

AVRANCHIN**Informations démographiques**

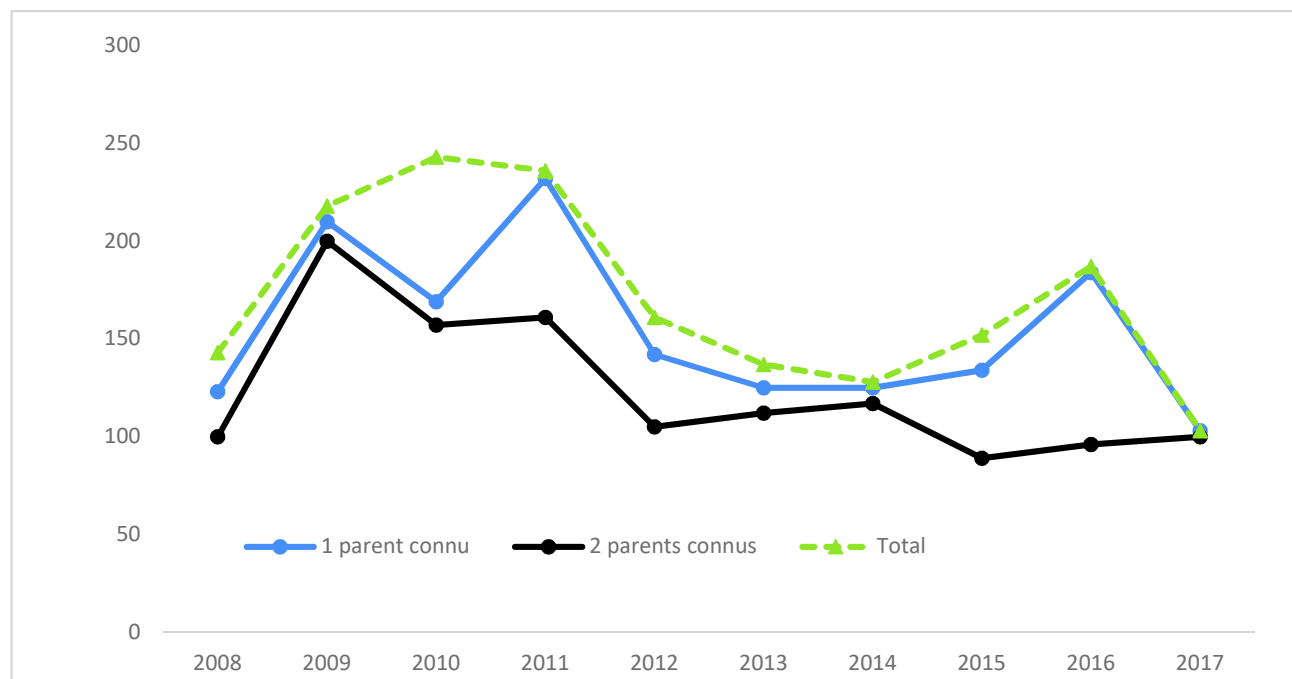
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	545
Nb pères différents	38
Nb max de descendants par père	57
Nb grands-pères paternels différents	19
Nb max de descendants par GPP	57
Nb mères différentes	300
Nb max de descendants par mère	7
Nb grands-pères maternels différents	53
Nb max de descendants par GPM	30
Nb d'animaux avec deux parents connus	402

Rapport 2 parents connus/total des femelles 71%

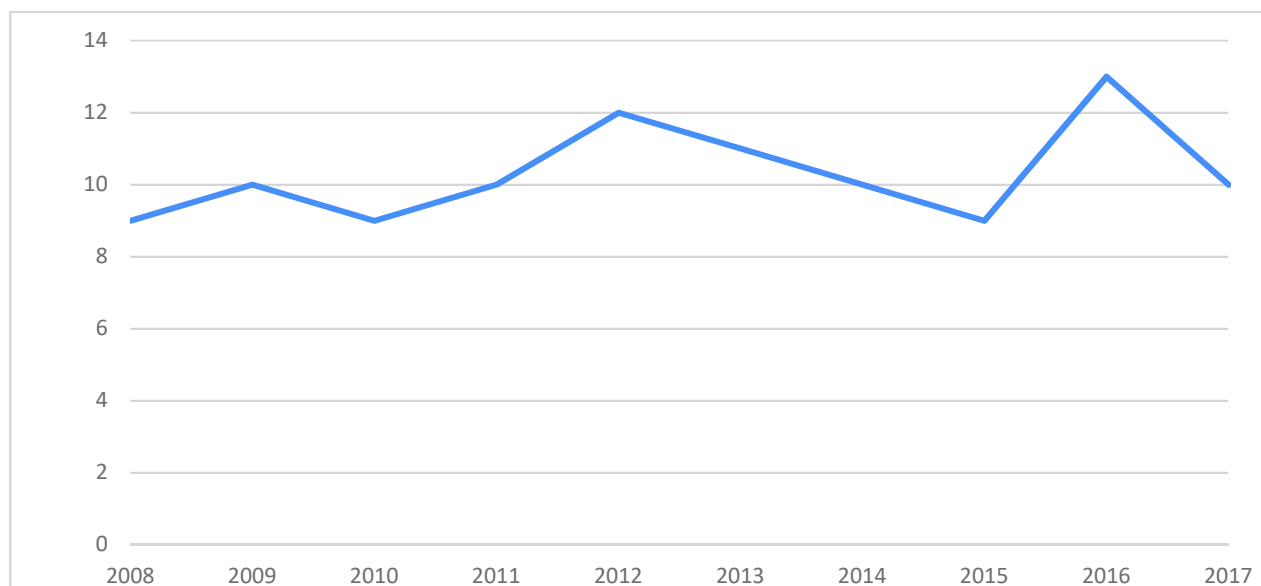
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

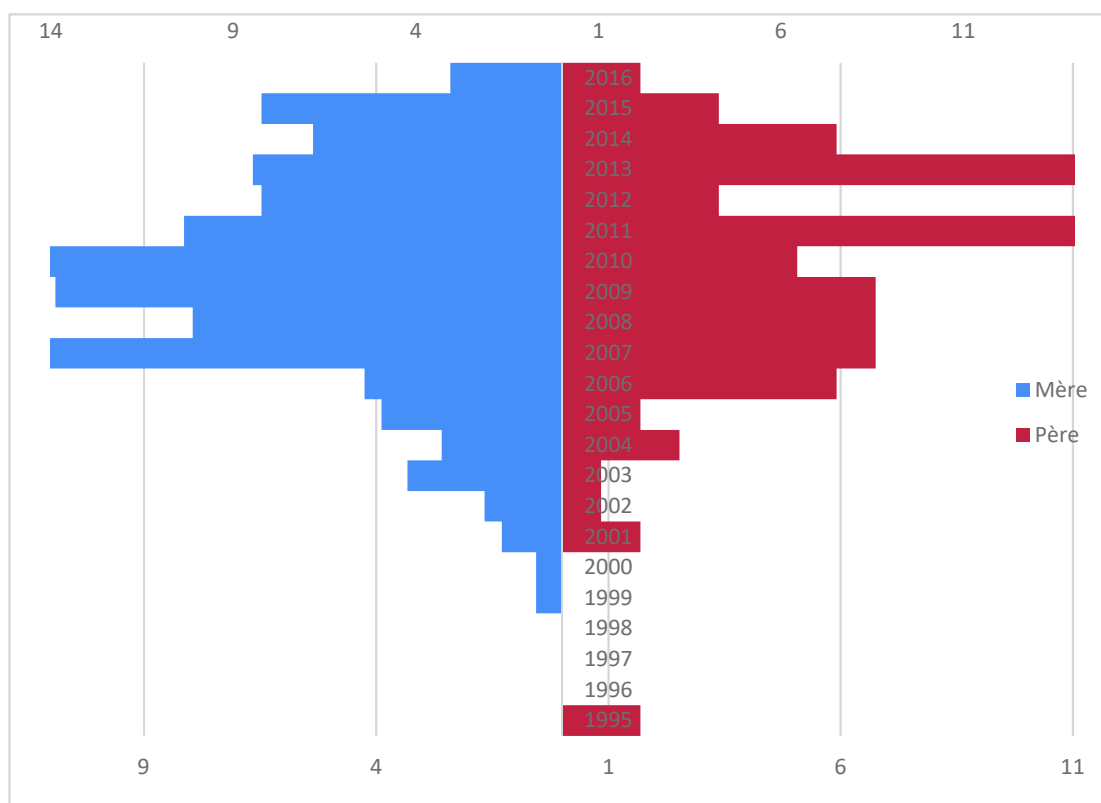
Croissance démographique ●-29

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



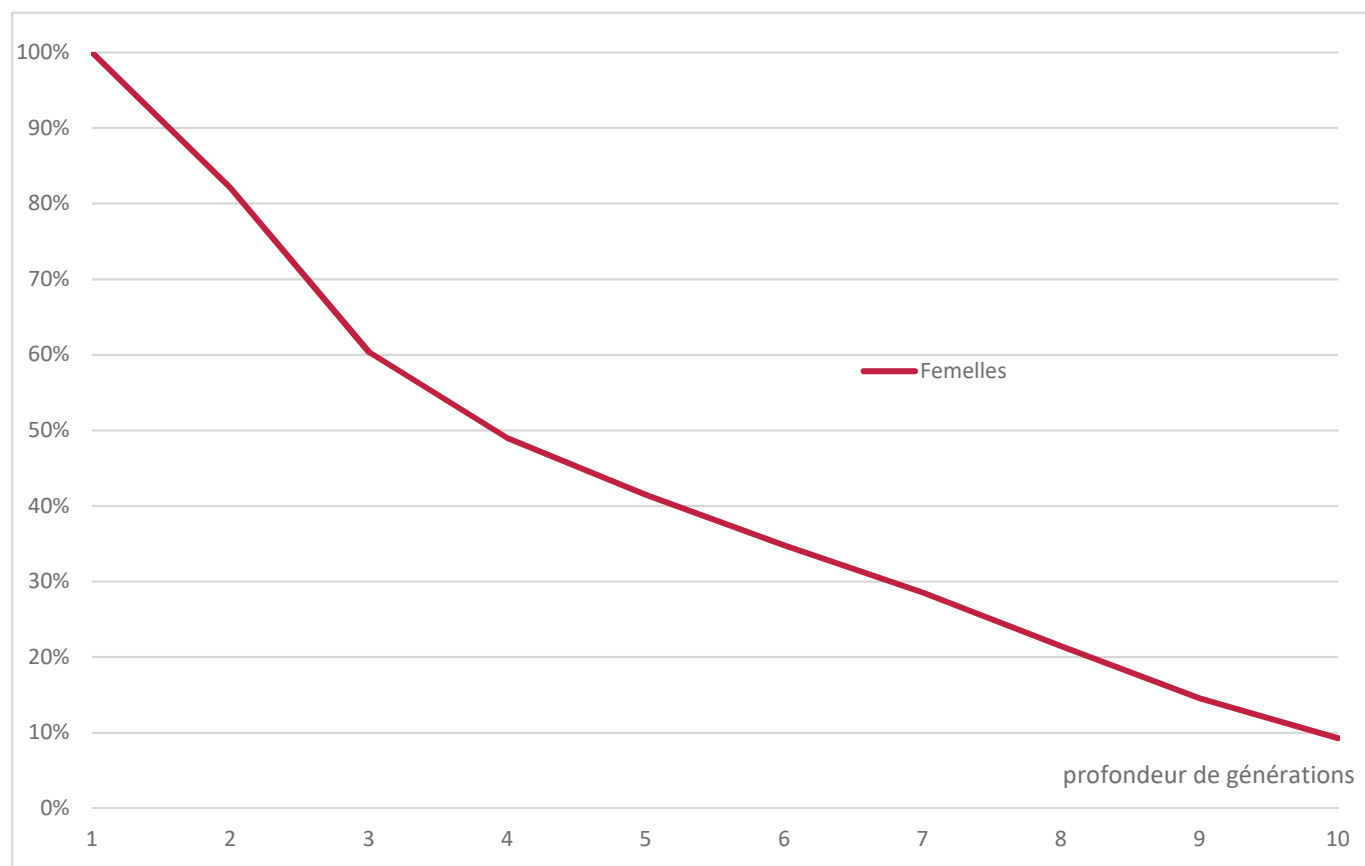
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,0
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,3
Moyenne 4 voies	3,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	402
Nb moyen de générations remontées	4,6
Nb moyen d'ancêtres connus	2 055
Nb maximum de générations remontées	25

