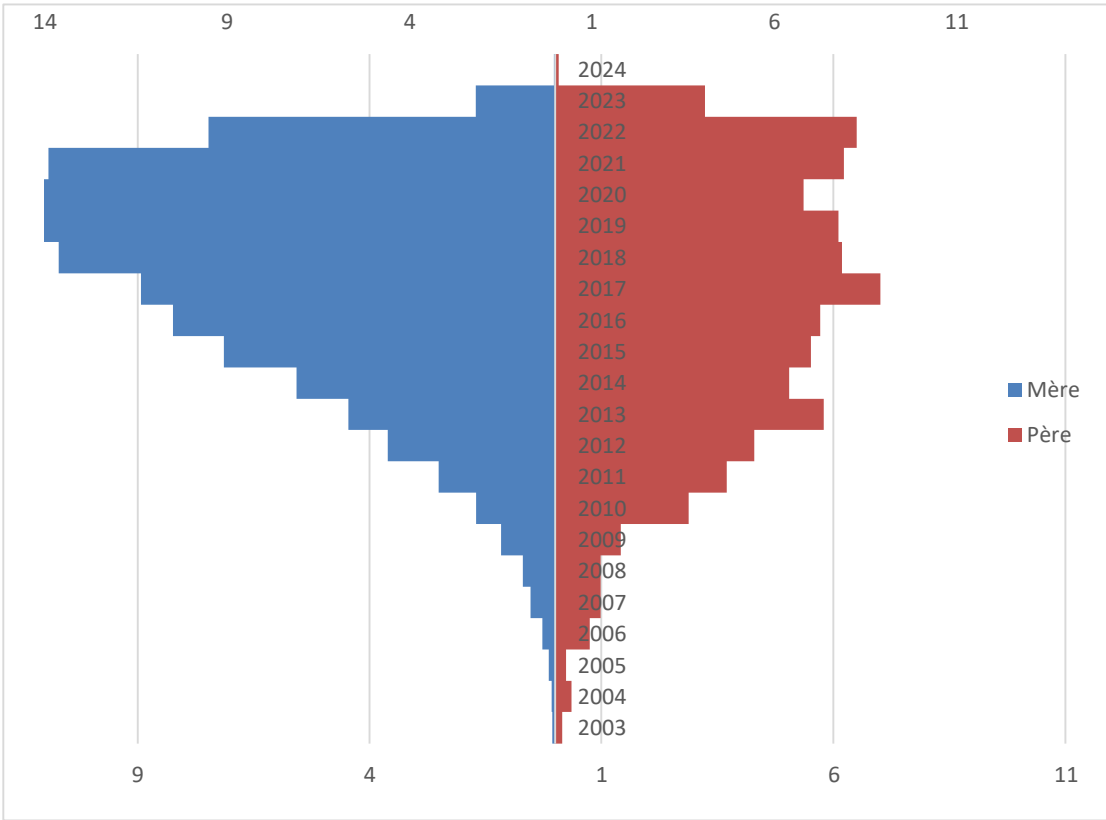


Croissance démographique -17
(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

