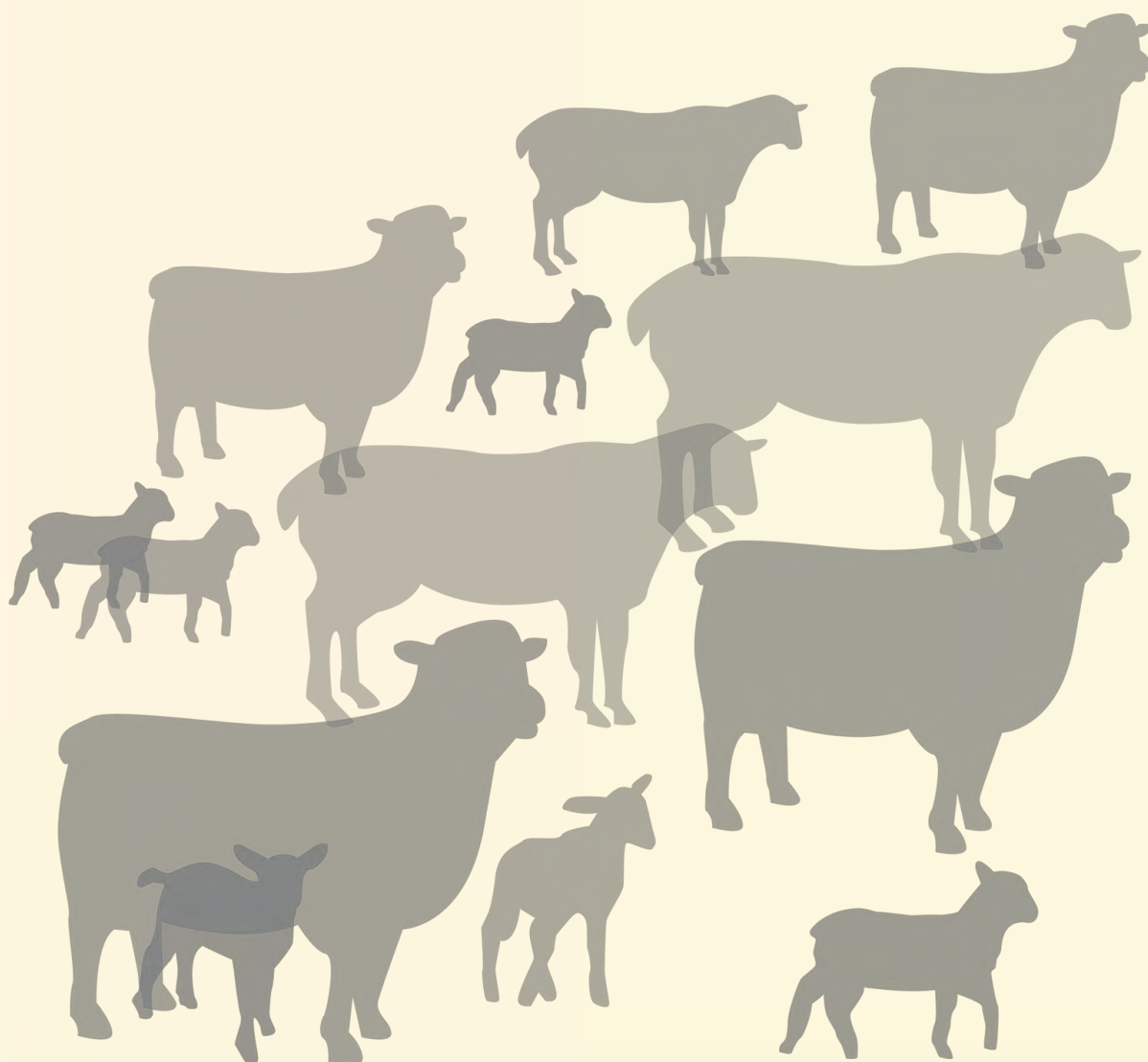


Bilan de variabilité génétique à partir des données de généalogies

Races ovines allaitantes rustiques

Edition 2024





Collection

Résultats

Responsable de la rédaction :

Stéphanie MINERY (Institut de l'Élevage)

Mise en page :

Isabelle GUIGUE (Institut de l'Élevage)

Bilan de variabilité génétique à partir des données de généalogies Races ovines allaitantes rustiques

Edition 2024

Races analysées :

- Bizet
- Blanc du Massif-Central
- Causses du Lot
- Est à Laine Mérinos
- Grivette
- Lacaune
- Lacaune viande GID (« Culard Gebro »)
- Limousine
- Martinik
- Mérinos d'Arles
- Noir du Velay
- Préalpes du Sud
- Rava
- Romane
- Tarasconnaise

Populations analysées intra-race : femelles avec deux parents connus nées entre 2020 et 2023

BIZET**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2020 -2023

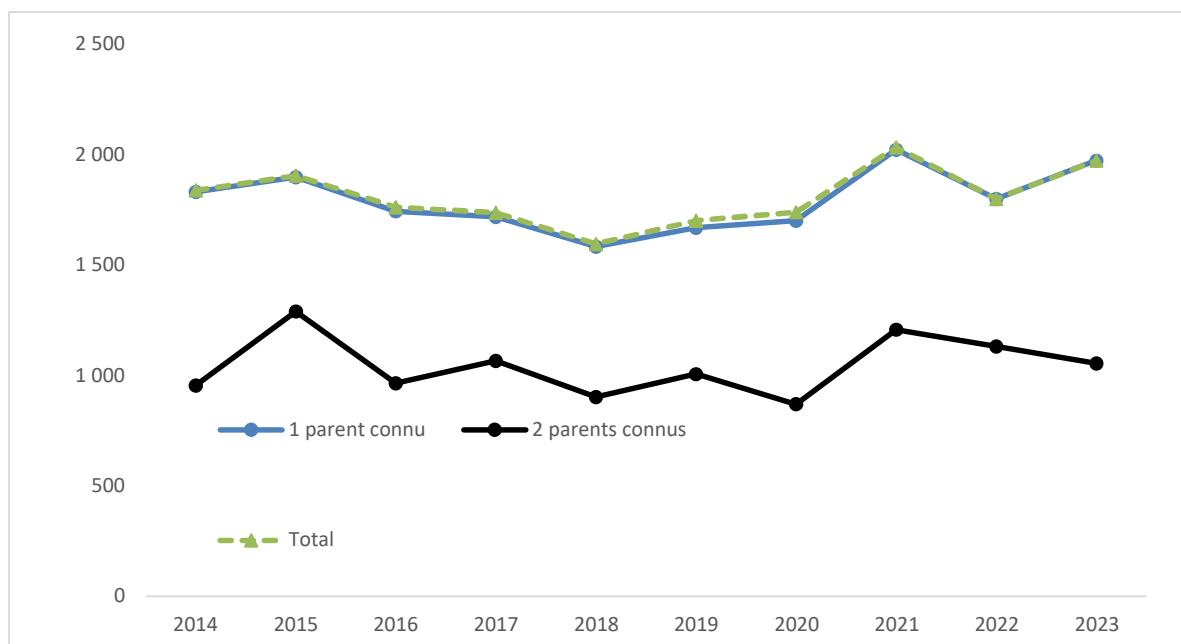
Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	7 552
Nb pères différents	99
Nb max de descendants par père	137
Nb grands-pères paternels différents	57
Nb max de descendants par GPP	547
Nb mères différentes	3 770
Nb max de descendants par mère	9
Nb grands-pères maternels différents	193
Nb max de descendants par GPM	160
Nb d'animaux avec deux parents connus	4 268

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 57%

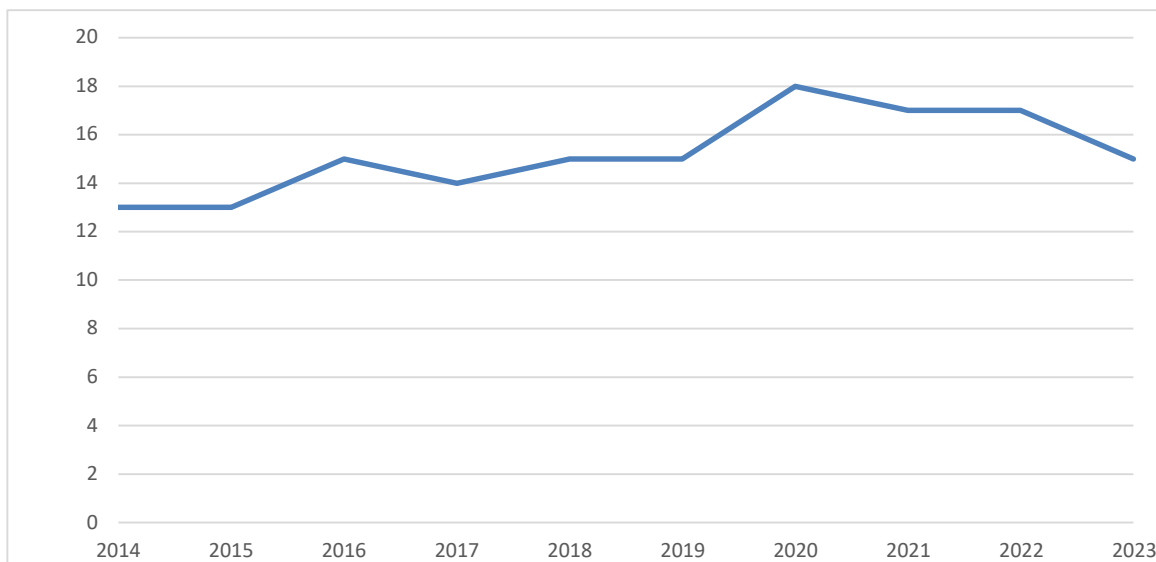
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

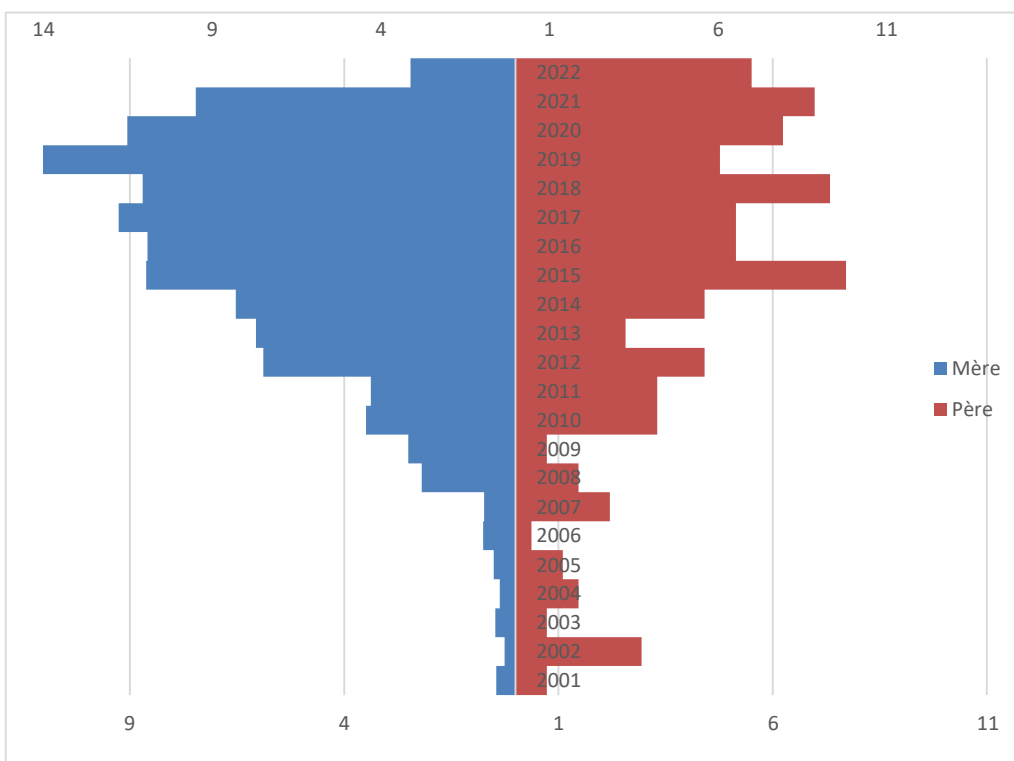
Croissance démographique ●5

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



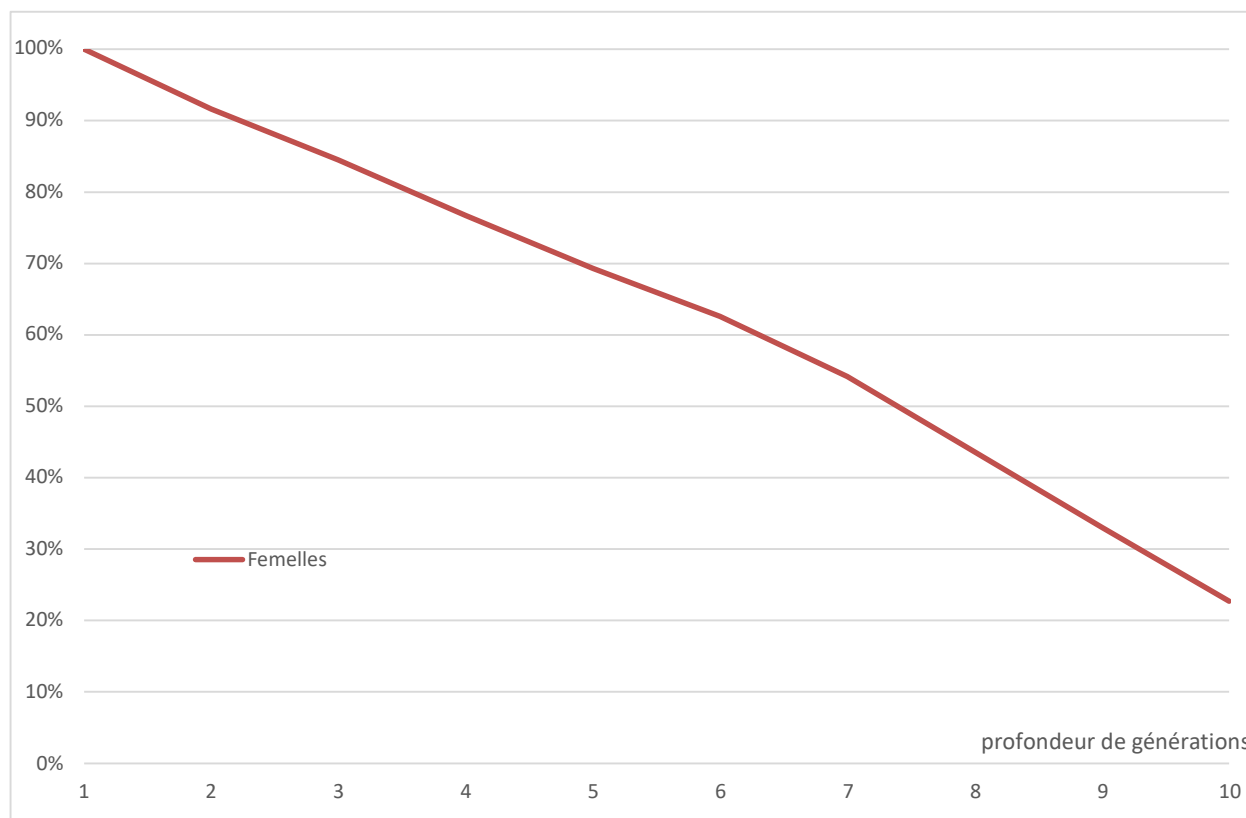
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,0
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,1
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,7
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,2
Moyenne 4 voies	3,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	4 263
Nb moyen de générations remontées	6,6
Nb moyen d'ancêtres connus	1 894
Nb maximum de générations remontées	23

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2020 -2023

Nombre de fondateurs	2 991
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	226
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	66
Ratio Ae/Fe	29,3%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	25

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	32587281552	81552	M	2008	5,9%	5,9%	5,9%
2	32587240895	40895	M	2015	4,4%	4,4%	10,3%
3	56542340167	40167	M	2014	3,7%	3,7%	14,0%
4	15127027930134	930134	M	1993	4,7%	3,6%	17,6%
5	32542120512	20512	M	2012	2,6%	2,5%	20,1%
6	32587230577	30577	M	2013	2,6%	2,4%	22,4%
7	15042243870569	870569	M	1988	2,8%	2,2%	24,6%
8	15207300980149	980149	M	1998	2,4%	2,1%	26,7%
9	15127027900050	900050	M	1990	2,5%	2,1%	28,8%
10	32587240594	40594	M	2014	2,0%	1,8%	30,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,6
Consanguinité moyenne (%)	1,0
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	1,8
Consanguinité des parents (%)	0,6
Parentés des parents (%)	0,8
Taille efficace (méthode Cervantès)	188
Taille efficace (méthode démographique)	386

La consanguinité apparait en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

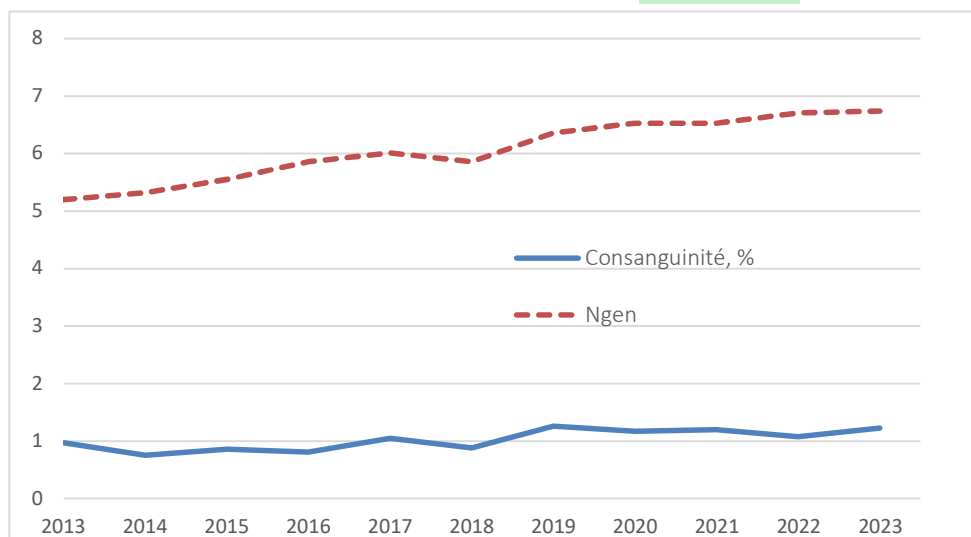
0% de consanguinité	8,2%
entre 0 à 3,125% inclus	87,3%
entre 3,125% à 6,25% inclus	3,7%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,4%
entre 12,5% à 25% inclus	0,0%
plus de 25%	0,3%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 0,7%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Taux d'accroissement de consanguinité par génération

0,04



BLANC DU MASSIF CENTRAL**Informations démographiques**

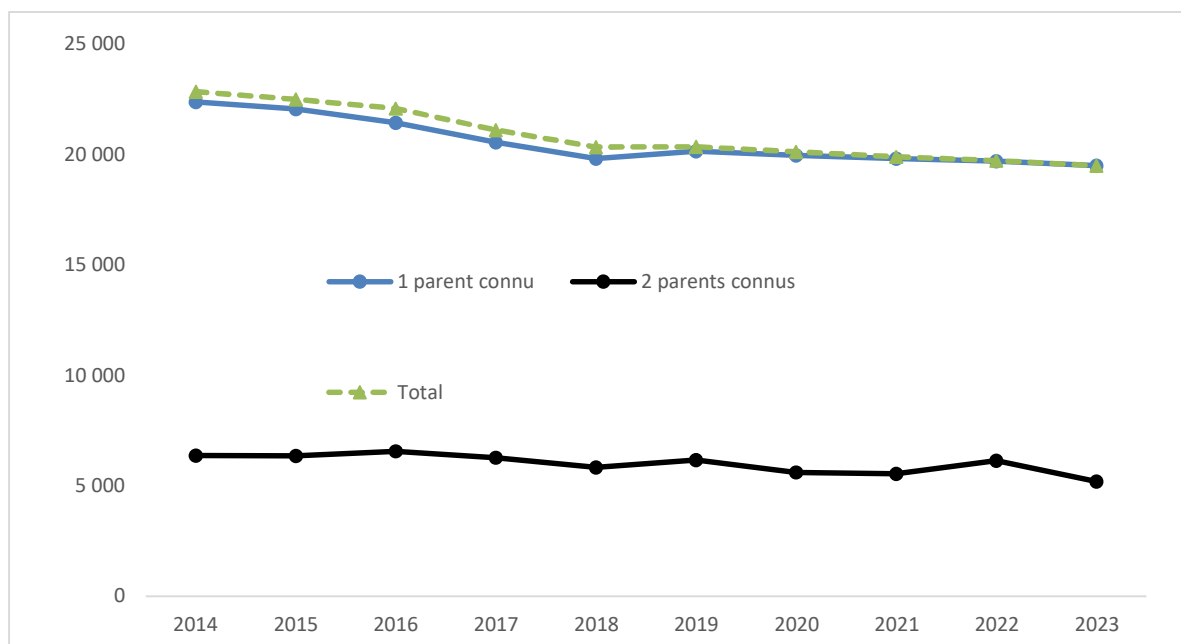
Période de naissance des femelles 2020 -2023
Femelles Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	79 312	117
Nb pères différents	629	71
Nb max de descendants par père	385	8
Nb grands-pères paternels différents	246	51
Nb max de descendants par GPP	1 825	8
Nb mères différentes	34 588	117
Nb max de descendants par mère	11	1
Nb grands-pères maternels différents	976	51
Nb max de descendants par GPM	717	4
Nb d'animaux avec deux parents connus	22 541	117

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 28%

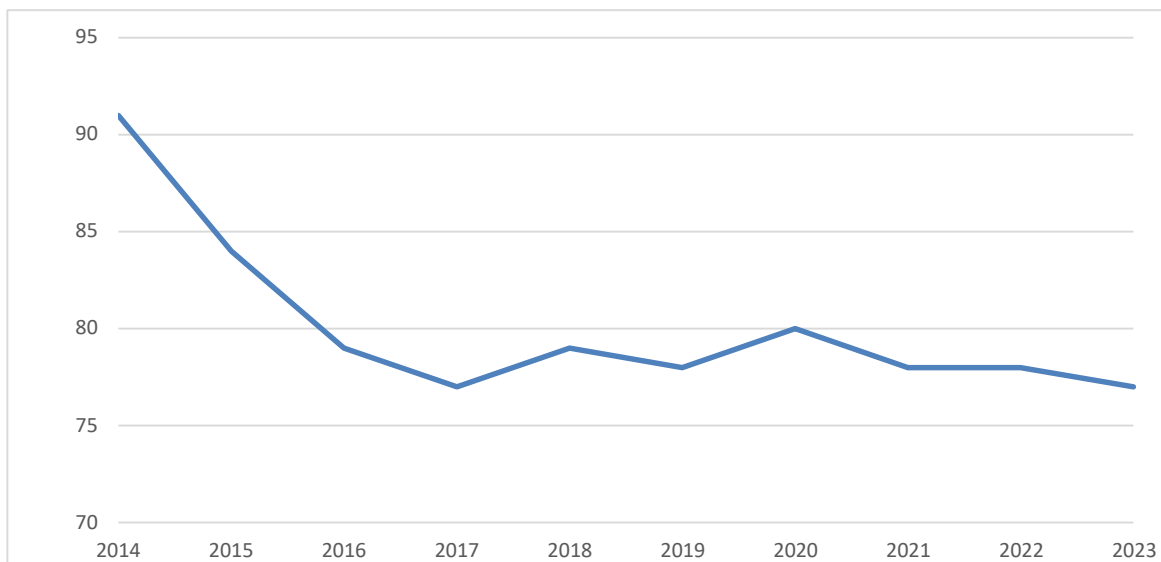
% femelles issues IA 11

Evolution de la population femelle

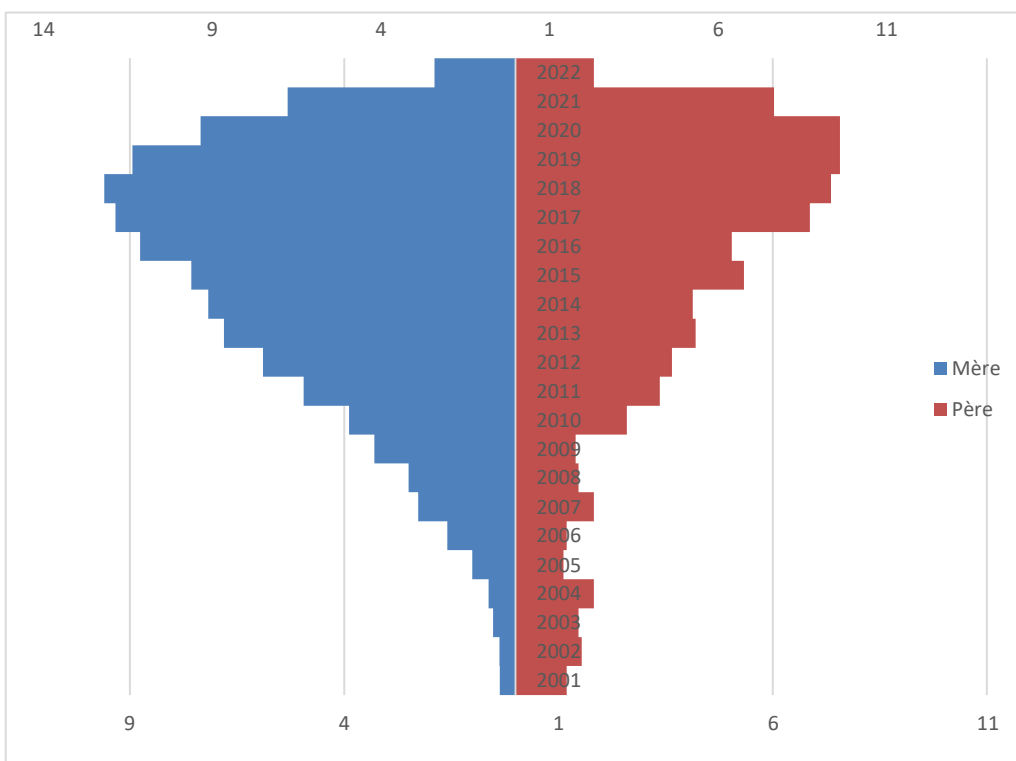
Croissance démographique ●-9

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

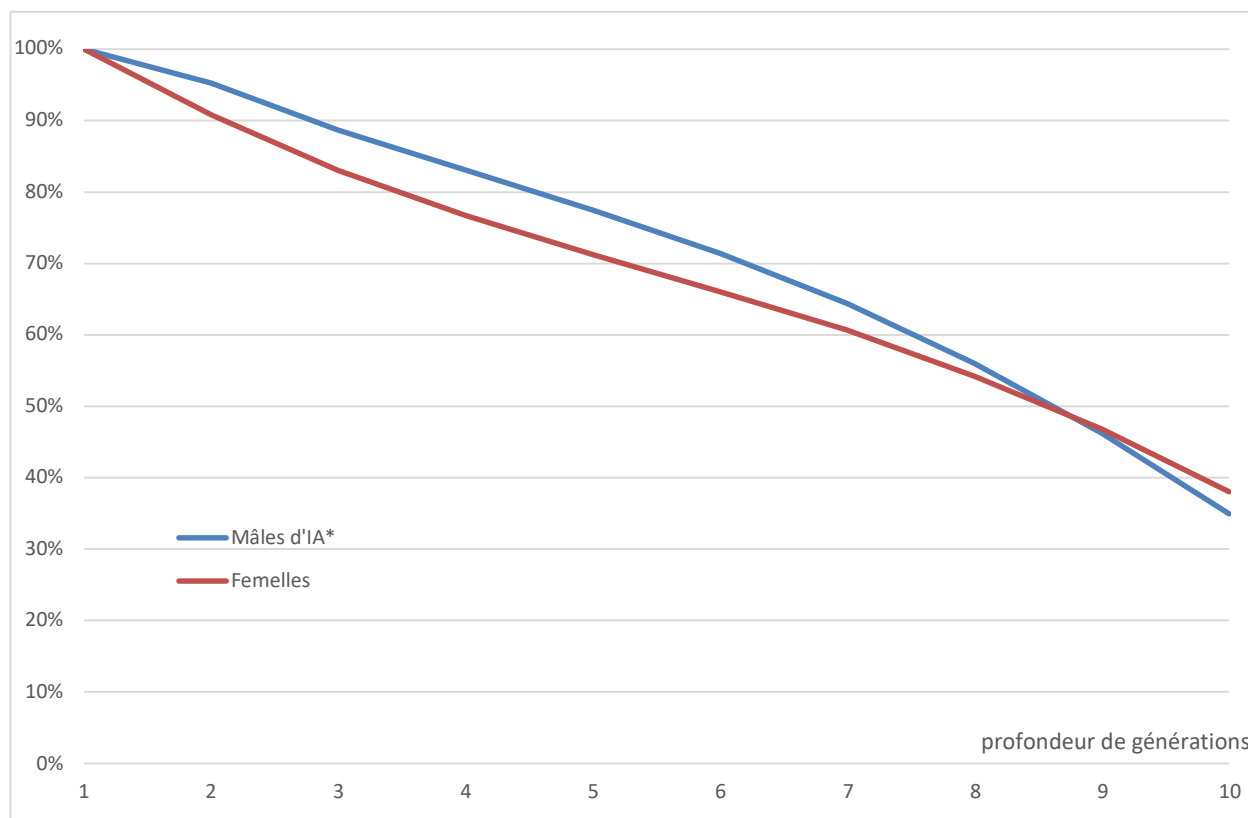
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,2
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,7
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,1
Moyenne 4 voies	3,5

