

BAZADAISE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

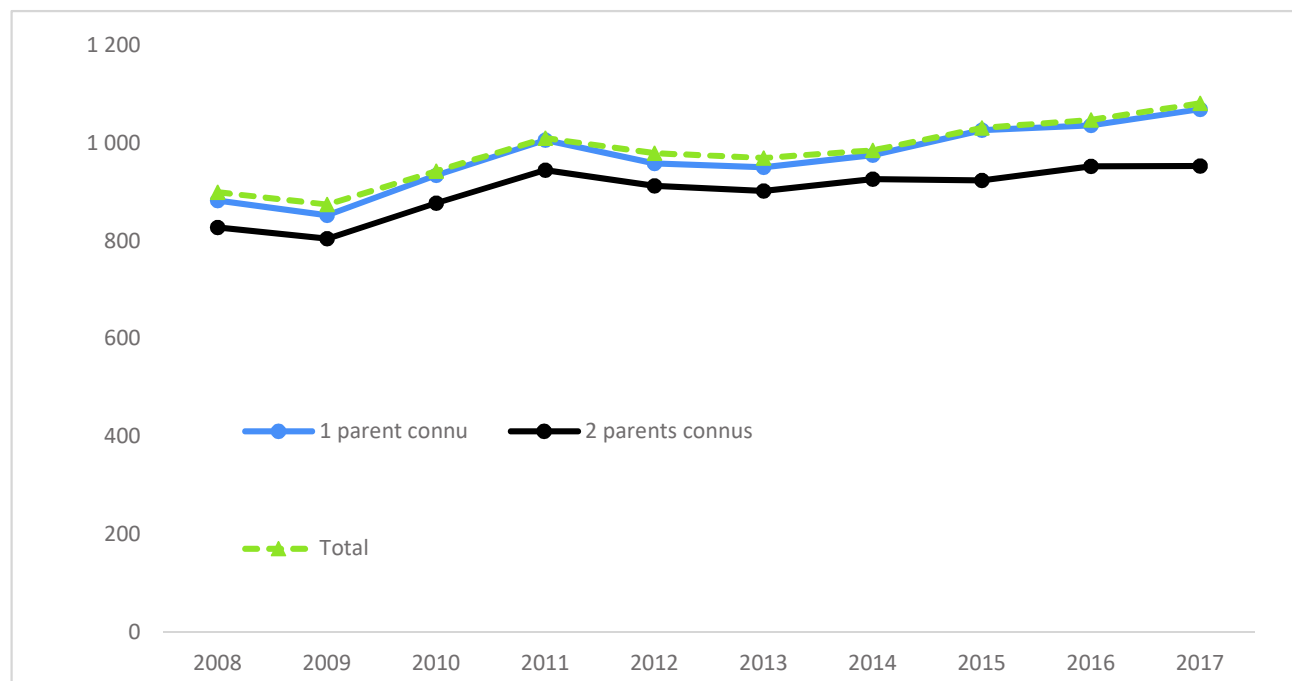
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	4 148	27
Nb pères différents	202	25
Nb max de descendants par père	192	2
Nb grands-pères paternels différents	92	25
Nb max de descendants par GPP	280	2
Nb mères différentes	2 692	26
Nb max de descendants par mère	5	2
Nb grands-pères maternels différents	323	25
Nb max de descendants par GPM	157	4
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 758	27

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 91%

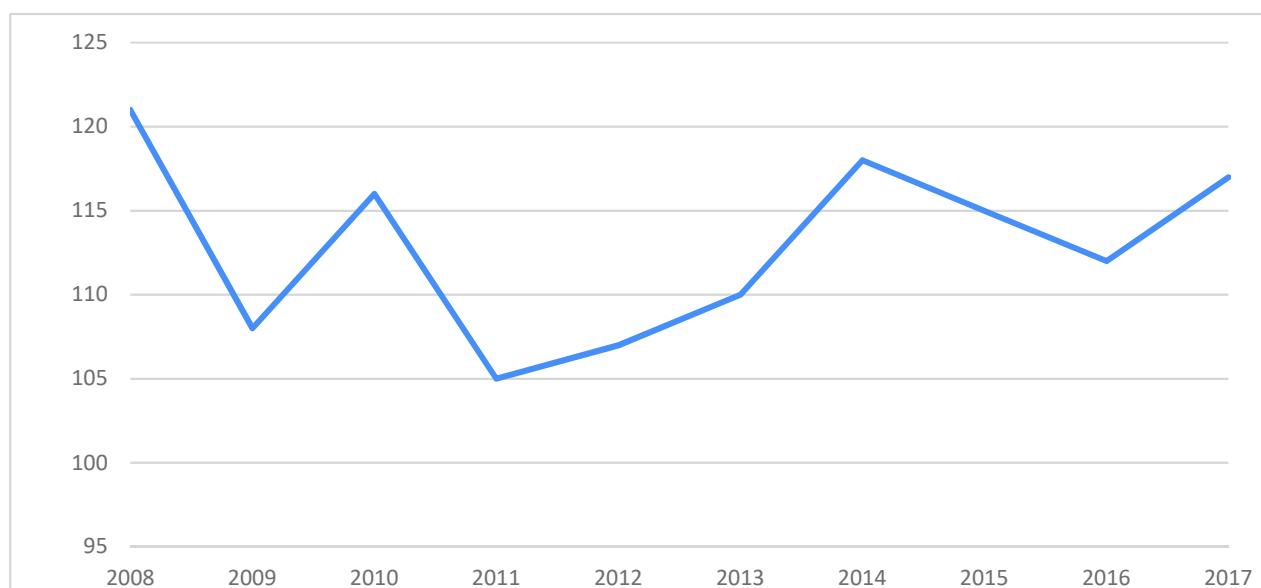
% femelles issues IA 23

Evolution de la population femelle

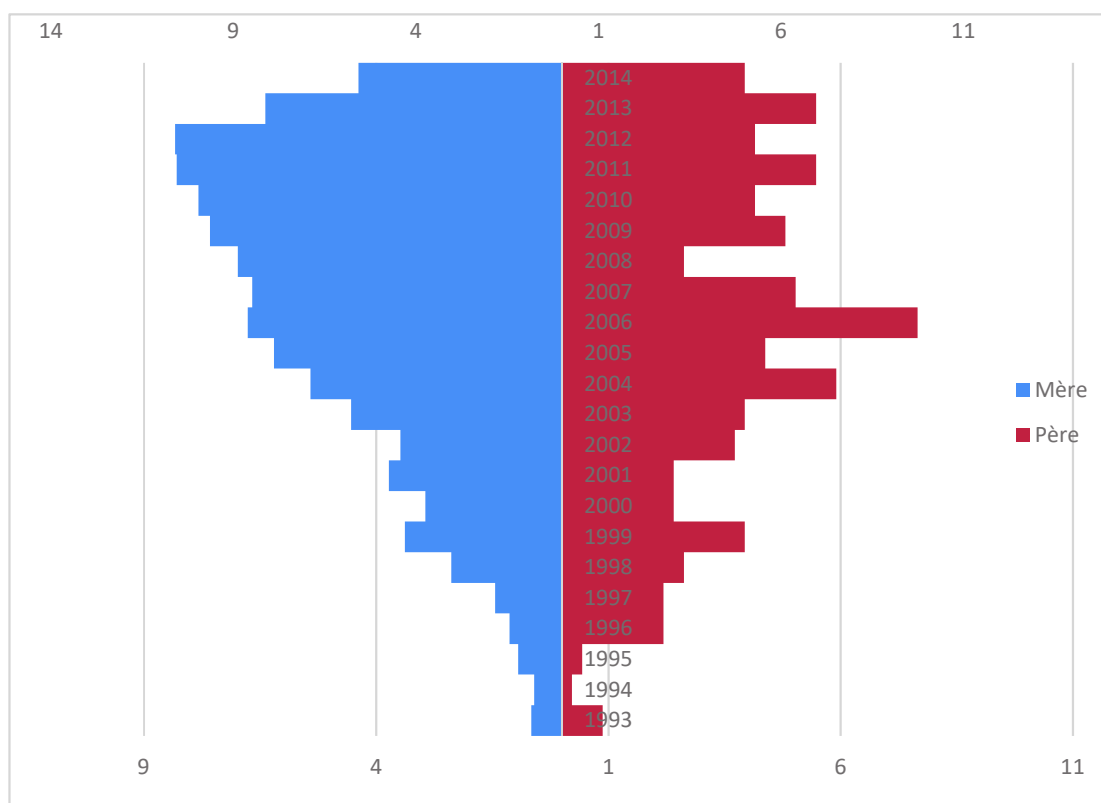
Croissance démographique ● 9

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

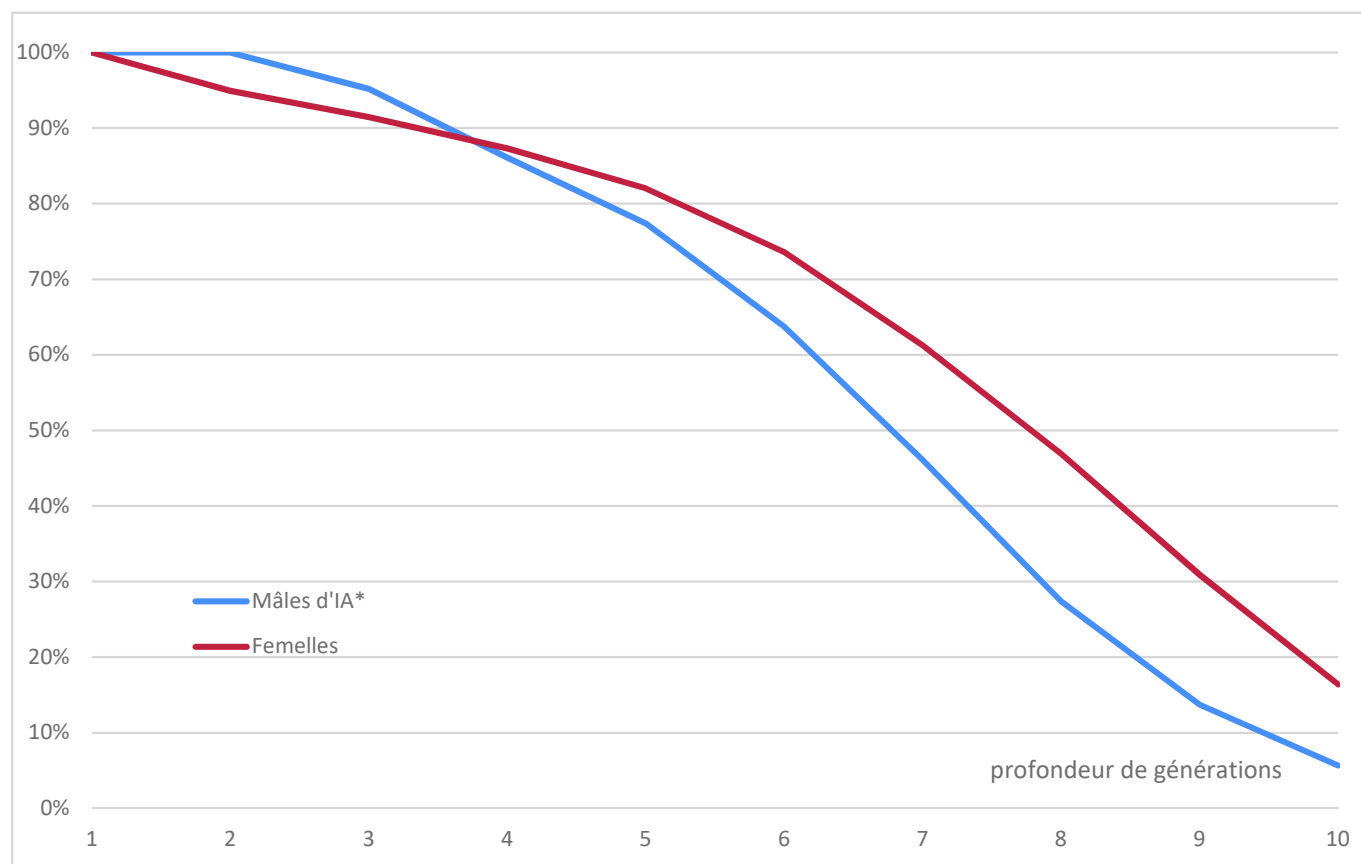
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,0
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	7,8
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	6,6
Moyenne 4 voies	6,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	3 757	27
Nb moyen de générations remontées	6,9	6,2
Nb moyen d'ancêtres connus	875	417
Nb maximum de générations remontées	16	14

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	1 116
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	106
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	47
Ratio Ae/Fe	44,4%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	7,0%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	18

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR4071049215	GALOPIN	M	1971	7,0%	7,0%	7,0%
2	FRoBD001967C	CONSCRIT	M	1967	6,5%	6,5%	13,5%
3	FRoBD001630C	BAYARD DE	M	1965	4,6%	4,6%	18,1%
4	FR6504132224	TALON	M	2002	5,1%	3,7%	21,7%
5	FR6411878534	CESAR	M	2007	4,1%	3,4%	25,2%
6	FR3330056508	BENGAL	M	2006	3,7%	3,1%	28,2%
7	FR4079015704	PIERROT	M	1979	3,0%	2,8%	31,1%
8	FR3390015165	FRIQUET	M	1990	3,1%	2,8%	33,8%
9	FR4085011004	ABEL	M	1985	2,5%	2,5%	36,3%
10	FR4071049342	GASPARD	M	1971	2,9%	2,4%	38,8%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,9
Consanguinité moyenne (%)	2,0
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,8
Parenté (%)	2,2
Consanguinité des parents (%)	1,5
Parentés des parents (%)	1,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	154
Taille efficace (méthode démographique)	752

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

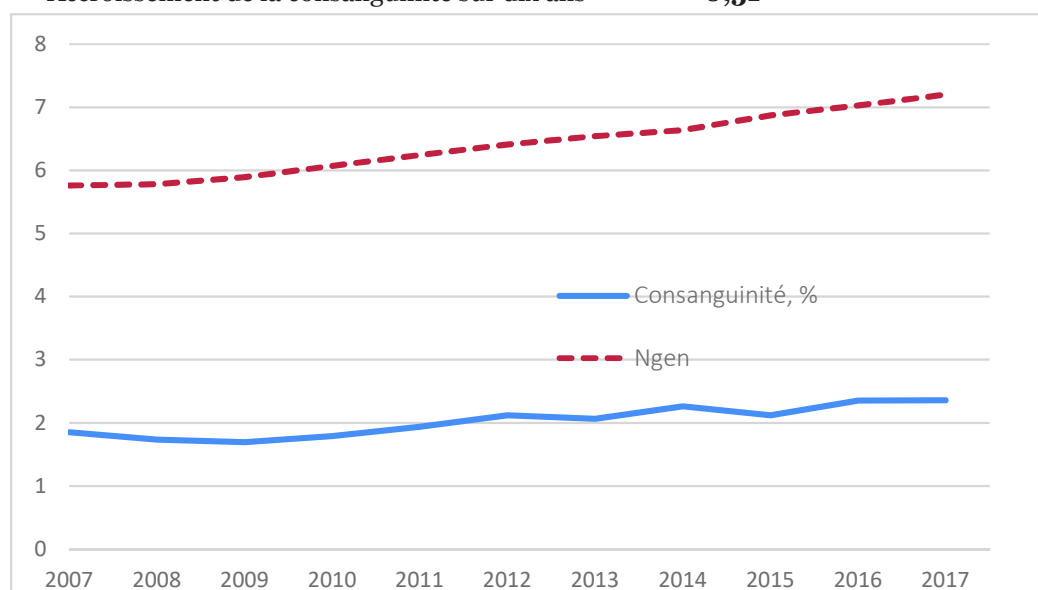
0% de consanguinité	10,1%
entre 0 à 3,125% inclus	77,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	7,7%
entre 6,25% à 12,5% inclus	2,7%
entre 12,5% à 25% inclus	1,4%
plus de 25%	1,2%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **5,3%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,51