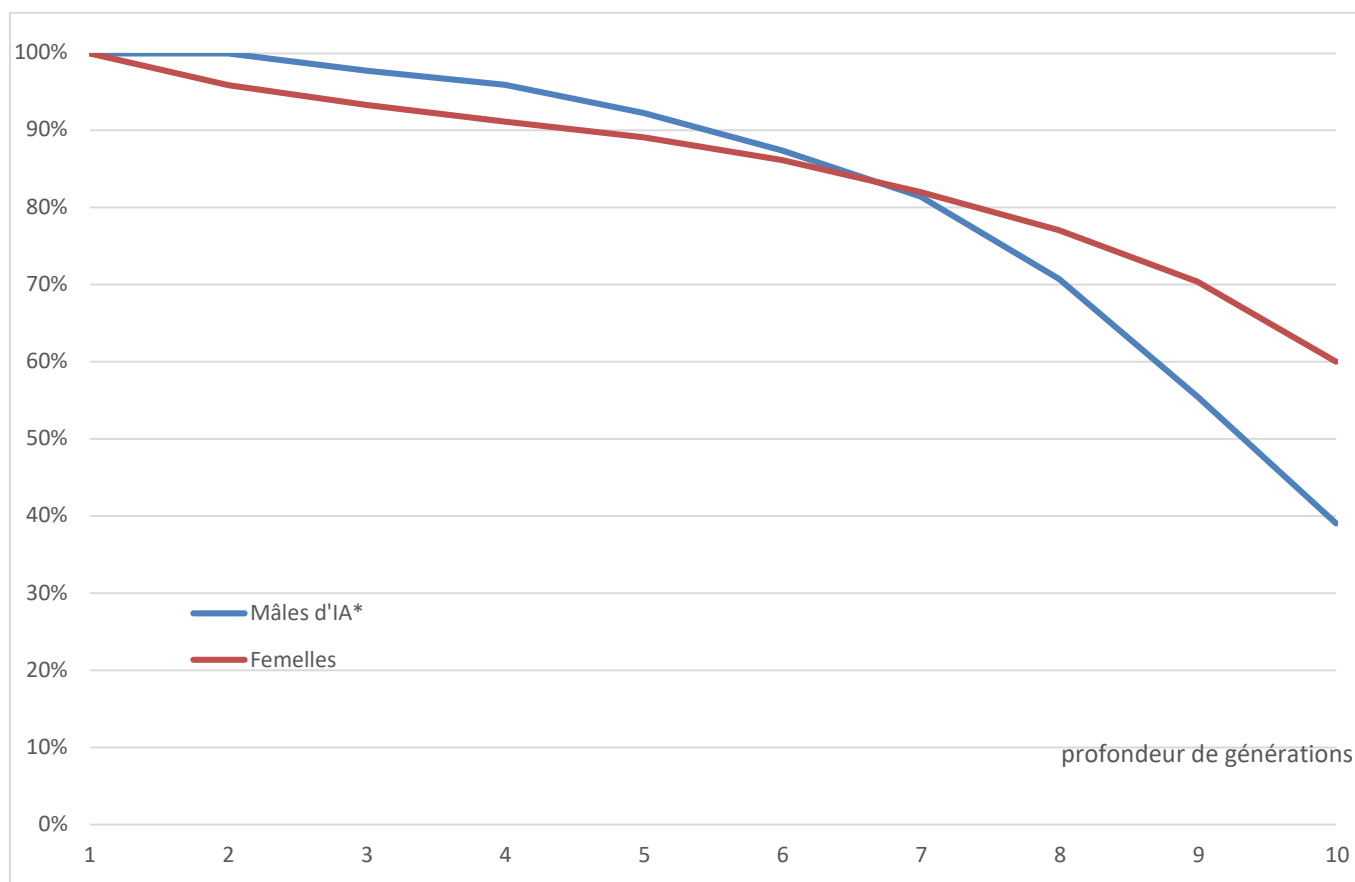
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,0
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,2
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,9
Moyenne 4 voies	5,1

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	28 121	73
Nb moyen de générations remontées	9,5	8,7
Nb moyen d'ancêtres connus	8 353	3 570
Nb maximum de générations remontées	27	25

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2022 -2025

Nombre de fondateurs	13 072
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	237
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	62
Ratio Ae/Fe	26,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,8%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	23

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR5373125641	INO	M	1973	5,8%	5,8%	5,8%
2	FR5375123998	LIRAN	M	1975	4,5%	4,5%	10,3%
3	FR7291122087	GERANIUM	M	1991	4,5%	4,5%	14,8%
4	FR4977123999	NORBAN	M	1977	3,5%	3,5%	18,3%
5	FR5372124893	FELOVA	M	1972	3,9%	3,3%	21,6%
6	FR4990122301	FESTIVAL	M	1990	2,6%	2,6%	24,2%
7	FR7288122047	DINARDE	F	1988	3,5%	2,6%	26,8%
8	FR5385123140	ARICOT	M	1985	2,4%	2,4%	29,2%
9	FR5389098700	ENIC	M	1989	3,0%	2,2%	31,4%
10	FR4971122640	ENCHANTEUR	M	1971	2,0%	2,0%	33,4%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	9,5
Consanguinité moyenne (%) sur 10 ans	1,7
Consanguinité moyenne (%) Pop Analysée	1,9
Consanguinité sur 3 générations* (%)	0,33
Parenté* (%)	1,8
Consanguinité des parents* (%)	1,4
Parentés des parents* (%)	1,4
Taille efficace (méthode Cervantès)	266
Taille efficace (méthode démographique)	4 476