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	22 533	117
Nb moyen de générations remontées	7,5	7,7
Nb moyen d'ancêtres connus	6 076	3 974
Nb maximum de générations remontées	25	22

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2020 -2023

Nombre de fondateurs	17 399
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	481
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	113
Ratio Ae/Fe	23,5%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	3,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	47

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	35570570125	70125	M	2007	3,9%	3,9%	3,9%
2	35571010129	10129	M	2011	3,2%	3,2%	7,1%
3	34522180264	80264	M	2008	2,9%	2,9%	10,0%
4	15108060030053	030053	M	2003	2,8%	2,8%	12,8%
5	35571350206	50206	M	2015	3,2%	2,3%	15,2%
6	34513690134	90134	M	2009	2,7%	2,0%	17,2%
7	32503710579	10579	M	2011	2,0%	2,0%	19,1%
8	43242008050054	050054	M	2005	2,7%	1,8%	21,0%
9	15187062810508	810508	M	1982	2,4%	1,7%	22,7%
10	15007001770555	770555	M	1978	2,1%	1,4%	24,1%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,5
Consanguinité moyenne (%)	0,8
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	1,0
Consanguinité des parents (%)	0,3
Parentés des parents (%)	0,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	370
Taille efficace (méthode démographique)	2 471

La consanguinité apparait en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

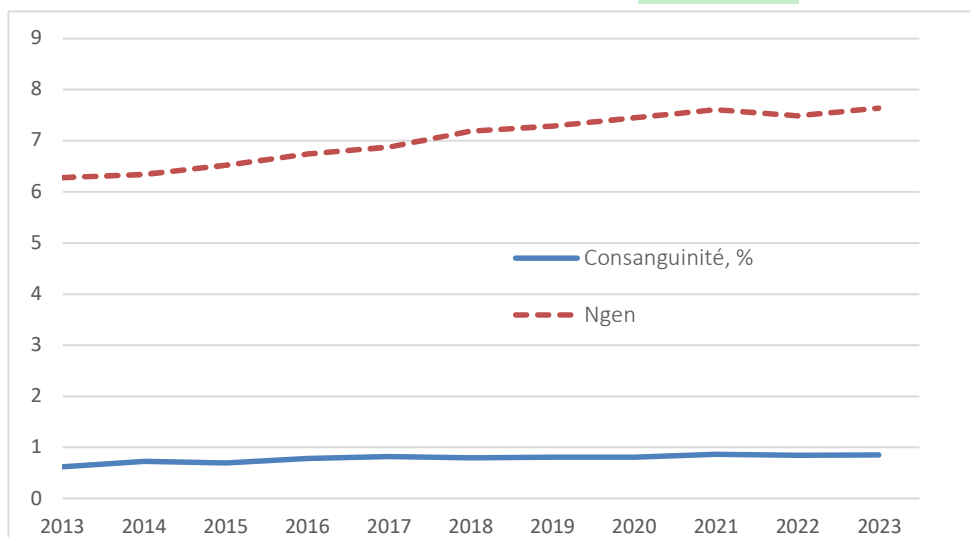
0% de consanguinité	15,9%
entre 0 à 3,125% inclus	80,4%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,2%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,8%
entre 12,5% à 25% inclus	0,4%
plus de 25%	0,2%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 1,5%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Taux d'accroissement de consanguinité par génération

0,01



CAUSSES DU LOT

Informations démographiques

Période de naissance des femelles 2020 -2023
Femelles Mâles d'IA*

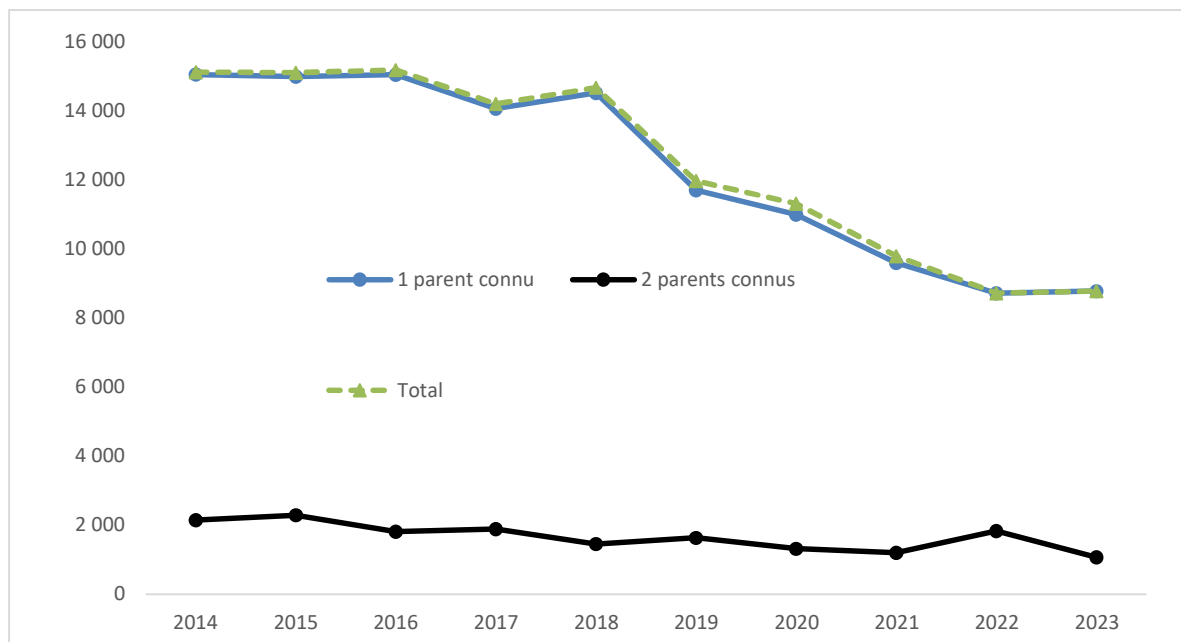
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	38 676	106
Nb pères différents	246	67
Nb max de descendants par père	188	6
Nb grands-pères paternels différents	94	45
Nb max de descendants par GPP	282	9
Nb mères différentes	18 629	104
Nb max de descendants par mère	9	2
Nb grands-pères maternels différents	289	45
Nb max de descendants par GPM	350	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	5 447	105

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 14%

% femelles issues IA 11

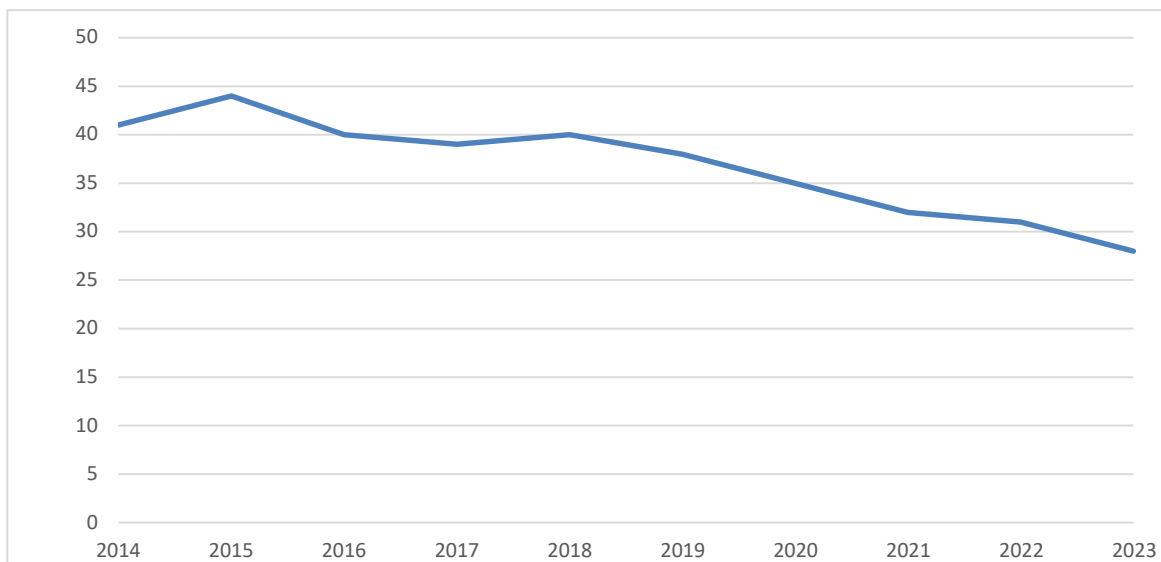
Evolution de la population femelle



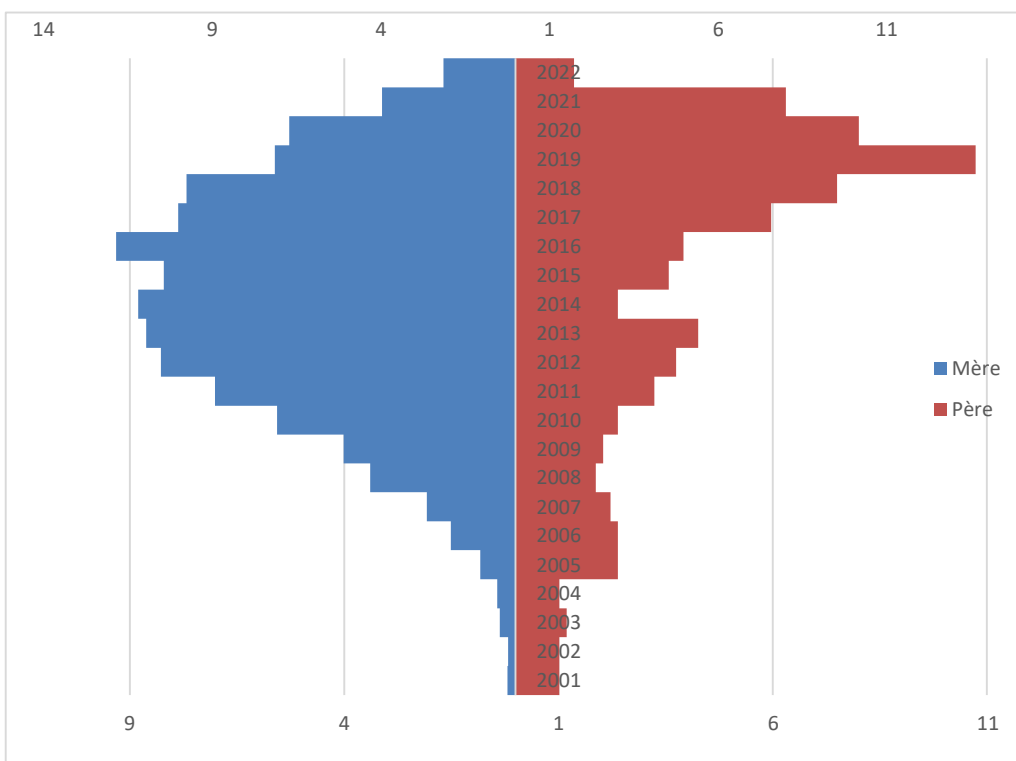
Croissance démographique ● -32

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

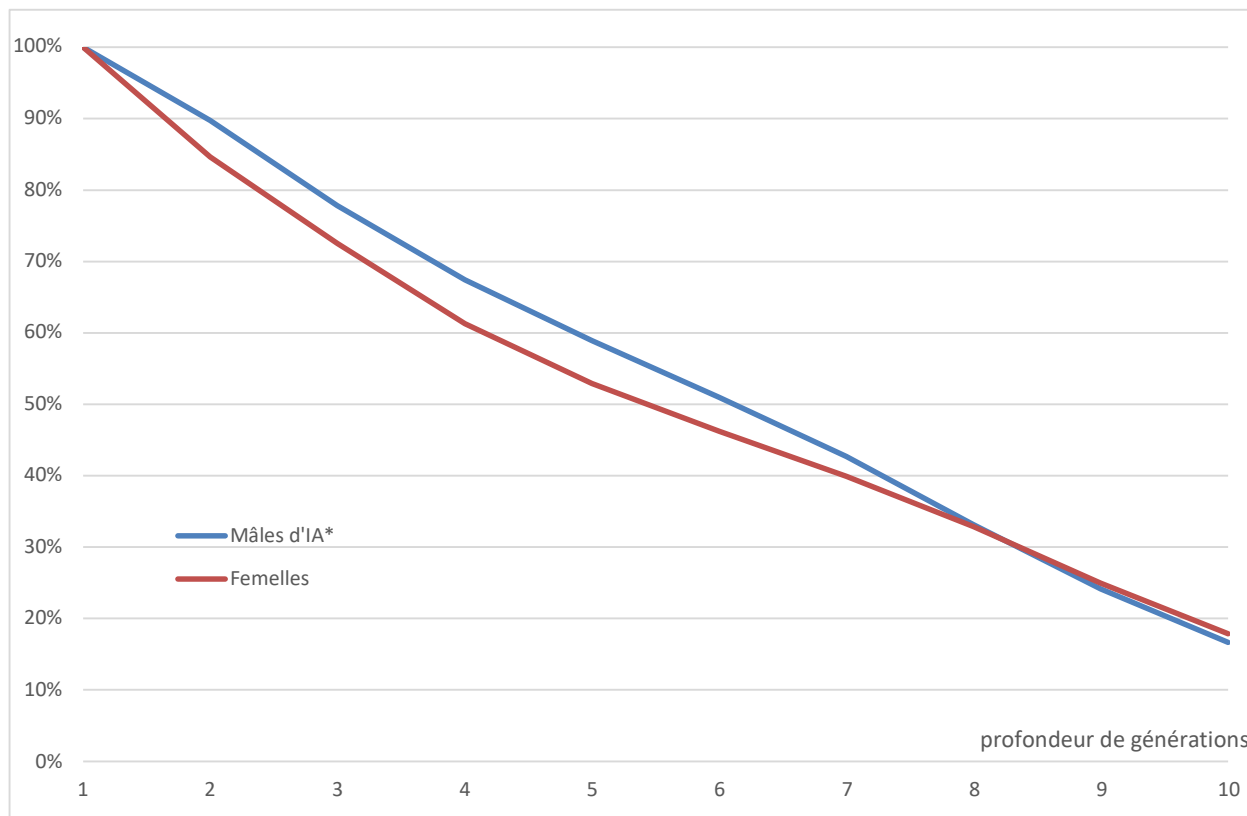
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,1
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,0
Moyenne 4 voies	3,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	5 442	105
Nb moyen de générations remontées	5,6	5,8
Nb moyen d'ancêtres connus	2 407	1 804
Nb maximum de générations remontées	22	20

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2020 -2023

Nombre de fondateurs	10 299
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	705
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	115
Ratio Ae/Fe	16,3%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	3,5%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	56

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	34514662075	62075	M	2016	3,5%	3,5%	3,5%
2	34530460020	60020	M	2006	3,4%	3,4%	6,8%
3	46094032990562	990562	M	2000	3,4%	3,1%	9,9%
4	34536361070	61070	M	2016	2,7%	2,7%	12,6%
5	34527230140	30140	M	2013	3,0%	2,6%	15,2%
6	34530400040	00040	M	2010	2,4%	2,4%	17,6%
7	34522070114	70114	M	2007	2,2%	2,2%	19,8%
8	34533971187	71187	M	2017	2,3%	2,1%	21,9%
9	46275023040236	040236	M	2004	2,6%	1,8%	23,7%
10	46018013940710	940710	M	1995	2,0%	1,5%	25,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,6
Consanguinité moyenne (%)	0,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	1,0
Consanguinité des parents (%)	0,2
Parentés des parents (%)	0,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	294
Taille efficace (méthode démographique)	971

La consanguinité apparait en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

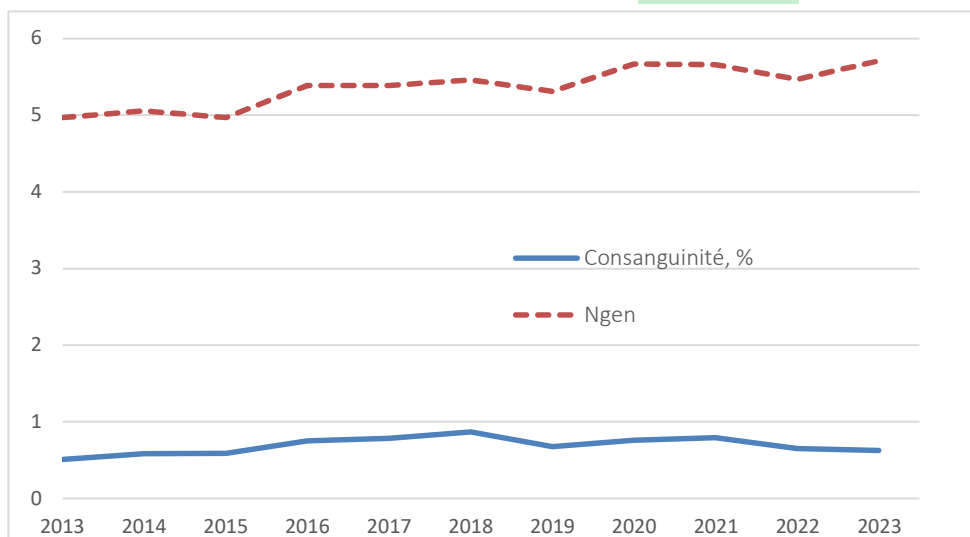
0% de consanguinité	15,9%
entre 0 à 3,125% inclus	79,3%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,8%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,4%
entre 12,5% à 25% inclus	0,6%
plus de 25%	0,1%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 2,1%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Taux d'accroissement de consanguinité par génération

-0,02



EST A LAINE MERINOS**Informations démographiques**

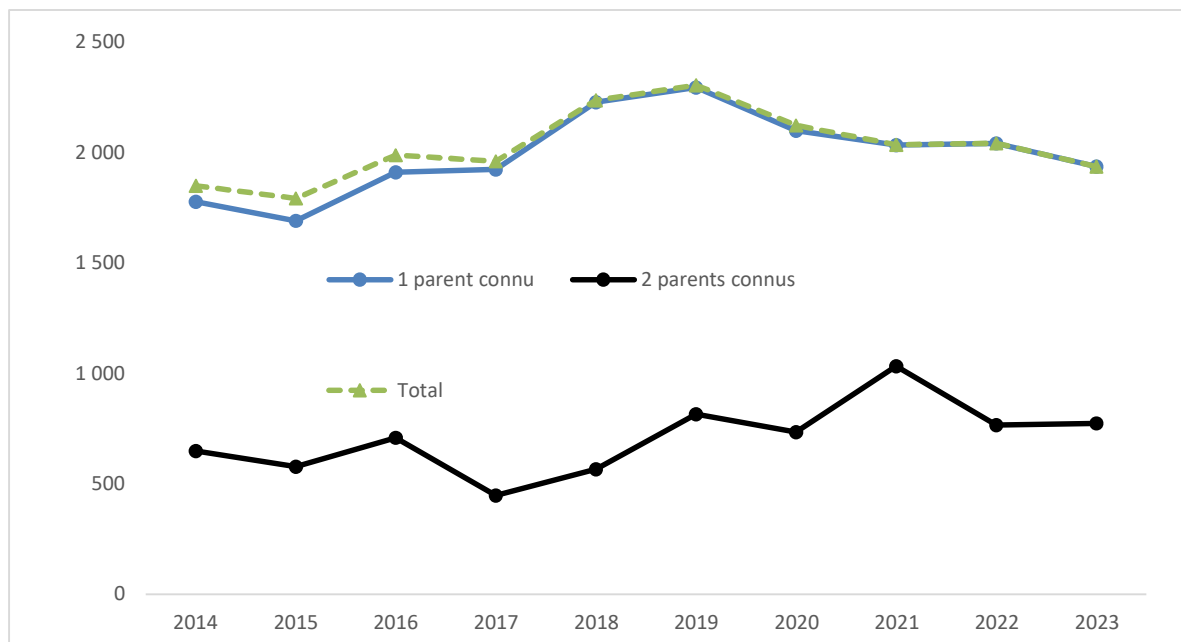
Période de naissance des femelles 2020 -2023
Femelles Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	8 144	19
Nb pères différents	85	18
Nb max de descendants par père	175	1
Nb grands-pères paternels différents	50	16
Nb max de descendants par GPP	270	1
Nb mères différentes	3 700	18
Nb max de descendants par mère	9	1
Nb grands-pères maternels différents	151	16
Nb max de descendants par GPM	160	1
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 311	18

* père des femelles

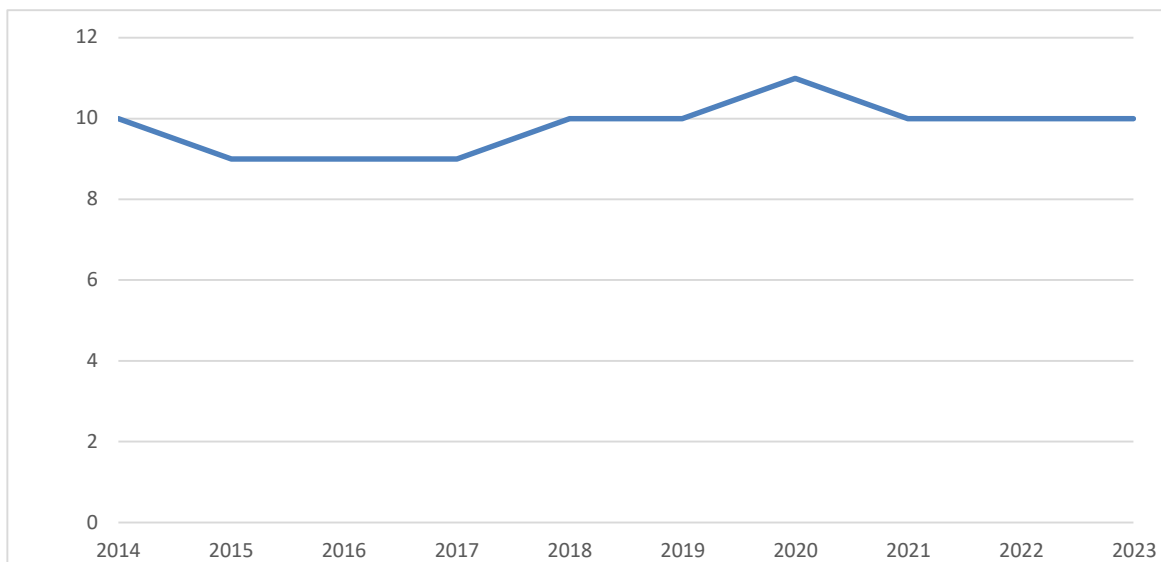
Rapport 2 parents connus/total des femelles 41%

% femelles issues IA 9

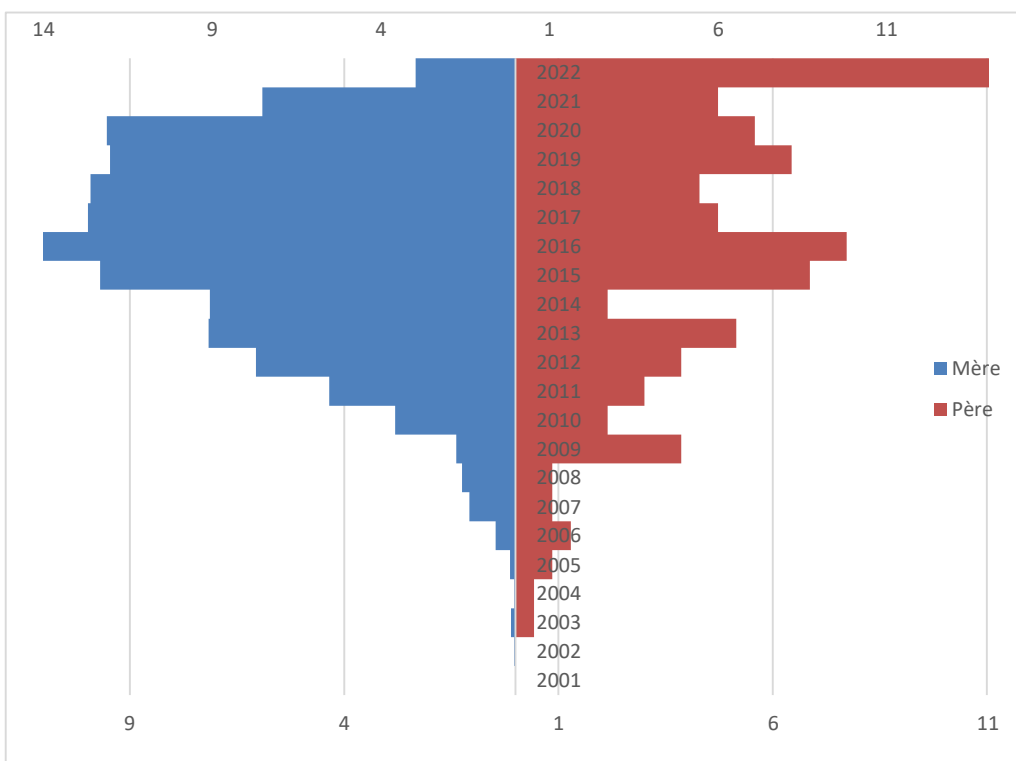
Evolution de la population femelle**Croissance démographique ●6**