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	362
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	59
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	33
Ratio Ae/Fe	55,4%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	8,2%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	11

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	24573700217	00217	M	2012	8,2%	8,2%	8,2%
2	35157143980002	980002	M	1998	8,2%	7,4%	15,7%
3	36810430002	30002	M	2013	5,8%	5,5%	21,1%
4	24513700217	00217	M	2010	4,6%	4,6%	25,7%
5	27226054040016	040016	M	2004	4,6%	4,6%	30,2%
6	50025010020024	020024	F	2002	4,5%	4,5%	34,7%
7	20091490440	90440	M	2009	4,1%	4,1%	38,8%
8	27065003020071	020071	M	2002	5,8%	3,3%	42,1%
9	36810410046	10046	M	2011	3,7%	3,2%	45,3%
10	50288001030004	030004	M	2003	3,0%	2,7%	47,9%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	4,6
Consanguinité moyenne (%)	2,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	1,2
Parenté (%)	2,8
Consanguinité des parents (%)	1,4
Parentés des parents (%)	1,3
Taille efficace (méthode Cervantès)	83
Taille efficace (méthode démographique)	135

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

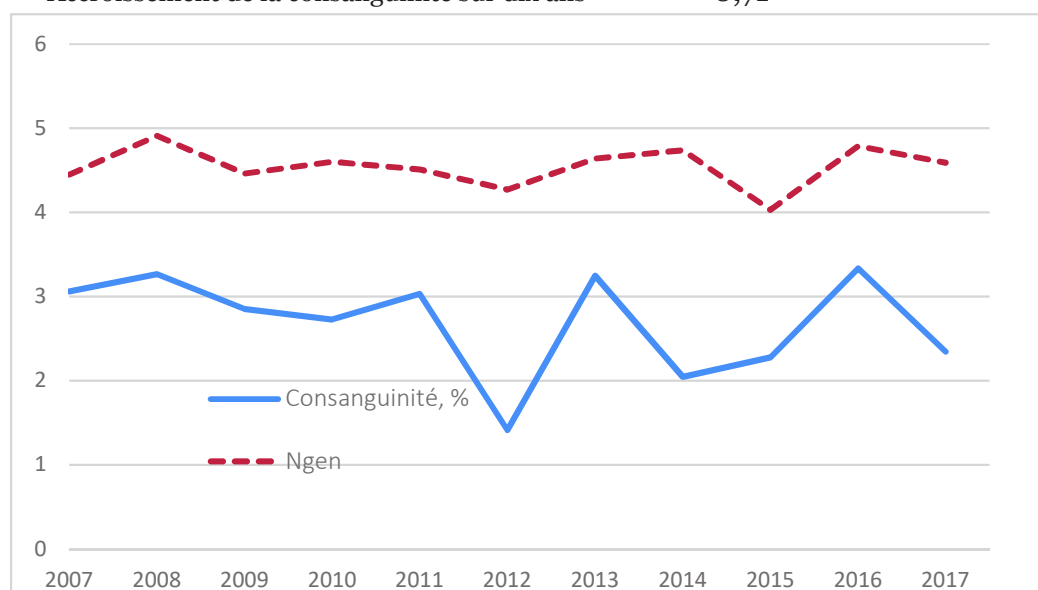
0% de consanguinité	38,2%
entre 0 à 3,125% inclus	41,3%
entre 3,125% à 6,25% inclus	10,2%
entre 6,25% à 12,5% inclus	5,0%
entre 12,5% à 25% inclus	2,6%
plus de 25%	2,6%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 10,3%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-0,71



BERRICHON DE L'INDRE**Informations démographiques**

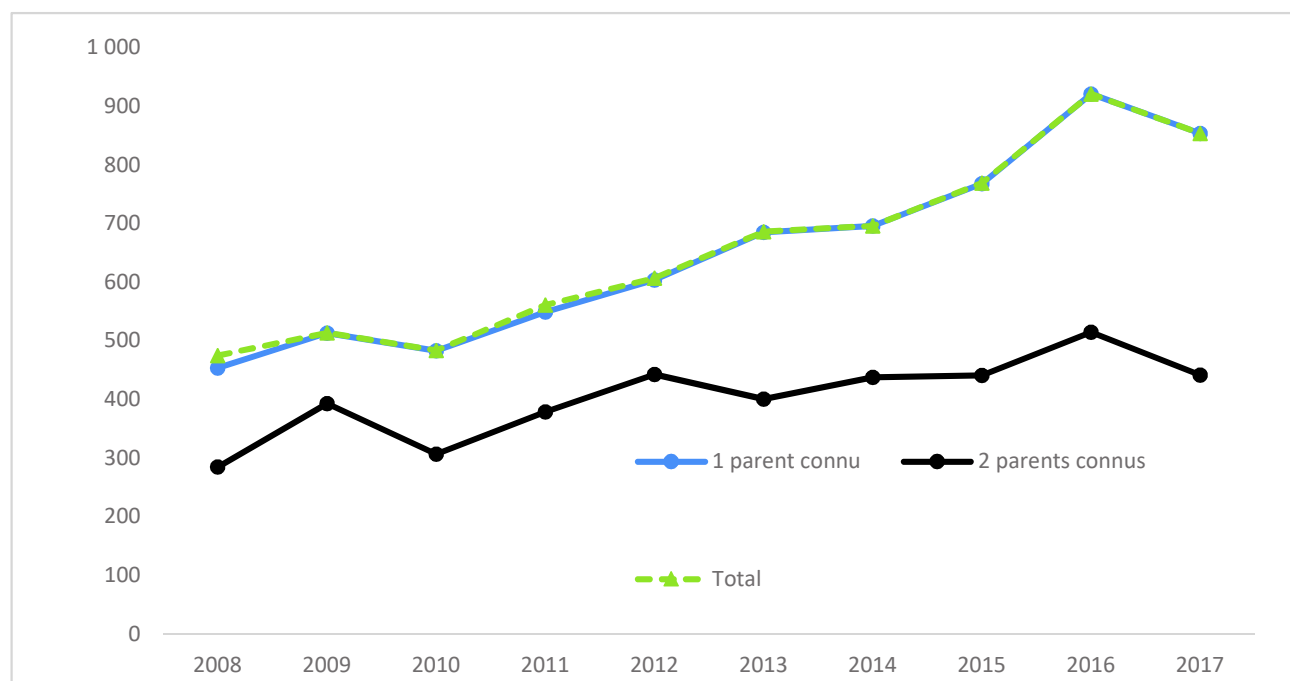
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	3 239
Nb pères différents	61
Nb max de descendants par père	122
Nb grands-pères paternels différents	26
Nb max de descendants par GPP	246
Nb mères différentes	1 467
Nb max de descendants par mère	9
Nb grands-pères maternels différents	79
Nb max de descendants par GPM	159
Nb d'animaux avec deux parents connus	1 836

Rapport 2 parents connus/total des femelles 57%

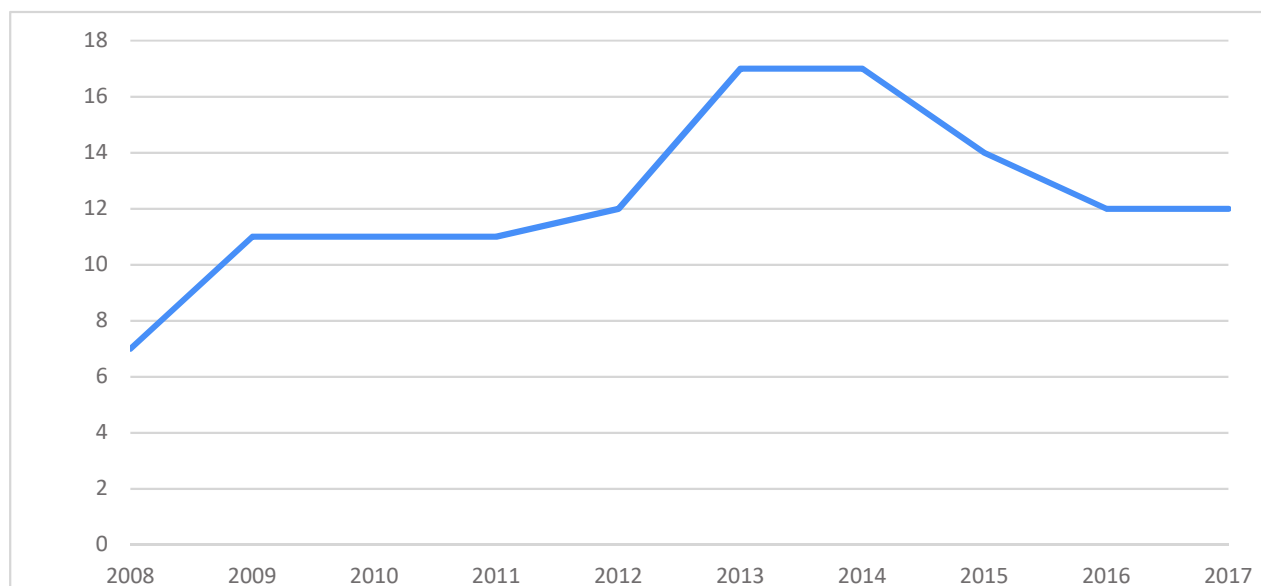
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