* de la pop analysée

La consanguinité de la pop analysée apparaît en vert si elle est inf. à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

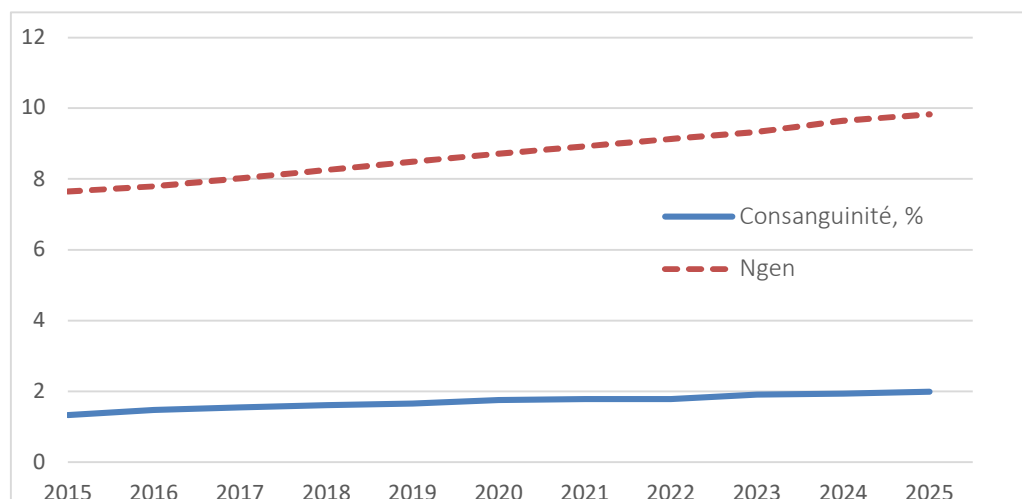
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	9,5%
entre 0 à 3,125% inclus	82,9%
entre 3,125% à 6,25% inclus	5,7%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,9%
entre 12,5% à 25% inclus	0,4%
plus de 25%	0,6%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	1,9%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,66