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

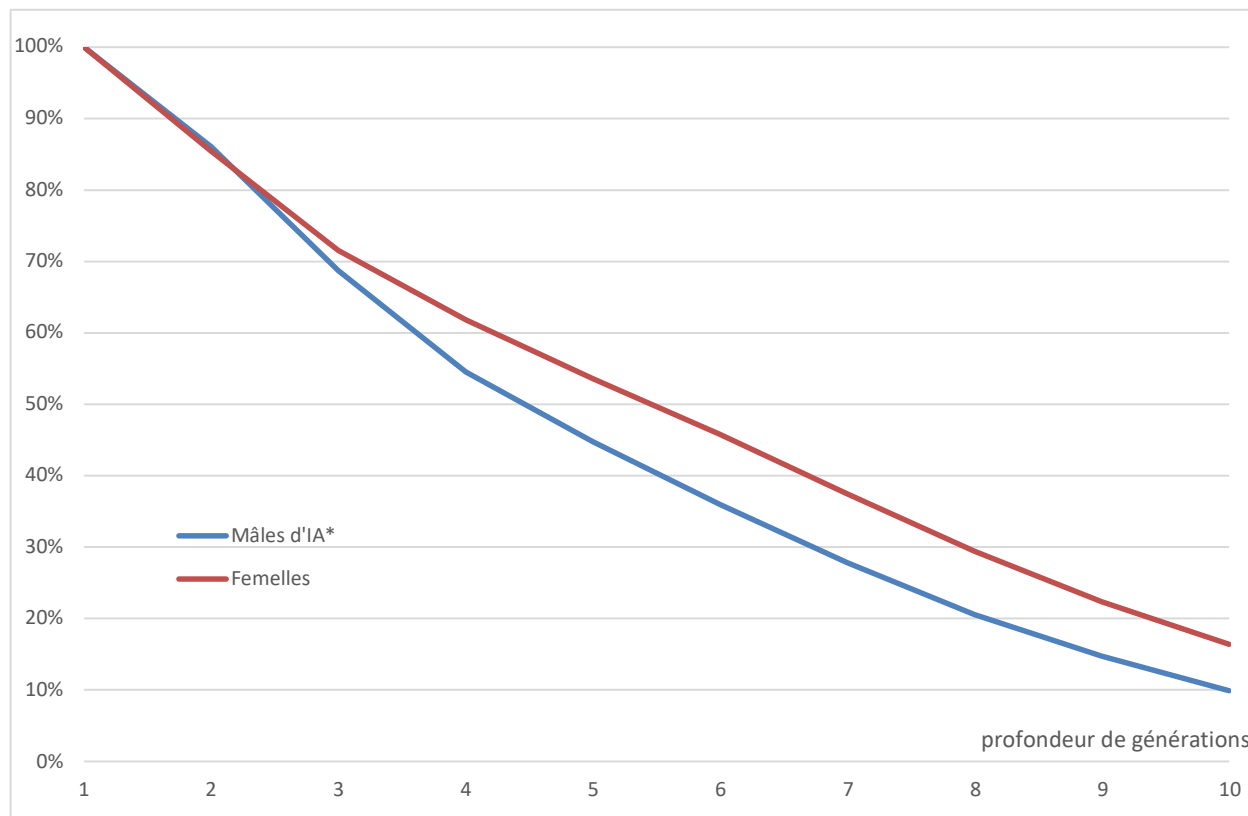
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,7
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,2
Moyenne 4 voies	3,9

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	3 309	18
Nb moyen de générations remontées	5,5	4,8
Nb moyen d'ancêtres connus	2 548	959
Nb maximum de générations remontées	26	19

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2020 -2023

Nombre de fondateurs	2 898
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	145
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	66
Ratio Ae/Fe	45,1%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,1%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	22

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	39545560105	60105	M	2006	4,1%	4,1%	4,1%
2	39507671115	71115	M	2017	4,0%	4,0%	8,1%
3	DE10995721003	21003	M	2016	3,9%	3,9%	11,9%
4	39547630026	30026	M	2013	3,7%	3,7%	15,6%
5	54435301970203	970203	M	1997	3,4%	3,4%	18,9%
6	57383003050059	050059	M	2005	3,3%	3,3%	22,3%
7	DE010610307540	307540	M	2016	3,1%	3,1%	25,4%
8	39507661500	61500	M	2016	3,0%	3,0%	28,4%
9	54498303910003	910003	M	1991	3,5%	2,4%	30,8%
10	39507640256	40256	M	2014	3,2%	2,3%	33,0%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,5
Consanguinité moyenne (%)	1,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,4
Parenté (%)	1,6
Consanguinité des parents (%)	0,6
Parentés des parents (%)	0,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	174
Taille efficace (méthode démographique)	332

La consanguinité apparait en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

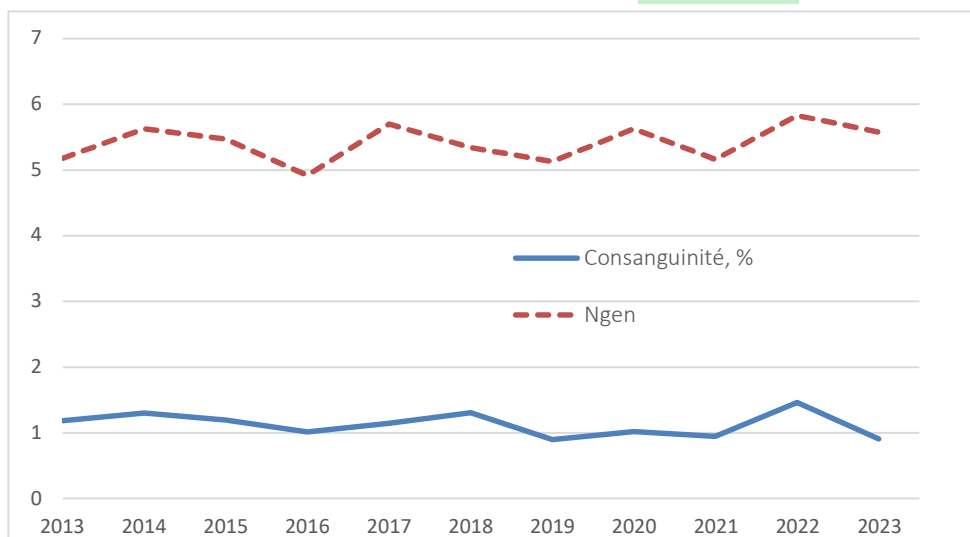
0% de consanguinité	14,1%
entre 0 à 3,125% inclus	78,3%
entre 3,125% à 6,25% inclus	4,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	2,2%
entre 12,5% à 25% inclus	0,8%
plus de 25%	0,2%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 3,2%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Taux d'accroissement de consanguinité par génération

0,00



GRIVETTE**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2020 -2023

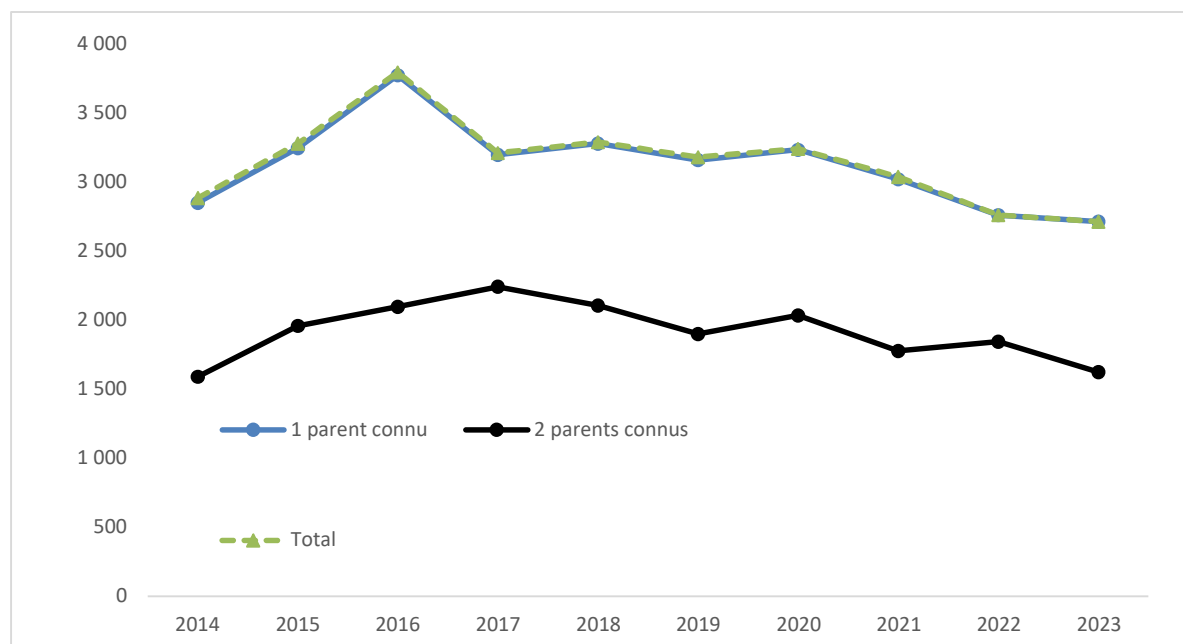
Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	11 768
Nb pères différents	199
Nb max de descendants par père	173
Nb grands-pères paternels différents	105
Nb max de descendants par GPP	359
Nb mères différentes	5 548
Nb max de descendants par mère	10
Nb grands-pères maternels différents	337
Nb max de descendants par GPM	257
Nb d'animaux avec deux parents connus	7 289

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 62%

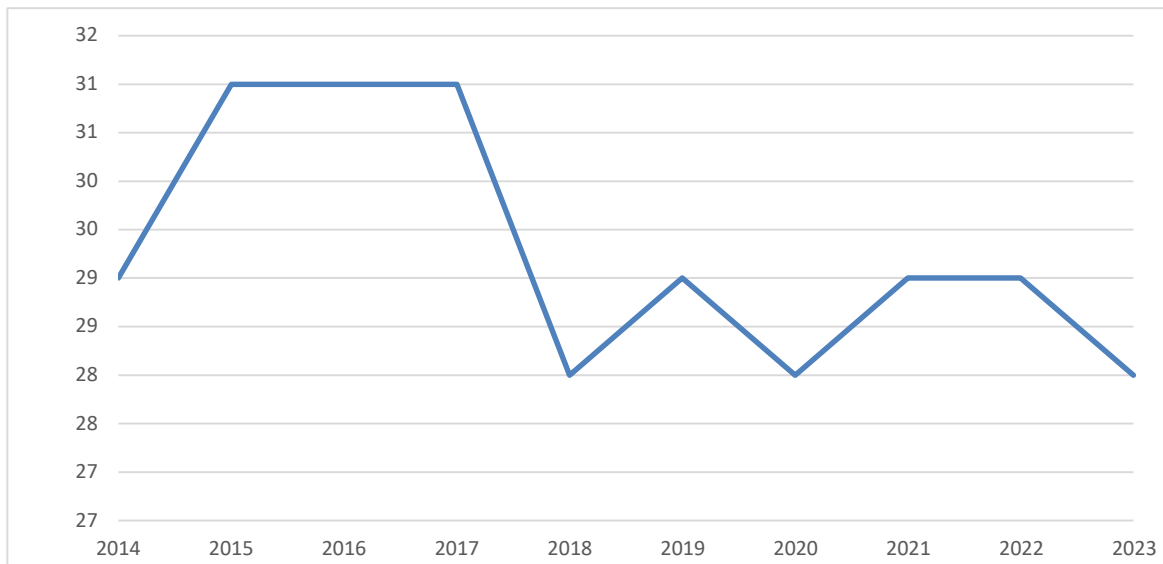
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

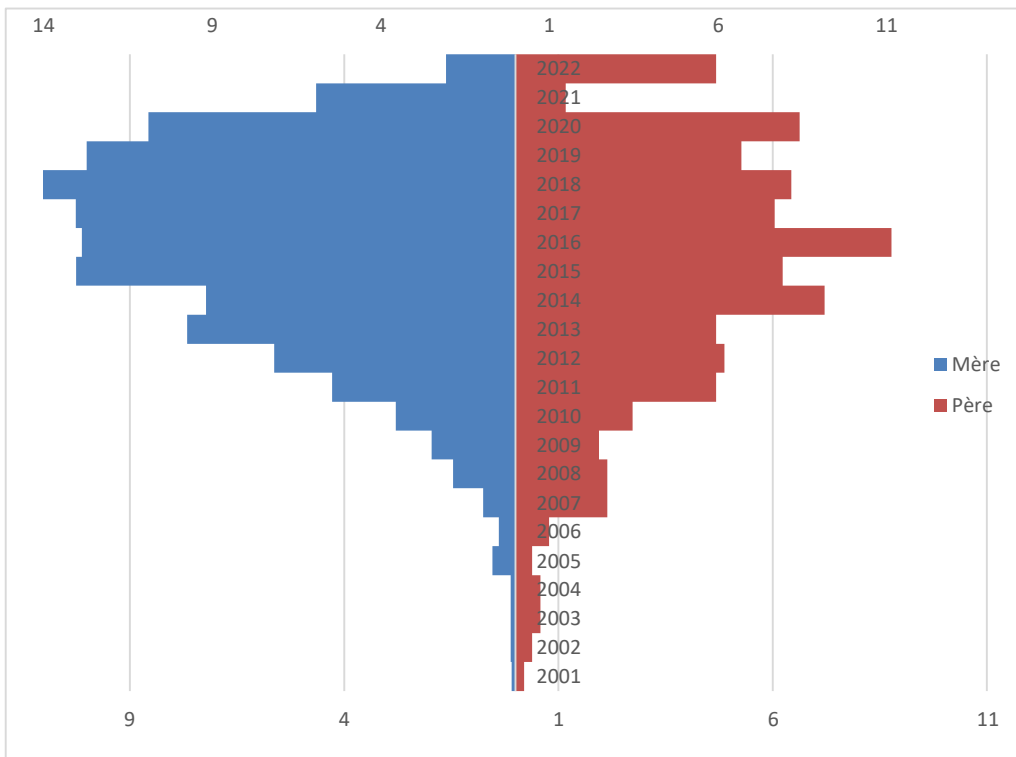
Croissance démographique ●-9

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



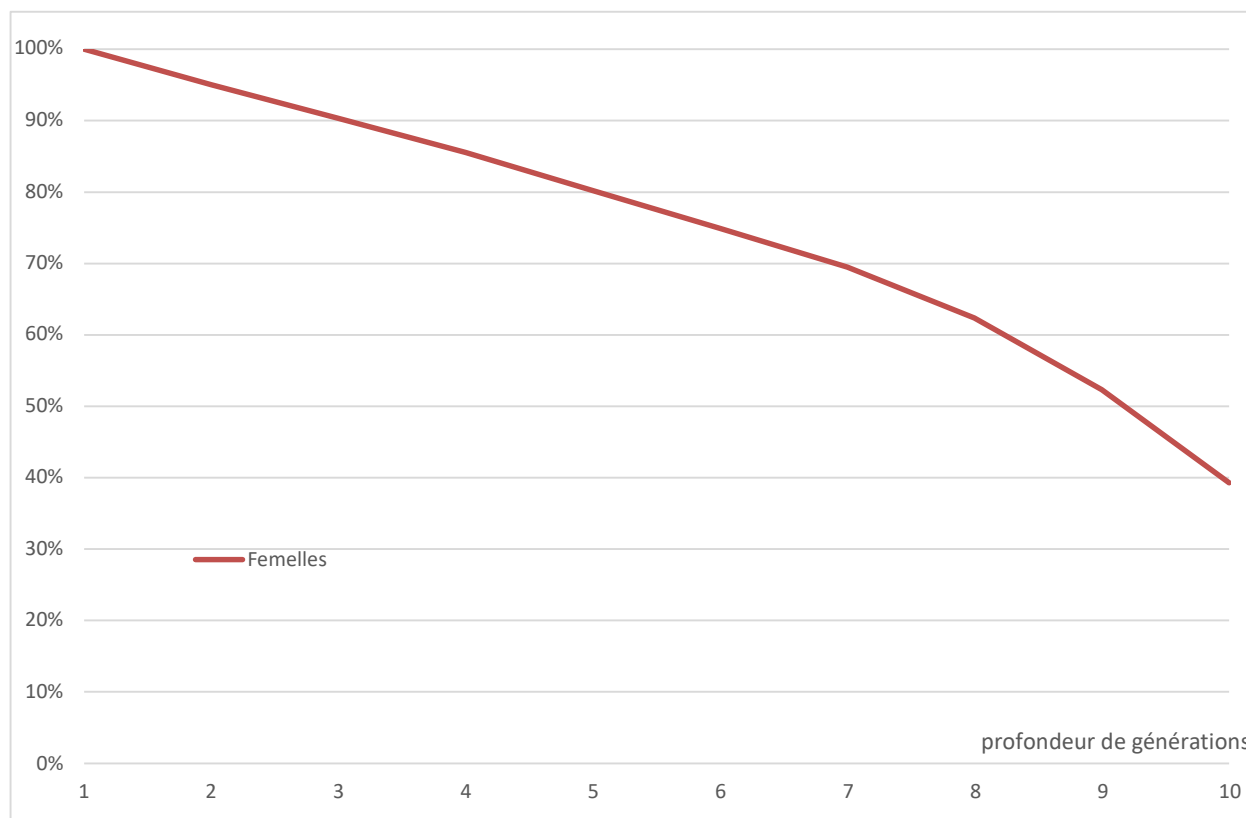
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,9
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,8
Moyenne 4 voies	3,3

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	7 285
Nb moyen de générations remontées	8,0
Nb moyen d'ancêtres connus	3 138
Nb maximum de générations remontées	25

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2020 -2023

Nombre de fondateurs	4 150
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	341
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	77
Ratio Ae/Fe	22,5%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,6%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	30

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	69190080970232	970232	M	1997	5,6%	5,6%	5,6%
2	32000230078	30078	M	2013	3,8%	3,7%	9,3%
3	11107005000598	000598	M	2000	3,3%	3,1%	12,3%
4	63066116011180	011180	M	2002	3,9%	3,0%	15,3%
5	48632050598	50598	M	2015	3,0%	2,7%	18,0%
6	32000230293	30293	M	2013	2,3%	2,3%	20,3%
7	38517007020273	020273	M	2003	2,3%	2,2%	22,5%
8	42286181990367	990367	F	1999	1,7%	1,7%	24,3%
9	30036380067	80067	M	2008	1,7%	1,7%	25,9%
10	48552360095	60095	M	2006	1,6%	1,6%	27,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	8,0
Consanguinité moyenne (%)	1,0
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,1
Parenté (%)	1,6
Consanguinité des parents (%)	0,7
Parentés des parents (%)	1,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	245
Taille efficace (méthode démographique)	768

La consanguinité apparait en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

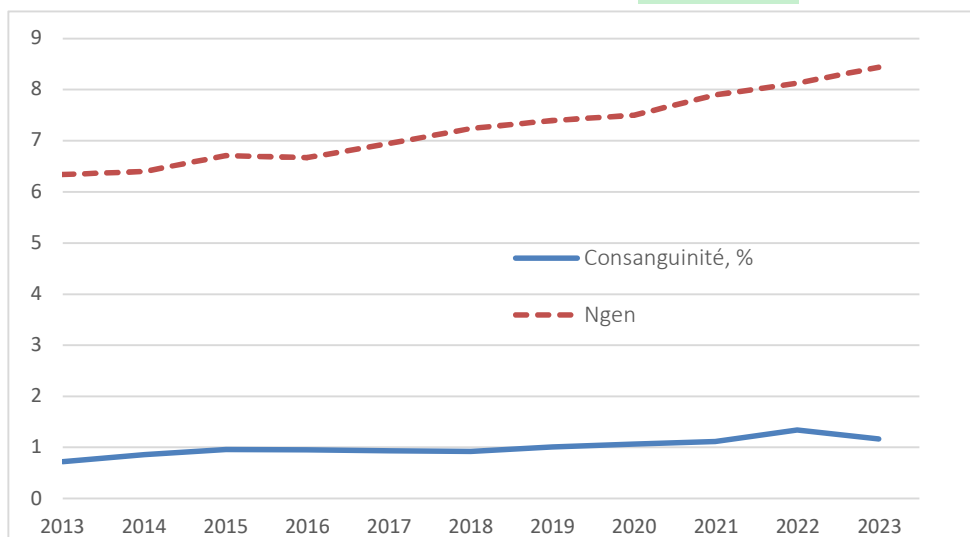
0% de consanguinité	3,3%
entre 0 à 3,125% inclus	95,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	1,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,2%
entre 12,5% à 25% inclus	0,0%
plus de 25%	0,4%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 0,6%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Taux d'accroissement de consanguinité par génération

0,05



LACAUNE**Informations démographiques**

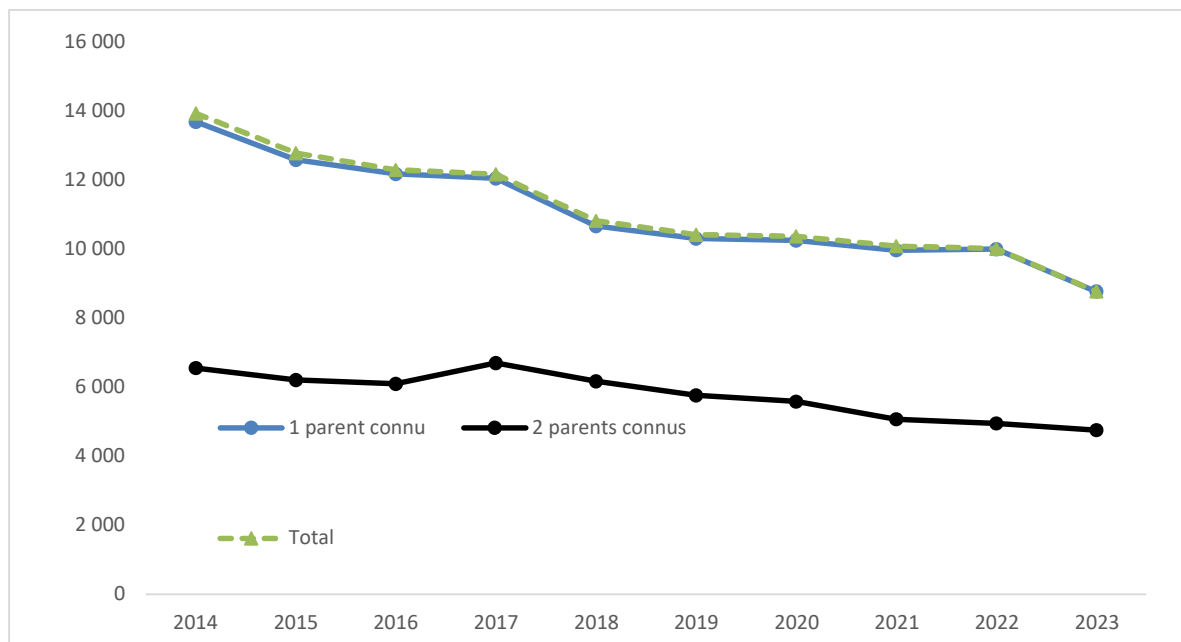
Période de naissance des femelles 2020 -2023
Femelles Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	39 285	151
Nb pères différents	200	62
Nb max de descendants par père	809	13
Nb grands-pères paternels différents	76	38
Nb max de descendants par GPP	1 658	14
Nb mères différentes	15 296	144
Nb max de descendants par mère	13	2
Nb grands-pères maternels différents	375	38
Nb max de descendants par GPM	1 076	14
Nb d'animaux avec deux parents connus	20 407	151

* père des femelles

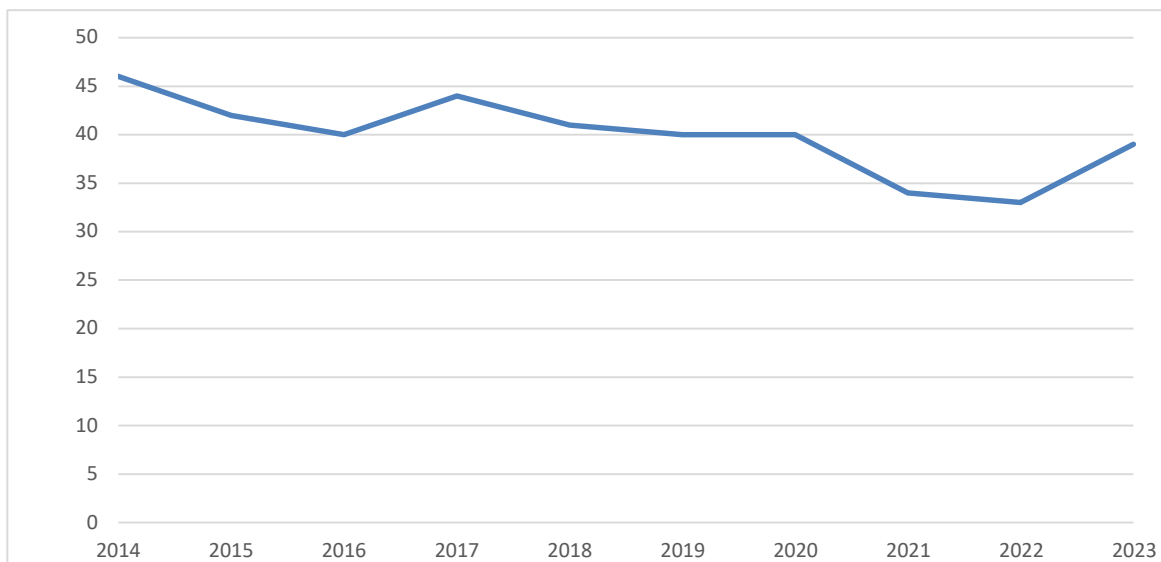
Rapport 2 parents connus/total des femelles 52%