BLANC BLEU**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

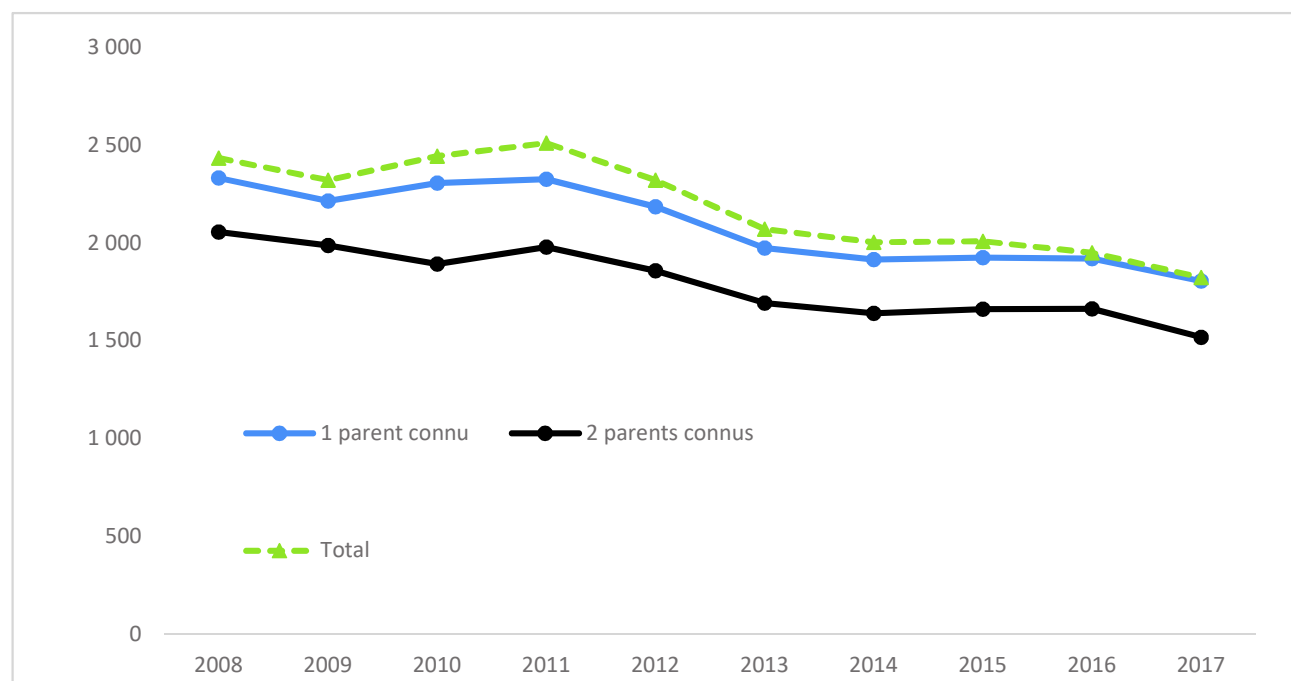
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	7 789	225
Nb pères différents	450	128
Nb max de descendants par père	238	8
Nb grands-pères paternels différents	189	87
Nb max de descendants par GPP	492	15
Nb mères différentes	5 687	214
Nb max de descendants par mère	13	3
Nb grands-pères maternels différents	586	87
Nb max de descendants par GPM	414	9
Nb d'animaux avec deux parents connus	6 487	225

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 83%

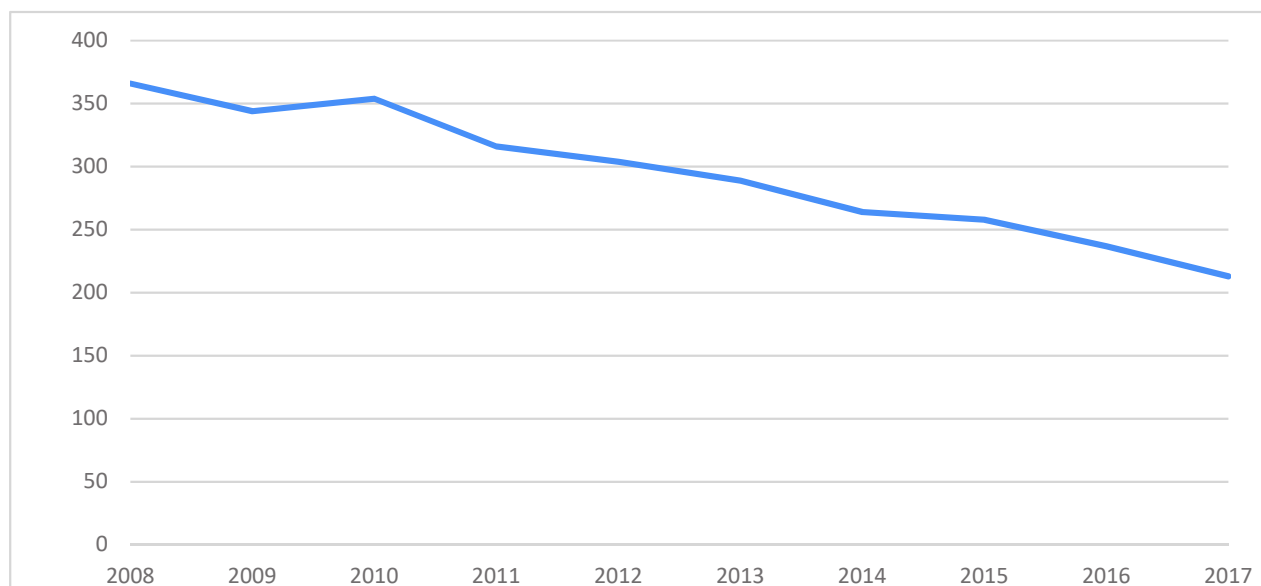
% femelles issues IA 56

Evolution de la population femelle

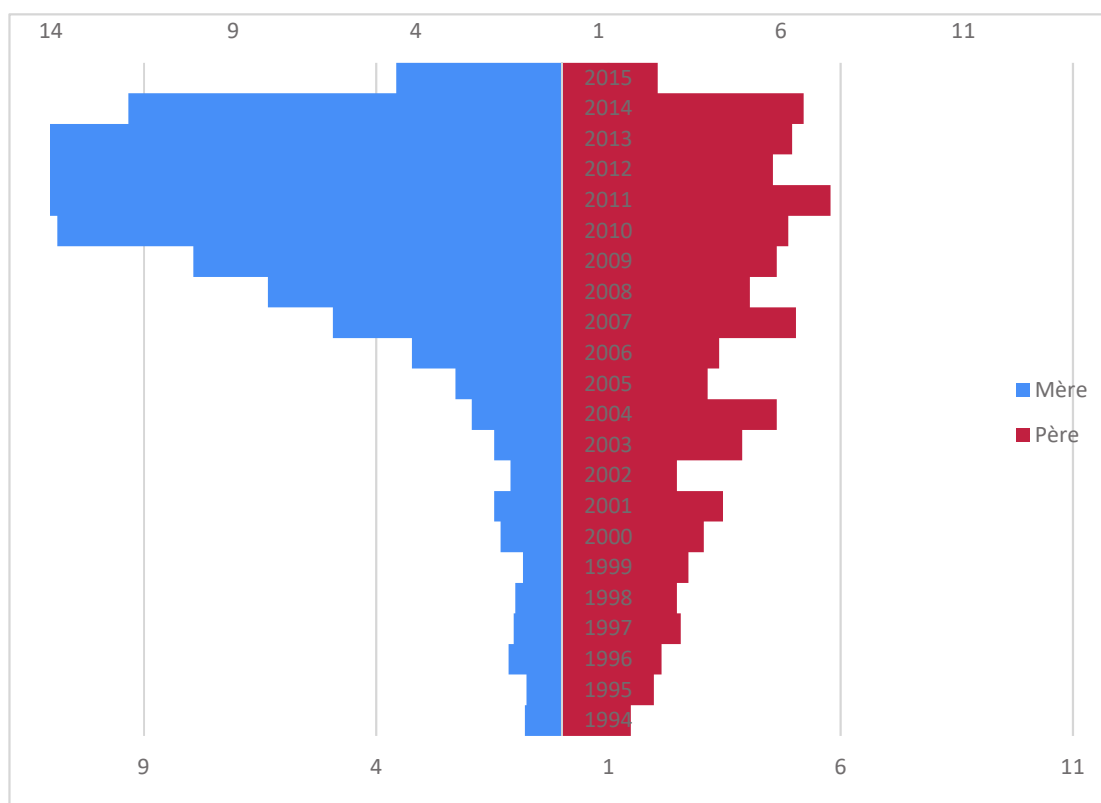
Croissance démographique ●-18

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

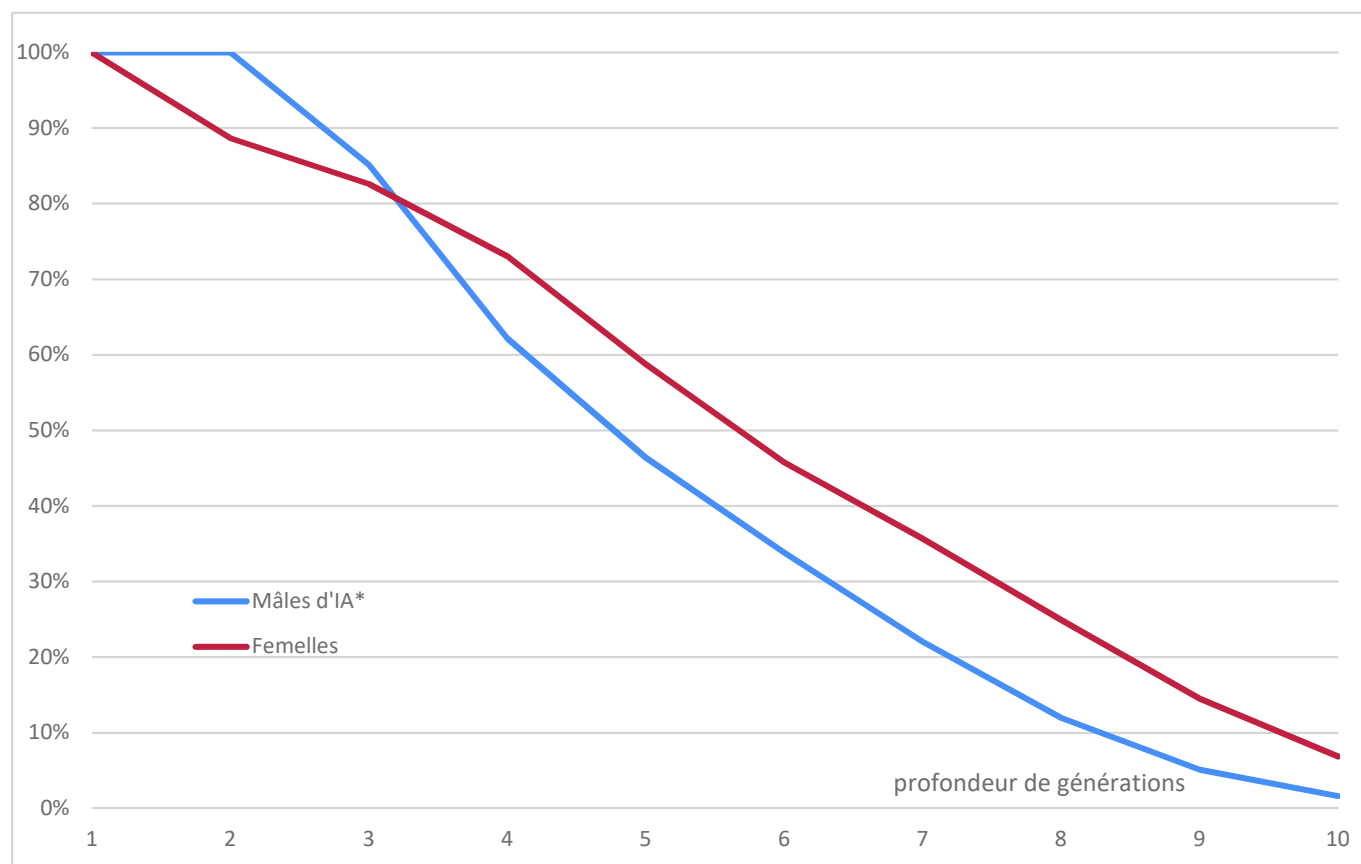
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,2
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,1
Moyenne 4 voies	4,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	6 439	225
Nb moyen de générations remontées	5,3	4,7
Nb moyen d'ancêtres connus	457	169
Nb maximum de générations remontées	24	14

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	10 529
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	152
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	62
Ratio Ae/Fe	41,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,7%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	27

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	BE160620310	EMPIRE	M	2003	5,7%	5,7%	5,7%
2	FRB856016210	OPTICIEN	M	1985	5,6%	5,3%	10,9%
3	FRB869000050	GALOPEUR	M	1984	5,2%	4,8%	15,8%
4	FRB949017900	FAUSTO	M	1994	4,2%	4,2%	19,9%
5	FRB966022050	ARTABAN	M	1996	3,3%	3,1%	23,0%
6	BE000460782801	PANACHE	M	2008	3,2%	2,6%	25,6%
7	BE000726549605	BENHUR	M	2009	3,3%	2,5%	28,1%
8	BE000260657802	GERMINAL	M	2004	3,5%	2,5%	30,6%
9	BE000455118727	HUMAINE	F	2004	2,7%	2,2%	32,8%
10	FRB936012930	BRUEGEL	M	1993	2,9%	1,8%	34,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,3
Consanguinité moyenne (%)	1,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,3
Parenté (%)	1,6
Consanguinité des parents (%)	0,9
Parentés des parents (%)	1,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	172
Taille efficace (méthode démographique)	1 668