SALERS

Informations démographiques

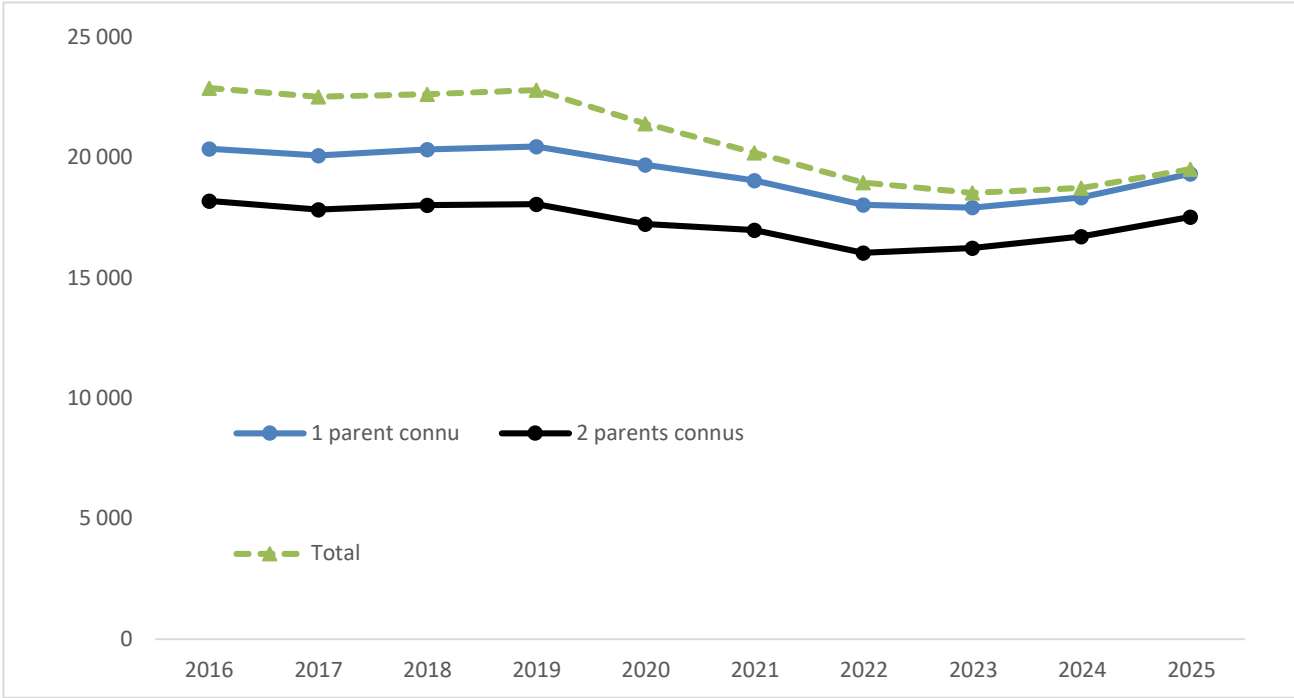
	Période de naissance des femelles	2022 -2025
	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	75 835	92
Nb pères différents	3 659	87
Nb max de descendants par père	1 497	2
Nb grands-pères paternels différents	1 417	84
Nb max de descendants par GPP	1 752	2
Nb mères différentes	50 343	92
Nb max de descendants par mère	6	1
Nb grands-pères maternels différents	5 573	84
Nb max de descendants par GPM	2 176	5
Nb d'animaux avec deux parents connus	66 597	92