% femelles issues IA 48

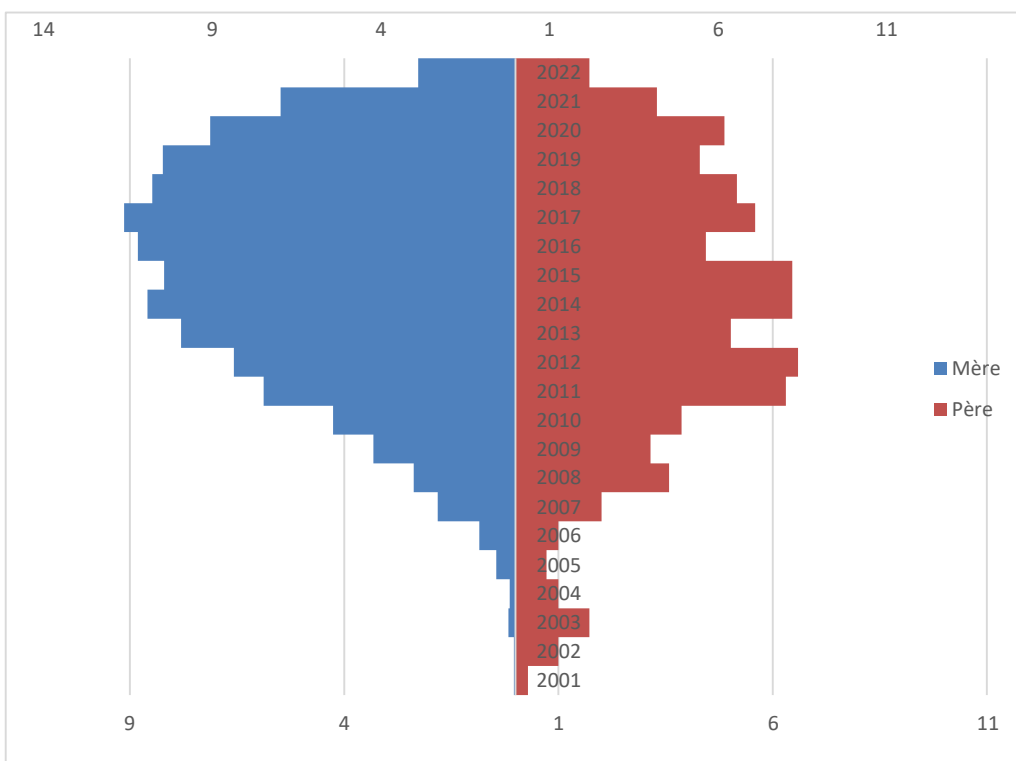
Evolution de la population femelle**Croissance démographique ●-20**

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

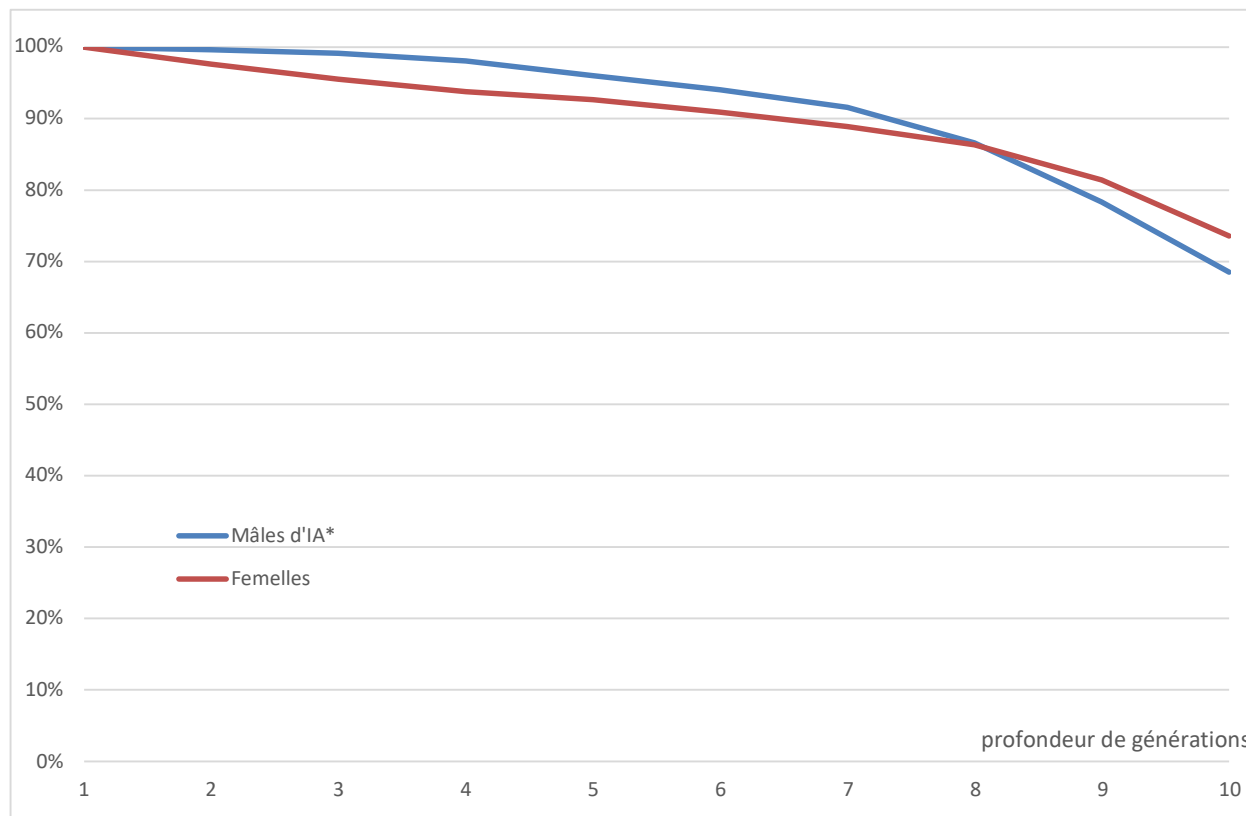
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,8
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,0
Moyenne 4 voies	3,9

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	20 407	151
Nb moyen de générations remontées	11,1	10,7
Nb moyen d'ancêtres connus	28 346	16 052
Nb maximum de générations remontées	27	24

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2020 -2023

Nombre de fondateurs	5 334
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	173
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	37
Ratio Ae/Fe	21,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	7,7%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	14

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	55000170003	70003	M	2007	7,7%	7,7%	7,7%
2	12194081950068	950068	M	1995	7,1%	7,1%	14,8%
3	81266181030151	030151	M	2003	6,6%	5,8%	20,6%
4	81299230000094	000094	M	2000	5,3%	5,3%	25,9%
5	12199294900029	900029	M	1990	5,2%	3,8%	29,7%
6	55000162148	62148	M	2016	4,1%	3,4%	33,1%
7	55000280226	80226	M	2008	3,3%	3,2%	36,2%
8	55572000181	00181	M	2010	2,8%	2,6%	38,8%
9	81301056040315	040315	F	2004	3,0%	2,4%	41,1%
10	55219430128	30128	M	2013	3,0%	2,4%	43,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	11,1
Consanguinité moyenne (%)	2,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,8
Parenté (%)	3,7
Consanguinité des parents (%)	2,3
Parentés des parents (%)	2,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	147
Taille efficace (méthode démographique)	790

La consanguinité apparait en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

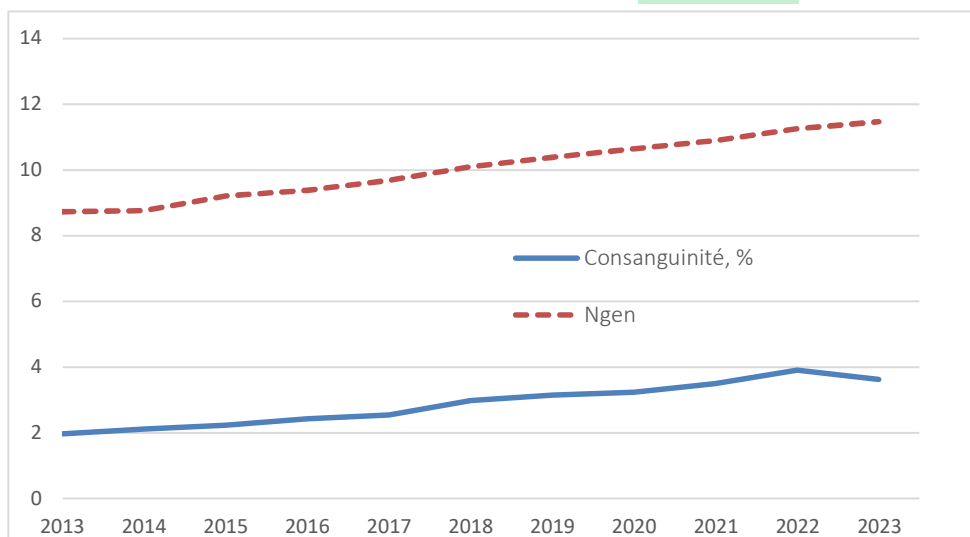
0% de consanguinité	6,1%
entre 0 à 3,125% inclus	63,7%
entre 3,125% à 6,25% inclus	24,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	4,5%
entre 12,5% à 25% inclus	1,3%
plus de 25%	0,4%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 6,2%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Taux d'accroissement de consanguinité par génération

0,20



LACAUNE VIANDE GID**Informations démographiques**

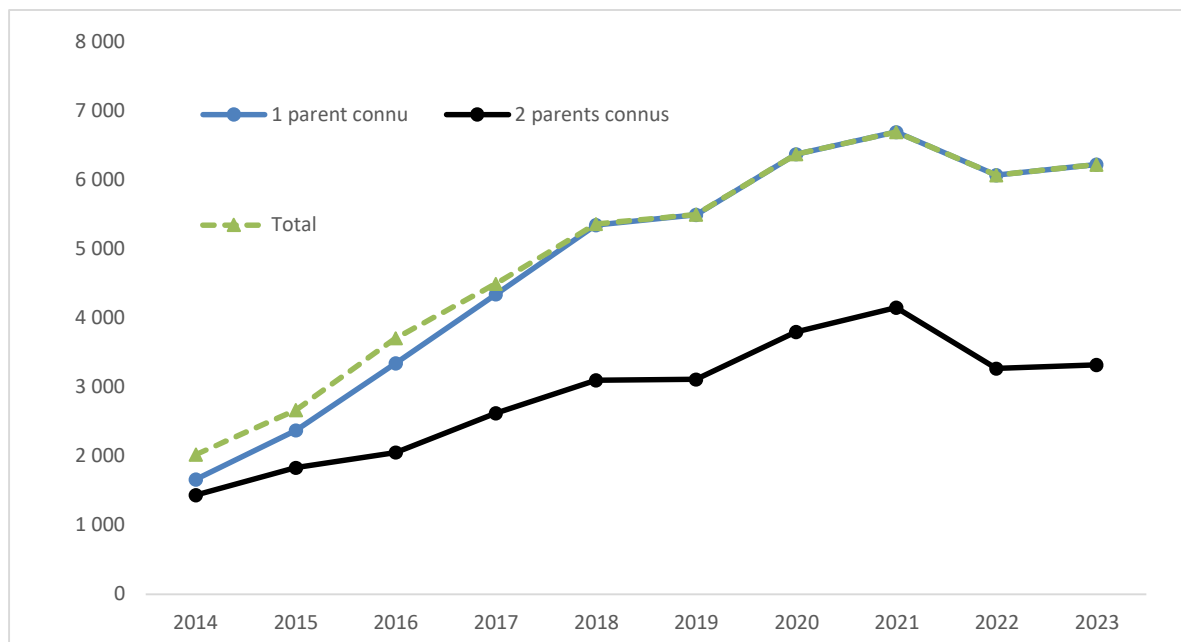
Période de naissance des femelles 2020 -2023
Femelles Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	25 400	150
Nb pères différents	217	63
Nb max de descendants par père	299	9
Nb grands-pères paternels différents	80	36
Nb max de descendants par GPP	1 074	19
Nb mères différentes	10 227	140
Nb max de descendants par mère	11	3
Nb grands-pères maternels différents	350	36
Nb max de descendants par GPM	518	11
Nb d'animaux avec deux parents connus	14 564	150

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 57%

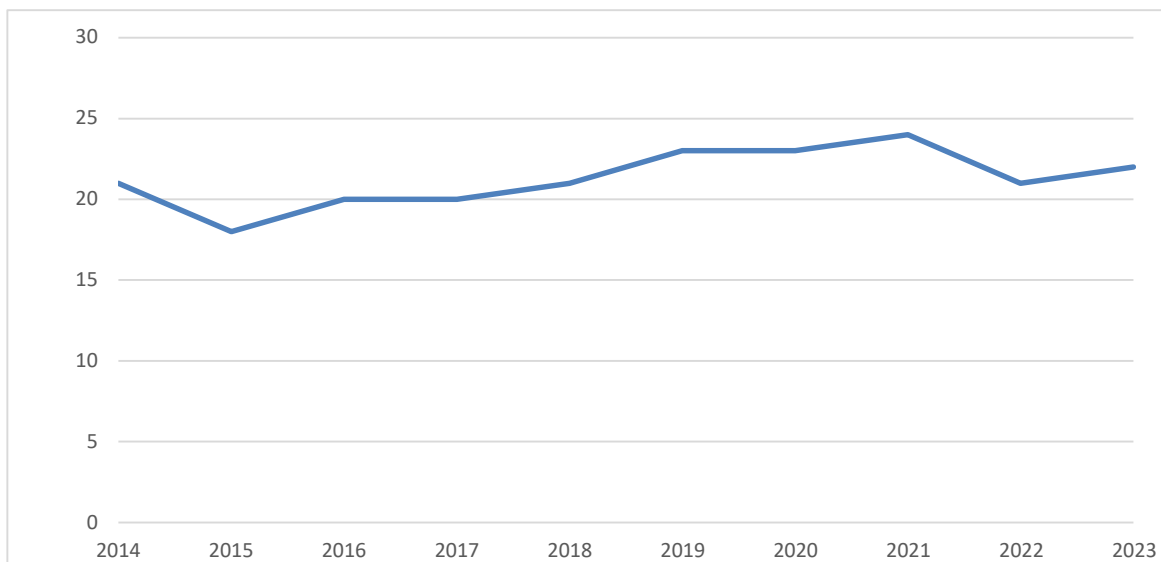
% femelles issues IA 53

Evolution de la population femelle

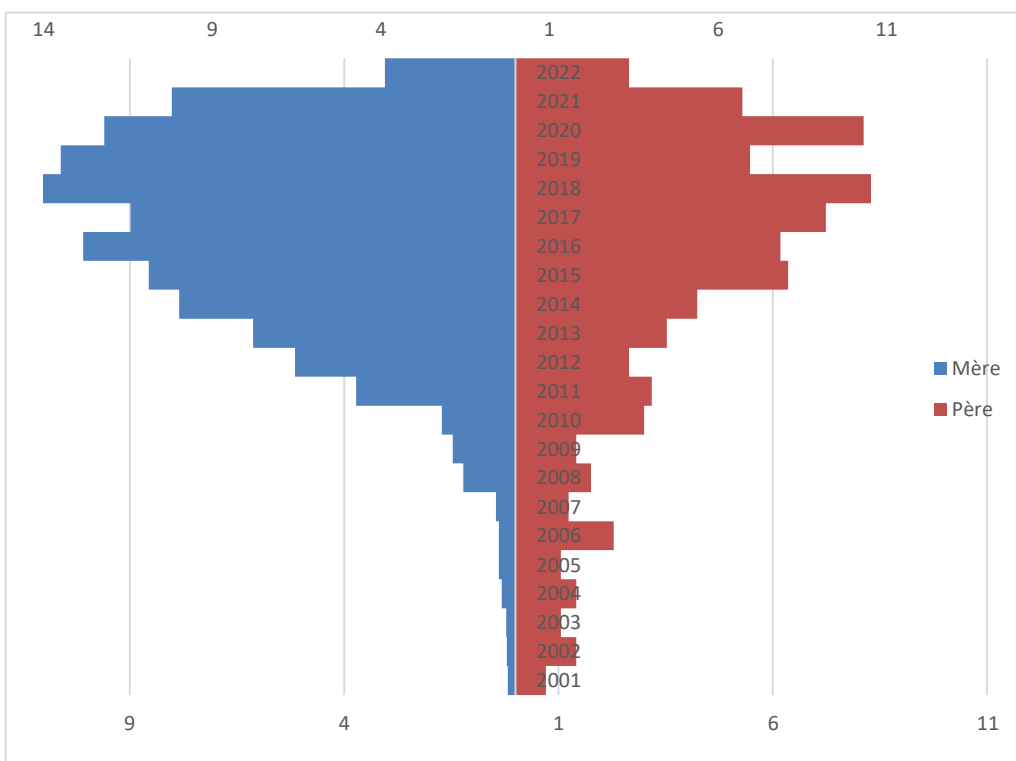
Croissance démographique ●69

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

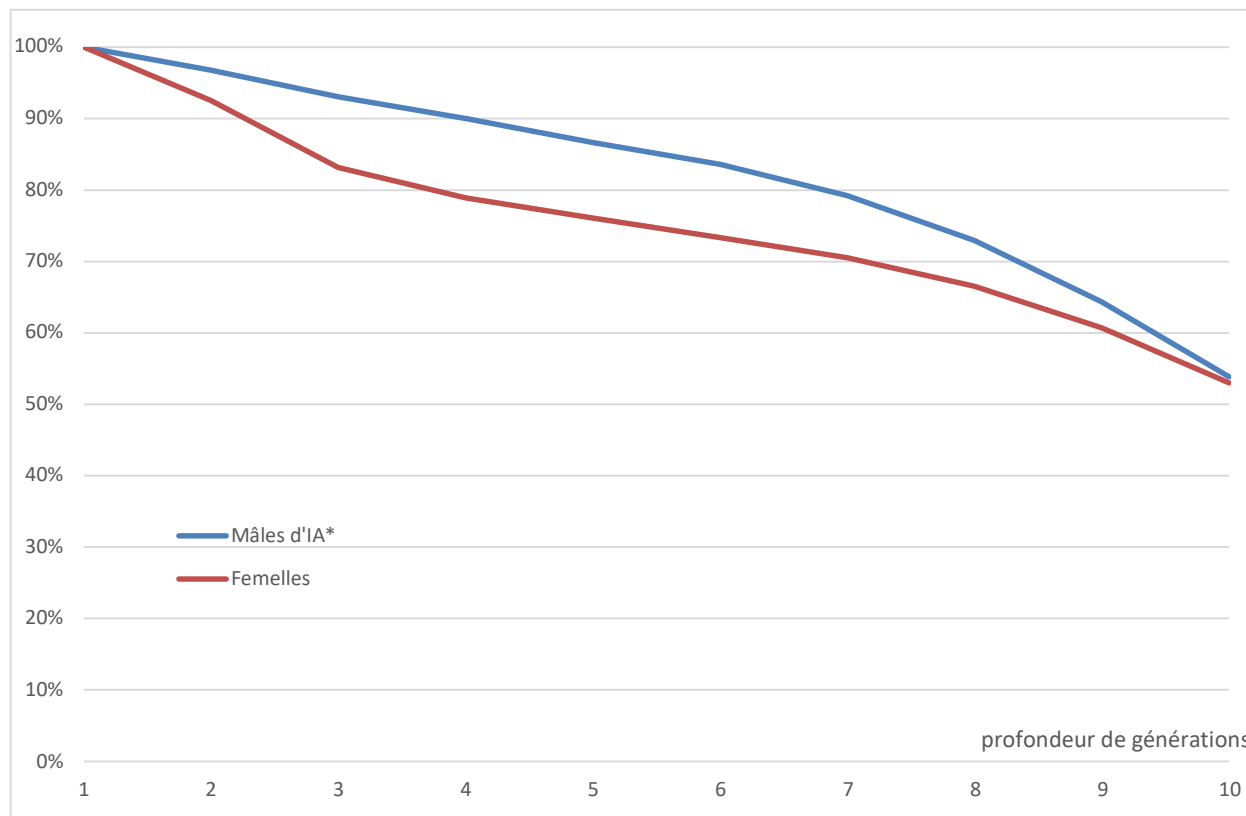
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,1
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,8
Moyenne 4 voies	3,3

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	14 533	150
Nb moyen de générations remontées	9,0	9,5
Nb moyen d'ancêtres connus	30 045	20 457
Nb maximum de générations remontées	27	25

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2020 -2023

Nombre de fondateurs	5 643
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	252
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	42
Ratio Ae/Fe	16,8%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	9,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	18

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	16105400317	00317	M	2010	9,9%	9,9%	9,9%
2	16180720210	20210	M	2012	5,4%	5,4%	15,4%
3	55021462140	62140	M	2016	4,3%	4,3%	19,6%
4	15559960432	60432	M	2006	4,1%	3,9%	23,5%
5	15559960514	60514	M	2006	3,9%	3,4%	26,9%
6	16212980174	80174	M	2008	3,4%	3,2%	30,0%
7	15559960478	60478	M	2006	4,1%	3,1%	33,2%
8	12057128950962	950962	M	1995	4,2%	2,9%	36,0%
9	81233065000057	000057	M	2000	2,4%	2,1%	38,1%
10	12173002011472	011472	M	2001	3,1%	2,0%	40,1%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	9,0
Consanguinité moyenne (%)	2,2
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	3,2
Consanguinité des parents (%)	1,4
Parentés des parents (%)	1,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	142
Taille efficace (méthode démographique)	850

La consanguinité apparait en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

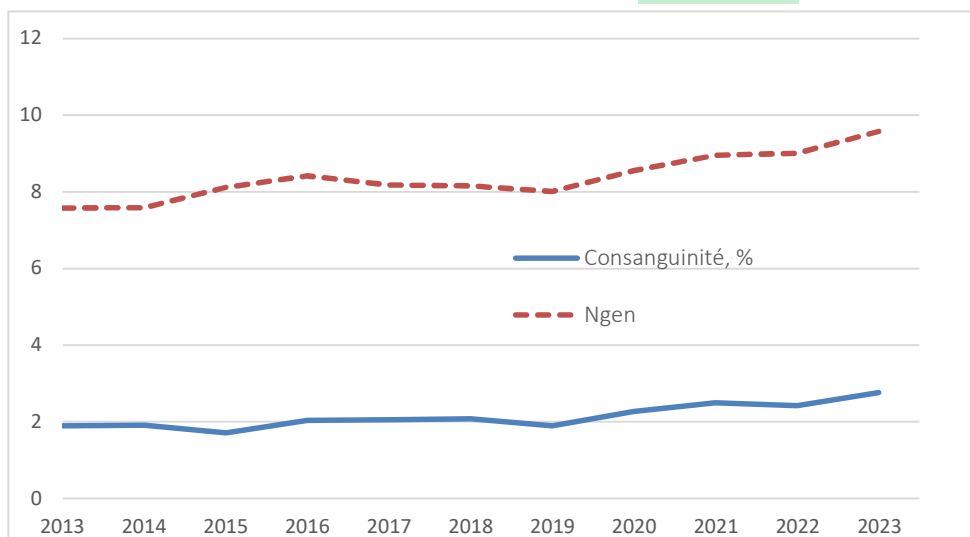
0% de consanguinité	16,9%
entre 0 à 3,125% inclus	57,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	23,5%
entre 6,25% à 12,5% inclus	2,1%
entre 12,5% à 25% inclus	0,4%
plus de 25%	0,1%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 2,5%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Taux d'accroissement de consanguinité par génération

0,12



LIMOUSINE

Informations démographiques

Période de naissance des femelles 2020 -2023
Femelles Mâles d'IA*

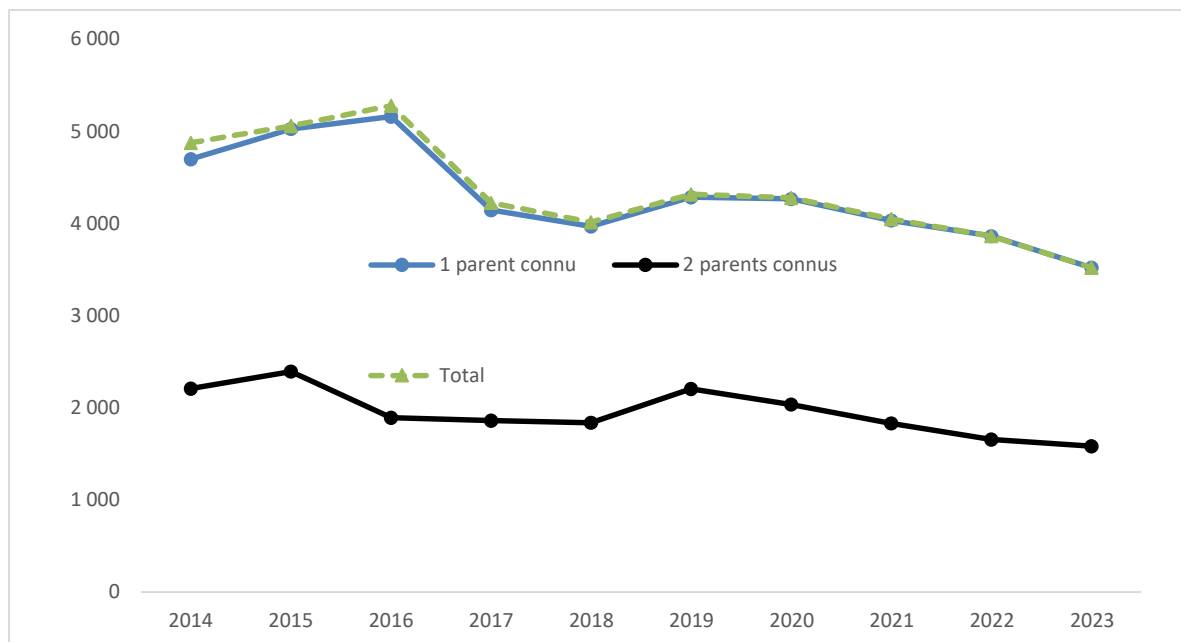
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	15 735	20
Nb pères différents	188	17
Nb max de descendants par père	138	2
Nb grands-pères paternels différents	94	14
Nb max de descendants par GPP	526	3
Nb mères différentes	8 718	19
Nb max de descendants par mère	9	2
Nb grands-pères maternels différents	337	14
Nb max de descendants par GPM	202	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	7 116	20