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

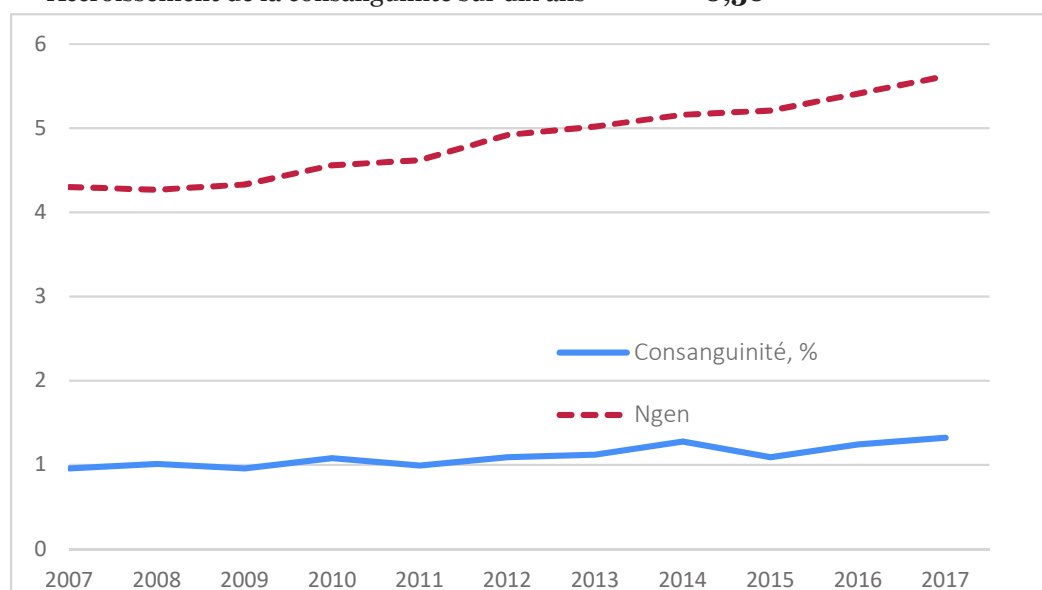
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	28,9%
entre 0 à 3,125% inclus	64,6%
entre 3,125% à 6,25% inclus	5,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,0%
entre 12,5% à 25% inclus	0,4%
plus de 25%	0,1%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **1,5%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,36

BLEUE DU NORD**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

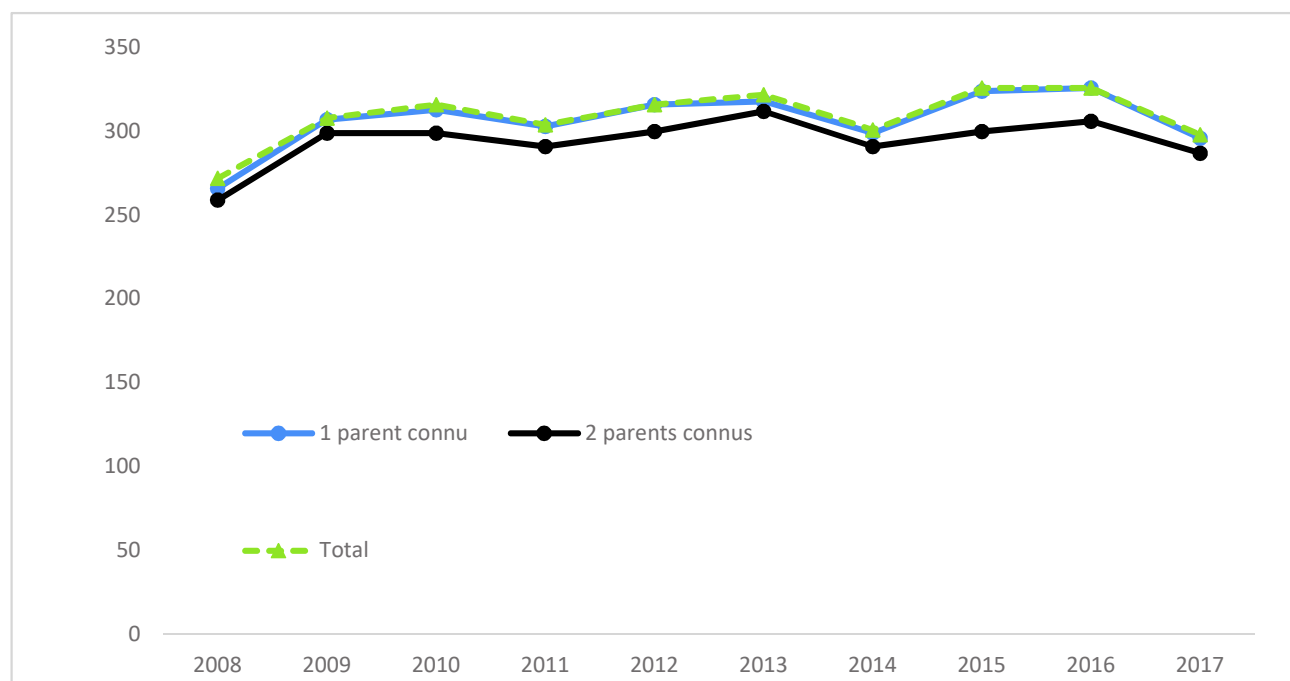
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	1 251	42
Nb pères différents	70	37
Nb max de descendants par père	103	3
Nb grands-pères paternels différents	48	31
Nb max de descendants par GPP	162	5
Nb mères différentes	839	40
Nb max de descendants par mère	5	2
Nb grands-pères maternels différents	68	31
Nb max de descendants par GPM	111	4
Nb d'animaux avec deux parents connus	1 184	42

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 95%

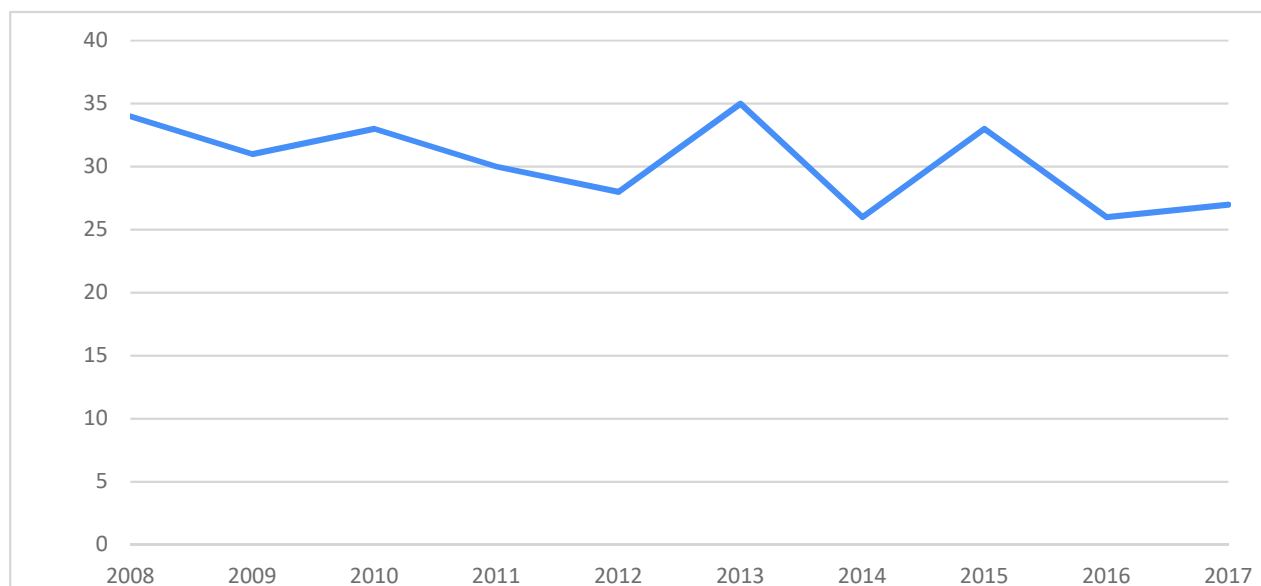
% femelles issues IA 70

Evolution de la population femelle

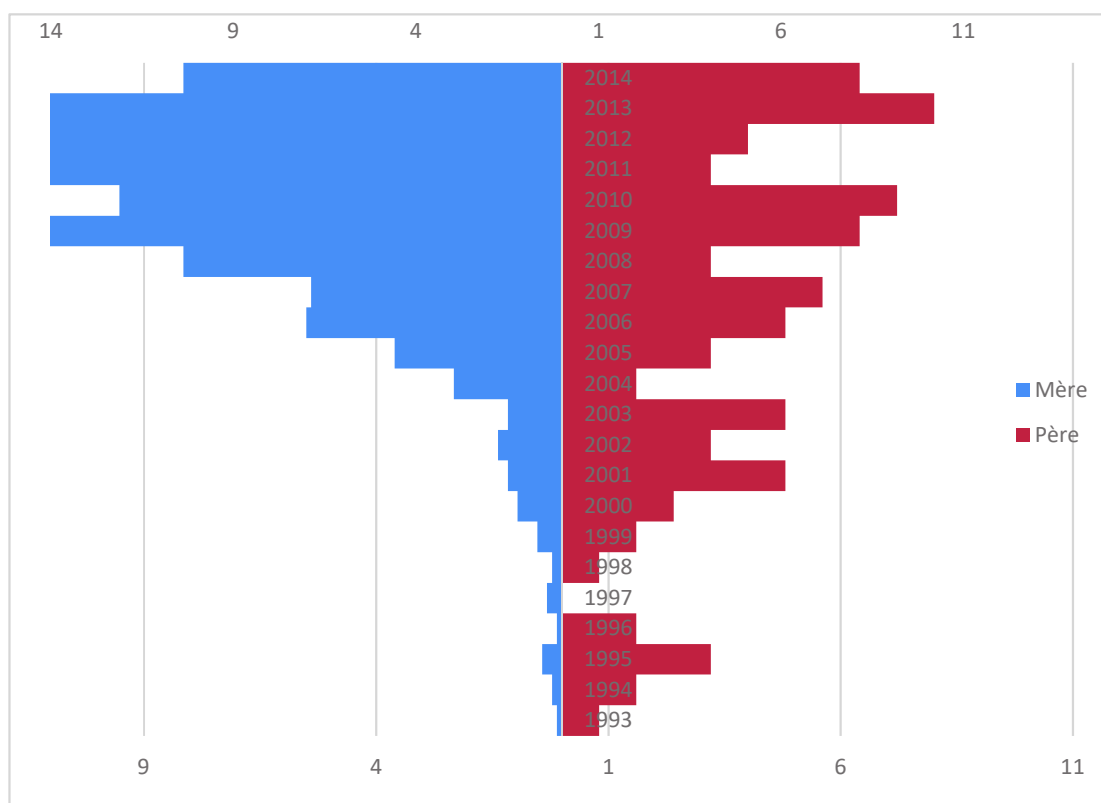
Croissance démographique ●4

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

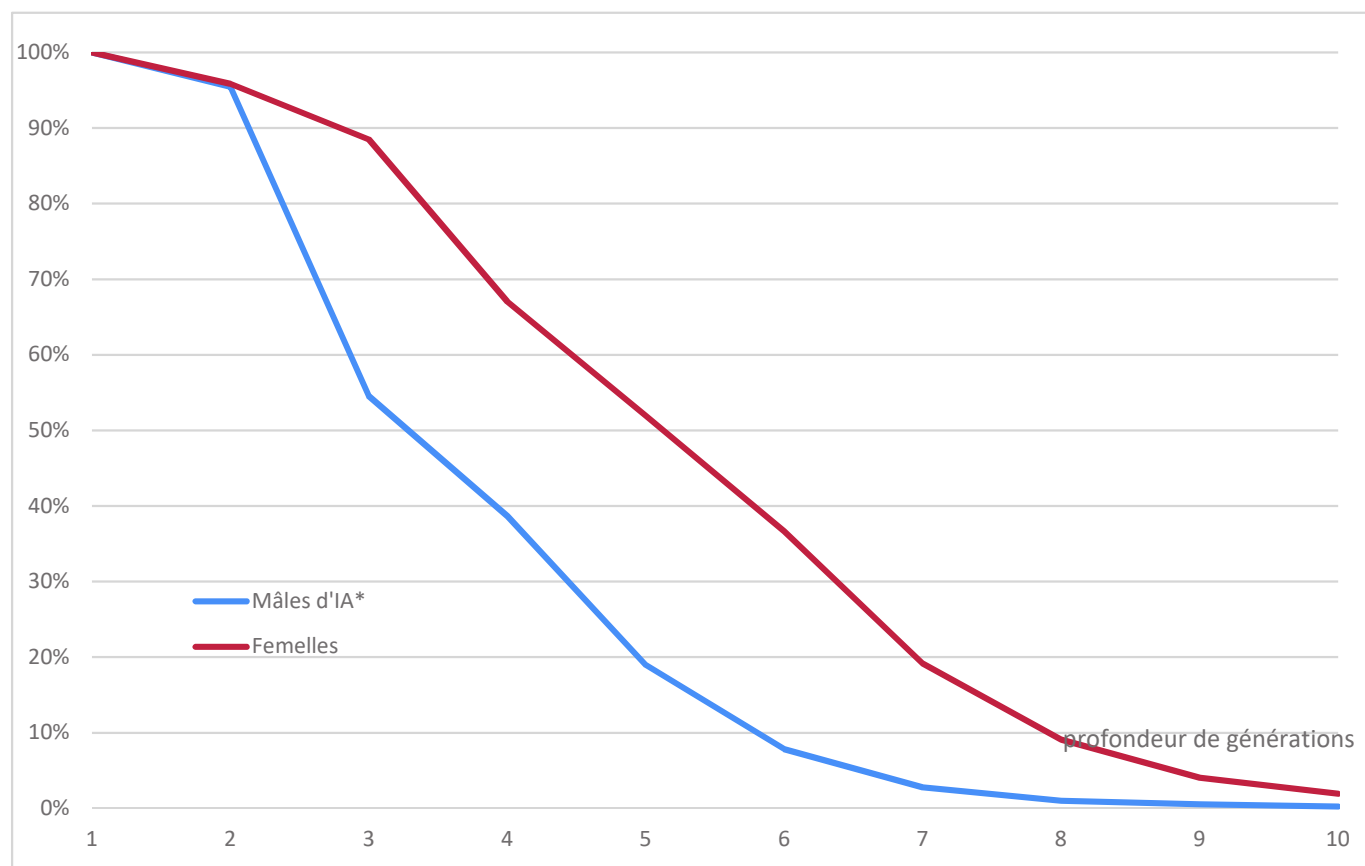
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	8,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,9
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,1
Moyenne 4 voies	6,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	1 173	42
Nb moyen de générations remontées	4,8	3,2
Nb moyen d'ancêtres connus	210	41
Nb maximum de générations remontées	18	13

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	1 593
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	119
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	40
Ratio Ae/Fe	33,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	6,5%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	14