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 88%

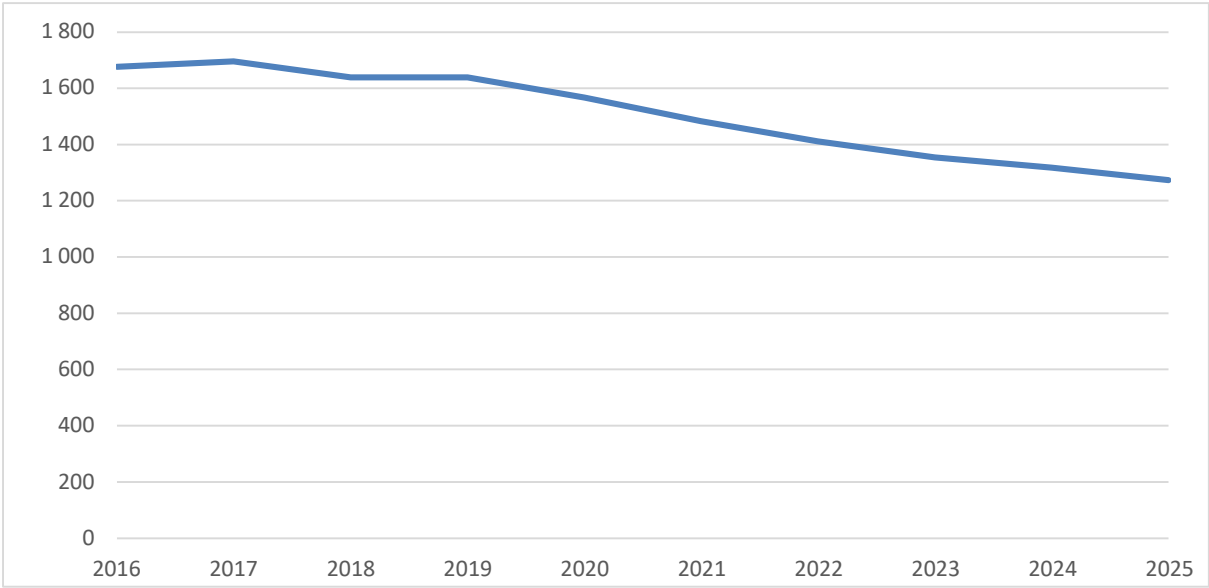
% femelles issues IA 14

Evolution de la population femelle

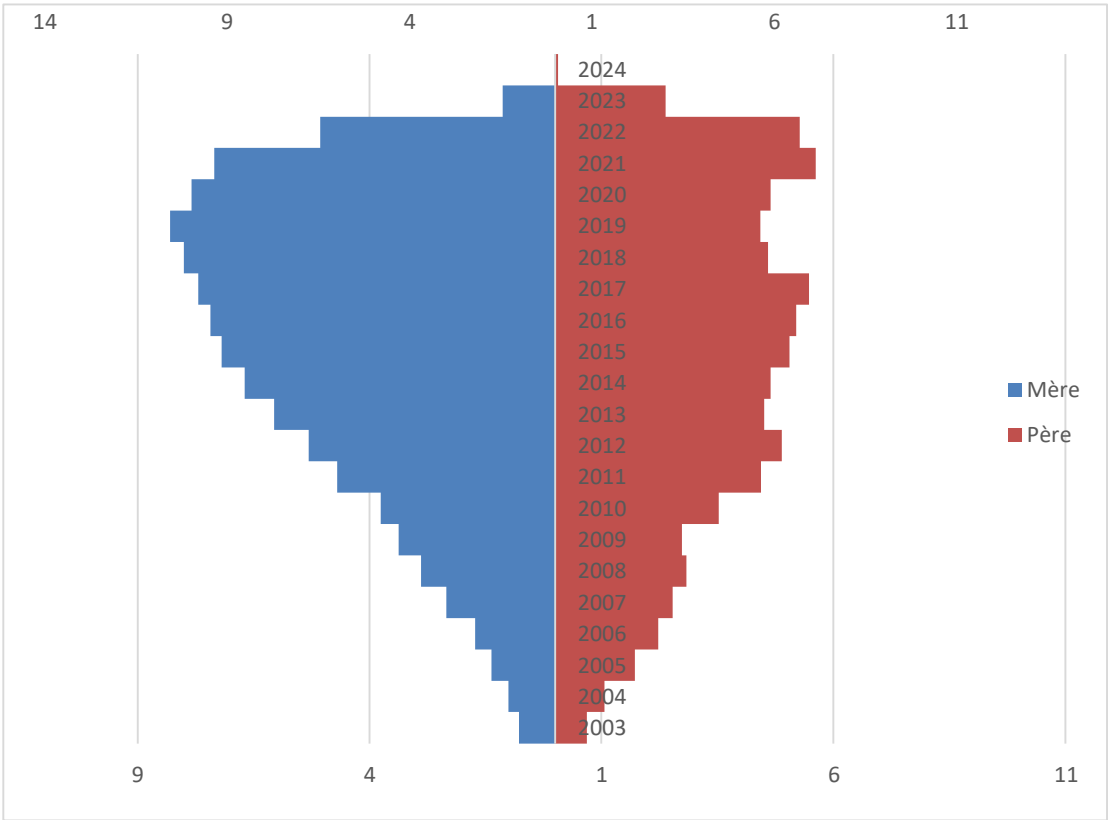


Croissance démographique -15
(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