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 45%

% femelles issues IA 7

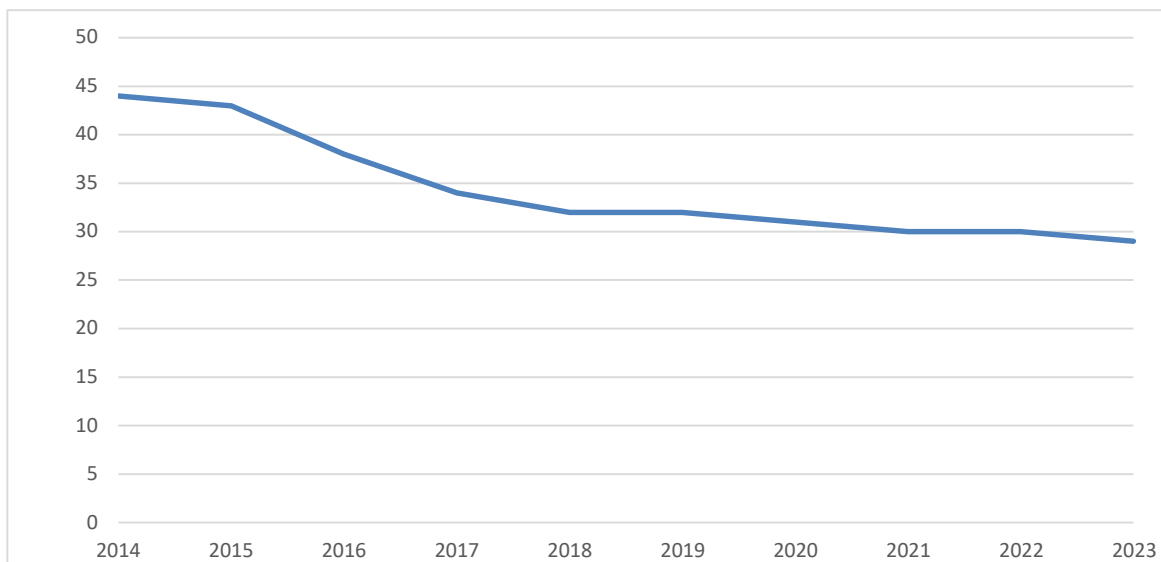
Evolution de la population femelle



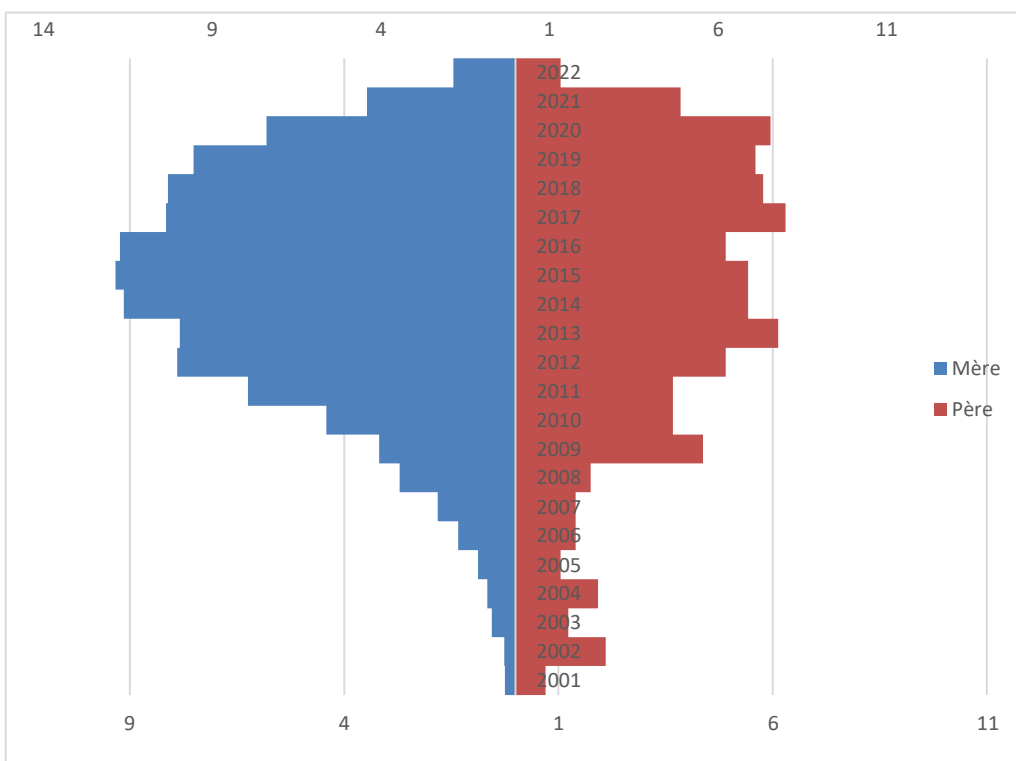
Croissance démographique ●-15

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

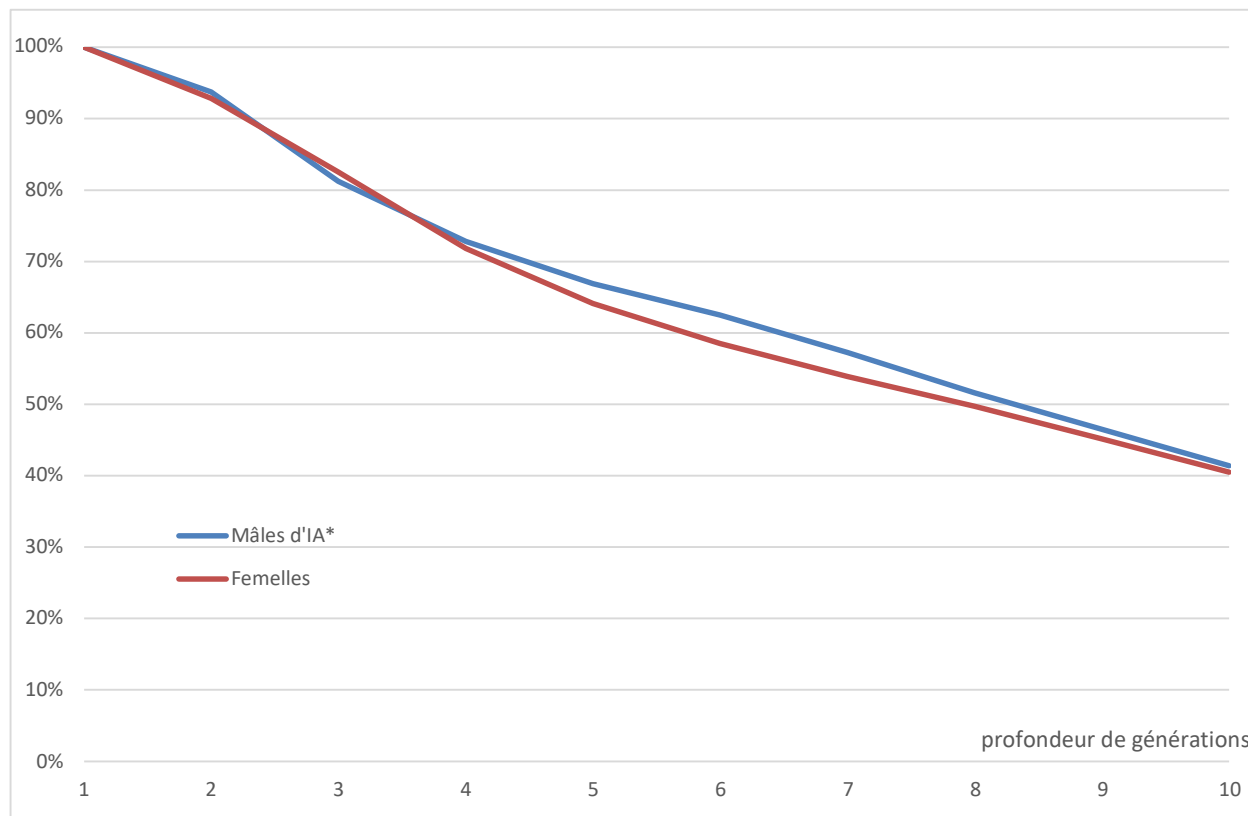
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,2
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,7
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,2
Moyenne 4 voies	3,8

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	7 116	20
Nb moyen de générations remontées	7,9	7,8
Nb moyen d'ancêtres connus	26 641	15 467
Nb maximum de générations remontées	28	26

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2020 -2023

Nombre de fondateurs	6 158
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	262
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	78
Ratio Ae/Fe	29,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,7%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	29

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	23090163820062	820062	M	1982	4,7%	4,7%	4,7%
2	20557473046	73046	M	2007	4,3%	4,0%	8,7%
3	18501890334	90334	M	2010	4,0%	3,8%	12,6%
4	23090171900343	900343	M	1991	3,7%	3,0%	15,5%
5	20500541320	41320	M	2015	2,9%	2,8%	18,3%
6	20624141350	41350	M	2014	3,1%	2,8%	21,1%
7	20500521114	21114	M	2012	2,6%	2,6%	23,7%
8	23090163770263	770263	M	1978	3,1%	2,1%	25,8%
9	20624101482	01482	F	2010	2,3%	1,8%	27,6%
10	23090212860185	860185	M	1987	2,4%	1,7%	29,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,9
Consanguinité moyenne (%)	1,5
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,3
Parenté (%)	1,8
Consanguinité des parents (%)	0,7
Parentés des parents (%)	0,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	224
Taille efficace (méthode démographique)	736

La consanguinité apparait en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

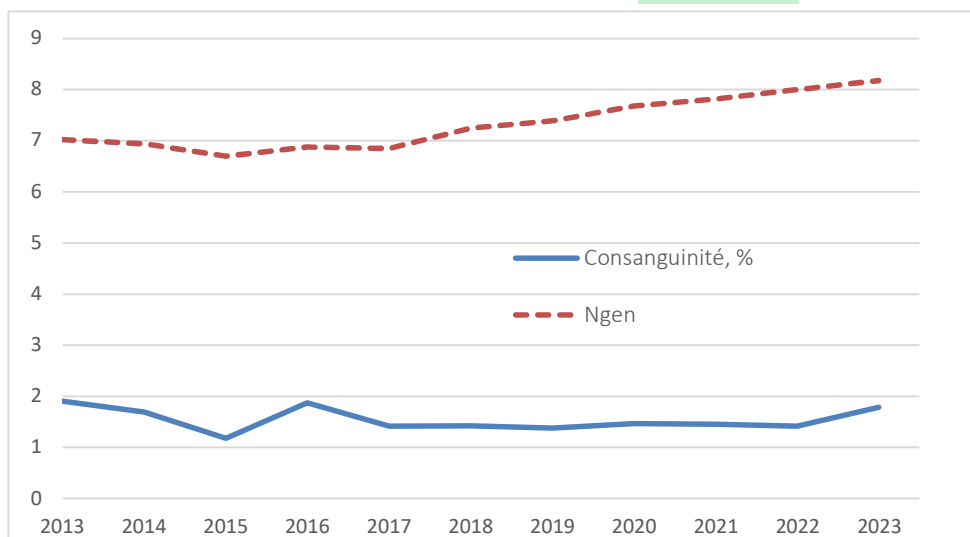
0% de consanguinité	15,3%
entre 0 à 3,125% inclus	75,9%
entre 3,125% à 6,25% inclus	6,2%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,1%
entre 12,5% à 25% inclus	0,6%
plus de 25%	0,9%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 2,6%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Taux d'accroissement de consanguinité par génération

0,00



MARTINIK**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2020 -2023

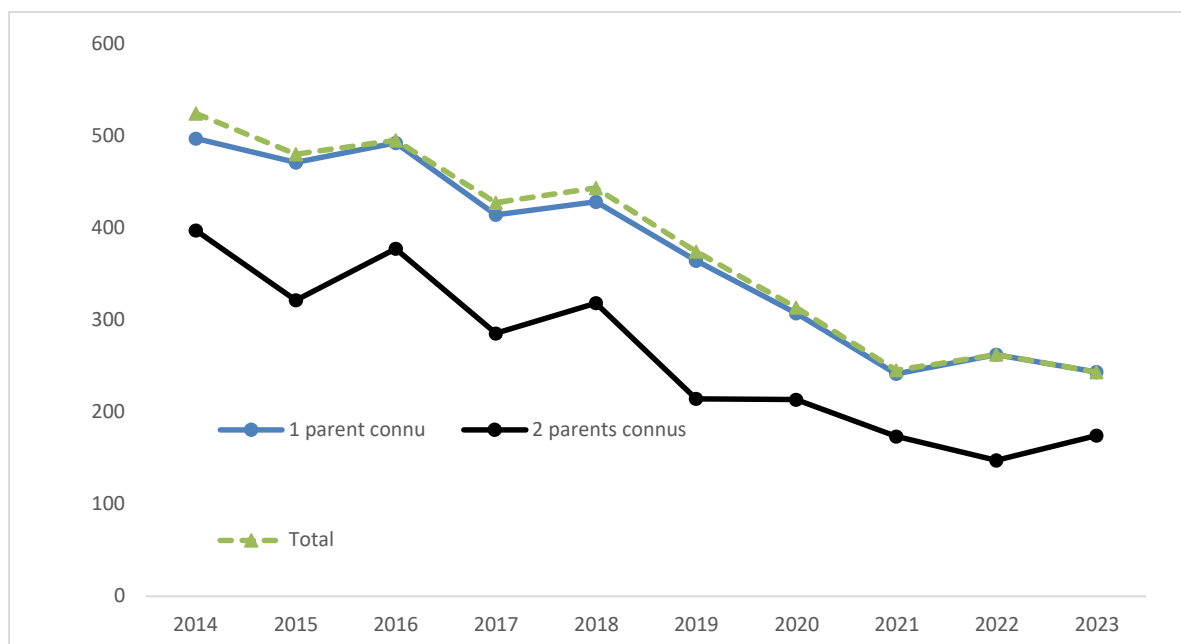
Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	1 067
Nb pères différents	22
Nb max de descendants par père	128
Nb grands-pères paternels différents	14
Nb max de descendants par GPP	120
Nb mères différentes	512
Nb max de descendants par mère	8
Nb grands-pères maternels différents	52
Nb max de descendants par GPM	168
Nb d'animaux avec deux parents connus	711

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 67%

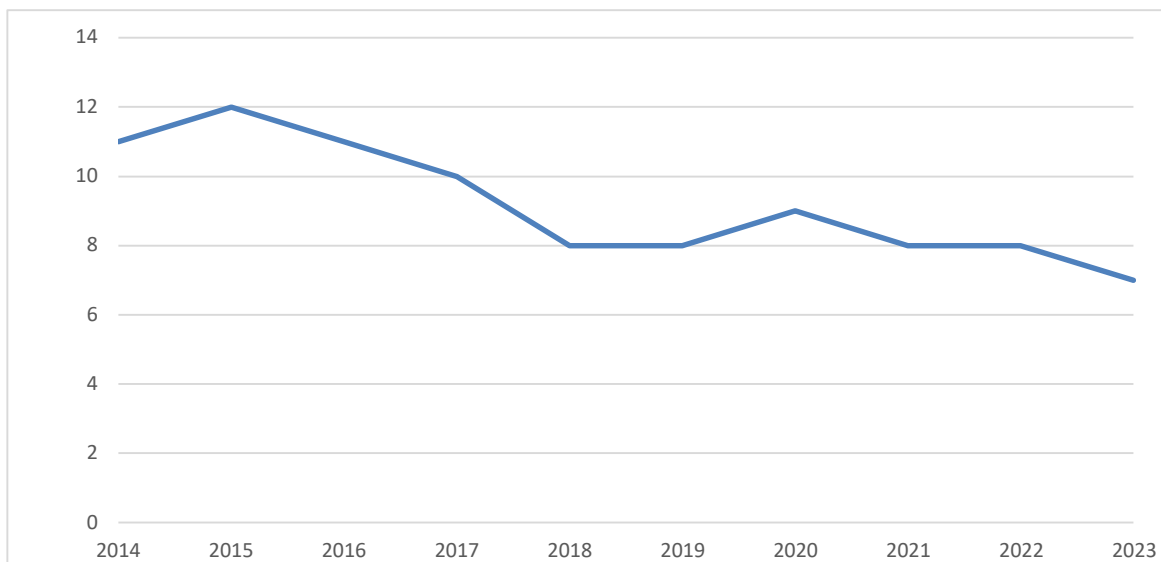
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

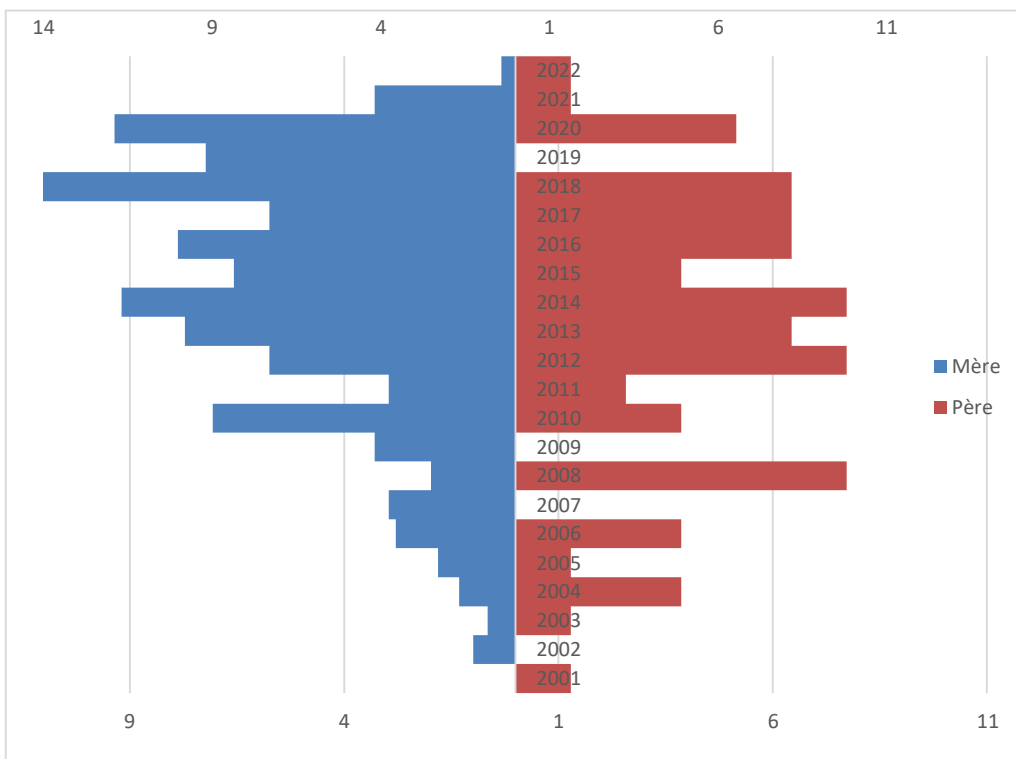
Croissance démographique ● -39

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



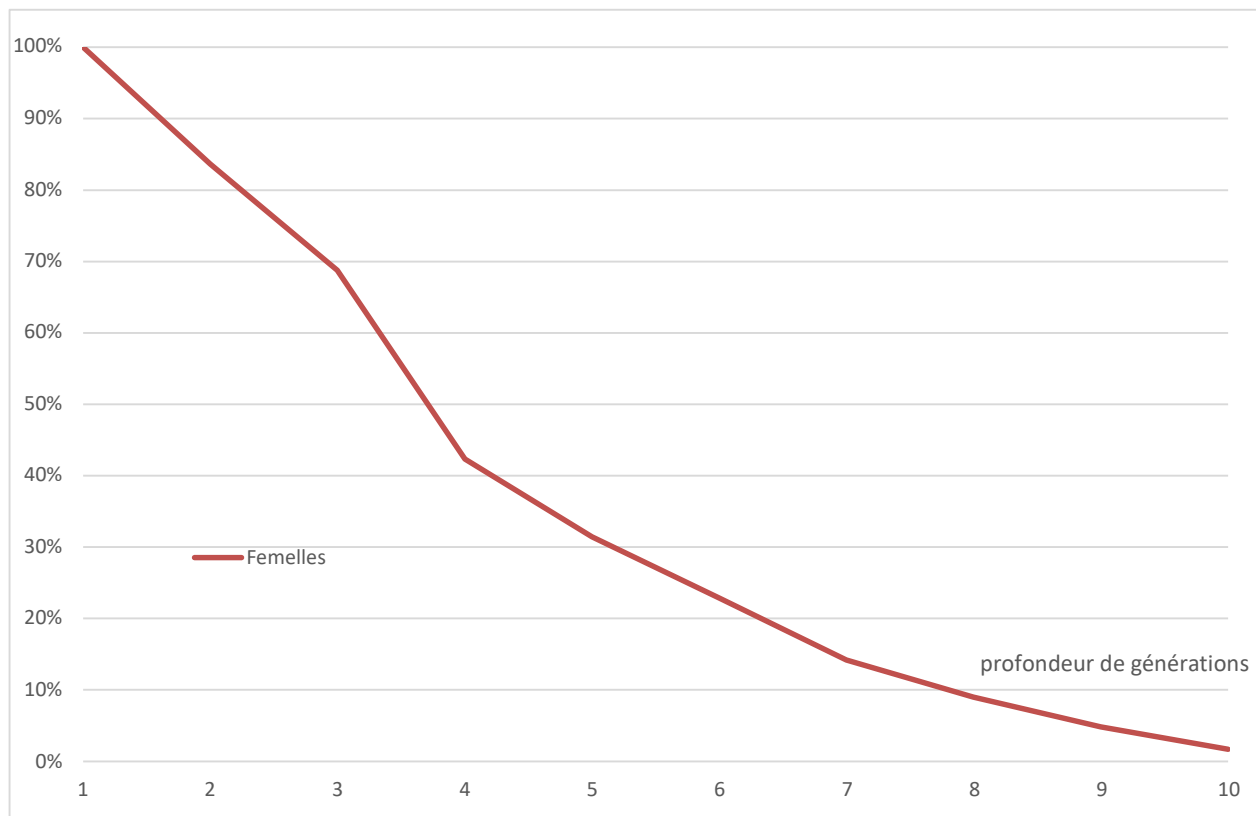
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,5
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,7
Moyenne 4 voies	3,6

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	711
Nb moyen de générations remontées	3,8
Nb moyen d'ancêtres connus	135
Nb maximum de générations remontées	14

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2020 -2023

Nombre de fondateurs	376
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	62
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	20
Ratio Ae/Fe	32,0%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	13,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	8

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	62516070121	70121	M	2017	13,9%	13,9%	13,9%
2	62516030175	30175	M	2013	11,5%	11,5%	25,4%
3	62516080084	80084	M	2018	8,8%	8,8%	34,1%
4	62516060136	60136	M	2016	4,9%	4,9%	39,0%
5	62516008096	08096	M	2008	3,8%	3,8%	42,8%
6	62516080144	80144	M	2018	3,2%	3,2%	46,0%
7	62522670223	70223	M	2017	2,9%	2,9%	48,9%
8	62521760103	60103	M	2016	2,5%	2,3%	51,2%
9	62516020082	20082	M	2012	5,3%	2,3%	53,5%
10	61514911066	11066	M	2011	2,0%	2,0%	55,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	3,8
Consanguinité moyenne (%)	1,6
Consanguinité sur 3 générations (%)	2,5
Parenté (%)	3,3
Consanguinité des parents (%)	1,2
Parentés des parents (%)	1,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	57
Taille efficace (méthode démographique)	84

La consanguinité apparait en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

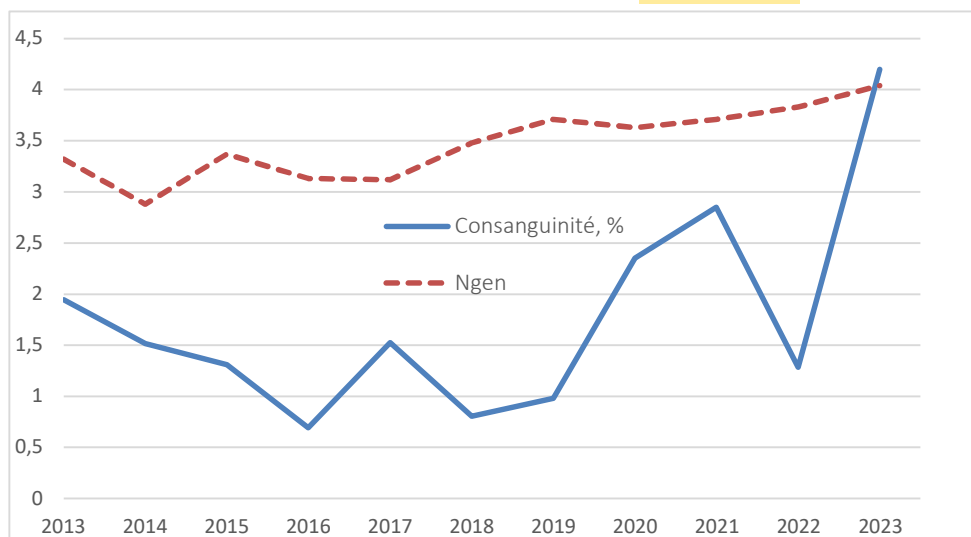
0% de consanguinité	47,4%
entre 0 à 3,125% inclus	40,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	3,3%
entre 6,25% à 12,5% inclus	6,0%
entre 12,5% à 25% inclus	1,4%
plus de 25%	1,9%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 9,3%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Taux d'accroissement de consanguinité par génération

0,42



MÉRINOS D'ARLES

Informations démographiques

Période de naissance des femelles 2020 -2023

Femelles

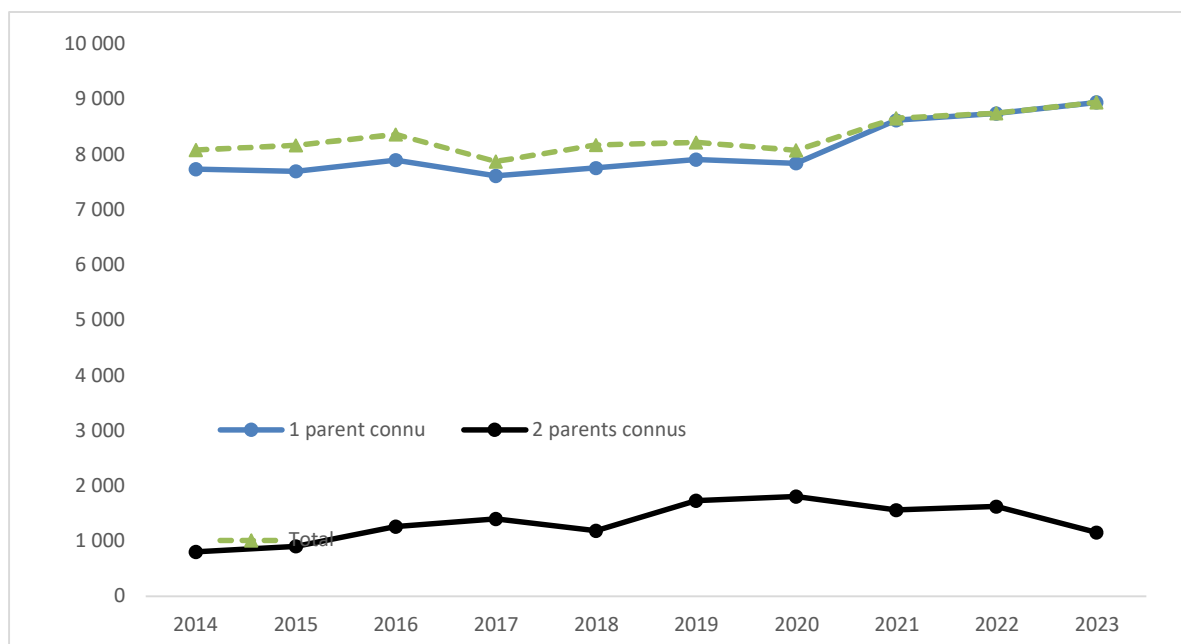
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	34 459
Nb pères différents	409
Nb max de descendants par père	67
Nb grands-pères paternels différents	192
Nb max de descendants par GPP	276
Nb mères différentes	18 568
Nb max de descendants par mère	7
Nb grands-pères maternels différents	508
Nb max de descendants par GPM	165
Nb d'animaux avec deux parents connus	6 167