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR5995017061	LEO	M	1995	6,5%	6,5%	6,5%
2	FRB892031950	JULES	M	1989	5,1%	5,1%	11,6%
3	BE000910993102	GEMBER	M	2011	4,5%	4,5%	16,1%
4	FR5925961756	ULYSSE	M	2003	4,5%	4,5%	20,6%
5	FR5925880987	TAPIOCA	M	2002	4,3%	4,3%	24,9%
6	BE000710333045	FAVANE	M	2010	4,2%	4,2%	29,1%
7	BE000125888788	WILLY	M	2003	5,0%	3,8%	32,9%
8	BE725978101	GUIDO	M	2006	3,6%	3,6%	36,5%
9	BE000610000790	ELOY	M	2009	3,2%	3,2%	39,7%
10	FRB992001520	SIRE	M	1999	2,9%	2,9%	42,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	4,8
Consanguinité moyenne (%)	1,0
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,5
Parenté (%)	2,1
Consanguinité des parents (%)	0,7
Parentés des parents (%)	1,5
Taille efficace (méthode Cervantès)	111
Taille efficace (méthode démographique)	258

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

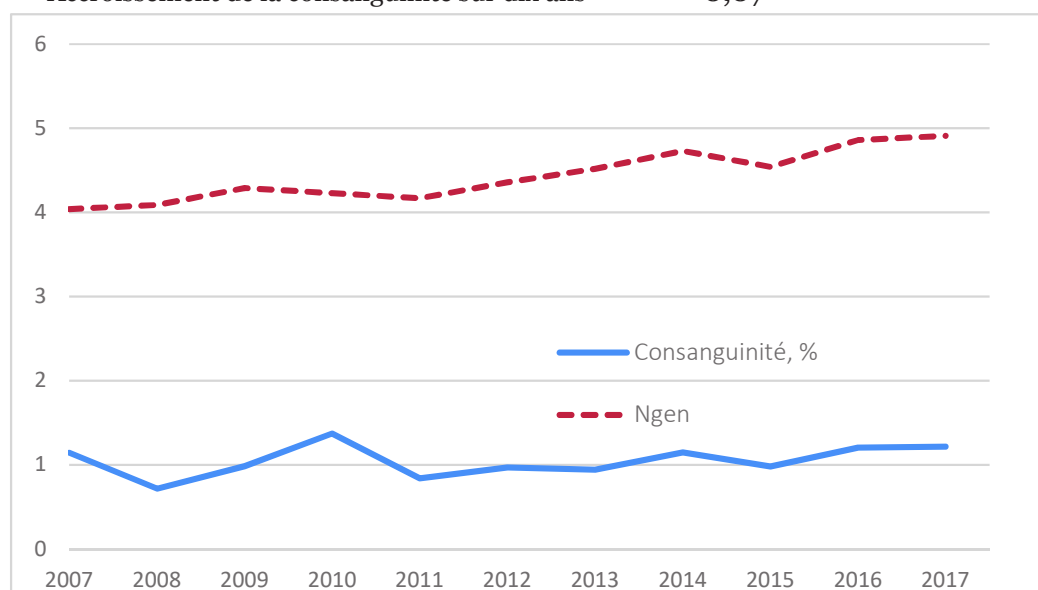
0% de consanguinité	42,0%
entre 0 à 3,125% inclus	50,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	4,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,9%
entre 12,5% à 25% inclus	1,0%
plus de 25%	0,5%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 3,4%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,07



BRETONNE PIE NOIRE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

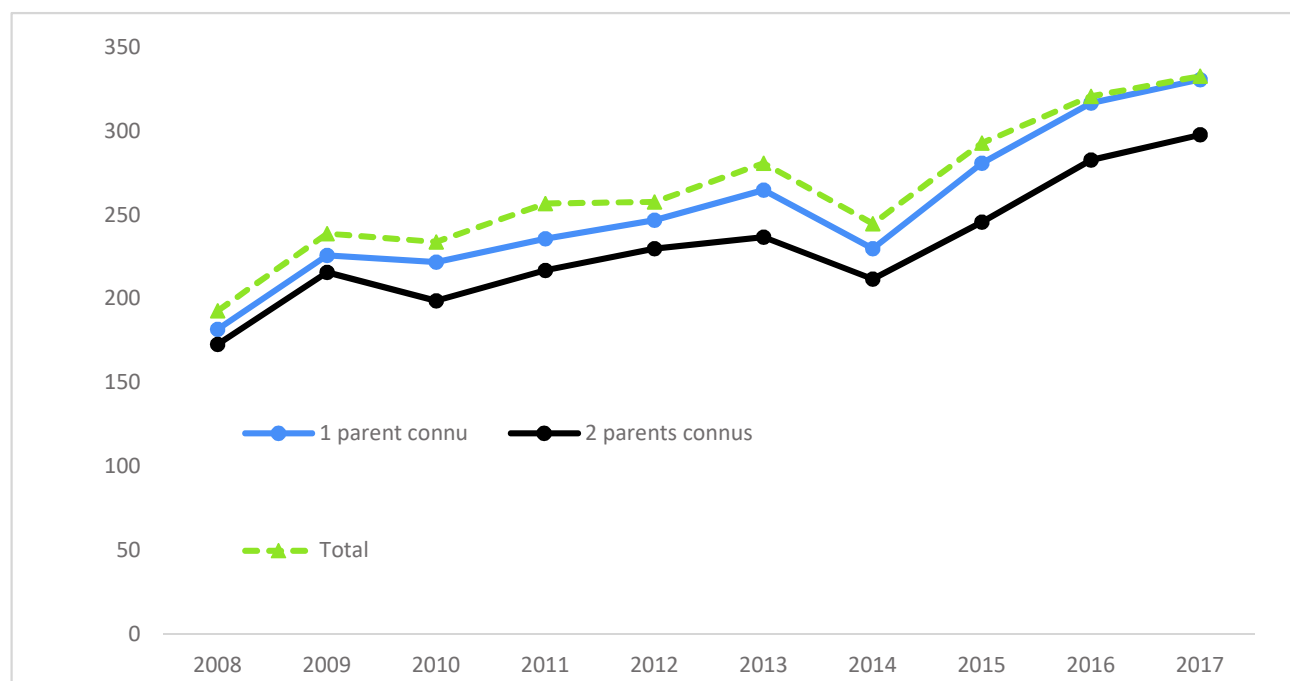
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	1 192	33
Nb pères différents	74	22
Nb max de descendants par père	73	3
Nb grands-pères paternels différents	42	18
Nb max de descendants par GPP	117	4
Nb mères différentes	782	32
Nb max de descendants par mère	5	2
Nb grands-pères maternels différents	62	18
Nb max de descendants par GPM	77	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	1 039	33

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 87%

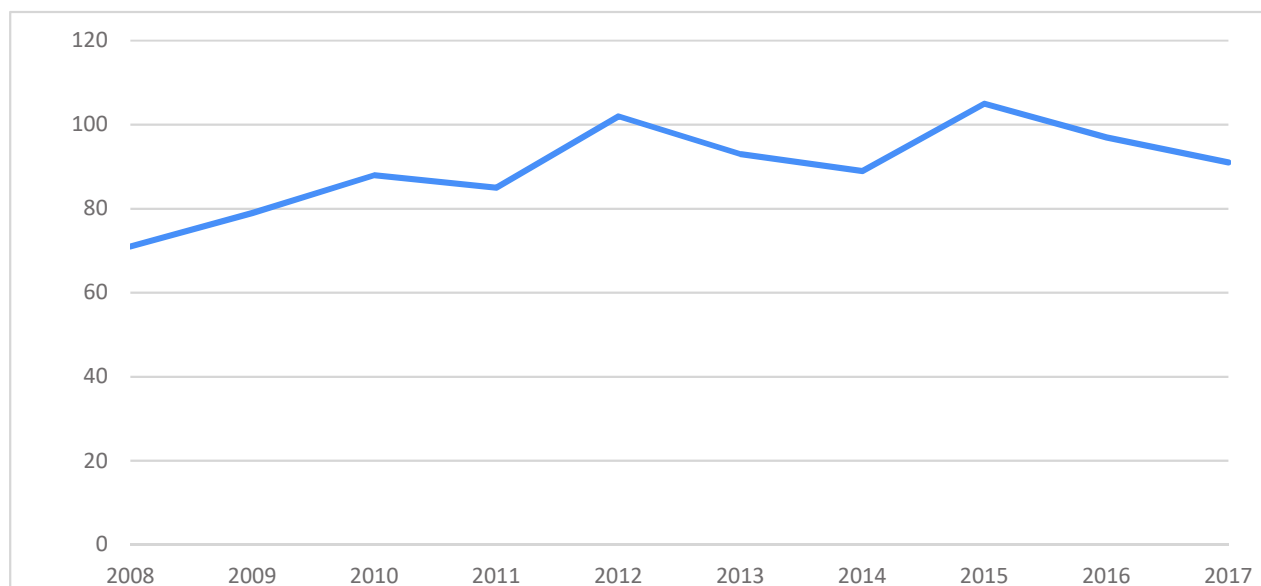
% femelles issues IA 68

Evolution de la population femelle

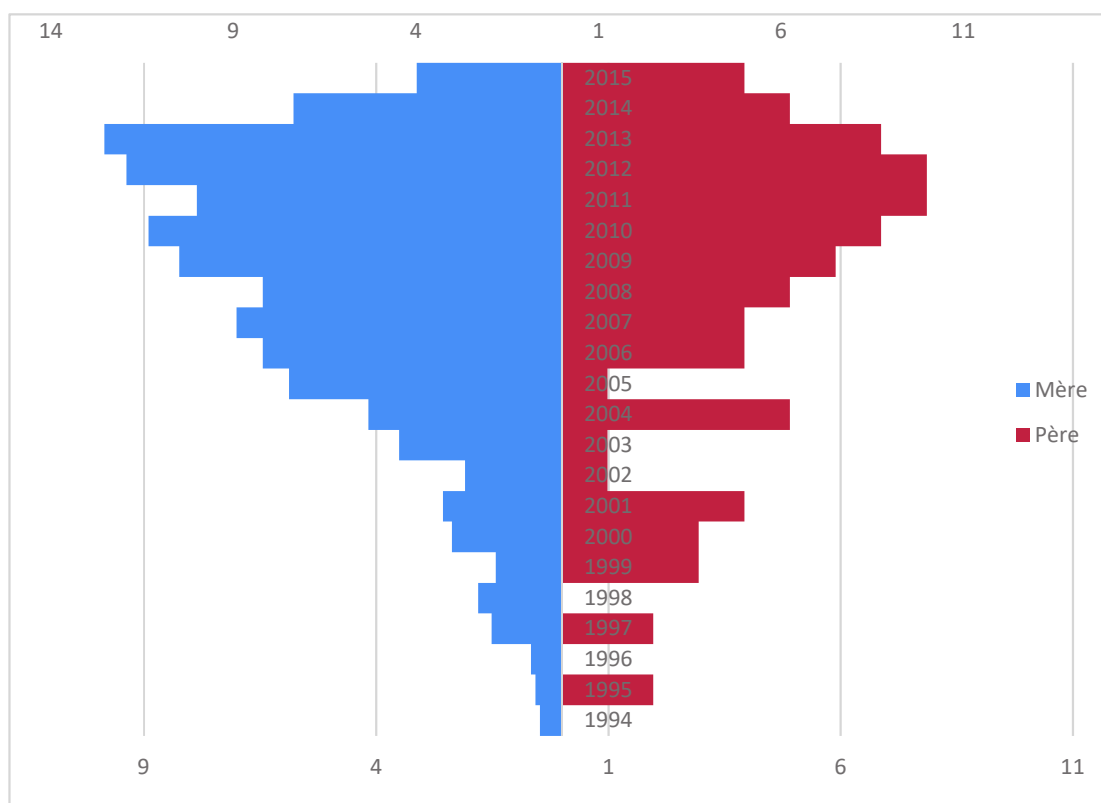
Croissance démographique ● 25

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

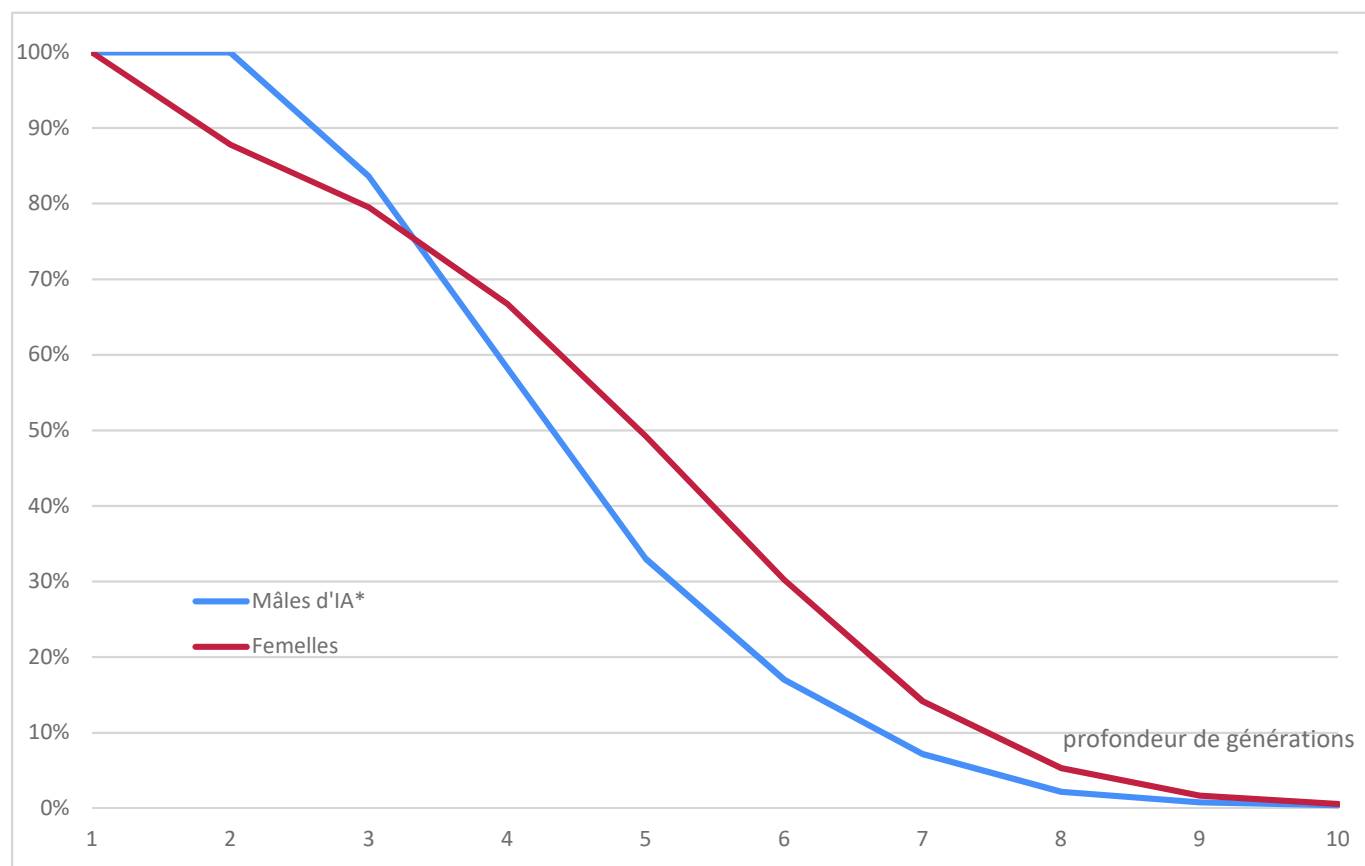
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	18,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	12,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,7
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,7
Moyenne 4 voies	10,3