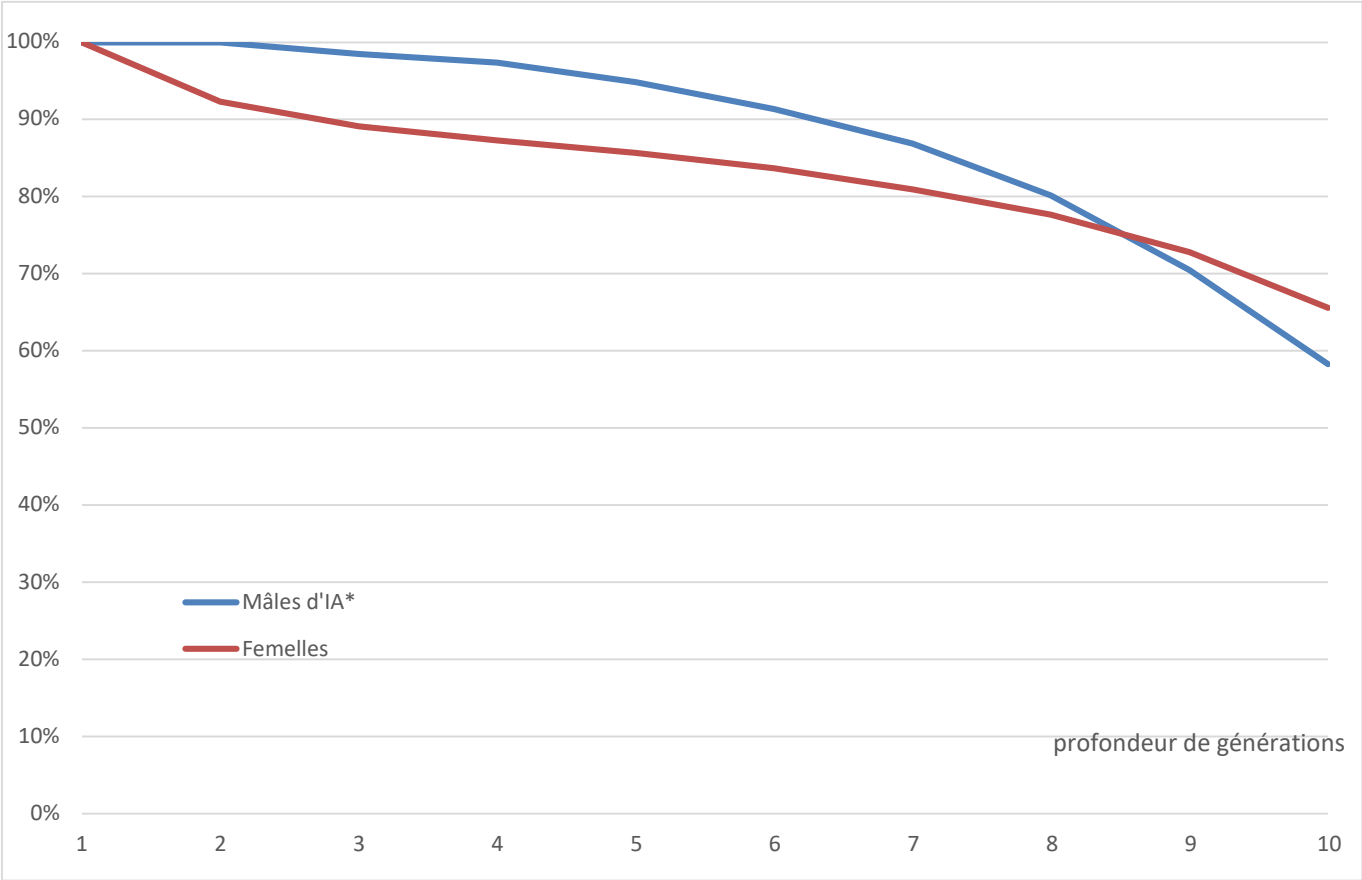
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	6,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,9
Moyenne 4 voies	6,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	66 575	92
Nb moyen de générations remontées	10,2	10,0
Nb moyen d'ancêtres connus	33 210	15 768
Nb maximum de générations remontées	27	25

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2022 -2025

Nombre de fondateurs	24 063
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	216
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	108
Ratio Ae/Fe	49,8%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,5%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	43