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 18%

% femelles issues IA 0

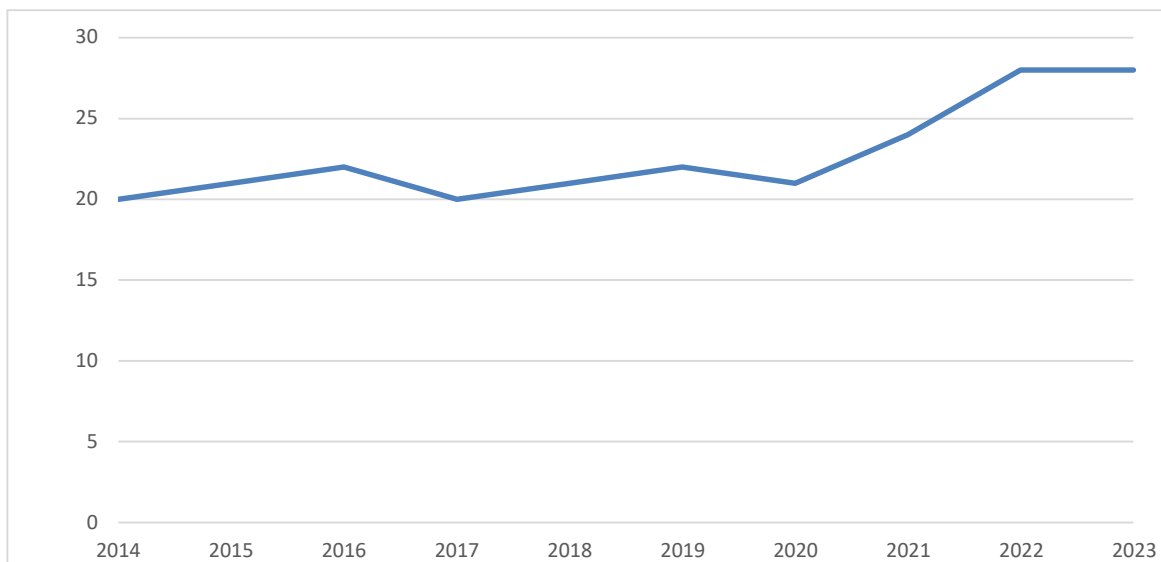
Evolution de la population femelle



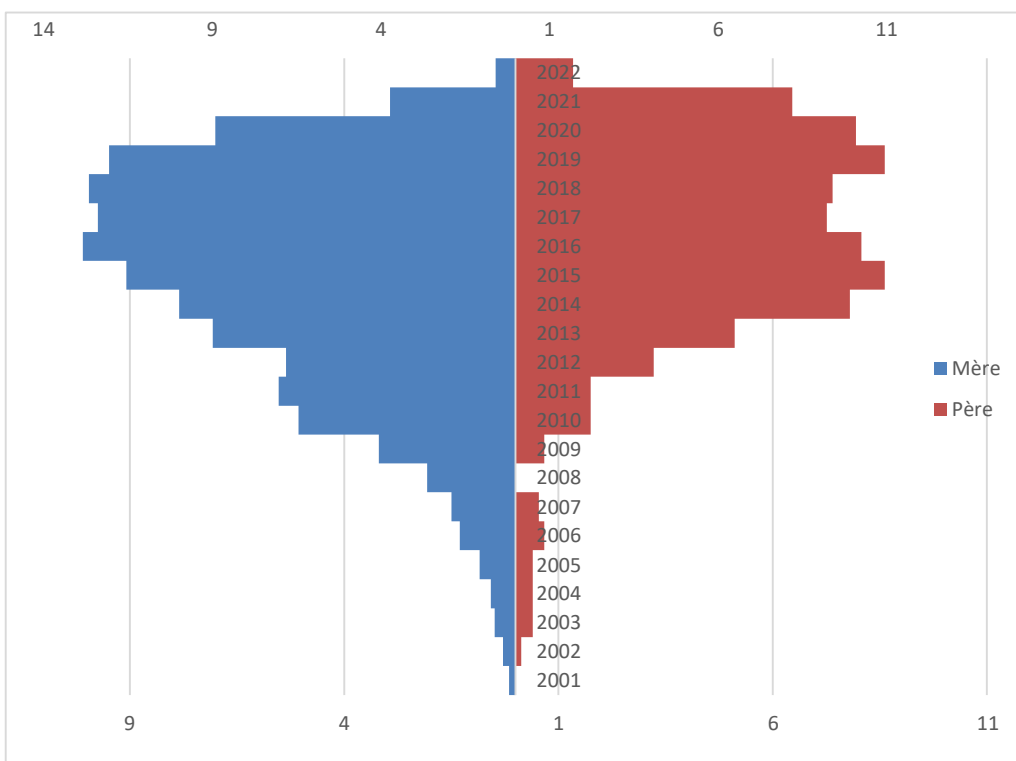
Croissance démographique ●5

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



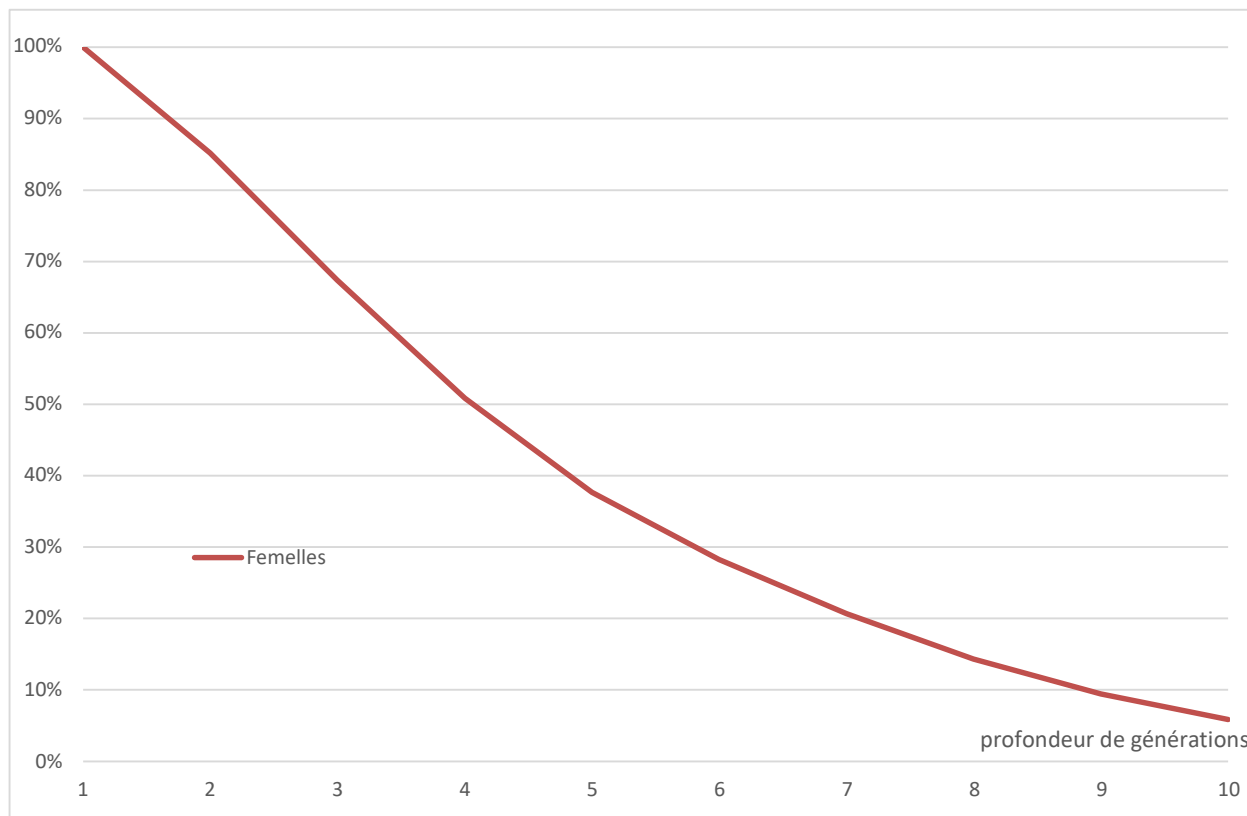
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,4
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,3
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,6
Moyenne 4 voies	4,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	6 167
Nb moyen de générations remontées	4,2
Nb moyen d'ancêtres connus	414
Nb maximum de générations remontées	19

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2020 -2023

Nombre de fondateurs	11 154
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	1073
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	293
Ratio Ae/Fe	27,3%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	2,1%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	127

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	17000591047	91047	M	2010	2,1%	2,1%	2,1%
2	51071830077	30077	M	2013	1,8%	1,8%	3,9%
3	17000521035	21035	M	2013	1,5%	1,5%	5,4%
4	17033510272	10272	M	2012	1,4%	1,4%	6,8%
5	17033560309	60309	M	2007	1,2%	1,2%	7,9%
6	13097746006274	006274	M	2001	1,2%	1,0%	9,0%
7	04219001030258	030258	M	2004	1,0%	1,0%	9,9%
8	12502700326	00326	M	2011	0,9%	0,9%	10,8%
9	13097746005244	005244	M	2001	1,2%	0,9%	11,7%
10	51071830045	30045	M	2013	0,8%	0,8%	12,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	4,2
Consanguinité moyenne (%)	0,2
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,1
Parenté (%)	0,3
Consanguinité des parents (%)	0,1
Parentés des parents (%)	0,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	688
Taille efficace (méthode démographique)	1 601

La consanguinité apparait en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

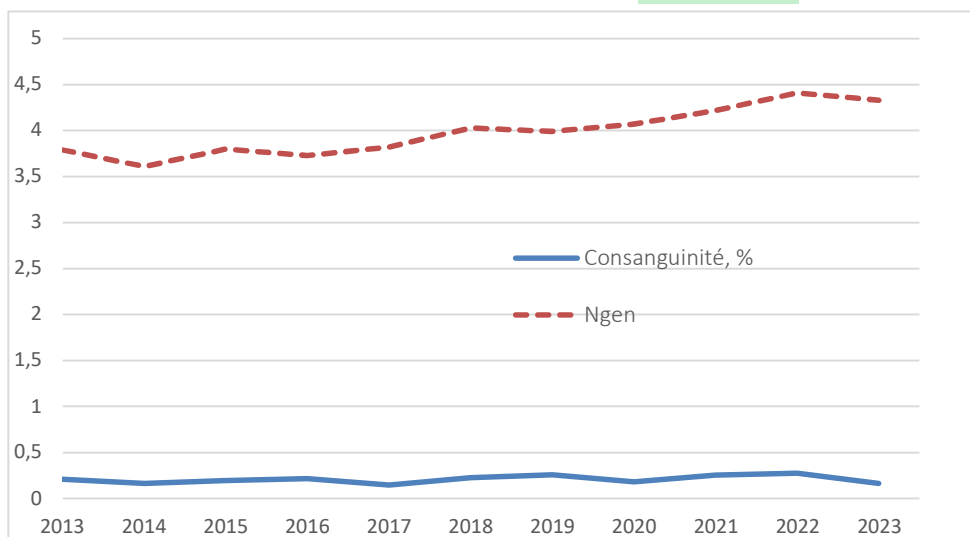
0% de consanguinité	36,1%
entre 0 à 3,125% inclus	62,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	1,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,4%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,1%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 0,8%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Taux d'accroissement de consanguinité par génération

0,00



NOIR DU VELAY**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2020 -2023

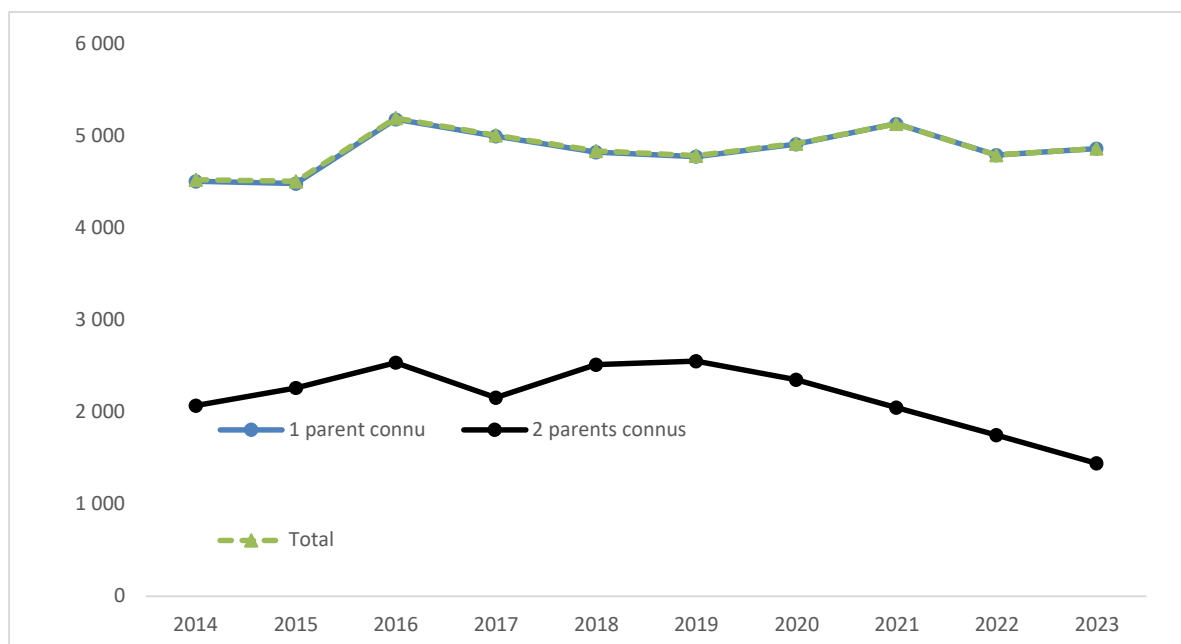
Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	19 728
Nb pères différents	172
Nb max de descendants par père	375
Nb grands-pères paternels différents	84
Nb max de descendants par GPP	503
Nb mères différentes	7 569
Nb max de descendants par mère	13
Nb grands-pères maternels différents	292
Nb max de descendants par GPM	277
Nb d'animaux avec deux parents connus	7 613

* père des femelles

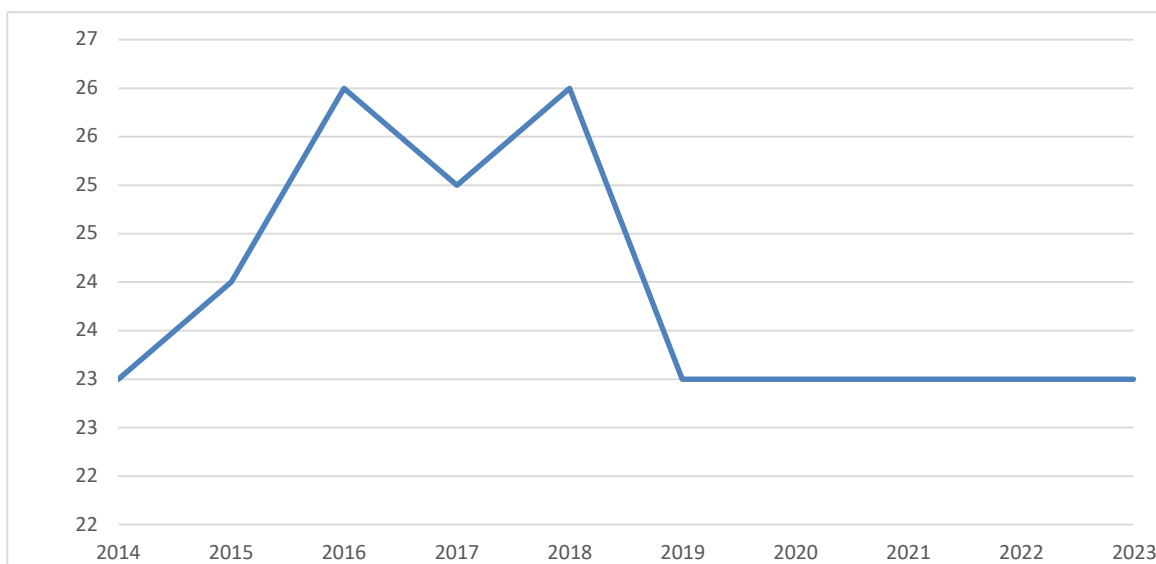
Rapport 2 parents connus/total des femelles 39%

% femelles issues IA 0

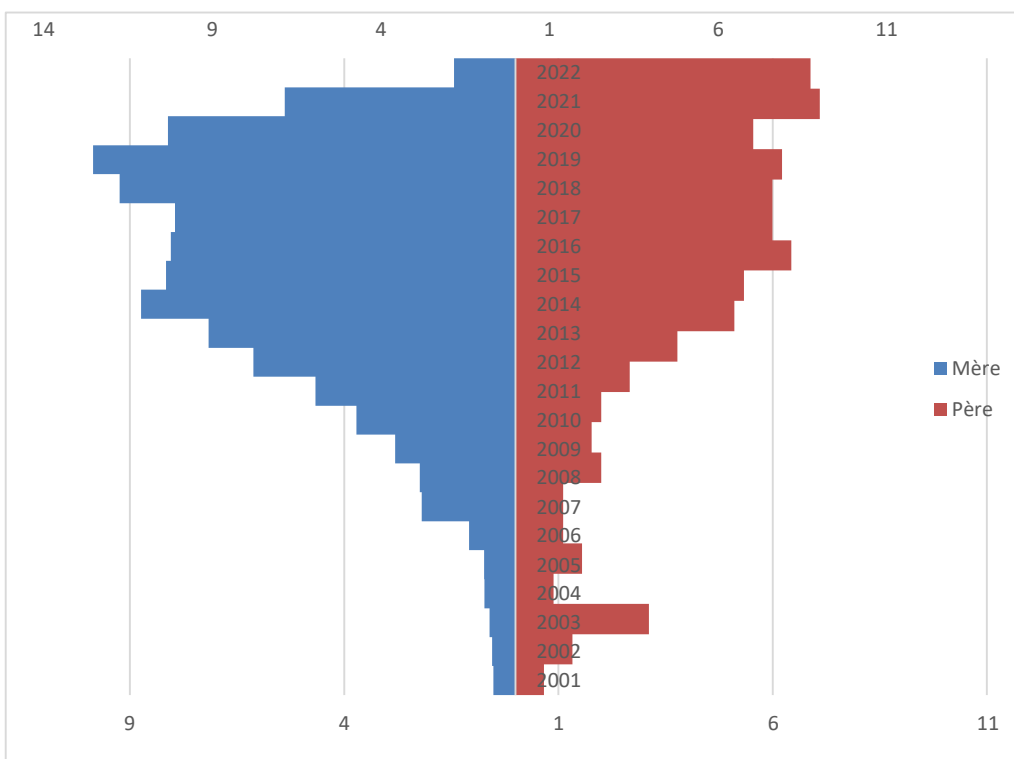
Evolution de la population femelle**Croissance démographique ●2**

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



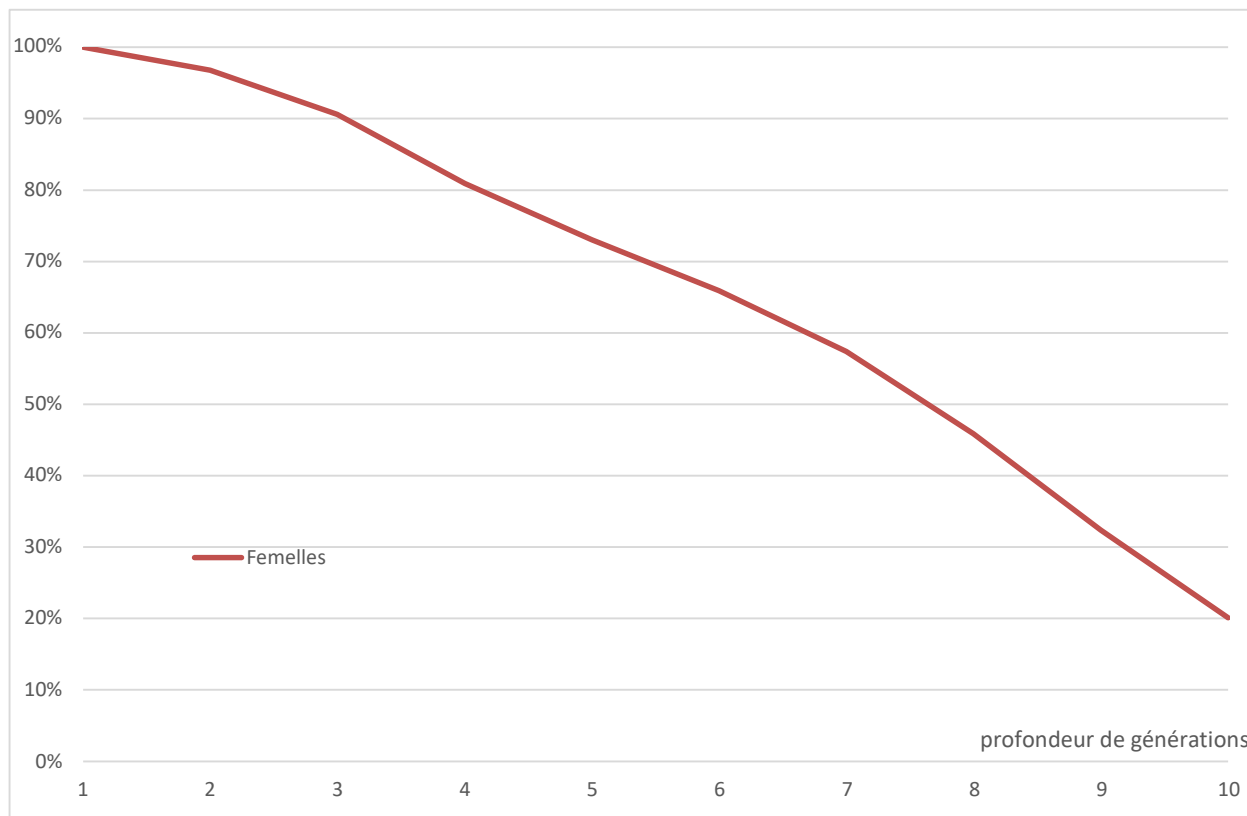
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,7
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,5
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,0
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,8
Moyenne 4 voies	3,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	7 612
Nb moyen de générations remontées	6,8
Nb moyen d'ancêtres connus	1 757
Nb maximum de générations remontées	21

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2020 -2023

Nombre de fondateurs	3 918
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	446
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	87
Ratio Ae/Fe	19,4%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,1%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	30

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	43135134000005	000005	M	2000	4,1%	4,1%	4,1%
2	32561940063	40063	M	2014	3,0%	3,0%	7,1%
3	32561790053	90053	M	2009	2,7%	2,7%	9,8%
4	32533680057	80057	M	2008	3,0%	2,6%	12,4%
5	32551310028	10028	M	2011	2,6%	2,6%	15,0%
6	32645350382	50382	M	2016	2,8%	2,5%	17,5%
7	32513320259	20259	M	2012	2,6%	2,5%	20,0%
8	43135170050116	050116	M	2005	2,3%	2,2%	22,3%
9	32513361124	61124	M	2016	2,1%	2,1%	24,3%
10	32504480023	80023	M	2008	2,0%	2,0%	26,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,8
Consanguinité moyenne (%)	0,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,1
Parenté (%)	1,4
Consanguinité des parents (%)	0,5
Parentés des parents (%)	0,7
Taille efficace (méthode Cervantès)	250
Taille efficace (méthode démographique)	673

La consanguinité apparait en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

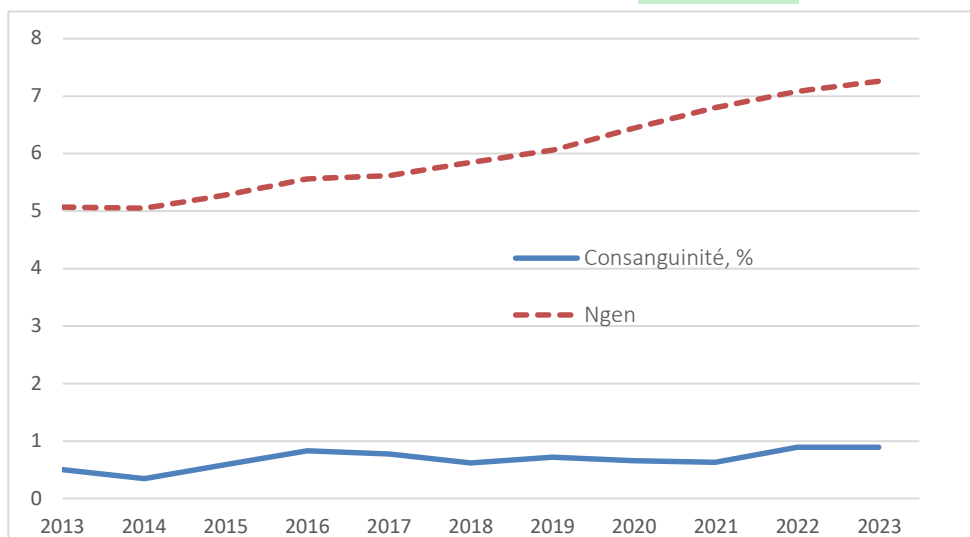
0% de consanguinité	7,5%
entre 0 à 3,125% inclus	91,4%
entre 3,125% à 6,25% inclus	0,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,3%
entre 12,5% à 25% inclus	0,1%
plus de 25%	0,6%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 0,9%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Taux d'accroissement de consanguinité par génération

0,01



PREALPES DU SUD

Informations démographiques

Période de naissance des femelles 2020 -2023

Femelles

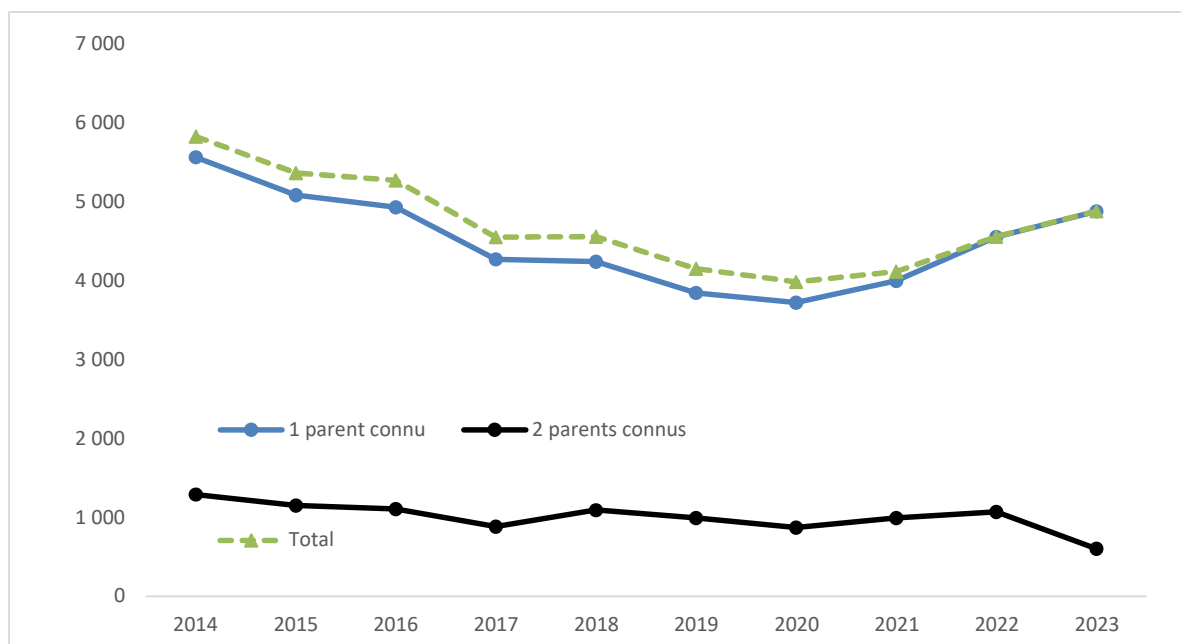
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	17 561
Nb pères différents	205
Nb max de descendants par père	108
Nb grands-pères paternels différents	94
Nb max de descendants par GPP	174
Nb mères différentes	9 124
Nb max de descendants par mère	8
Nb grands-pères maternels différents	329
Nb max de descendants par GPM	133
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 550