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	1 038	33
Nb moyen de générations remontées	4,4	4,0
Nb moyen d'ancêtres connus	126	76
Nb maximum de générations remontées	20	15

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	778
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	42
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	26
Ratio Ae/Fe	61,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	8,2%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	9

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR0000001023	BAMBI 45	M	1965	8,2%	8,2%	8,2%
2	FR2978009836	OISIF	M	1978	7,7%	7,7%	16,0%
3	FR00000030309	POUF	M	1957	6,8%	6,8%	22,8%
4	FR2977013954	NARZAN	M	1977	6,7%	6,7%	29,5%
5	FR00000019856	NERON	M	1956	5,9%	5,9%	35,4%
6	FR2971009315	HAZUR	M	1971	5,6%	5,6%	40,9%
7	FR0000000042	RATIBUS	M	1959	4,6%	4,6%	45,5%
8	FR5671164672	ECREMEUSE	F	1973	4,1%	4,1%	49,6%
9	FR00000000191	SANCHO	M	1960	3,5%	3,5%	53,1%
10	FR2985044942	ACTIF	M	1985	6,2%	3,1%	56,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	4,4
Consanguinité moyenne (%)	2,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	1,3
Parenté (%)	3,8
Consanguinité des parents (%)	1,9
Parentés des parents (%)	2,7
Taille efficace (méthode Cervantès)	59
Taille efficace (méthode démographique)	270

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

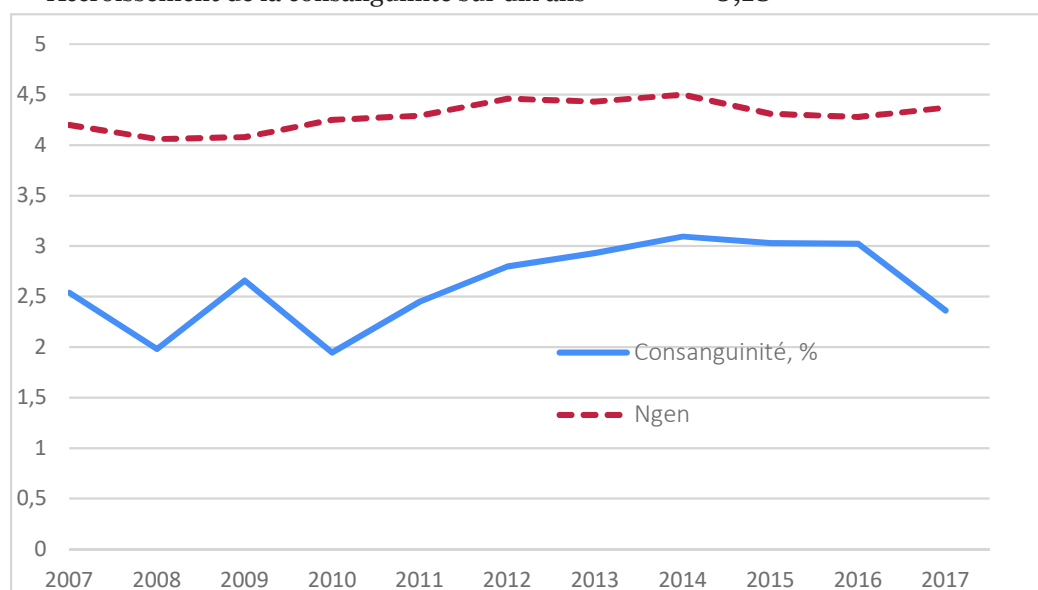
0% de consanguinité	26,6%
entre 0 à 3,125% inclus	50,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	15,2%
entre 6,25% à 12,5% inclus	4,6%
entre 12,5% à 25% inclus	2,5%
plus de 25%	1,1%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 8,2%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-0,18



HEREFORD**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

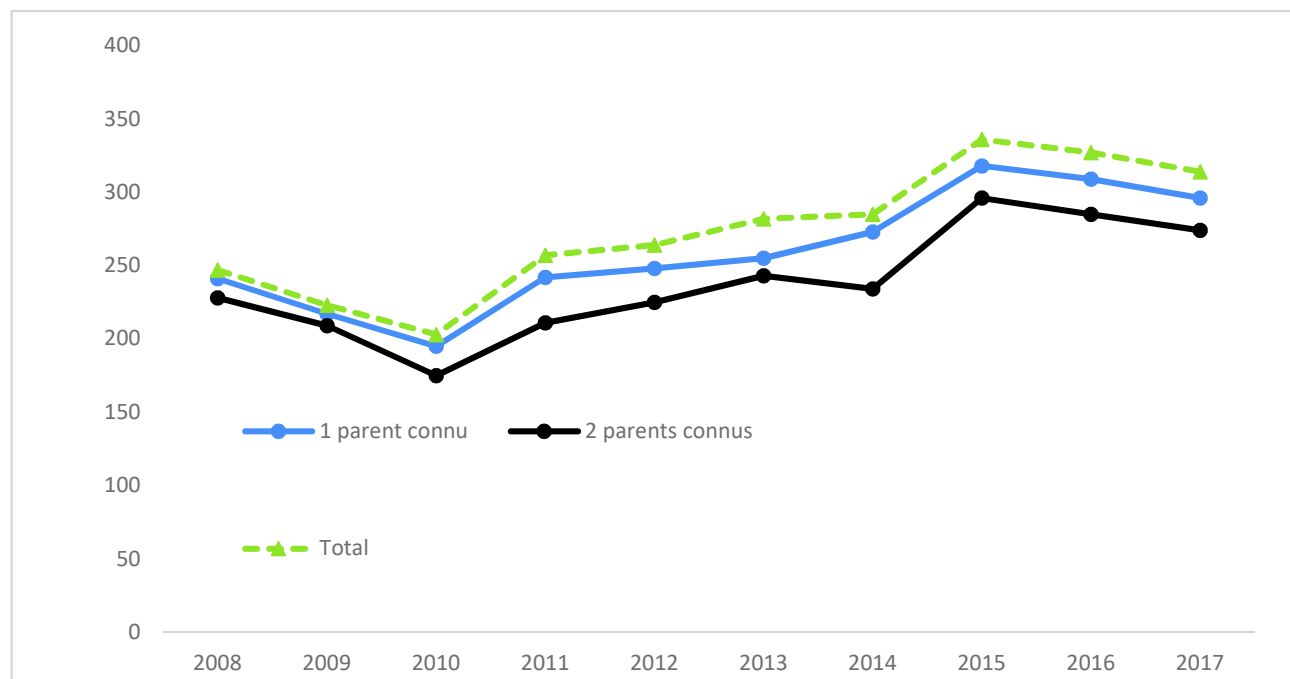
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	1 262	12
Nb pères différents	121	12
Nb max de descendants par père	69	1
Nb grands-pères paternels différents	82	12
Nb max de descendants par GPP	135	1
Nb mères différentes	785	12
Nb max de descendants par mère	5	1
Nb grands-pères maternels différents	176	12
Nb max de descendants par GPM	73	2
Nb d'animaux avec deux parents connus	1 089	12

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 86%

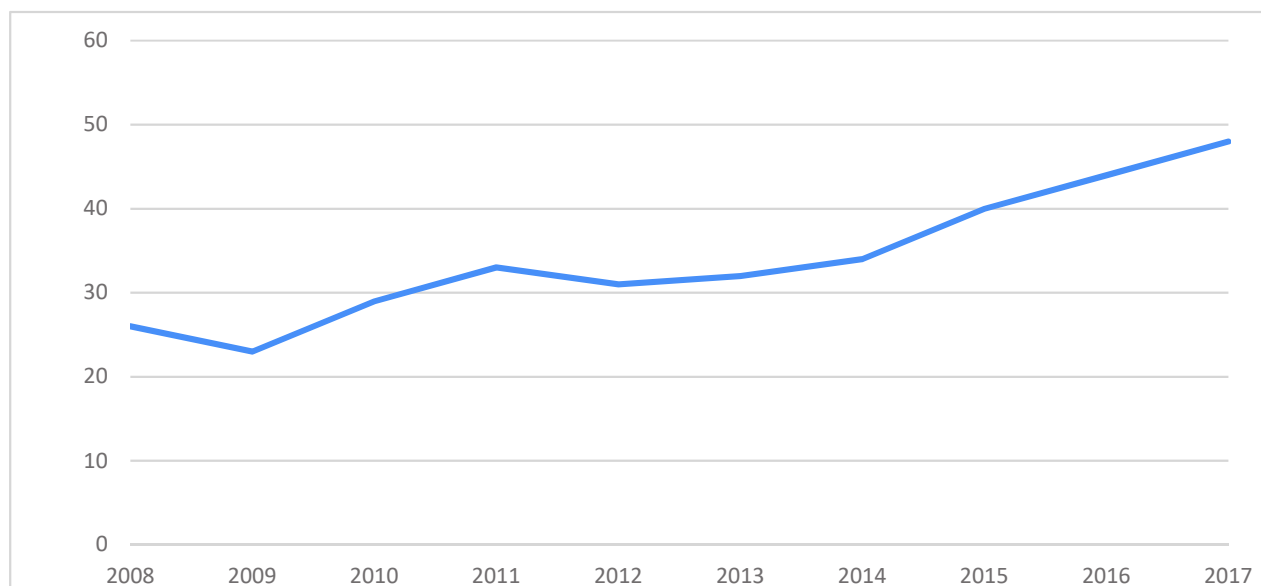
% femelles issues IA 3

Evolution de la population femelle

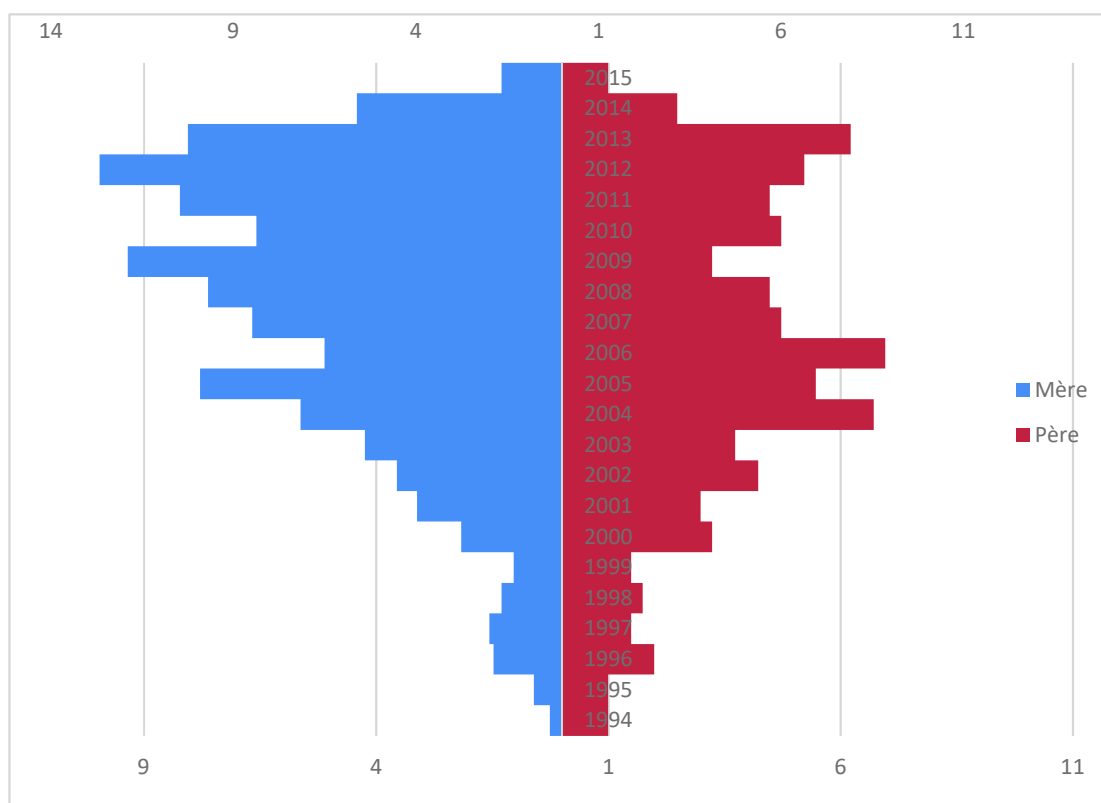
Croissance démographique ● 29

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

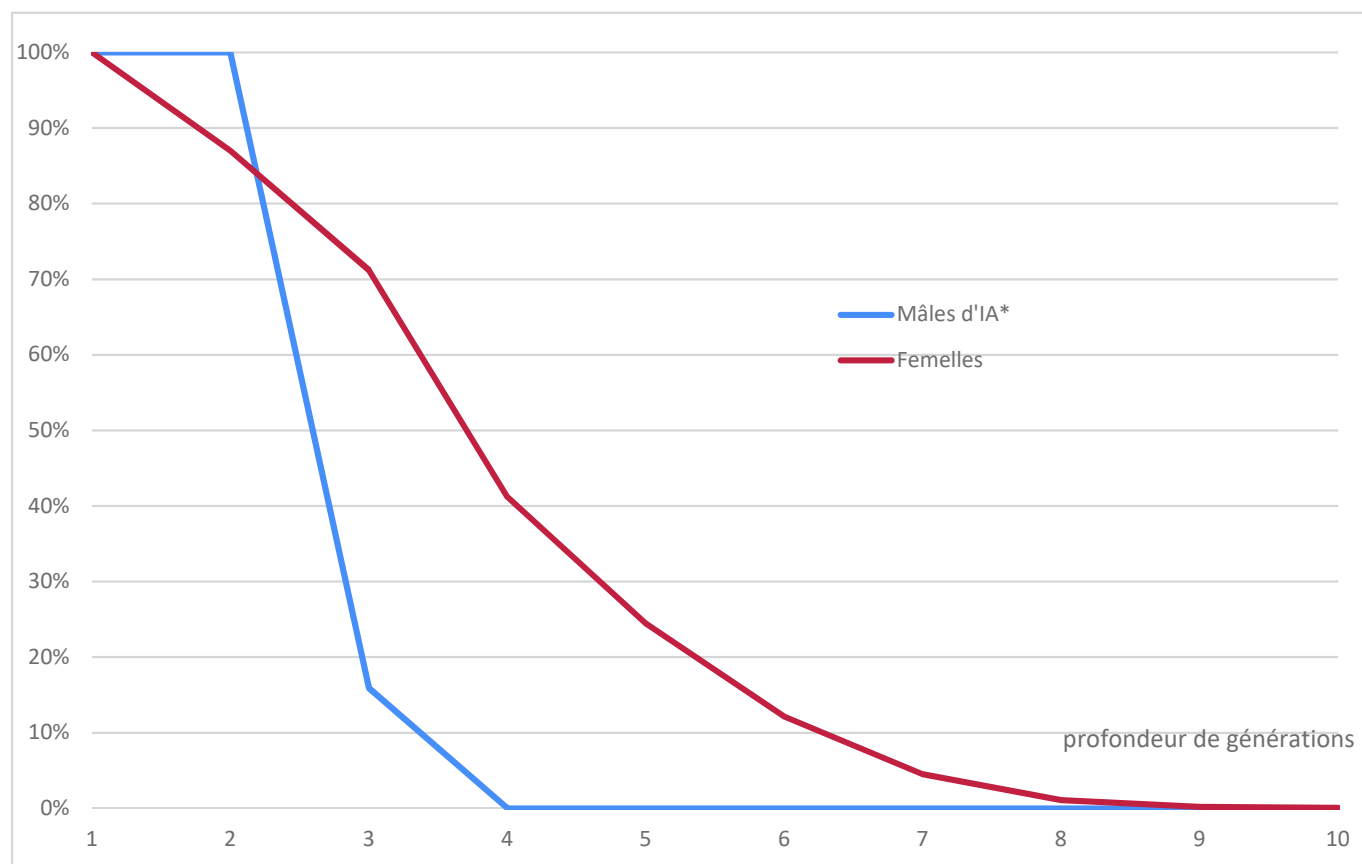
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	4,7
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,2
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,7
Moyenne 4 voies	5,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	1 088	12
Nb moyen de générations remontées	3,4	2,2
Nb moyen d'ancêtres connus	47	7
Nb maximum de générations remontées	18	3