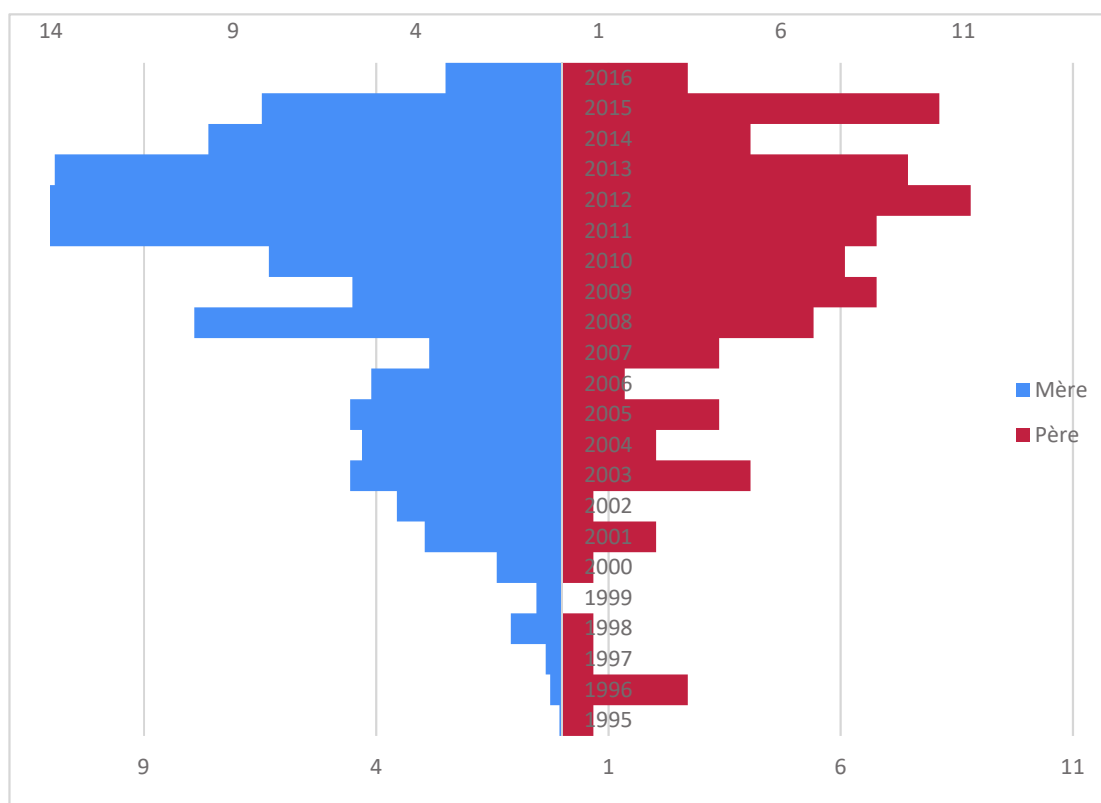
Croissance démographique ● 49

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



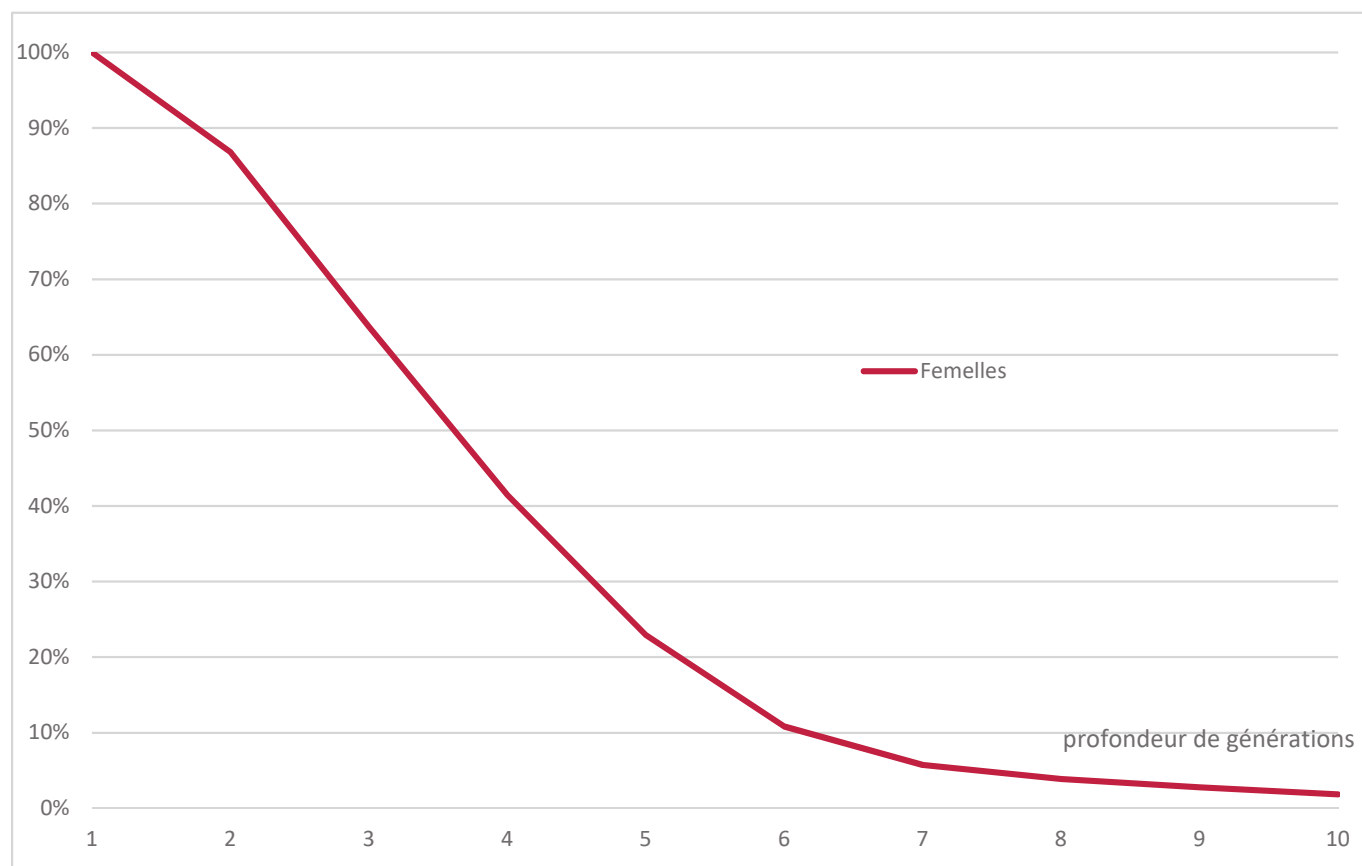
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	4,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,3
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,0
Moyenne 4 voies	3,9

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	1 836
Nb moyen de générations remontées	3,4
Nb moyen d'ancêtres connus	140
Nb maximum de générations remontées	17

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	763
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	113
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	52
Ratio Ae/Fe	45,8%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,3%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	18

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	29150400167	00167	M	2010	5,3%	5,3%	5,3%
2	40056004050009	050009	M	2005	5,0%	5,0%	10,3%
3	29150400001	00001	M	2010	4,1%	4,1%	14,5%
4	29127660161	60161	F	2006	3,5%	3,5%	18,0%
5	29150470361	70361	M	2007	3,3%	3,3%	21,3%
6	29150430107	30107	M	2013	3,2%	3,2%	24,5%
7	29015920182	20182	M	2012	2,9%	2,9%	27,4%
8	29150420055	20055	M	2012	2,8%	2,8%	30,2%
9	29150480238	80238	M	2008	2,6%	2,6%	32,8%
10	29150420090	20090	M	2012	3,4%	2,5%	35,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	3,4
Consanguinité moyenne (%)	0,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,9
Parenté (%)	1,4
Consanguinité des parents (%)	0,3
Parentés des parents (%)	0,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	122
Taille efficace (méthode démographique)	234

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

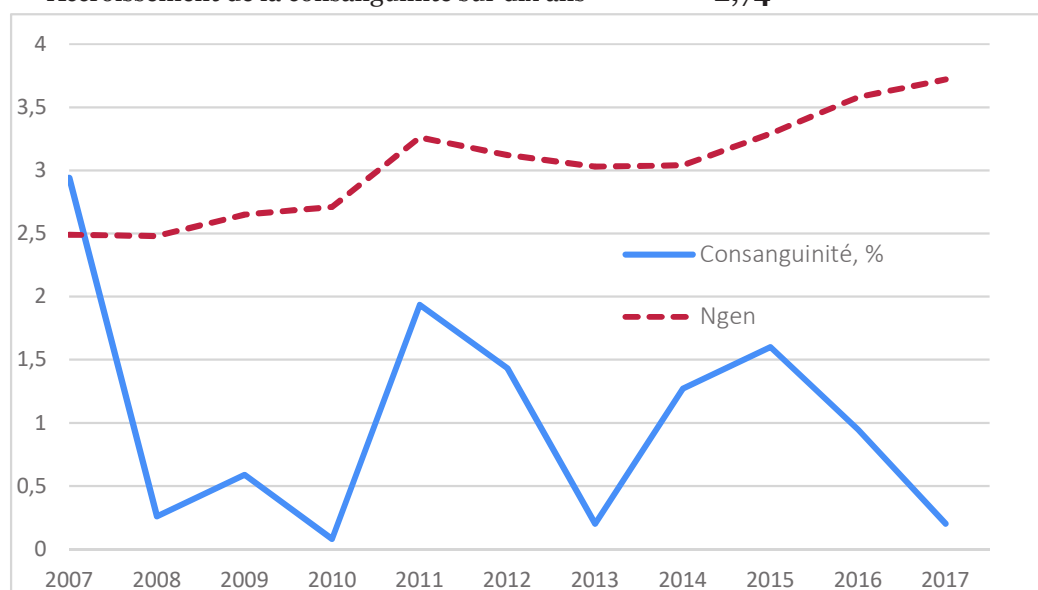
0% de consanguinité	63,0%
entre 0 à 3,125% inclus	30,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	3,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,2%
entre 12,5% à 25% inclus	2,1%
plus de 25%	0,4%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 3,7%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-2,74