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR1583004347	UGOLIN	M	1983	4,5%	4,5%	4,5%
2	FR1569034479	SATAN	M	1969	4,2%	3,3%	7,9%
3	FRoSL0015623	IMPASSE	M	1961	3,0%	2,6%	10,5%
4	FR1591041076	GITAN	M	1991	2,5%	2,4%	12,9%
5	FR000001562N		M	1961	2,7%	2,3%	15,2%
6	FRoSL0095474	GERARD	M	1959	2,2%	2,1%	17,3%
7	FR1971038000	VAILLANT	M	1971	1,9%	1,7%	18,9%
8	FR1572015869	HERISSON	M	1972	1,6%	1,6%	20,5%
9	FR1575070574	LUPIN	M	1975	1,5%	1,5%	22,0%
10	FR1526045011	BEGUIN	M	2006	1,9%	1,5%	23,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	10,2
Consanguinité moyenne (%) sur 10 ans	2,9
Consanguinité moyenne (%) Pop Analysée	3,0
Consanguinité sur 3 générations* (%)	0,91
Parenté* (%)	1,3
Consanguinité des parents* (%)	2,4
Parentés des parents* (%)	0,9
Taille efficace (méthode Cervantès)	395
Taille efficace (méthode démographique)	13 644

* de la pop analysée

La consanguinité de la pop analysée apparait en vert si elle est inf. à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

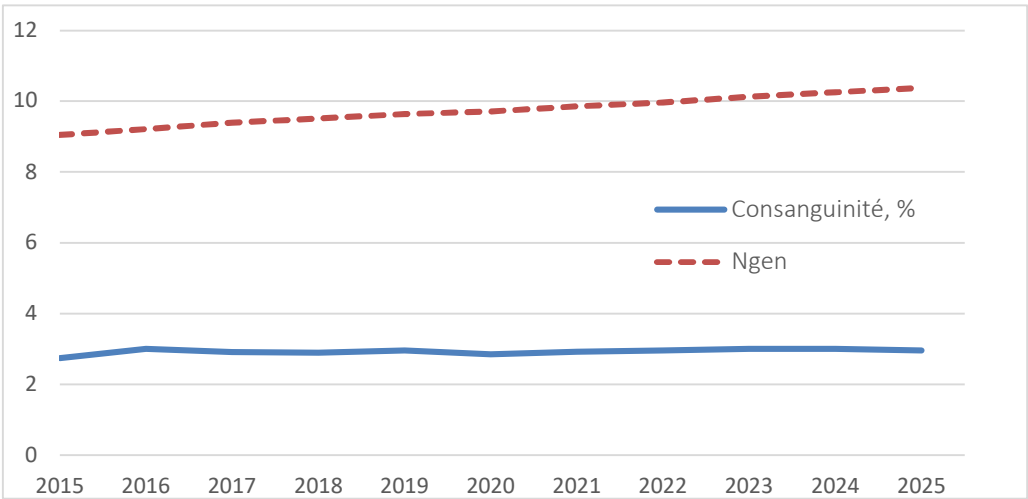
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	13,1%
entre 0 à 3,125% inclus	62,6%
entre 3,125% à 6,25% inclus	11,7%
entre 6,25% à 12,5% inclus	7,3%
entre 12,5% à 25% inclus	4,2%
plus de 25%	1,1%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	12,6%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,22



Collection
Résultats

Edité par :
I'Institut de l'Élevage
149 rue de Bercy
75595 Paris Cedex 12
www.idele.fr
Septembre 2026

Dépôt légal :
4e trimestre 2026
© Tous droits réservés
à l'Institut de l'Élevage
Réf. 0026 203 049
ISSN 1773-4738



Bilan de variabilité génétique à partir des données de généalogies – Races bovines allaitantes

Édition 2026

Chaque année, IDELE met à jour les indicateurs de variabilité génétique construit à partir des données de généalogies pour un certain nombre de races. Dans ce rapport, vous trouverez les races allaitantes suivantes : Aubrac, Blonde d'Aquitaine, Charolaise, Gasconne des Pyrénées, Limousine, Parthenaise, Rouge des Prés et Salers.

Contact :
stephanie.minery@idele.fr

Septembre 2026
Réf. 0026 203 049
ISSN 1773-4738

www.idele.fr