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	1 014
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	168
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	91
Ratio Ae/Fe	54,4%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	3,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	32

**Détail des ancêtres les plus importants
de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	UK261626500895	EDGE	M	2007	3,9%	3,9%	3,9%
2	UK301116400823	JUPITER	M	2011	3,3%	3,3%	7,2%
3	UK301116700875	JACK FROST	M	2011	2,5%	2,5%	9,7%
4	FR2307296134	DIAMANT	M	2008	2,4%	2,4%	12,1%
5	UK263027500239	EARL	M	2007	2,4%	2,4%	14,5%
6	UK301116100813	HURST	M	2011	2,1%	2,1%	16,6%
7	FR5393095832	IMMENSE	M	1993	2,1%	2,1%	18,7%
8	UK306142500656		M	2010	2,0%	2,0%	20,6%
9	UK263027400189	CRACKER	M	2002	1,8%	1,8%	22,5%
10	FR2350681054	FLASH	M	2010	1,8%	1,8%	24,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	3,4
Consanguinité moyenne (%)	0,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,7
Parenté (%)	0,8
Consanguinité des parents (%)	0,5
Parentés des parents (%)	0,5
Taille efficace (méthode Cervantès)	217
Taille efficace (méthode démographique)	419

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

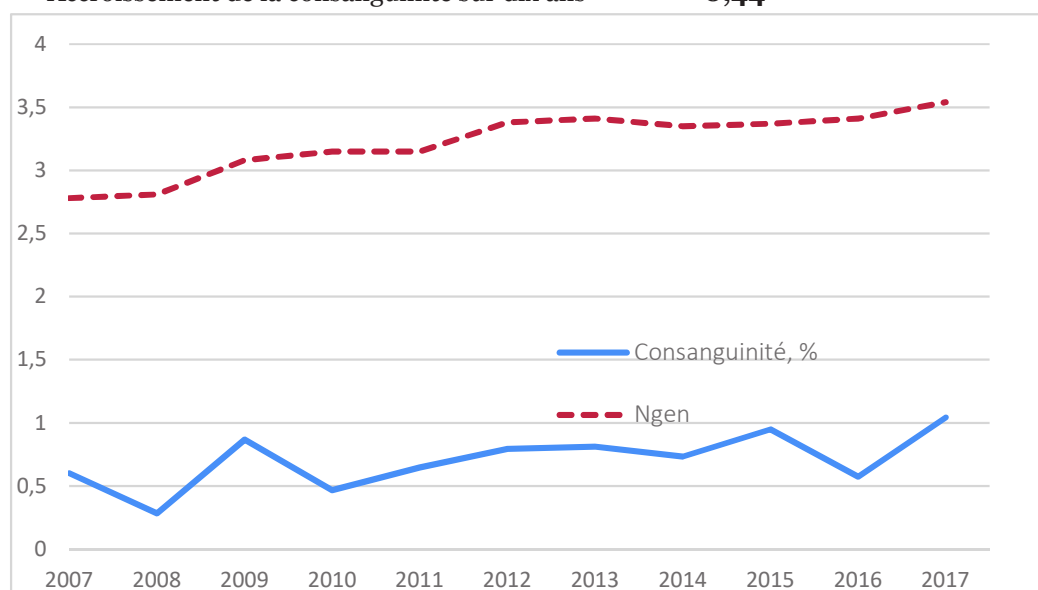
0% de consanguinité	77,4%
entre 0 à 3,125% inclus	18,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	1,7%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,2%
entre 12,5% à 25% inclus	1,3%
plus de 25%	0,4%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **2,9%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,44



ROUGE FLAMANDE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

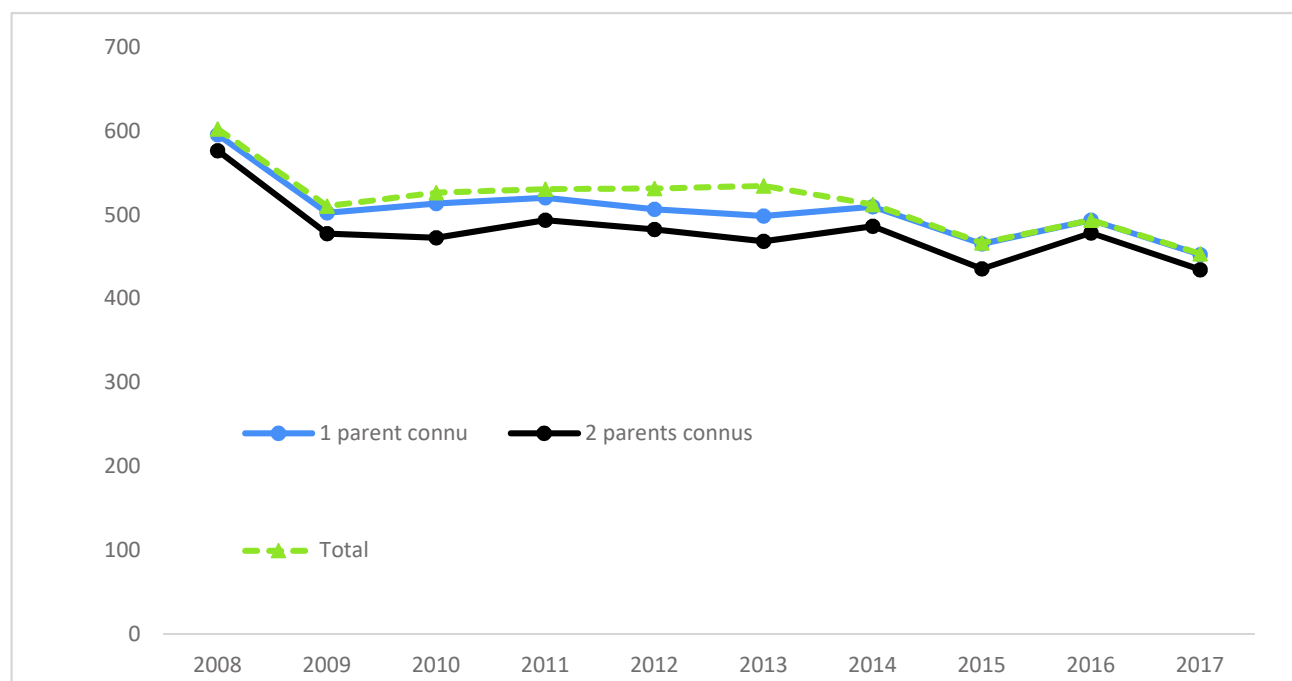
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	1 896	60
Nb pères différents	91	55
Nb max de descendants par père	167	2
Nb grands-pères paternels différents	68	46
Nb max de descendants par GPP	174	3
Nb mères différentes	1 370	57
Nb max de descendants par mère	5	2
Nb grands-pères maternels différents	94	46
Nb max de descendants par GPM	114	4
Nb d'animaux avec deux parents connus	1 810	60