BLEU DU MAINE**Informations démographiques**

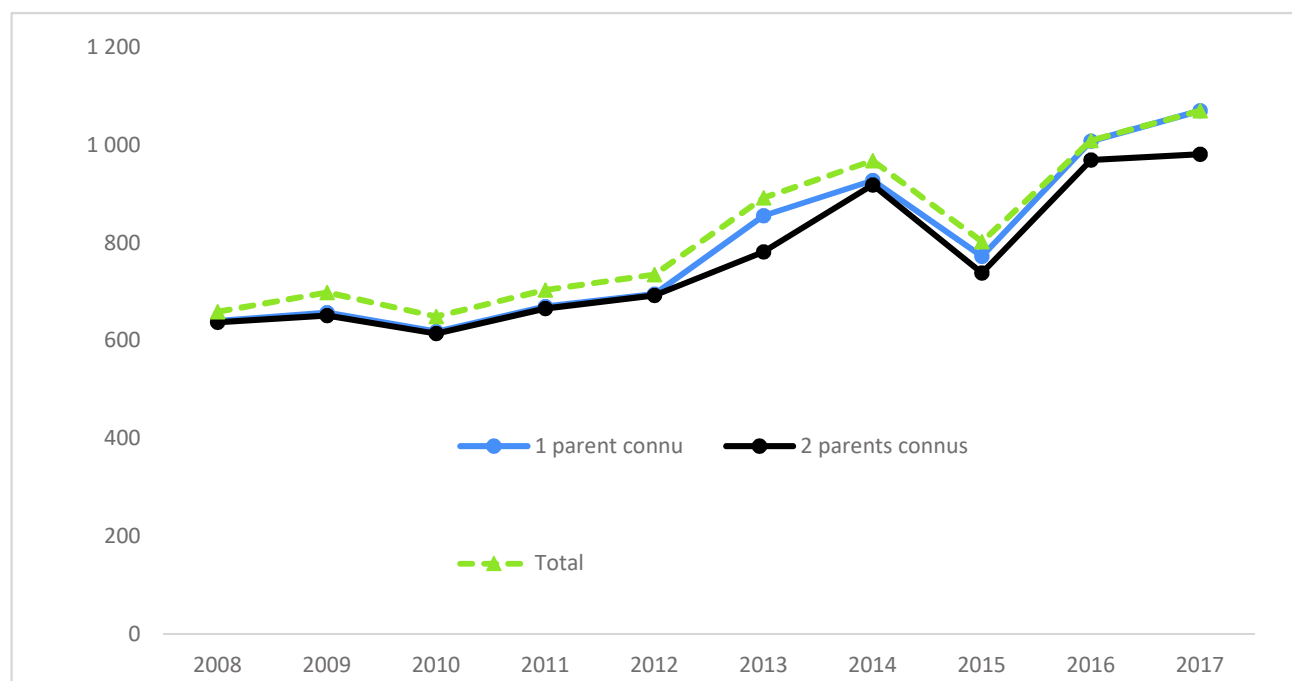
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	3 779
Nb pères différents	177
Nb max de descendants par père	119
Nb grands-pères paternels différents	76
Nb max de descendants par GPP	556
Nb mères différentes	1 742
Nb max de descendants par mère	8
Nb grands-pères maternels différents	229
Nb max de descendants par GPM	115
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 610

Rapport 2 parents connus/total des femelles 94%

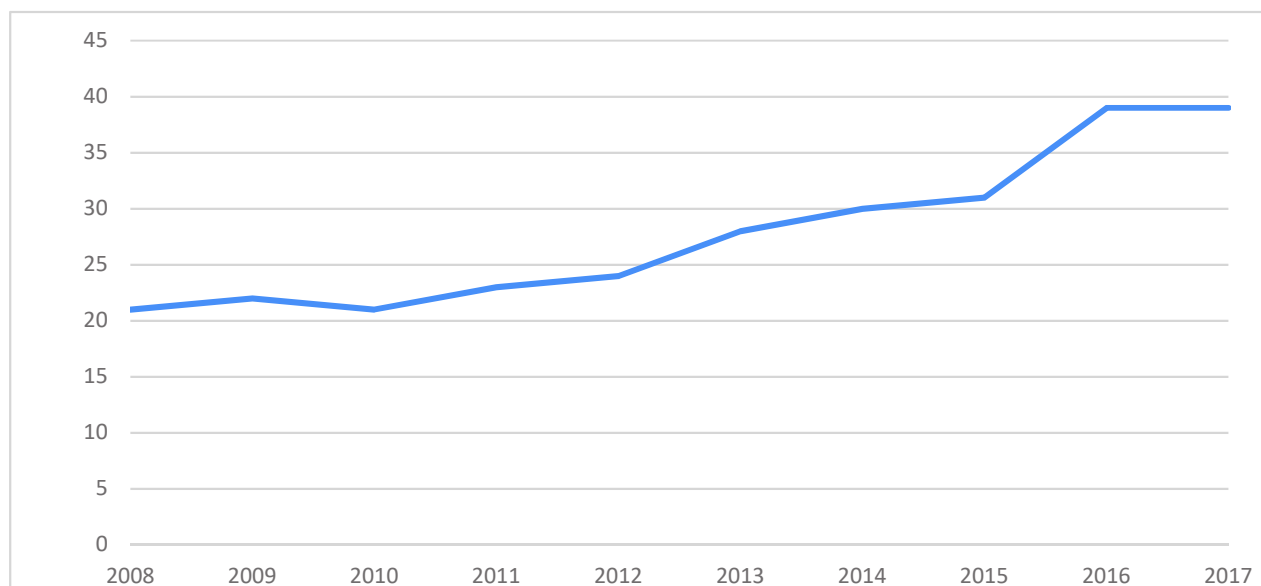
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

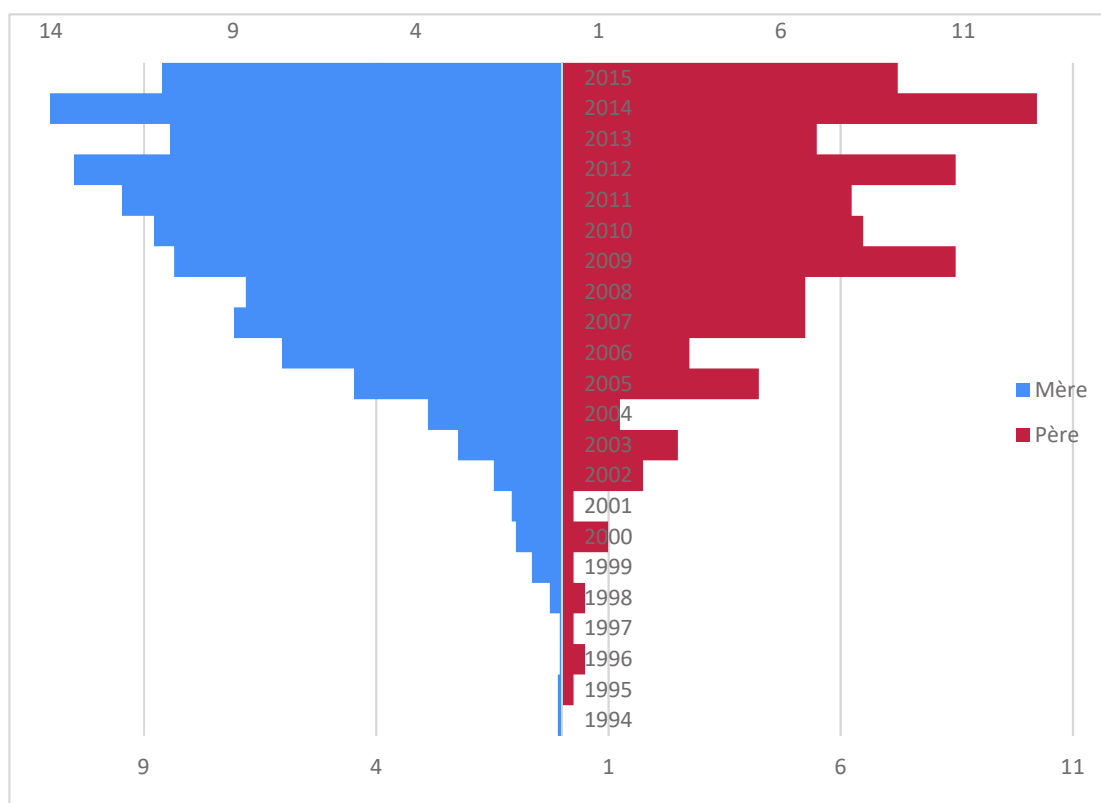
Croissance démographique ●38

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



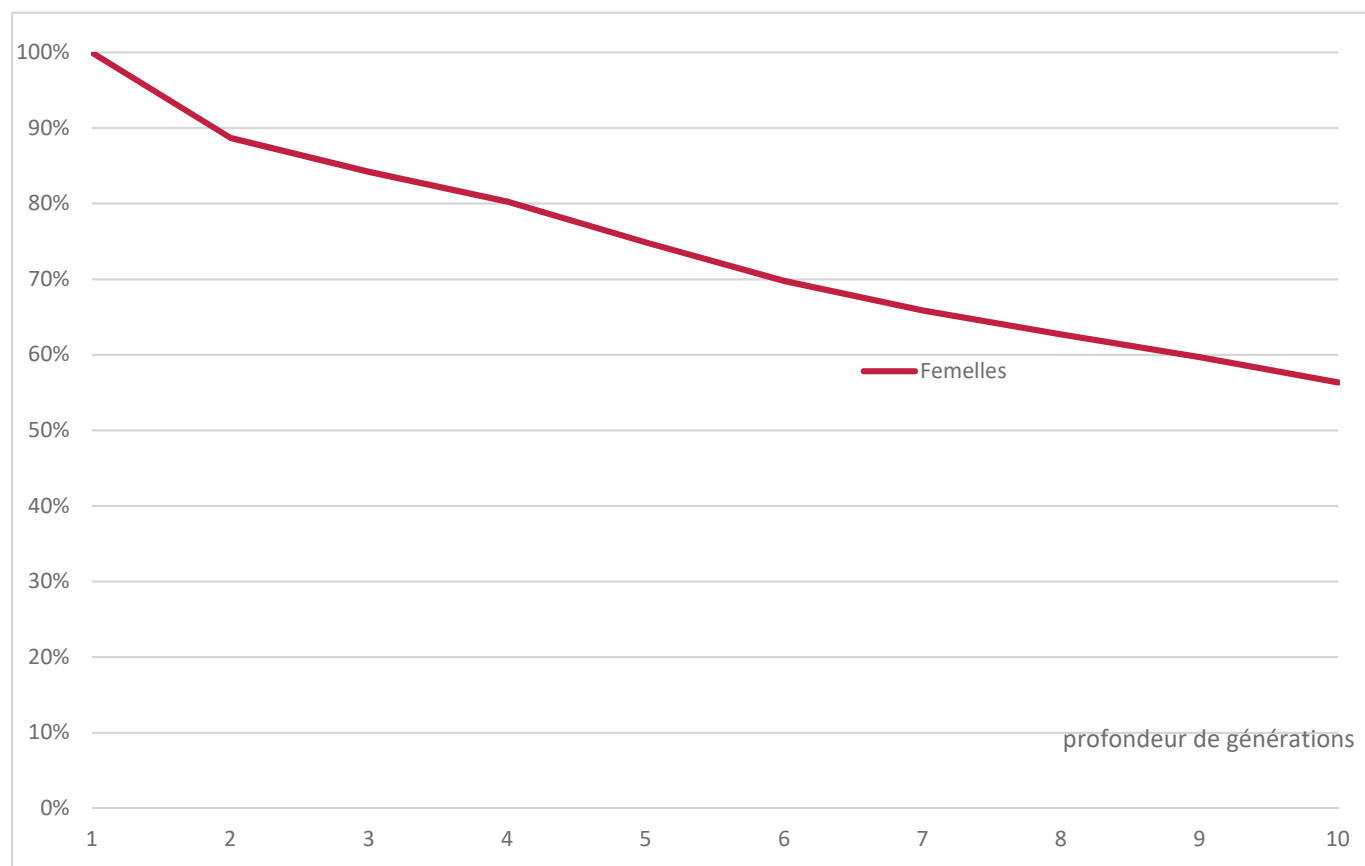
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,7
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,9
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,0
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,6
Moyenne 4 voies	3,3