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 20%

% femelles issues IA 0

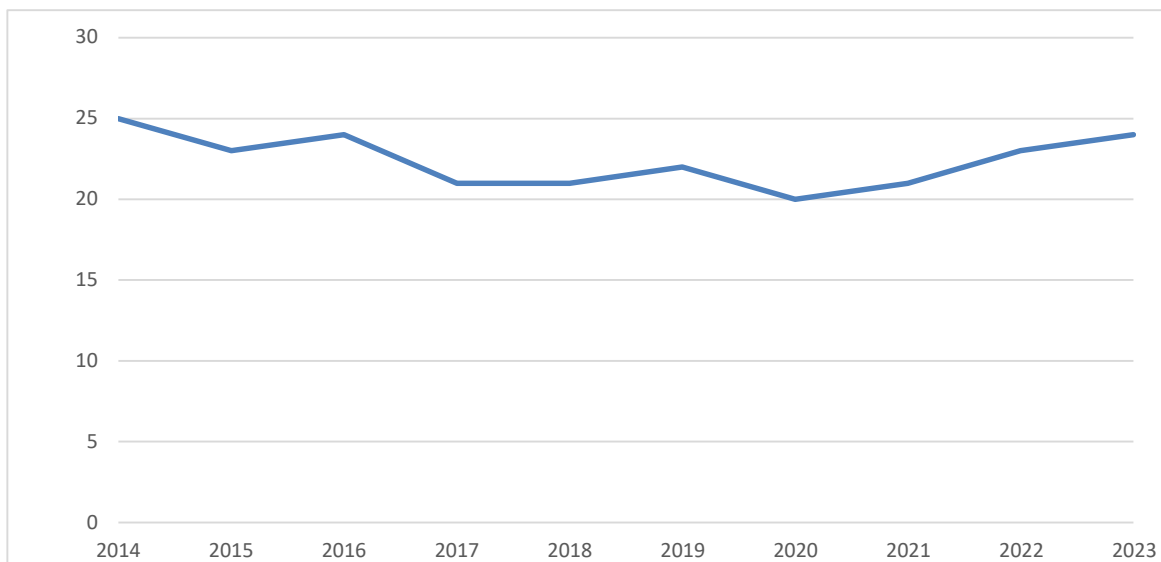
Evolution de la population femelle



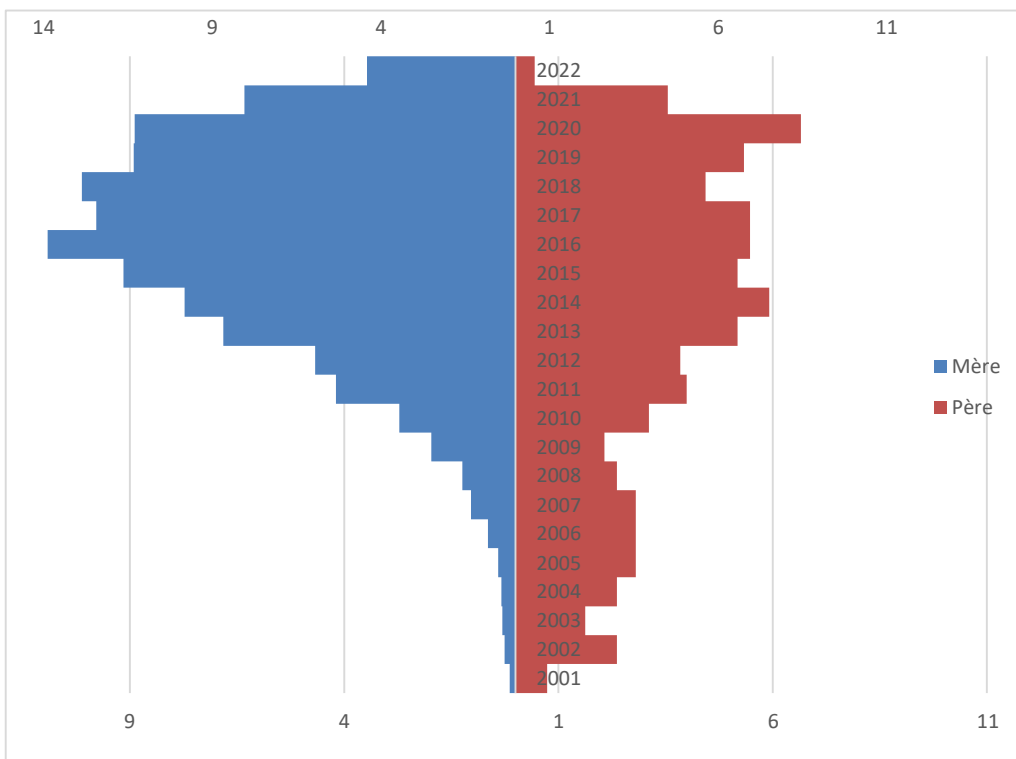
Croissance démographique ●-15

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



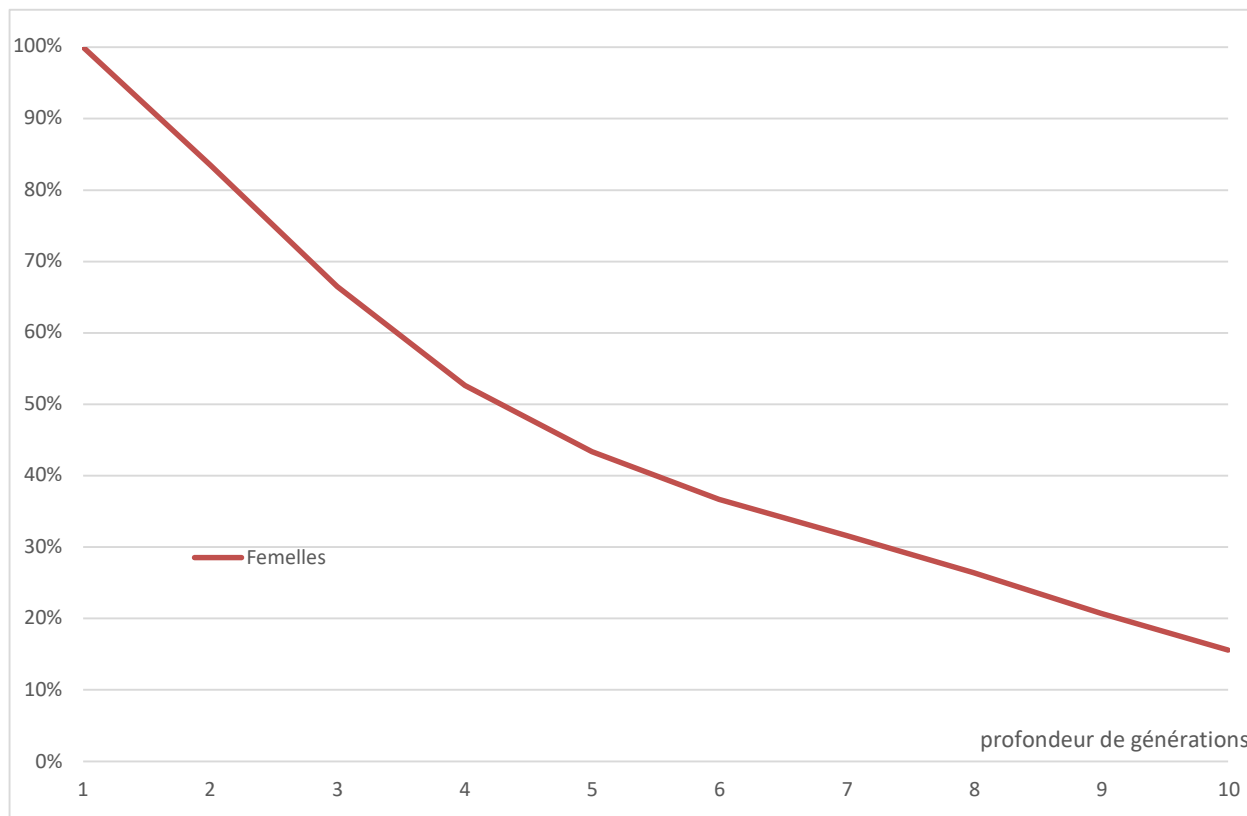
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,0
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,3
Moyenne 4 voies	3,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	3 550
Nb moyen de générations remontées	5,1
Nb moyen d'ancêtres connus	3 227
Nb maximum de générations remontées	23

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2020 -2023

Nombre de fondateurs	6 881
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	637
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	146
Ratio Ae/Fe	23,0%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	3,4%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	70

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	24008860413	60413	M	2006	3,4%	3,4%	3,4%
2	26047363930542	930542	M	1994	3,0%	3,0%	6,4%
3	17019530231	30231	M	2014	3,3%	2,9%	9,3%
4	13650613299	13299	M	2013	2,0%	2,0%	11,3%
5	24008810418	10418	M	2011	2,0%	1,8%	13,1%
6	12529490631	90631	M	2010	2,0%	1,7%	14,9%
7	13549590629	90629	M	2010	2,0%	1,6%	16,5%
8	12570581013	81013	M	2018	1,7%	1,5%	17,9%
9	12529471418	71418	M	2018	1,5%	1,4%	19,3%
10	12570560171	60171	M	2007	1,2%	1,2%	20,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,1
Consanguinité moyenne (%)	0,6
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	0,7
Consanguinité des parents (%)	0,2
Parentés des parents (%)	0,1
Taille efficace (méthode Cervantès)	373
Taille efficace (méthode démographique)	802

La consanguinité apparait en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

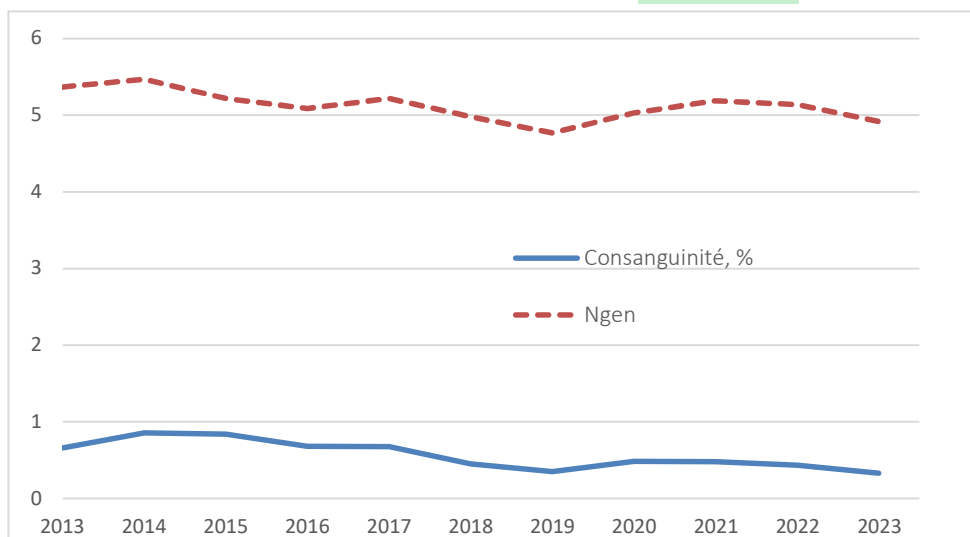
0% de consanguinité	27,1%
entre 0 à 3,125% inclus	69,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,1%
entre 12,5% à 25% inclus	0,4%
plus de 25%	0,2%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 1,7%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Taux d'accroissement de consanguinité par génération

-0,03



RAVA**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2020 -2023

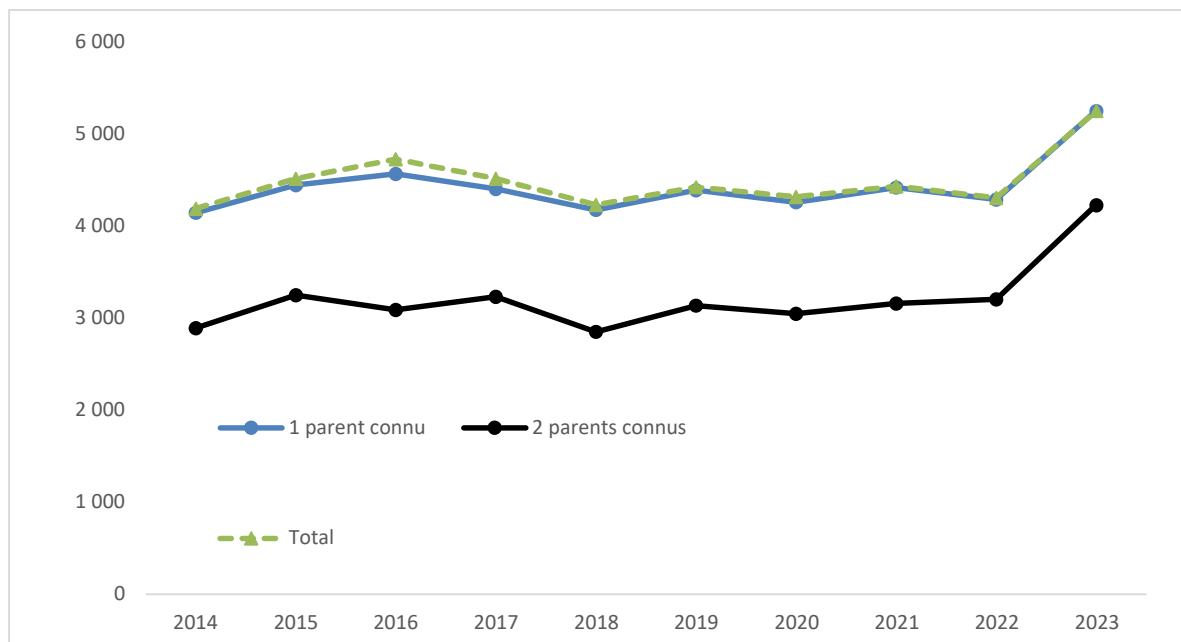
Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	18 332
Nb pères différents	198
Nb max de descendants par père	284
Nb grands-pères paternels différents	109
Nb max de descendants par GPP	749
Nb mères différentes	9 244
Nb max de descendants par mère	9
Nb grands-pères maternels différents	347
Nb max de descendants par GPM	334
Nb d'animaux avec deux parents connus	13 659

* père des femelles

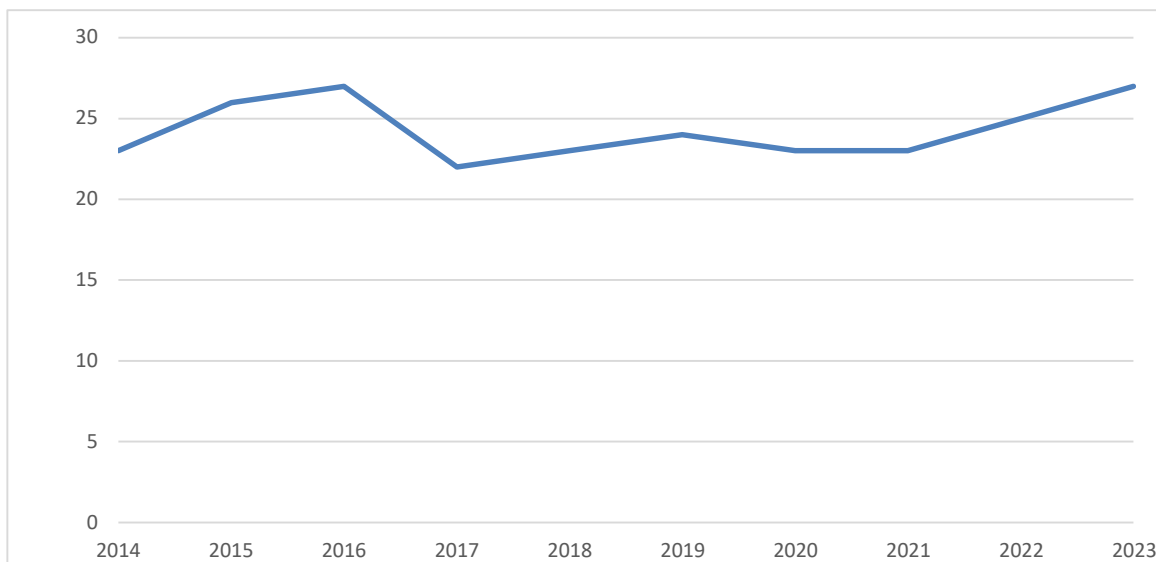
Rapport 2 parents connus/total des femelles 75%

% femelles issues IA 0

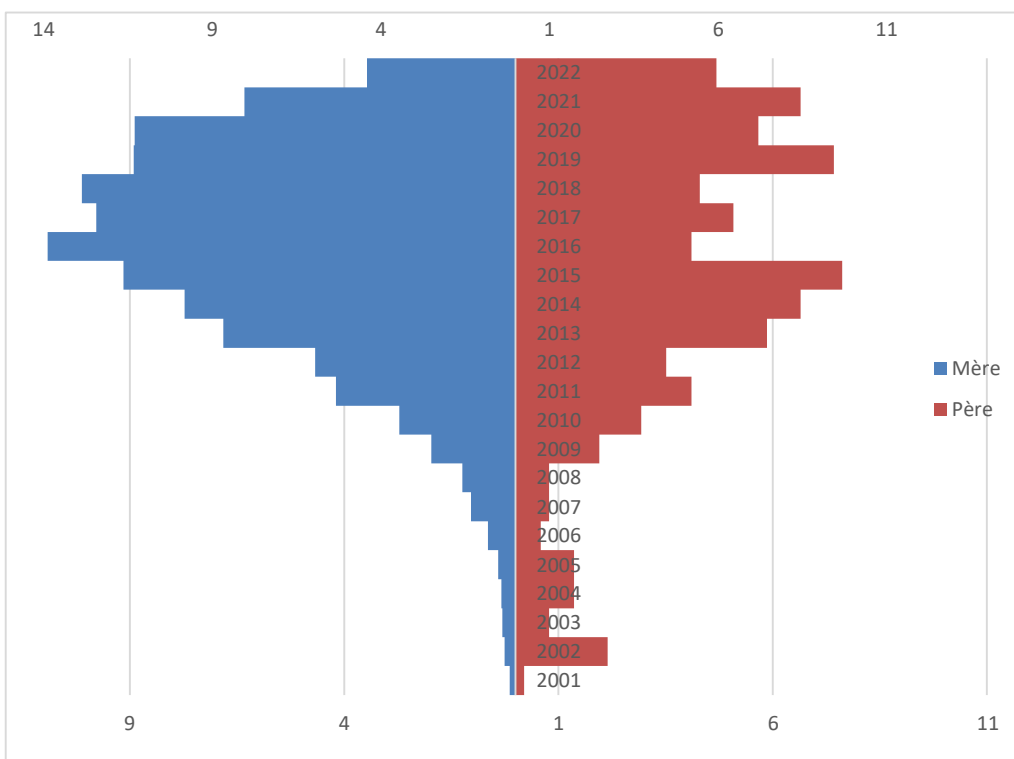
Evolution de la population femelle**Croissance démographique ●3**

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



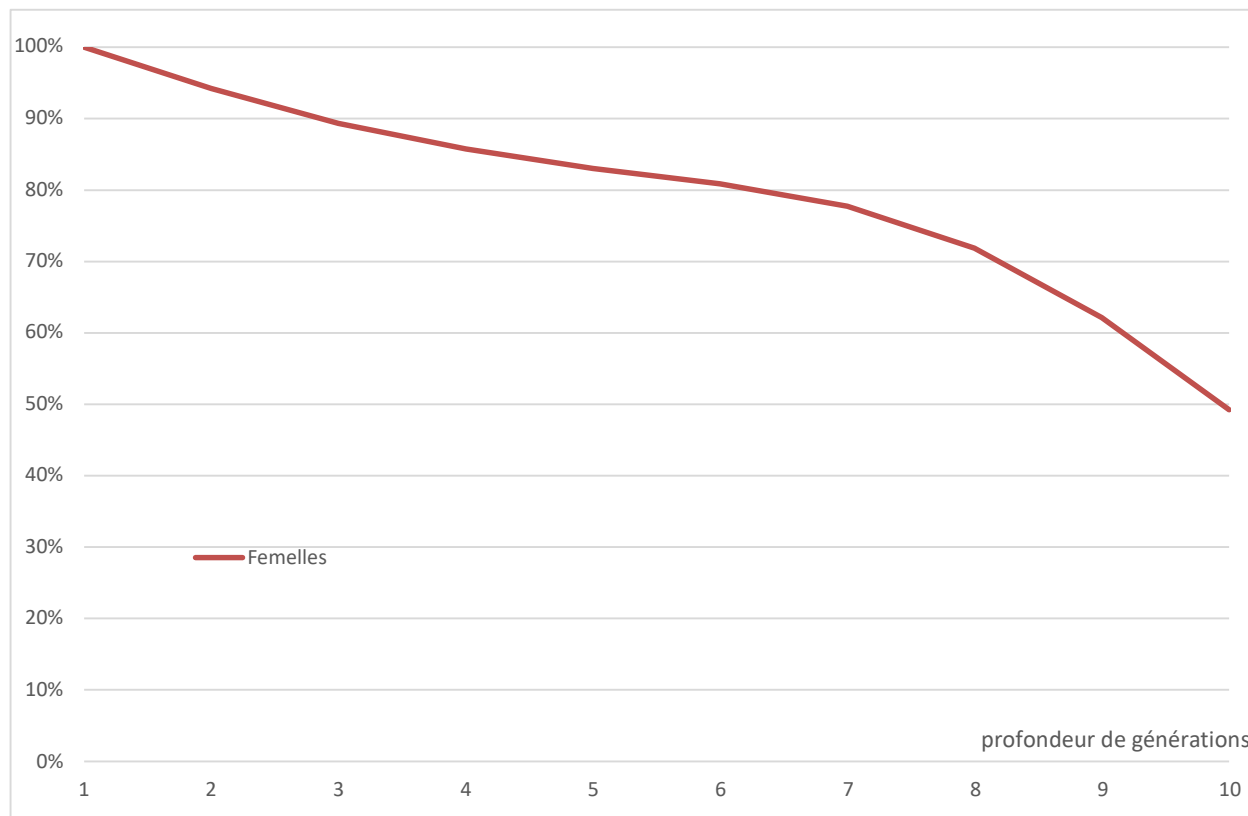
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,0
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,9
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,0
Moyenne 4 voies	3,5

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	13 655
Nb moyen de générations remontées	8,7
Nb moyen d'ancêtres connus	5 862
Nb maximum de générations remontées	26

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2020 -2023

Nombre de fondateurs	4 319
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	175
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	54
Ratio Ae/Fe	31,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	6,6%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	20

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	63024063820693	820693	M	1983	6,6%	6,6%	6,6%
2	63259016870620	870620	M	1988	5,3%	5,3%	11,9%
3	63259016050046	050046	M	2005	5,2%	4,4%	16,3%
4	63123034960105	960105	M	1996	6,3%	3,9%	20,2%
5	63085131000590	000590	M	2000	3,2%	3,0%	23,2%
6	63395022030733	030733	M	2003	3,5%	2,8%	26,0%
7	63395022870429	870429	F	1988	2,5%	2,5%	28,5%
8	44223270084	70084	M	2007	2,7%	2,2%	30,7%
9	63085131900119	900119	M	1990	2,5%	2,2%	32,8%
10	63055176910071	910071	M	1991	3,0%	2,1%	34,9%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	8,7
Consanguinité moyenne (%)	2,0
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	2,5
Consanguinité des parents (%)	1,4
Parentés des parents (%)	1,4
Taille efficace (méthode Cervantès)	178
Taille efficace (méthode démographique)	775

La consanguinité apparait en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

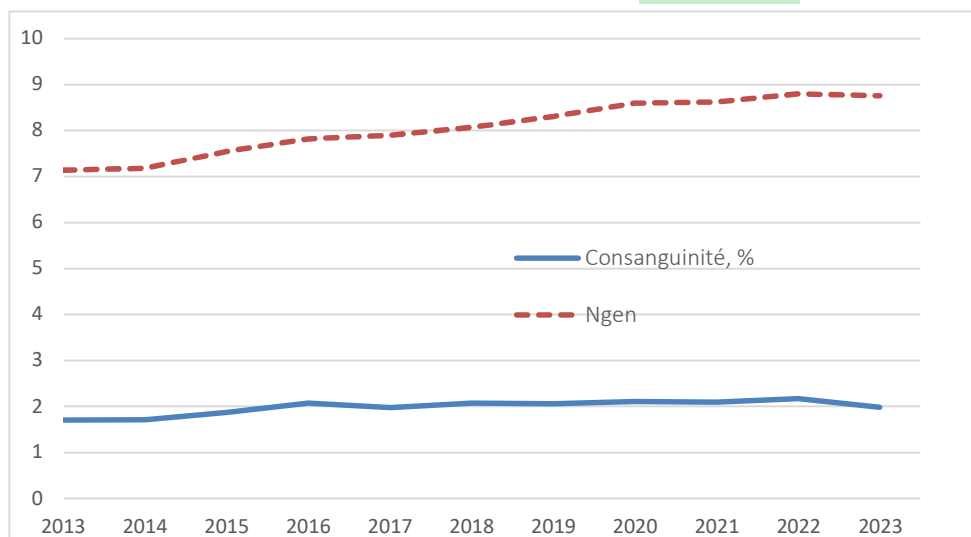
0% de consanguinité	6,6%
entre 0 à 3,125% inclus	80,5%
entre 3,125% à 6,25% inclus	11,5%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,0%
entre 12,5% à 25% inclus	0,1%
plus de 25%	0,3%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 1,5%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Taux d'accroissement de consanguinité par génération

0,01



ROMANE**Informations démographiques**

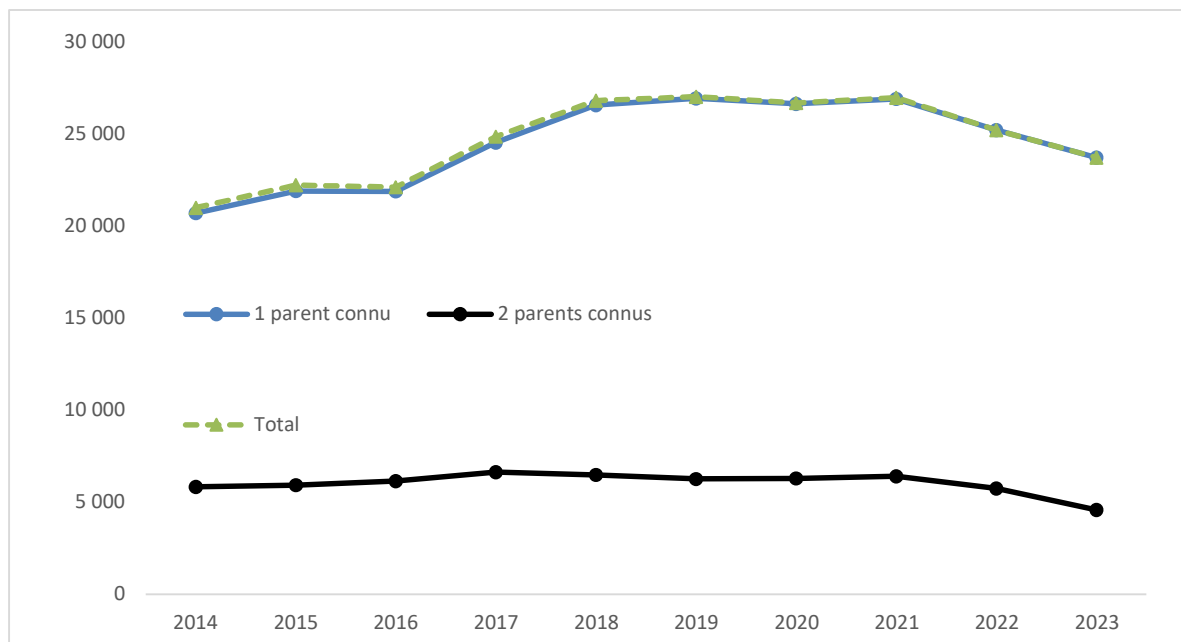
Période de naissance des femelles 2020 -2023
Femelles Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	102 723	77
Nb pères différents	688	58
Nb max de descendants par père	360	4
Nb grands-pères paternels différents	275	51
Nb max de descendants par GPP	1 211	4
Nb mères différentes	36 858	75
Nb max de descendants par mère	14	2
Nb grands-pères maternels différents	1 128	51
Nb max de descendants par GPM	611	4
Nb d'animaux avec deux parents connus	23 119	77