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 94%

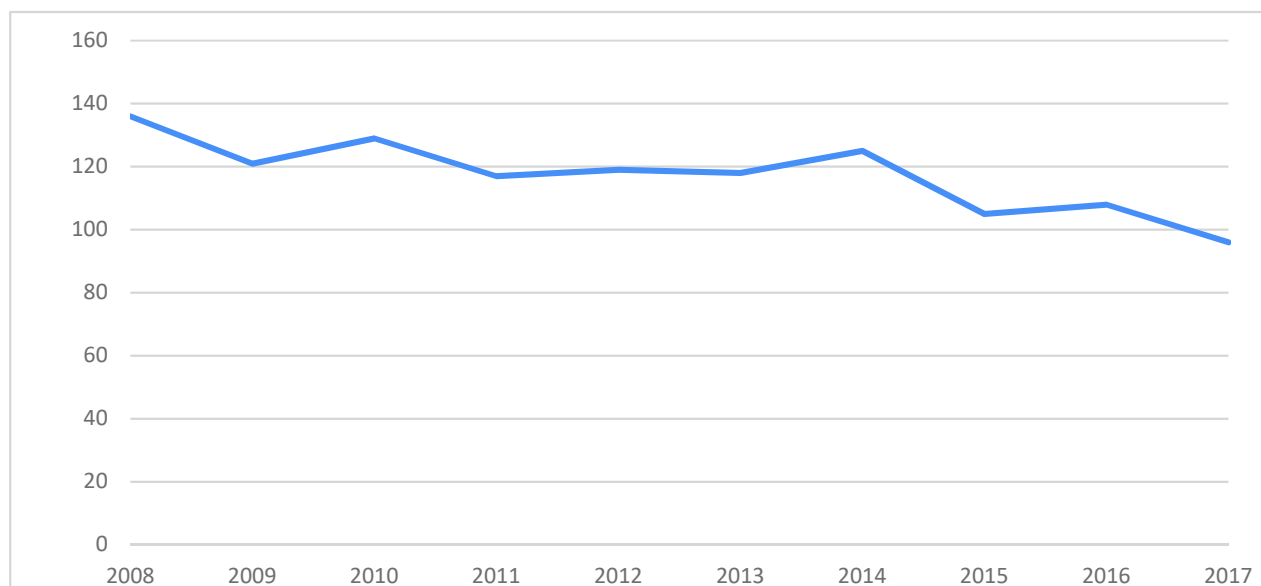
% femelles issues IA 80

Evolution de la population femelle

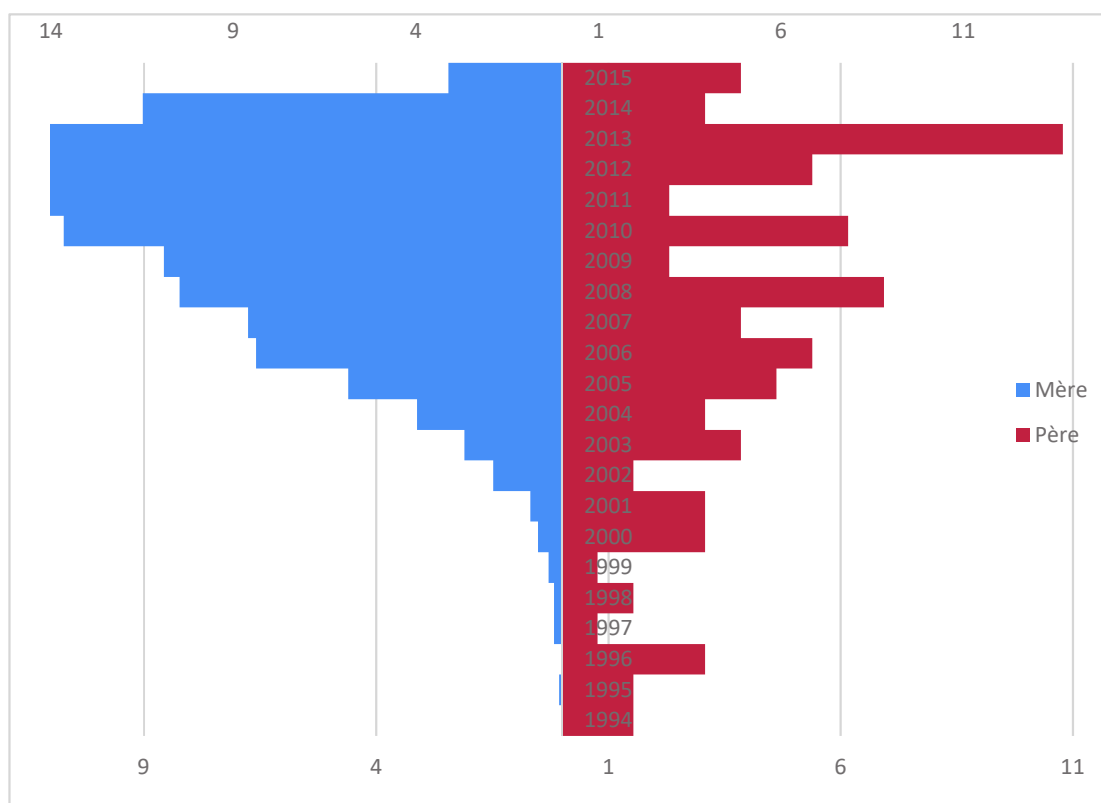
Croissance démographique 🟡-9

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

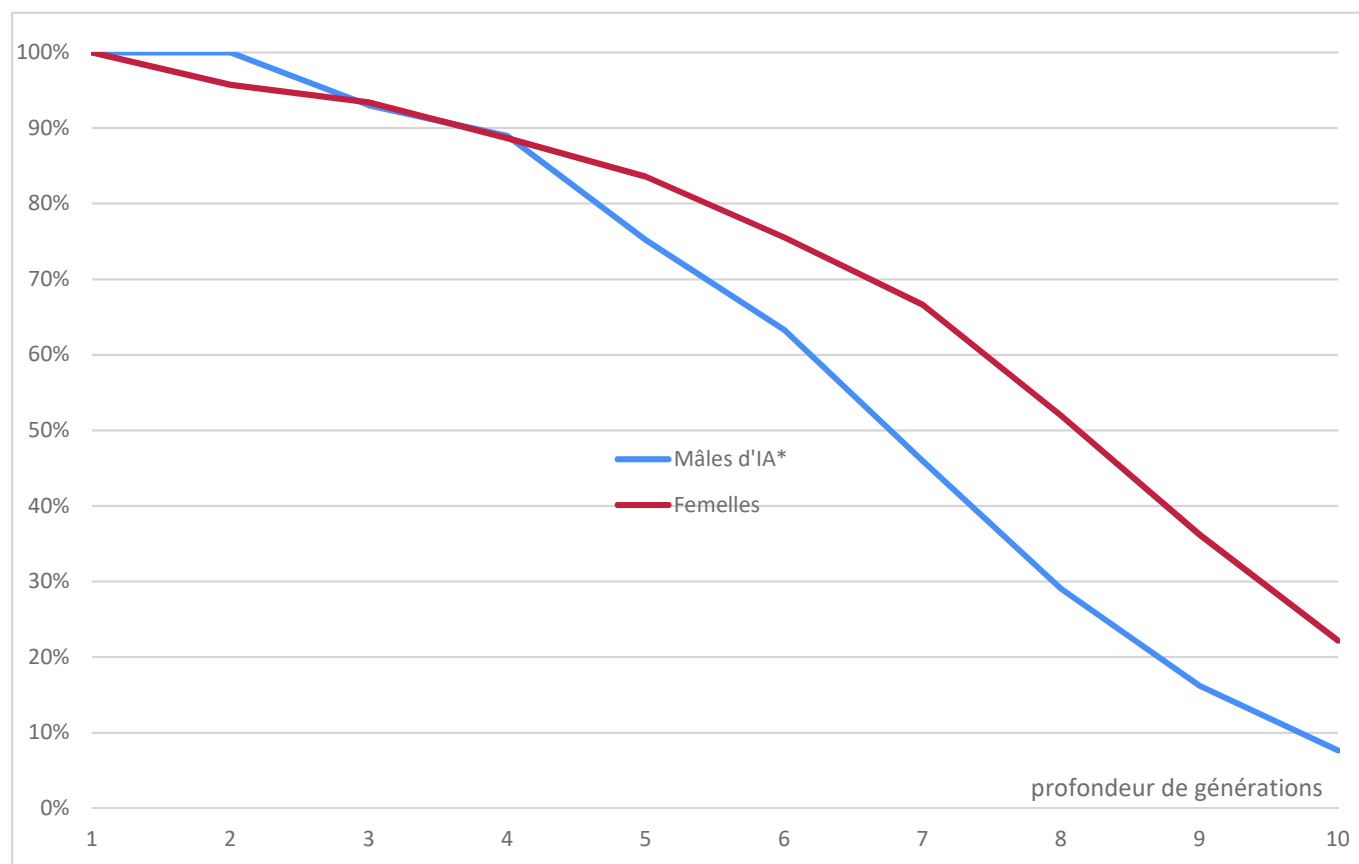
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	8,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	7,2
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,7
Moyenne 4 voies	6,4

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	1 810	60
Nb moyen de générations remontées	7,3	6,2
Nb moyen d'ancêtres connus	1 435	496
Nb maximum de générations remontées	20	15

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	2 103
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	54
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	30
Ratio Ae/Fe	56,8%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	7,2%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	10

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR0000066009	UJANE	F	1964	7,2%	7,2%	7,2%
2	FR0000014273	NOIRO	M	1950	7,0%	7,0%	14,2%
3	FR6275000385	LAMA	M	1975	6,7%	5,9%	20,1%
4	FR5991005370	GAULOIS	M	1991	6,2%	5,0%	25,1%
5	FR6275000374	LURON	M	1950	4,8%	4,8%	29,9%
6	FRDK00031456	HV KJELD	M	1976	4,7%	4,7%	34,6%
7	FR0000066409	VEJANE	F	1965	4,7%	4,7%	39,2%
8	FR5971001236	MIGNON	M	1950	4,6%	4,6%	43,8%
9	FR5987006345	COMIQUE	M	1987	4,6%	3,9%	47,7%
10	FR5997030232	NIMPRIS	M	1997	5,9%	3,3%	51,0%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,3
Consanguinité moyenne (%)	3,3
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,5
Parenté (%)	4,5
Consanguinité des parents (%)	2,8
Parentés des parents (%)	3,4
Taille efficace (méthode Cervantès)	81
Taille efficace (méthode démographique)	341

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

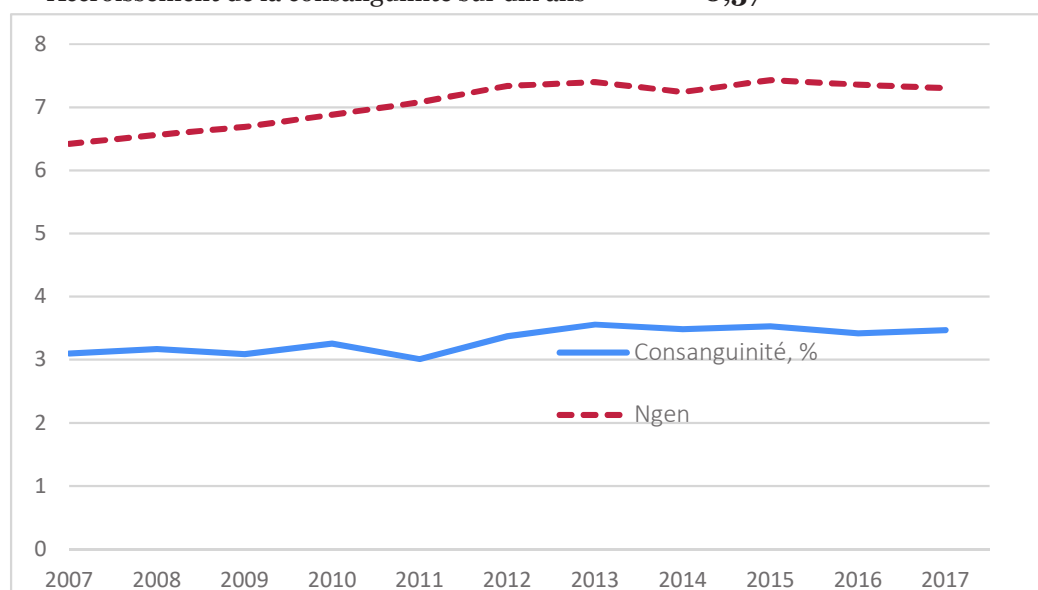
0% de consanguinité	8,6%
entre 0 à 3,125% inclus	42,4%
entre 3,125% à 6,25% inclus	41,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	6,9%
entre 12,5% à 25% inclus	0,9%
plus de 25%	0,2%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 8,0%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

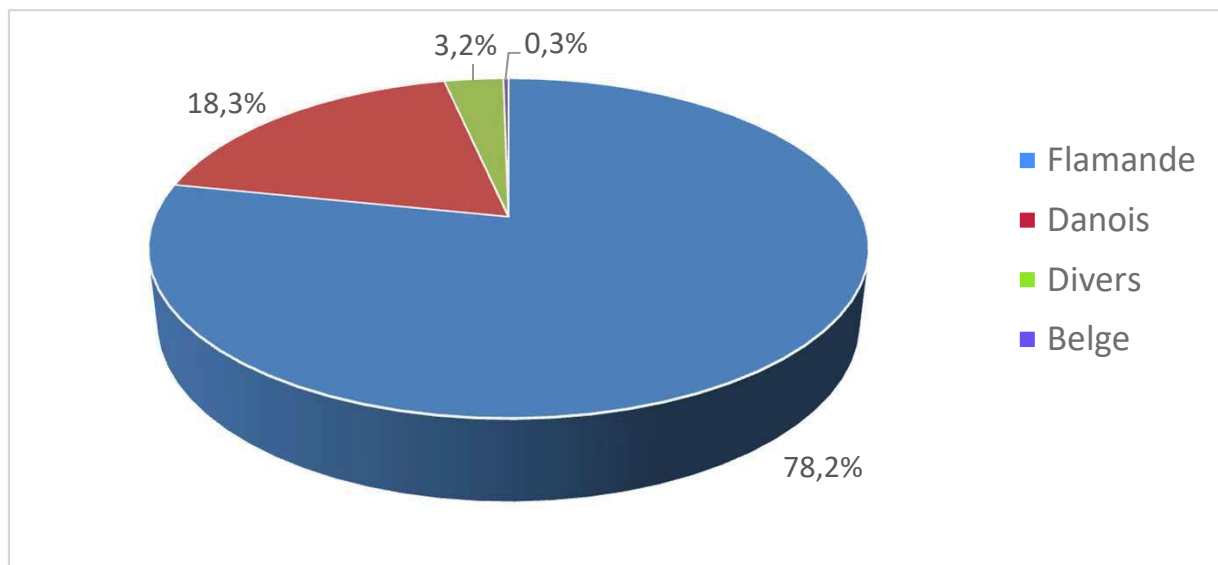
0,37



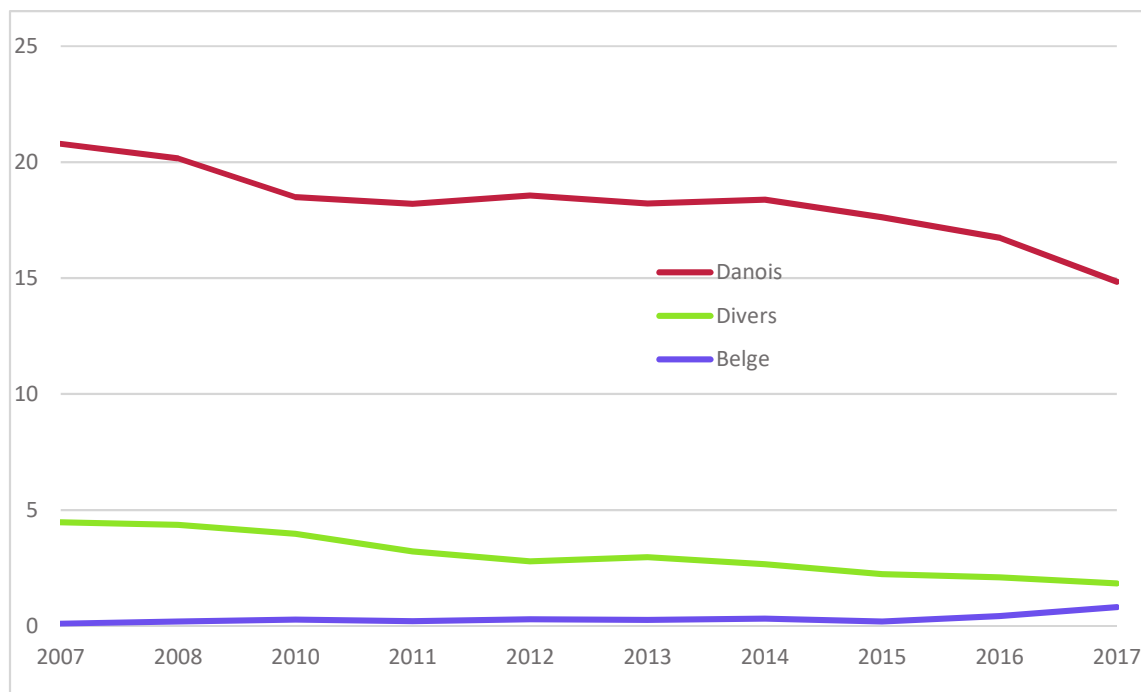
Gènes étrangers

Composition de la population femelle

2014 -2017



Evolution des gènes étrangers **(population femelle)**



VOSGIENNE

Informations démographiques

Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Mâles d'IA*

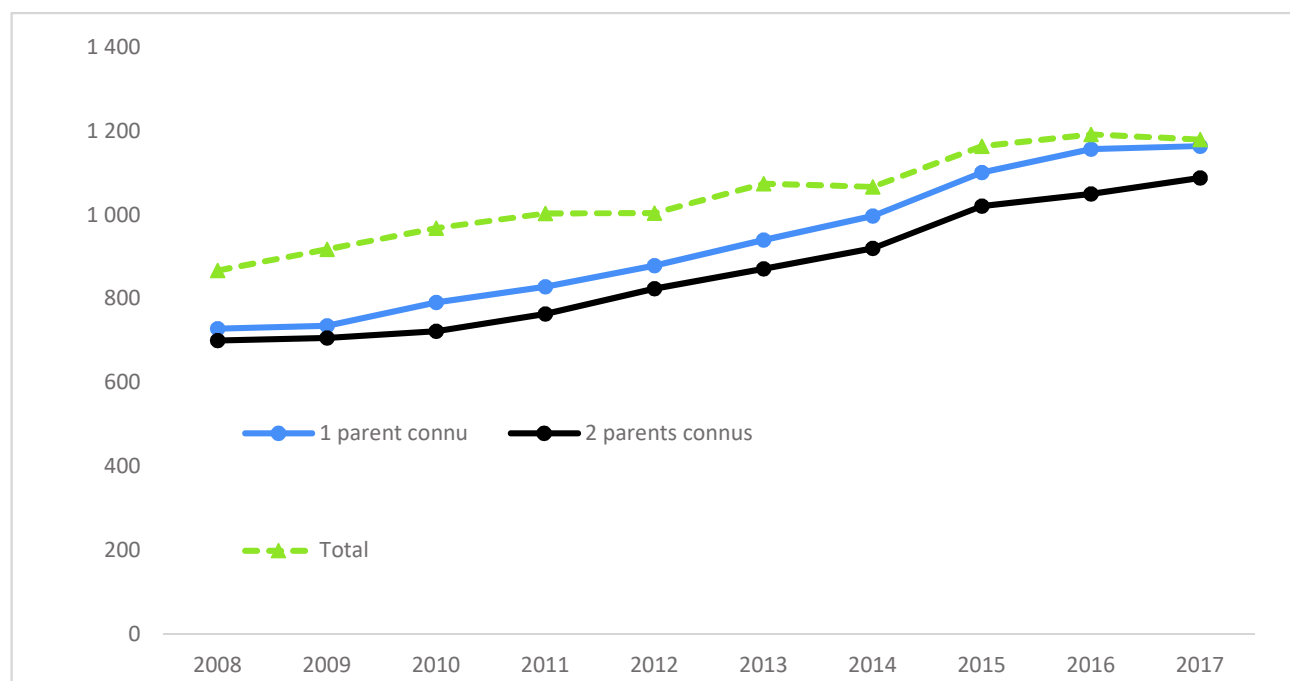
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	4 418	53
Nb pères différents	135	36
Nb max de descendants par père	326	3
Nb grands-pères paternels différents	55	31
Nb max de descendants par GPP	425	5
Nb mères différentes	2 978	46
Nb max de descendants par mère	6	3
Nb grands-pères maternels différents	120	31
Nb max de descendants par GPM	351	7
Nb d'animaux avec deux parents connus	4 078	53