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	3 610
Nb moyen de générations remontées	9,5
Nb moyen d'ancêtres connus	50 213
Nb maximum de générations remontées	28

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	1 865
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	154
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	59
Ratio Ae/Fe	38,1%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	6,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	22

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	39225980076	80076	M	2008	6,9%	6,9%	6,9%
2	08090023900011	00011	M	1990	4,5%	4,0%	10,9%
3	72264152890006	90006	M	1989	3,6%	3,2%	14,1%
4	87042019000308	00308	M	2000	4,0%	3,2%	17,3%
5	18057102040039	40039	M	2004	2,8%	2,7%	20,0%
6	53273026050455	50455	M	2005	2,8%	2,7%	22,6%
7	55008025000111	00111	M	2000	2,7%	2,4%	25,0%
8	08090023000052	00052	M	2000	3,8%	2,2%	27,2%
9	72016220890001	90001	M	1989	2,3%	2,2%	29,4%
10	39006270012	70012	M	2007	2,2%	2,1%	31,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	9,5
Consanguinité moyenne (%)	2,8
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,7
Parenté (%)	2,6
Consanguinité des parents (%)	2,0
Parentés des parents (%)	1,8
Taille efficace (méthode Cervantès)	189
Taille efficace (méthode démographique)	643

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

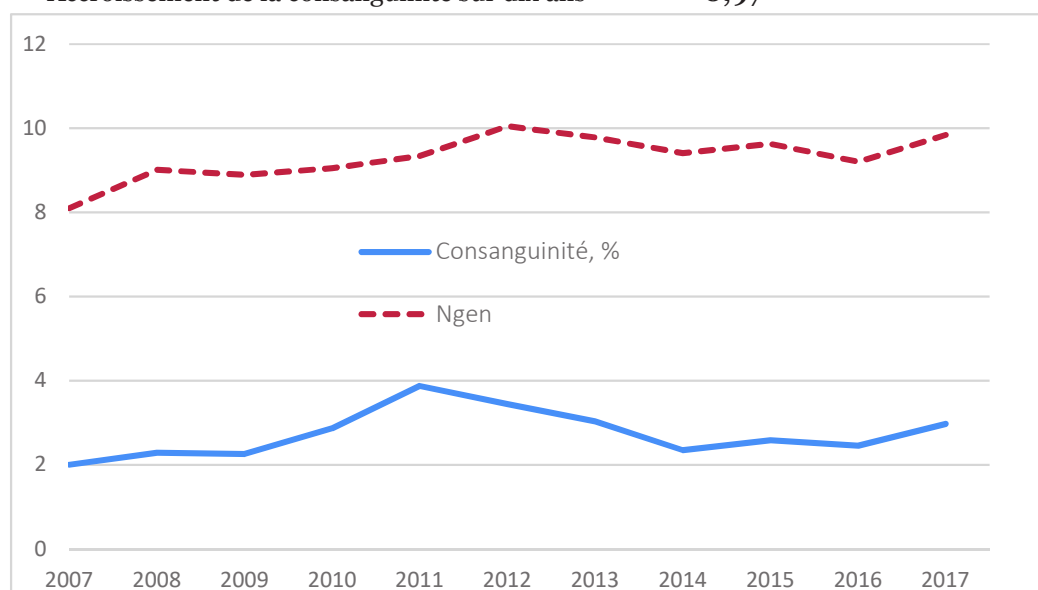
0% de consanguinité	15,0%
entre 0 à 3,125% inclus	59,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	18,3%
entre 6,25% à 12,5% inclus	4,5%
entre 12,5% à 25% inclus	2,2%
plus de 25%	1,1%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **7,7%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,97



BOULONNAISE**Informations démographiques**

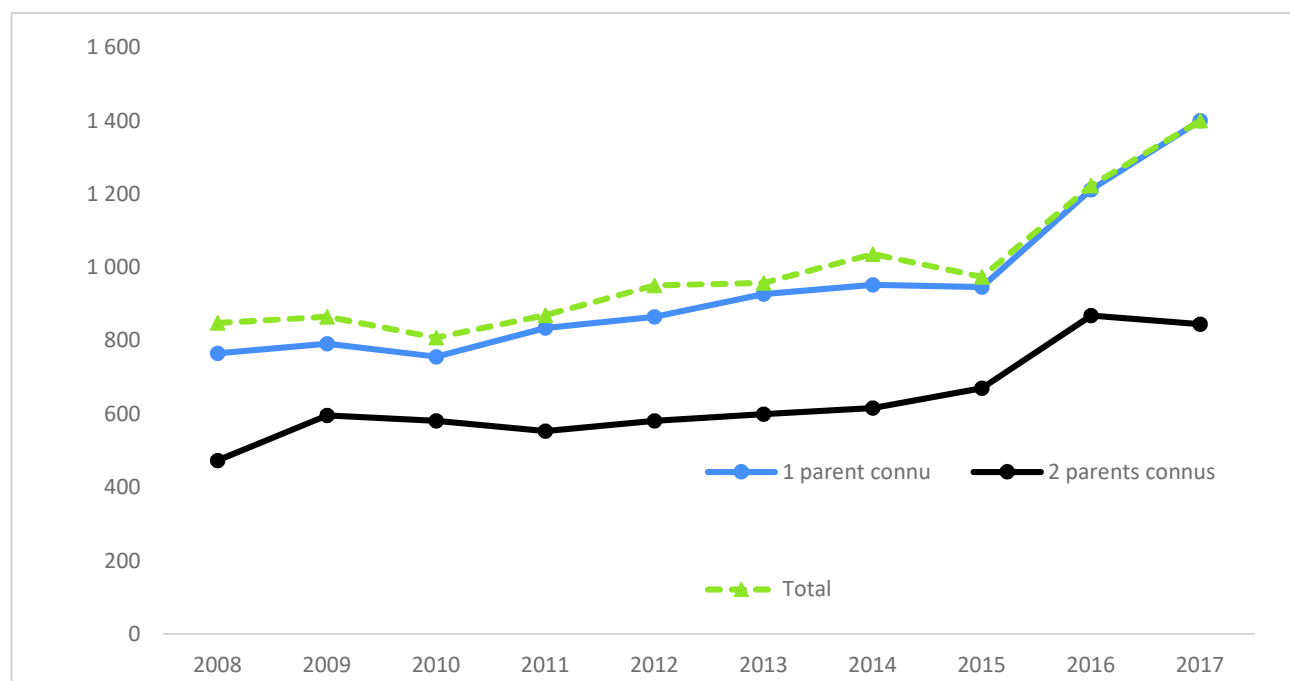
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	4 510
Nb pères différents	124
Nb max de descendants par père	137
Nb grands-pères paternels différents	66
Nb max de descendants par GPP	178
Nb mères différentes	2 363
Nb max de descendants par mère	9
Nb grands-pères maternels différents	144
Nb max de descendants par GPM	145
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 001

Rapport 2 parents connus/total des femelles 65%

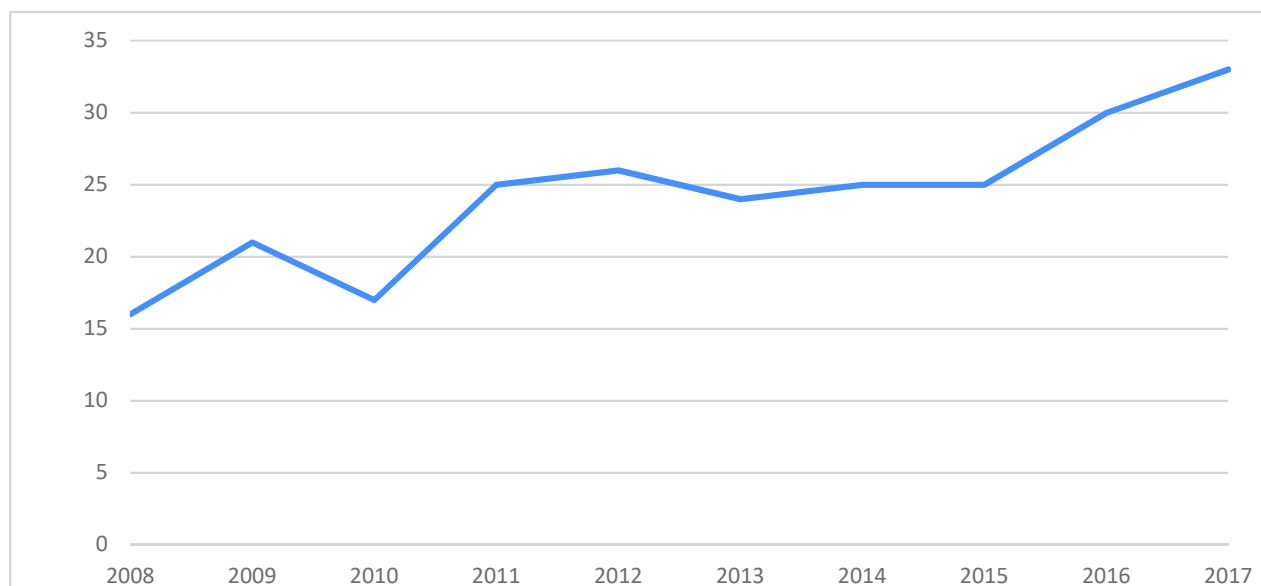
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