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 23%

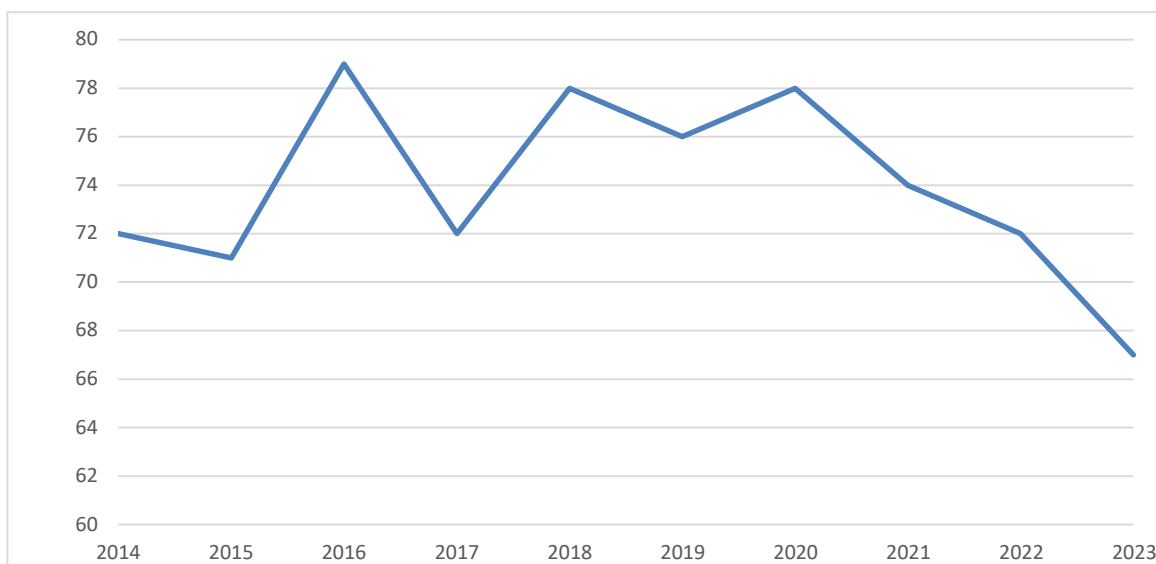
% femelles issues IA 8

Evolution de la population femelle

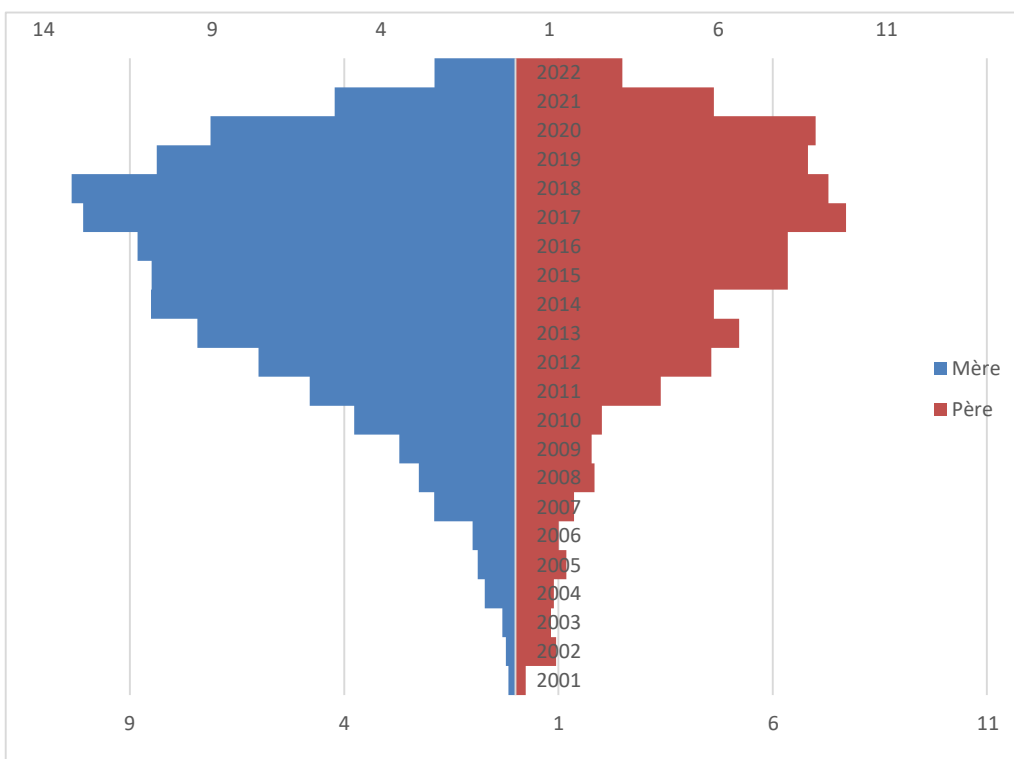
Croissance démographique ●11

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

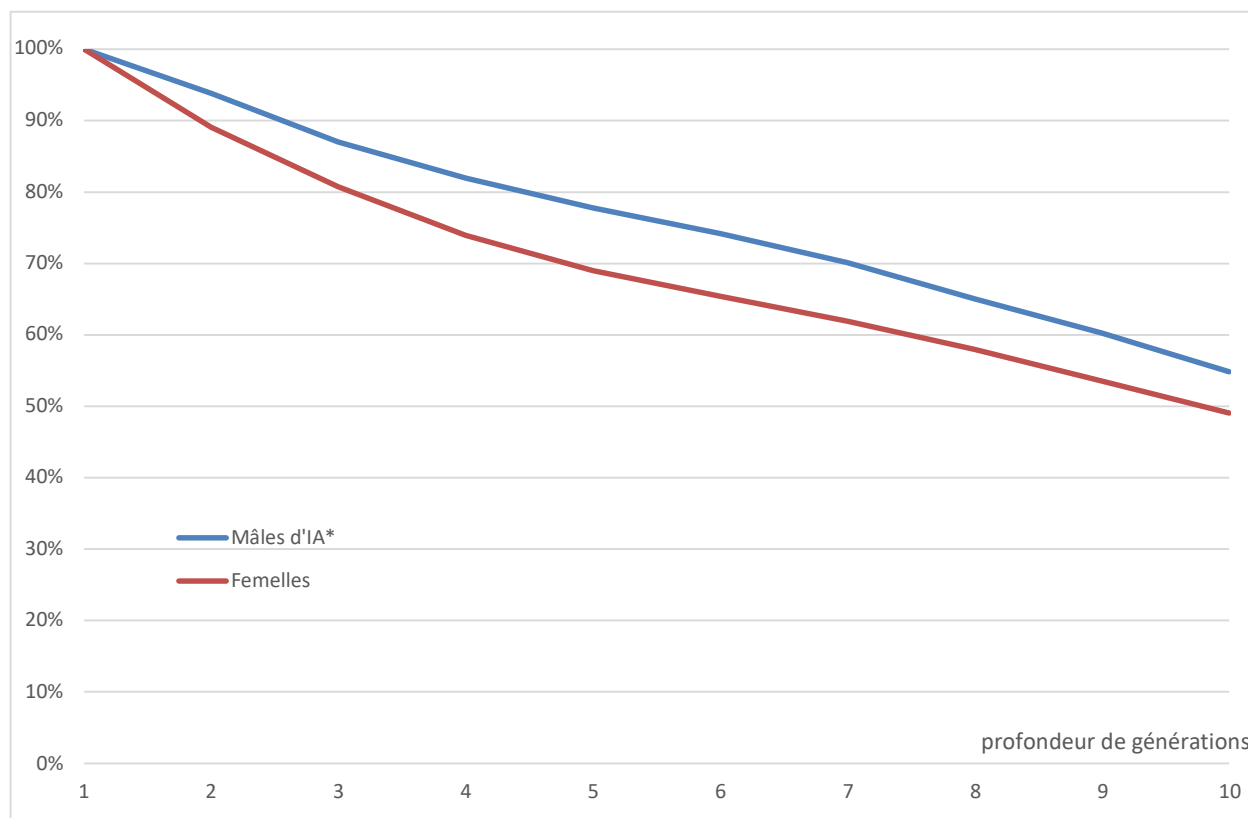
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,4
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,1
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,0
Moyenne 4 voies	3,3

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	23 117	77
Nb moyen de générations remontées	8,4	9,1
Nb moyen d'ancêtres connus	19 276	16 862
Nb maximum de générations remontées	28	24

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2020 -2023

Nombre de fondateurs	13 537
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	337
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	167
Ratio Ae/Fe	49,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	3,2%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	74

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	18174901970650	970650	M	1997	3,2%	3,2%	3,2%
2	18174901970855	970855	M	1997	2,7%	2,7%	5,9%
3	18174901763049	763049	M	1976	2,6%	2,3%	8,1%
4	20000141688	41688	M	2014	2,2%	1,9%	10,0%
5	15021580595	80595	M	2008	2,2%	1,9%	11,9%
6	10552352149	52149	M	2015	1,9%	1,4%	13,2%
7	18174901970554	970554	M	1997	1,4%	1,4%	14,6%
8	21531110173	10173	M	2011	1,4%	1,3%	15,9%
9	18174901920482	920482	M	1992	1,5%	1,2%	17,1%
10	87089009030306	030306	M	2003	1,3%	1,0%	18,1%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	8,4
Consanguinité moyenne (%)	0,8
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	0,8
Consanguinité des parents (%)	0,3
Parentés des parents (%)	0,2
Taille efficace (méthode Cervantès)	506
Taille efficace (méthode démographique)	2 702

La consanguinité apparait en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

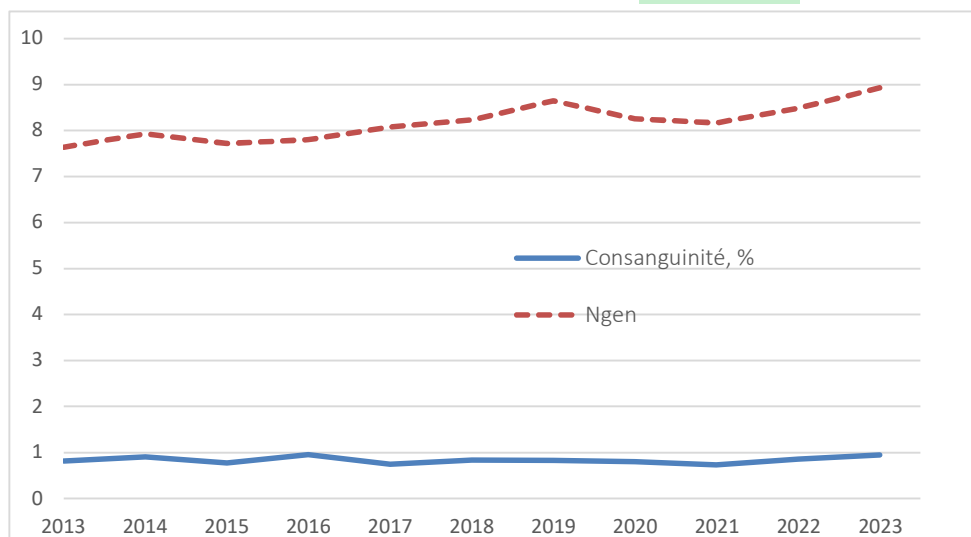
0% de consanguinité	13,8%
entre 0 à 3,125% inclus	83,9%
entre 3,125% à 6,25% inclus	1,3%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,5%
entre 12,5% à 25% inclus	0,2%
plus de 25%	0,3%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 1,0%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Taux d'accroissement de consanguinité par génération

0,00



TARASCONNAISE**Informations démographiques**

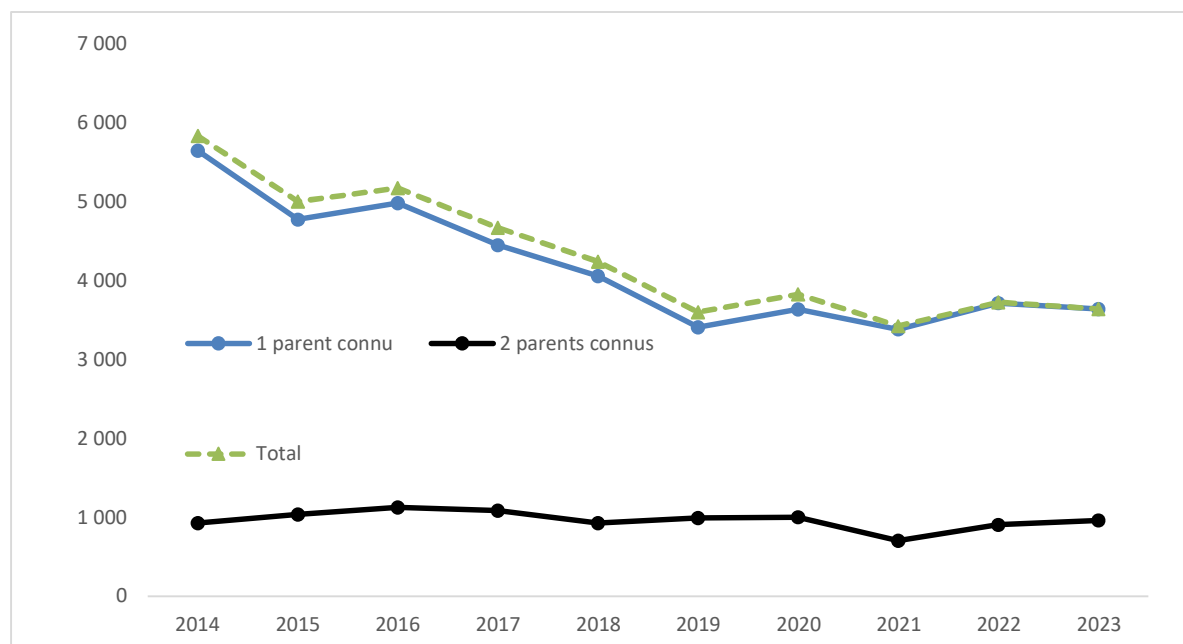
Période de naissance des femelles 2020 -2023
Femelles Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	14 642	4
Nb pères différents	131	4
Nb max de descendants par père	134	1
Nb grands-pères paternels différents	46	3
Nb max de descendants par GPP	195	1
Nb mères différentes	8 142	4
Nb max de descendants par mère	7	1
Nb grands-pères maternels différents	260	3
Nb max de descendants par GPM	187	1
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 588	4

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 25%

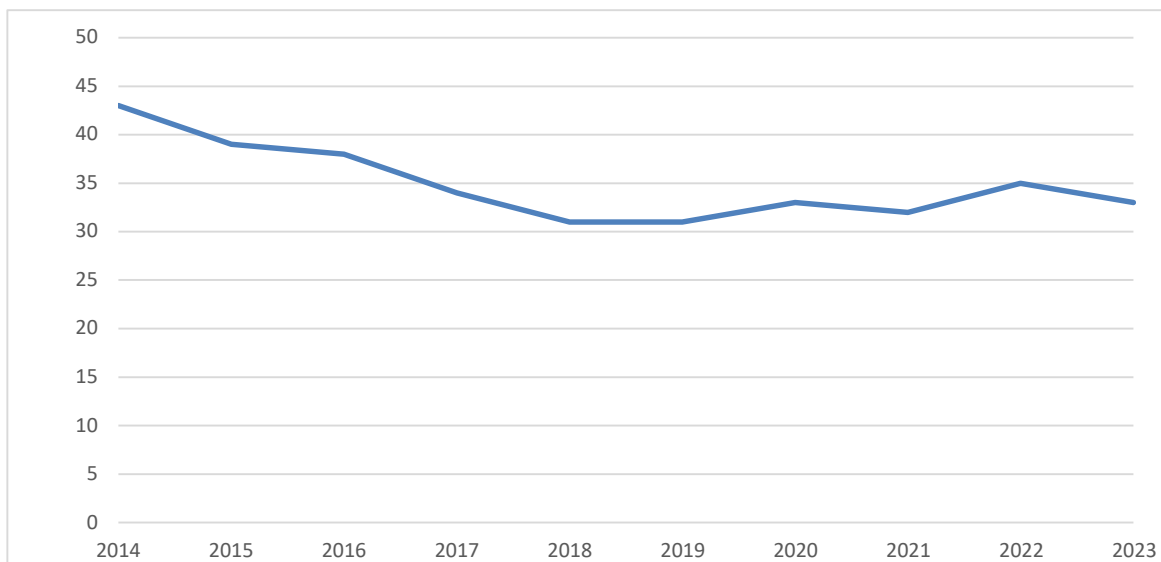
% femelles issues IA 1

Evolution de la population femelle

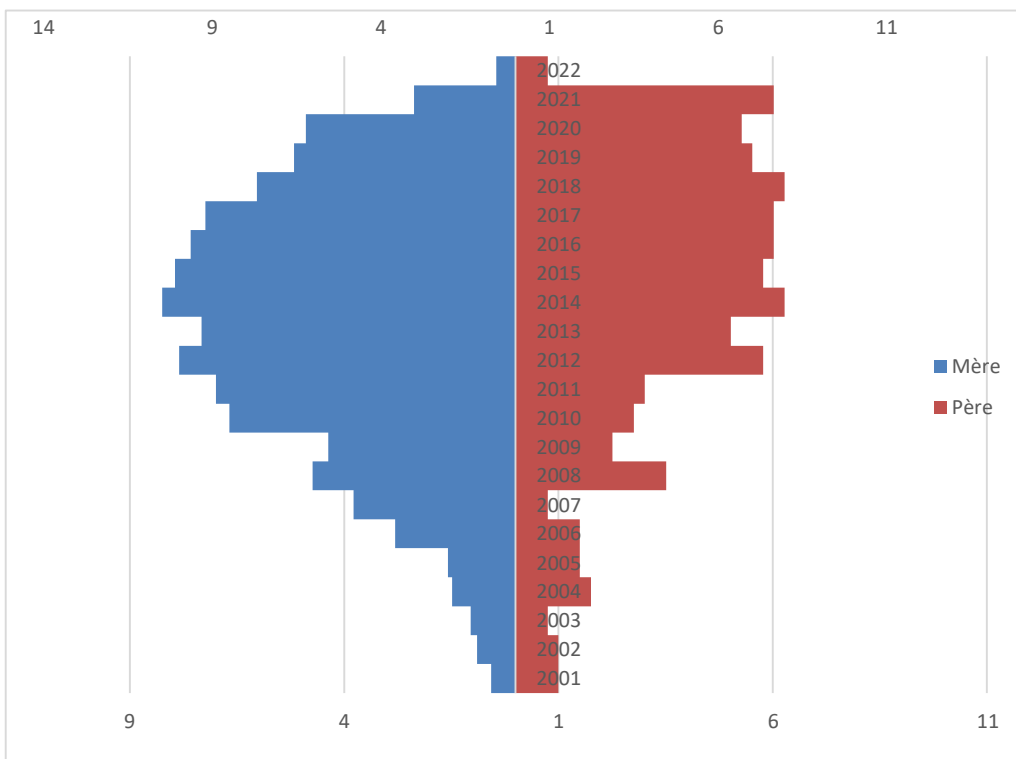
Croissance démographique ● -27

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

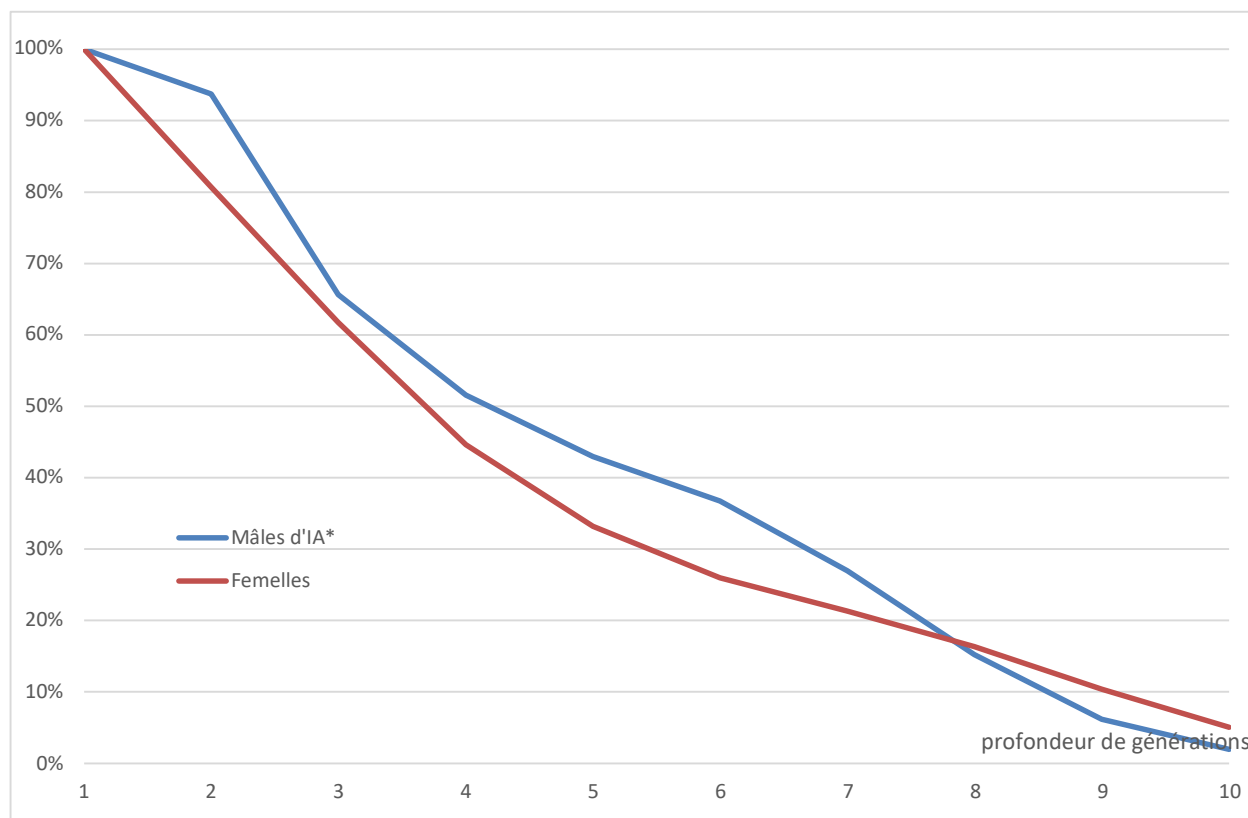
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,4
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,1
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,8
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,7
Moyenne 4 voies	4,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	3 588	4
Nb moyen de générations remontées	4,0	4,4
Nb moyen d'ancêtres connus	320	213
Nb maximum de générations remontées	18	14

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2020 -2023

Nombre de fondateurs	3 623
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	337
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	130
Ratio Ae/Fe	38,5%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,1%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	52

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	14574600043	00043	M	2010	4,1%	4,1%	4,1%
2	31123001920019	920019	M	1992	3,0%	2,7%	6,8%
3	26658672240	72240	M	2017	2,1%	2,1%	8,9%
4	09138014880053	880053	M	1988	2,0%	1,9%	10,8%
5	26658672271	72271	M	2017	1,9%	1,9%	12,8%
6	46504020032	20032	M	2012	1,7%	1,7%	14,4%
7	14574610022	10022	M	2011	1,7%	1,6%	16,0%
8	46651475041	75041	M	2017	1,6%	1,5%	17,5%
9	14652940109	40109	M	2014	1,4%	1,4%	19,0%
10	09206009990057	990057	M	1999	1,6%	1,4%	20,4%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	4,0
Consanguinité moyenne (%)	0,6
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,4
Parenté (%)	0,7
Consanguinité des parents (%)	0,1
Parentés des parents (%)	0,1
Taille efficace (méthode Cervantès)	301
Taille efficace (méthode démographique)	516

La consanguinité apparait en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

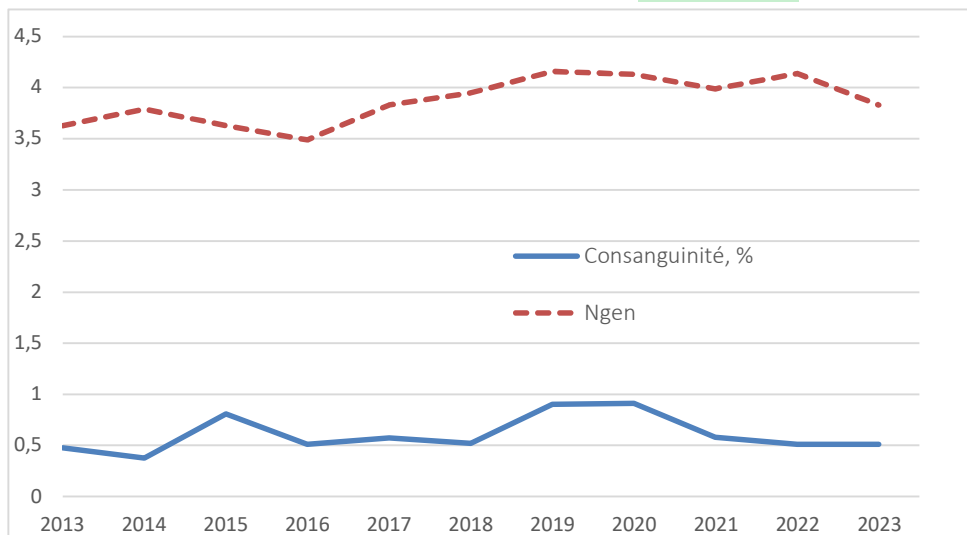
0% de consanguinité	51,7%
entre 0 à 3,125% inclus	44,4%
entre 3,125% à 6,25% inclus	1,6%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,1%
entre 12,5% à 25% inclus	0,6%
plus de 25%	0,6%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 2,3%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Taux d'accroissement de consanguinité par génération

0,00



Collection
Résultats

Edité par :
l'Institut de l'Élevage

149 rue de Bercy
75595 Paris Cedex 12
www.idele.fr
Décembre 2024

Dépôt légal :
4^{ème} trimestre 2024
© Tous droits réservés
à l'Institut de l'Élevage
Réf. 0024 203 107
ISSN 1773-4738



Bilan de variabilité génétique à partir des données de généalogies

Races ovines allaitantes rustiques

Edition 2024

Avec le soutien financier :



Contact :

stephanie.minery@idele.fr

Décembre 2024
Réf. 0024 203 107
ISSN 1773-4738

www.idele.fr