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 89%

% femelles issues IA 81

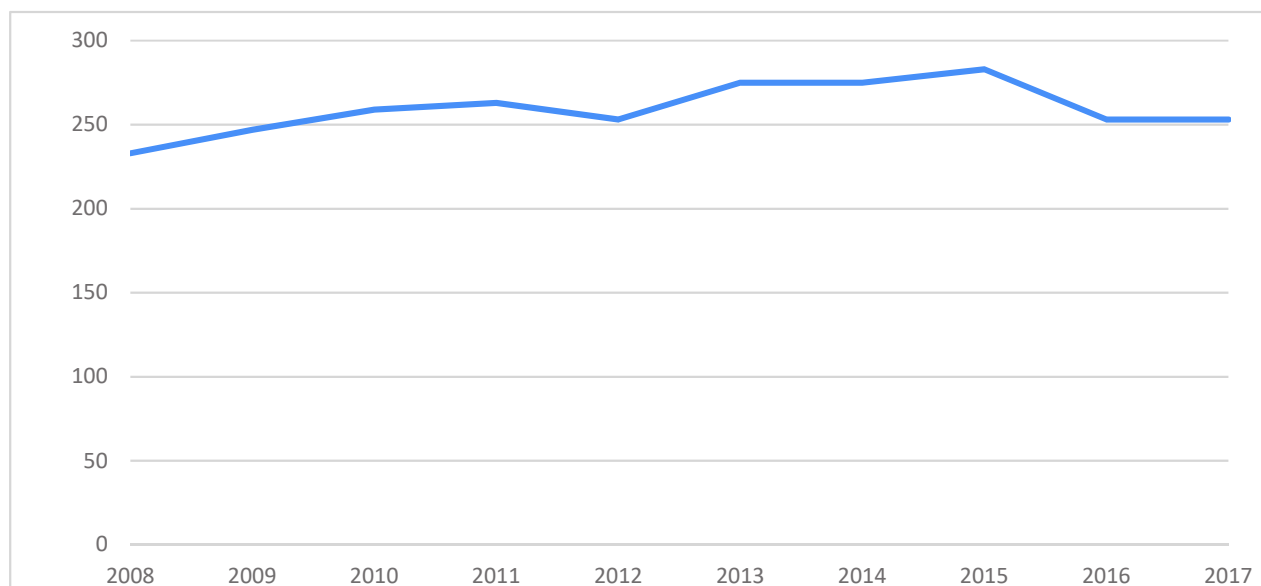
Evolution de la population femelle



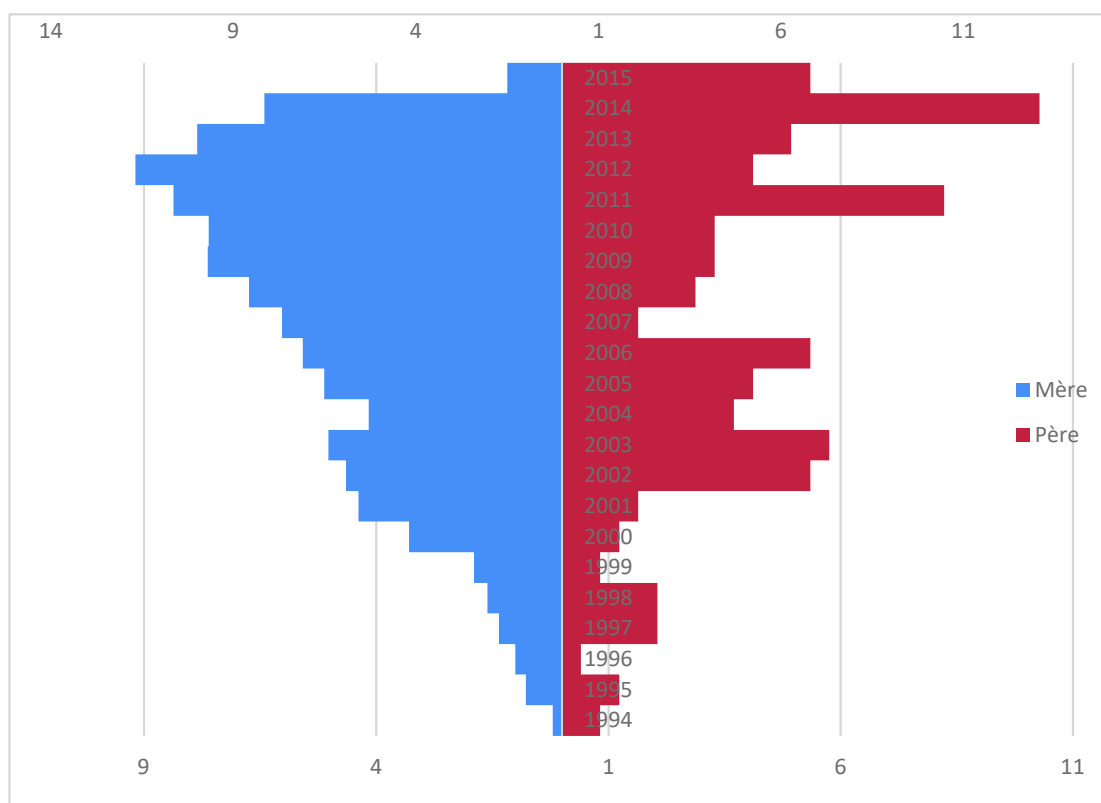
Croissance démographique ●19

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

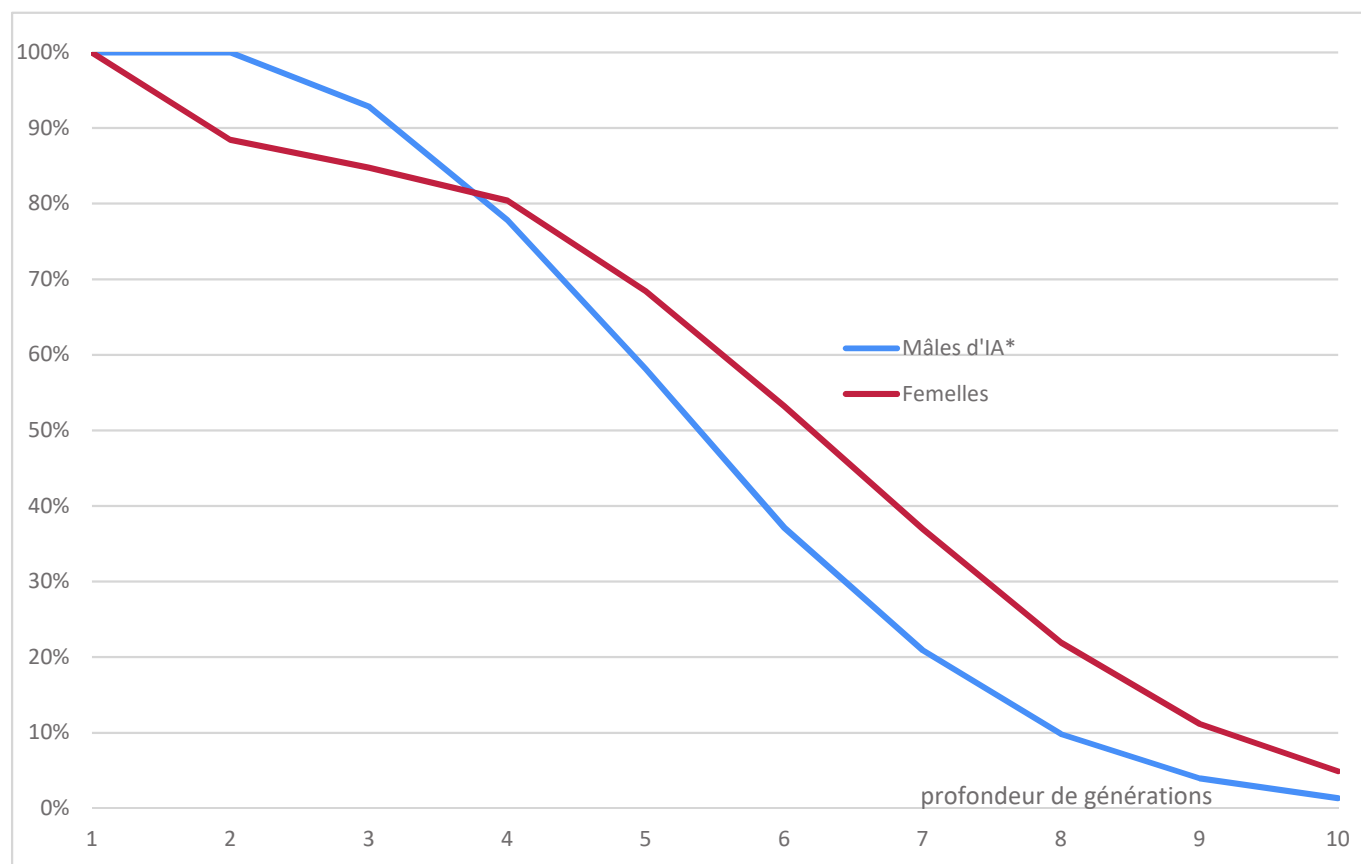
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	8,5
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	8,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	6,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,7
Moyenne 4 voies	7,3

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	4 078	53
Nb moyen de générations remontées	5,5	5,0
Nb moyen d'ancêtres connus	376	169
Nb maximum de générations remontées	20	15

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	2 901
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	69
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	23
Ratio Ae/Fe	32,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	10,2%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	8

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR6872120106	OCHINO	M	1972	10,2%	10,2%	10,2%
2	FR6890006028	FILOU	M	1990	9,8%	9,8%	20,0%
3	FR8879007335	POMPON	M	1979	9,1%	9,1%	29,1%
4	FR7082009773	TIRELIRE	F	1982	7,6%	7,6%	36,7%
5	FR8892005687	HERBERT	M	1992	5,3%	4,0%	40,7%
6	FR6878006726	OMAR	M	1978	7,5%	3,7%	44,4%
7	FR6701501385	PAULETTE	F	1978	3,6%	3,6%	48,0%
8	FR6887006061	CESAR	M	1987	7,8%	2,9%	50,9%
9	FR6891006059	GASTON	M	1991	2,8%	2,8%	53,6%
10	FR6782007882	TARZAN	M	1982	2,7%	2,7%	56,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,5
Consanguinité moyenne (%)	3,0
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,6
Parenté (%)	4,6
Consanguinité des parents (%)	2,1
Parentés des parents (%)	2,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	61
Taille efficace (méthode démographique)	517

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

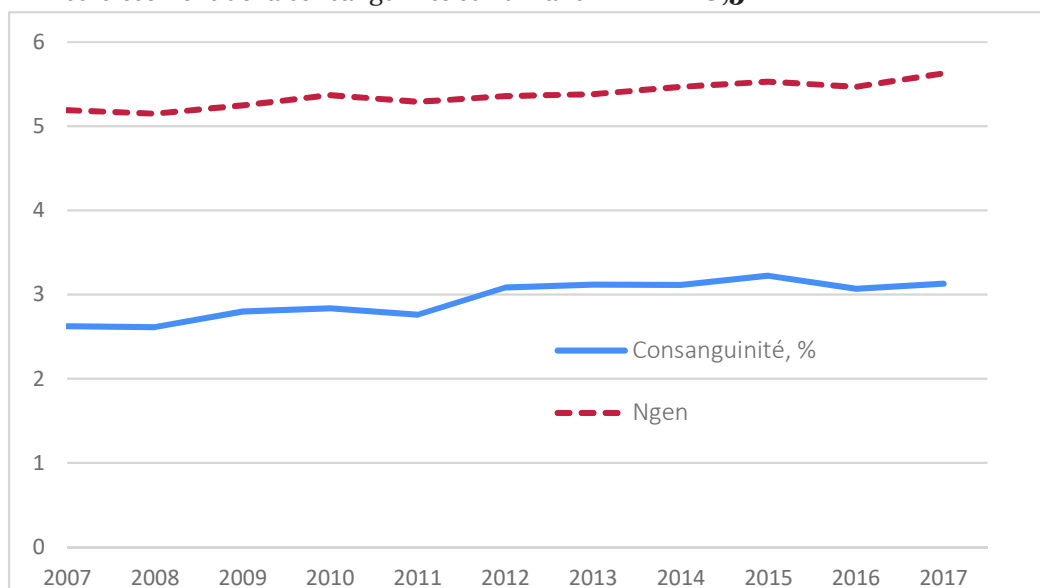
0% de consanguinité	19,2%
entre 0 à 3,125% inclus	36,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	36,5%
entre 6,25% à 12,5% inclus	7,3%
entre 12,5% à 25% inclus	0,7%
plus de 25%	0,1%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **8,1%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

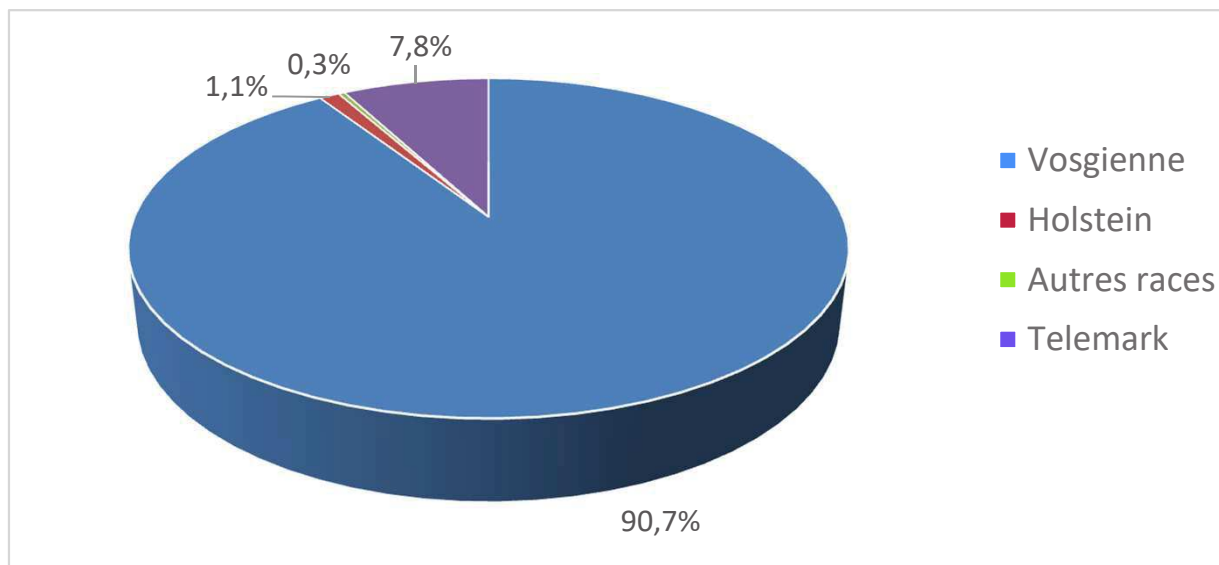
0,51



Gènes étrangers

Composition de la population femelle

2014 -2017



Evolution des gènes étrangers **(population femelle)**