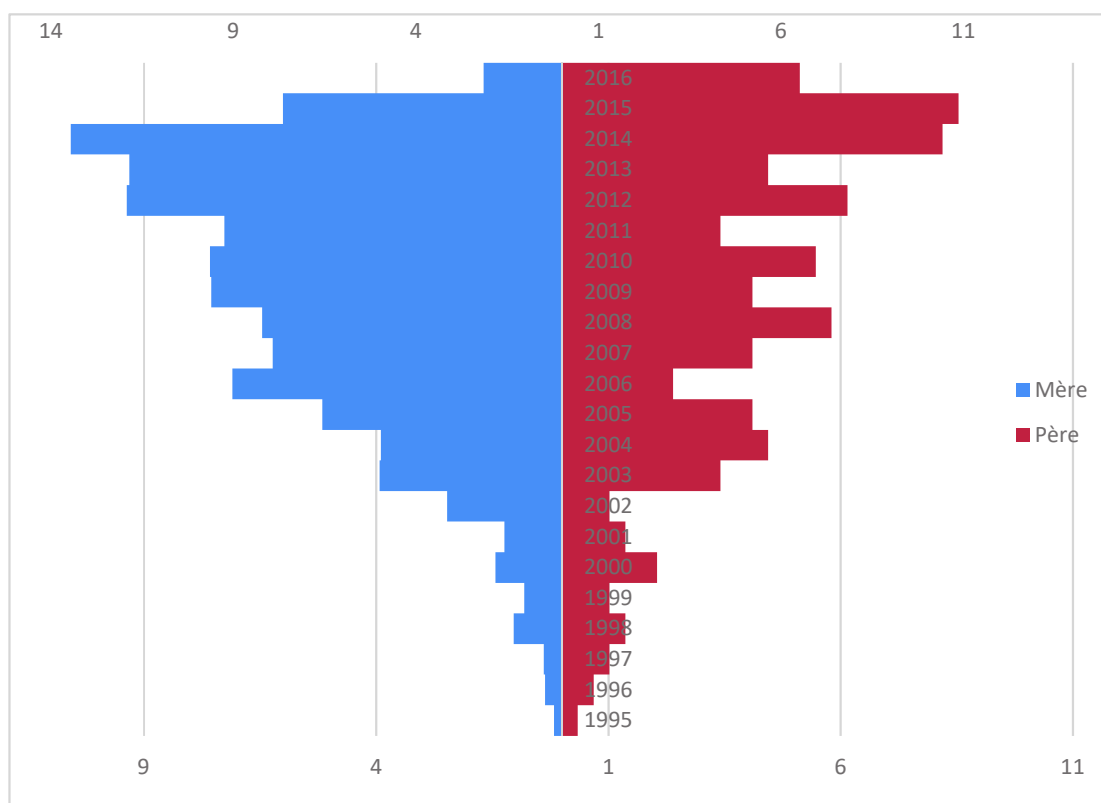
Croissance démographique ● 29

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



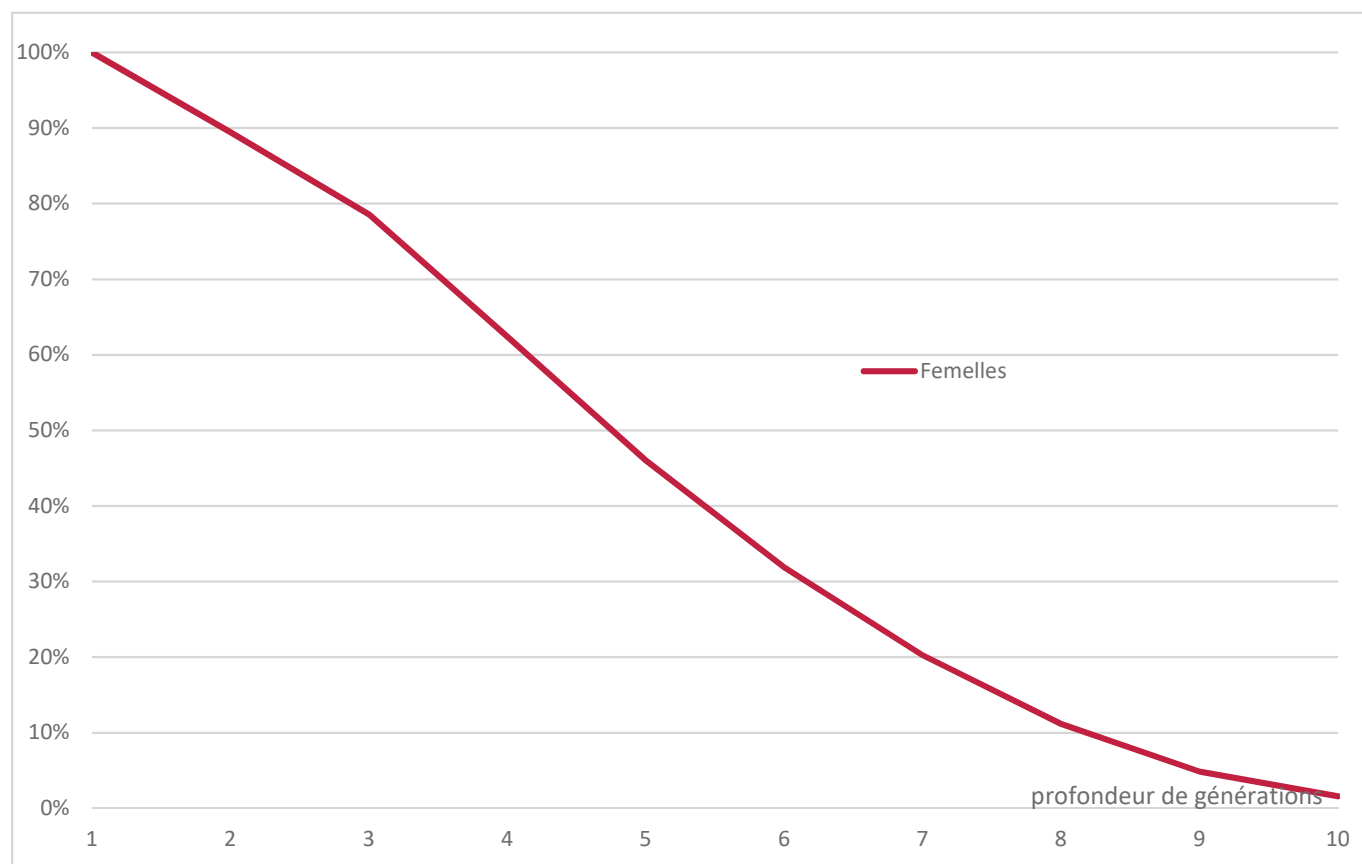
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,5
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,8
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,1
Moyenne 4 voies	3,6

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	3 001
Nb moyen de générations remontées	4,5
Nb moyen d'ancêtres connus	172
Nb maximum de générations remontées	19

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	1 966
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	191
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	67
Ratio Ae/Fe	35,3%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	6,3%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	25

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	62267054000025	000025	M	2000	6,3%	6,3%	6,3%
2	54518070046	70046	M	2007	4,7%	3,6%	9,9%
3	59258020010006	010006	M	2001	3,5%	3,5%	13,3%
4	62361047030103	030103	M	2003	3,4%	3,4%	16,7%
5	54563660017	60017	M	2006	3,8%	2,8%	19,6%
6	42105120039	20039	M	2012	2,8%	2,5%	22,0%
7	62273011040049	040049	F	2004	2,2%	2,2%	24,2%
8	42051380100	80100	M	2009	2,2%	2,2%	26,4%
9	42092230080	30080	M	2013	2,9%	2,2%	28,5%
10	80574014020024	020024	F	2002	2,1%	2,1%	30,7%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	4,5
Consanguinité moyenne (%)	1,1
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,8
Parenté (%)	1,6
Consanguinité des parents (%)	0,5
Parentés des parents (%)	0,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	144
Taille efficace (méthode démographique)	471

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

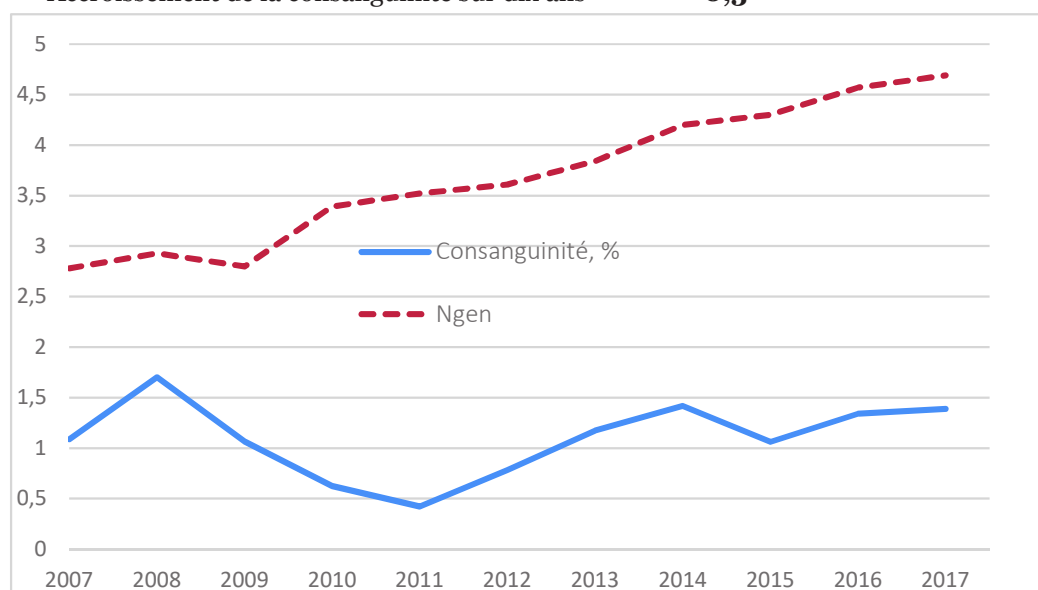
0% de consanguinité	50,0%
entre 0 à 3,125% inclus	41,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	5,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,6%
entre 12,5% à 25% inclus	1,3%
plus de 25%	0,7%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **3,6%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,3



CLUN-FOREST**Informations démographiques**

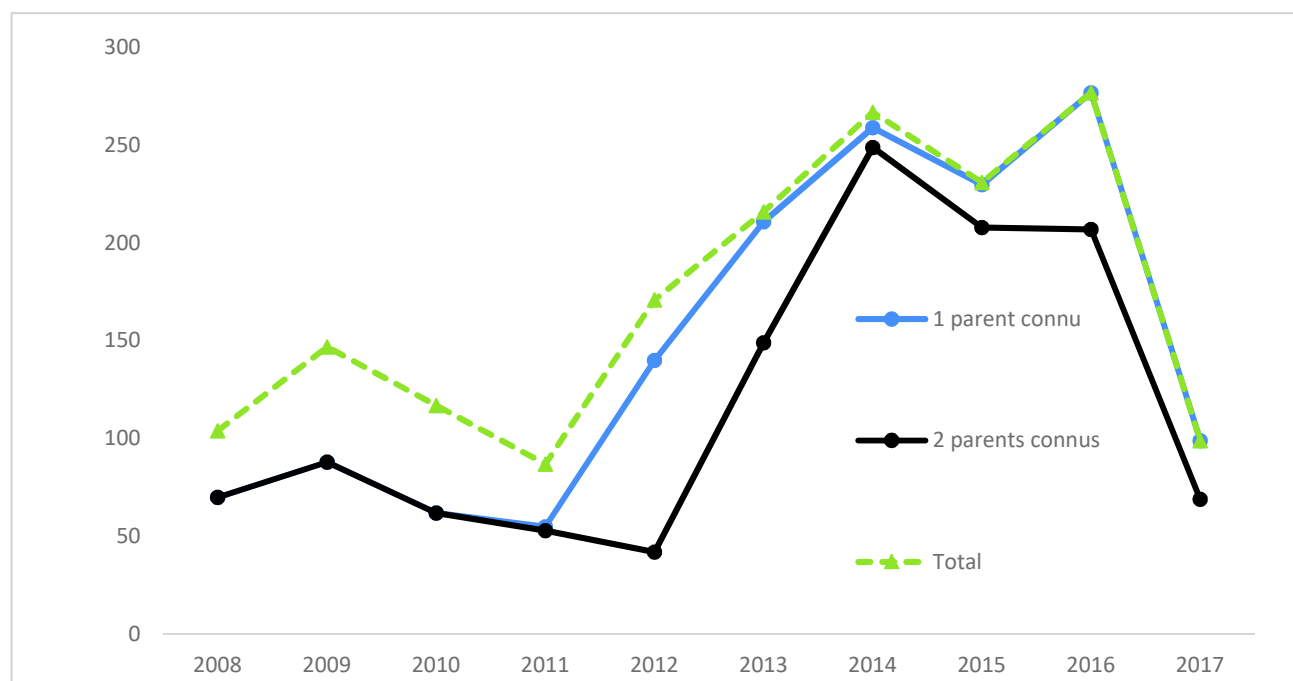
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	865
Nb pères différents	35
Nb max de descendants par père	80
Nb grands-pères paternels différents	10
Nb max de descendants par GPP	84
Nb mères différentes	466
Nb max de descendants par mère	6
Nb grands-pères maternels différents	26
Nb max de descendants par GPM	82
Nb d'animaux avec deux parents connus	733

Rapport 2 parents connus/total des femelles 84%

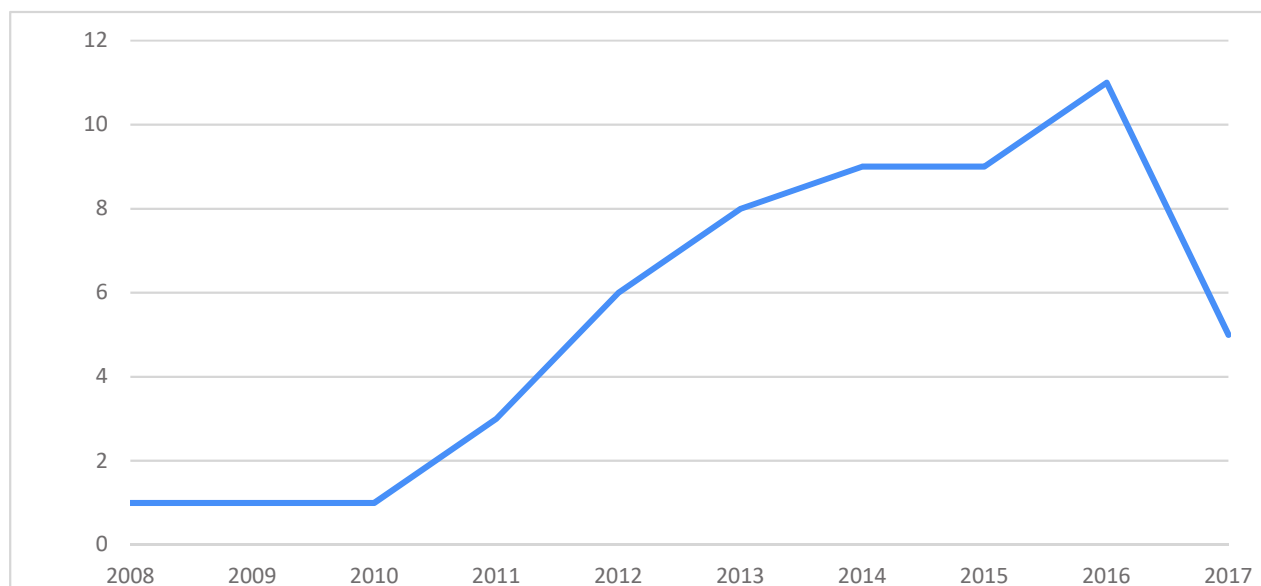
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

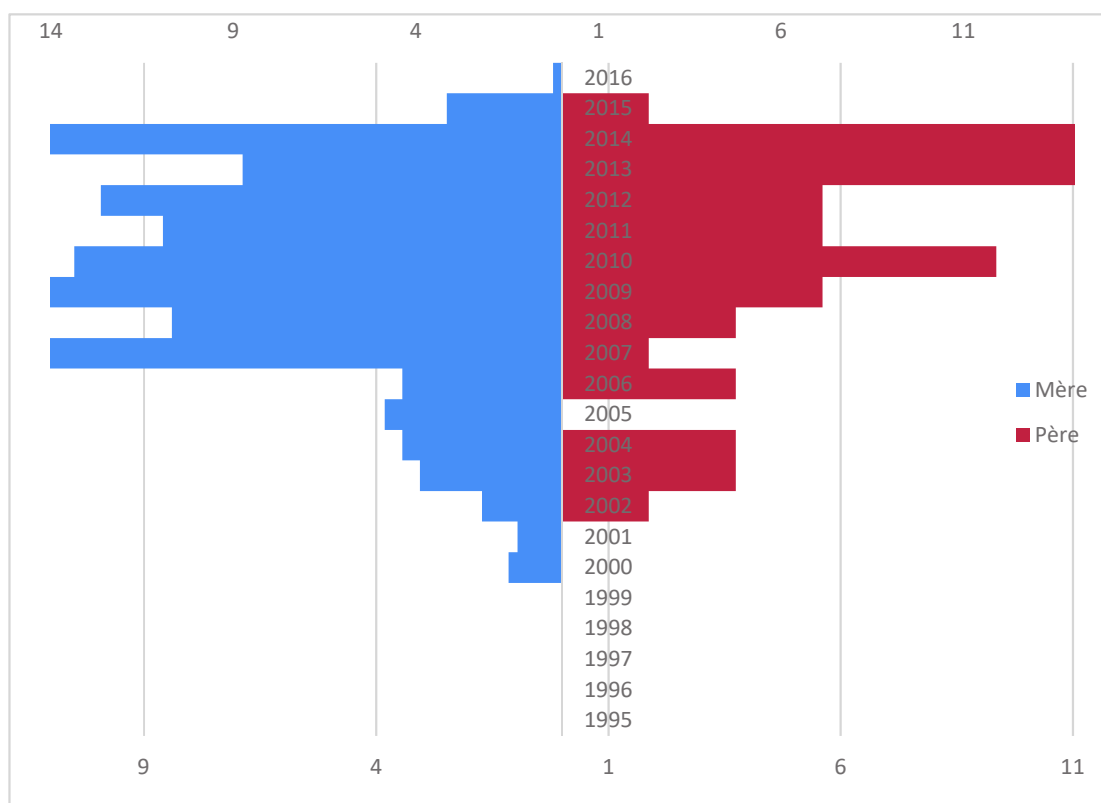
Croissance démographique ●74

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



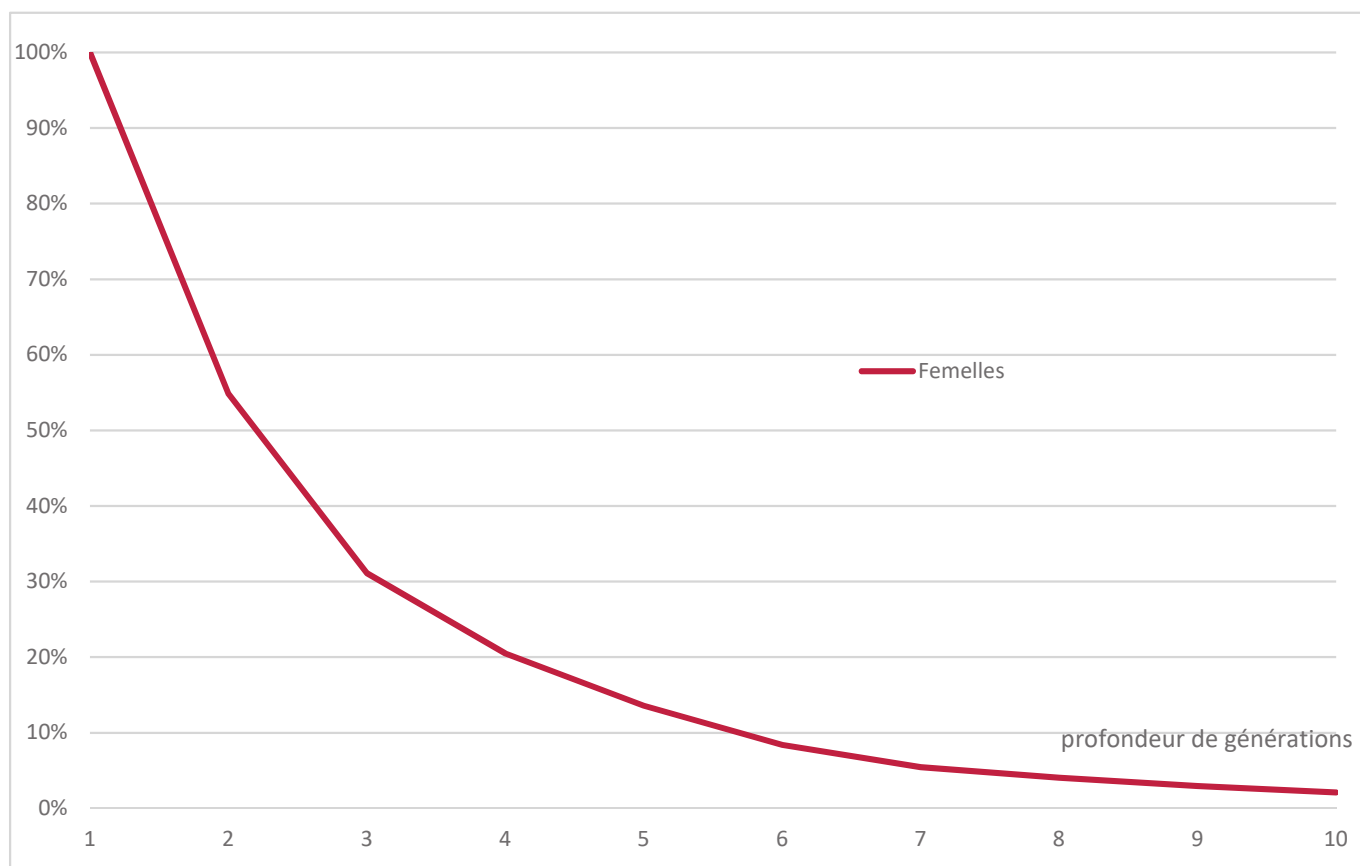
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,1
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,5
Moyenne 4 voies	3,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	733
Nb moyen de générations remontées	2,5
Nb moyen d'ancêtres connus	217
Nb maximum de générations remontées	19

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	406
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	47
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	40
Ratio Ae/Fe	85,4%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	9,5%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	15

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	25081900118	00118	M	2010	9,5%	9,5%	9,5%
2	NL109990202360	202360	M	2012	6,0%	6,0%	15,5%
3	25081900030	00030	M	2010	5,6%	5,6%	21,1%
4	25081900088	00088	M	2009	3,4%	3,4%	24,5%
5	55130930337	30337	M	2013	3,4%	3,4%	27,9%
6	20745297011	97011	M	2009	3,3%	3,3%	31,1%
7	25081900025	00025	M	2010	3,3%	3,3%	34,4%
8	41749020009	20009	M	2012	3,4%	2,6%	37,0%
9	NL100039883311	883311	M	2013	2,3%	2,3%	39,3%
10	UK009213140011	140011	M	2014	2,3%	2,3%	41,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	2,5
Consanguinité moyenne (%)	0,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,5
Parenté (%)	2,2
Consanguinité des parents (%)	0,3
Parentés des parents (%)	0,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	61
Taille efficace (méthode démographique)	130

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

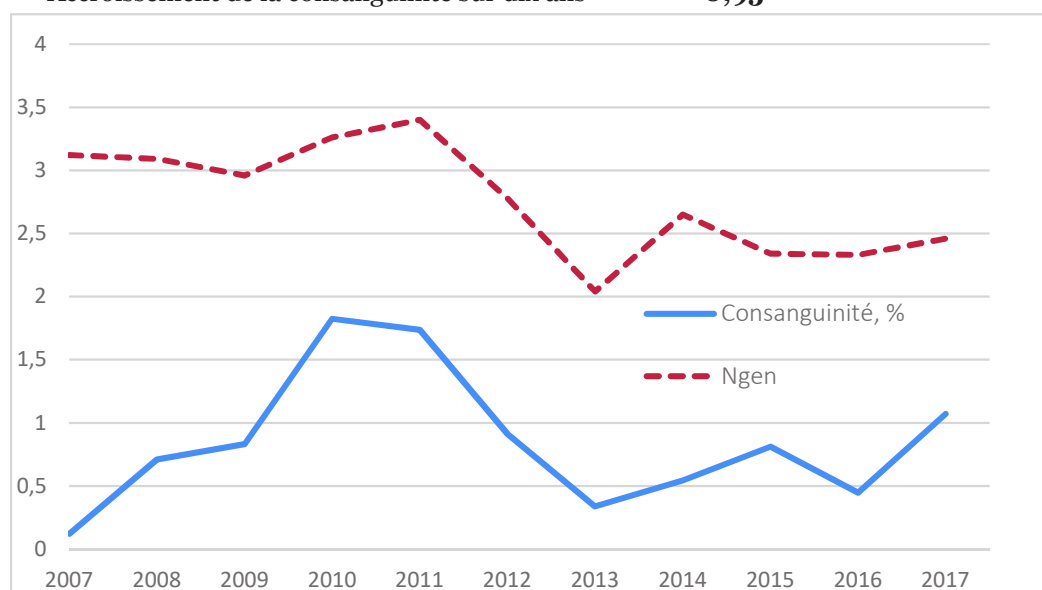
0% de consanguinité	81,2%
entre 0 à 3,125% inclus	11,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	4,3%
entre 6,25% à 12,5% inclus	2,4%
entre 12,5% à 25% inclus	0,6%
plus de 25%	0,5%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **3,4%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,95



COTENTIN**Informations démographiques**

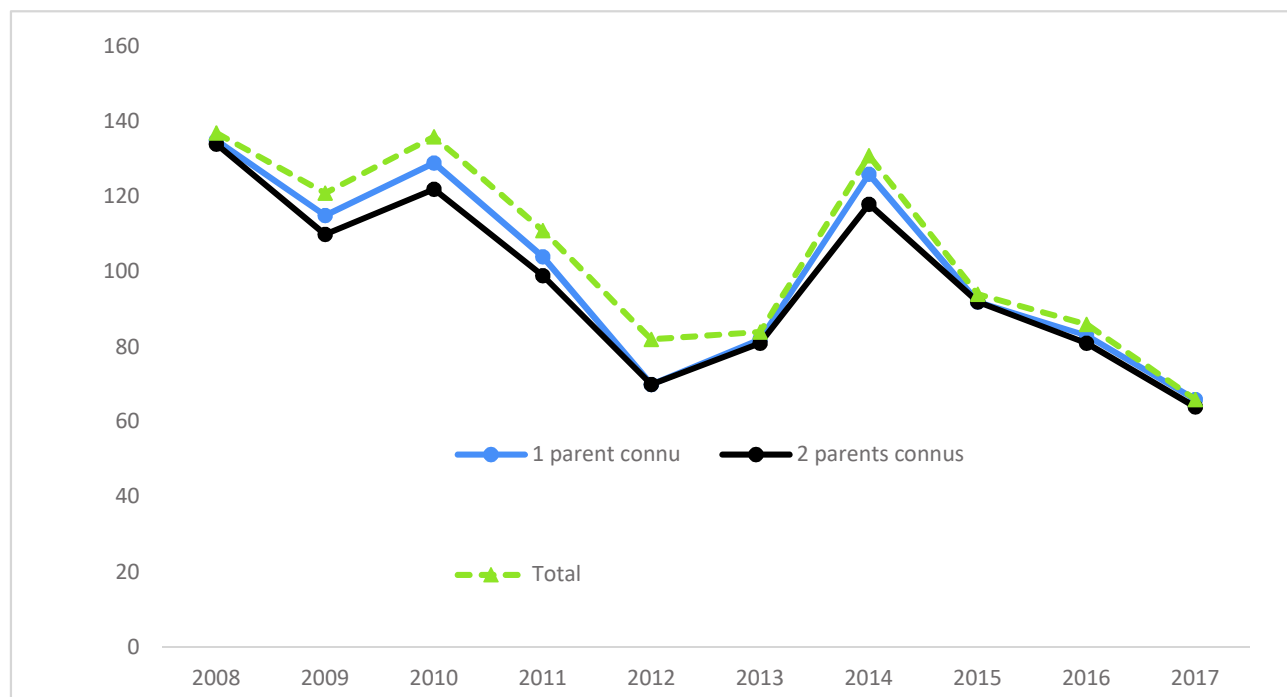
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	367
Nb pères différents	34
Nb max de descendants par père	33
Nb grands-pères paternels différents	22
Nb max de descendants par GPP	56
Nb mères différentes	177
Nb max de descendants par mère	5
Nb grands-pères maternels différents	38
Nb max de descendants par GPM	31
Nb d'animaux avec deux parents connus	355

Rapport 2 parents connus/total des femelles 94%

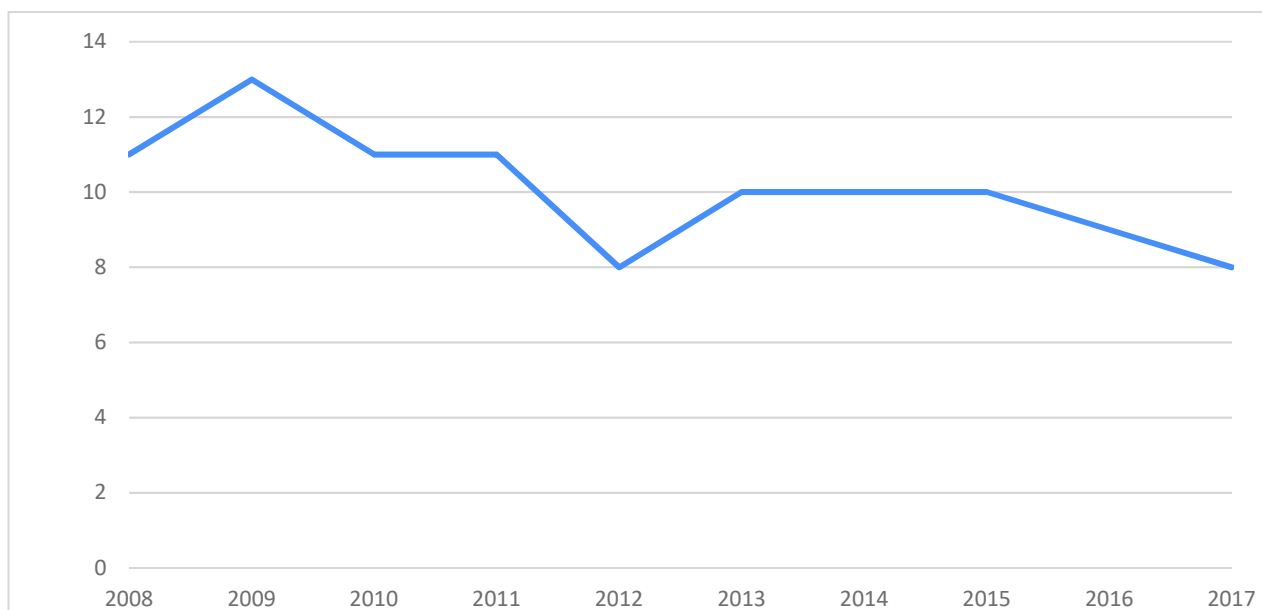
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

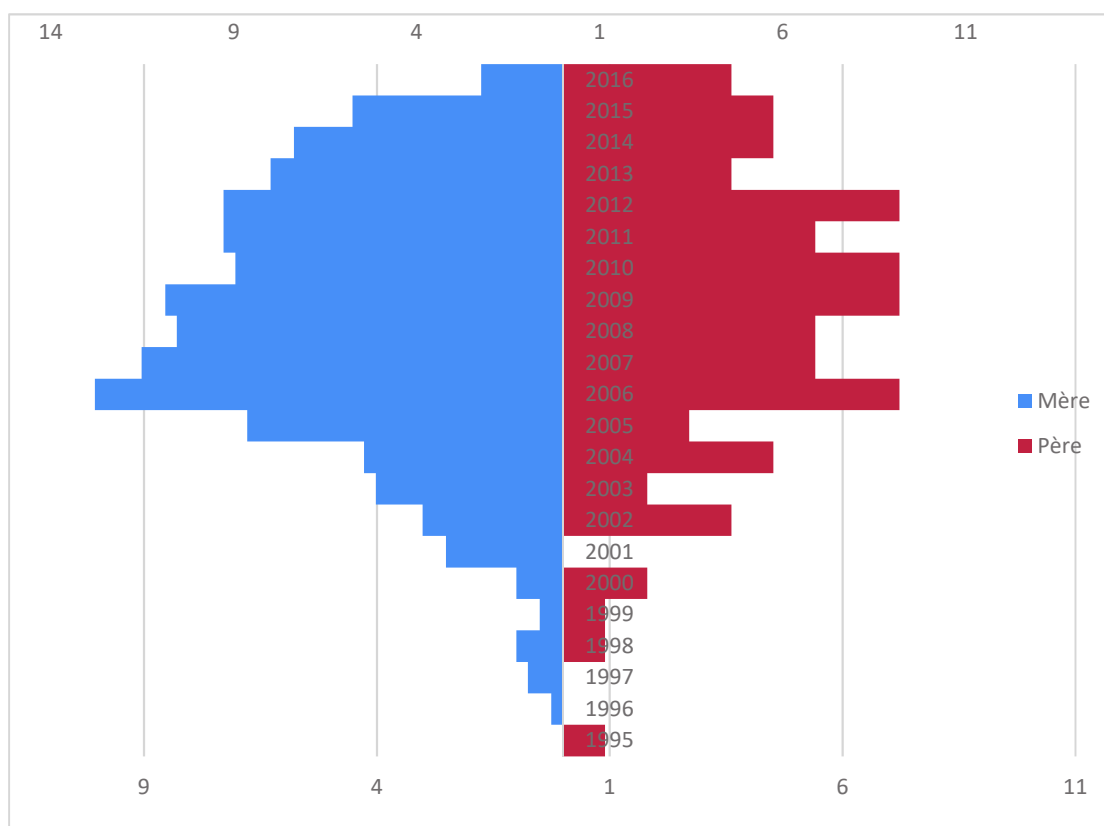
Croissance démographique ●-21

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



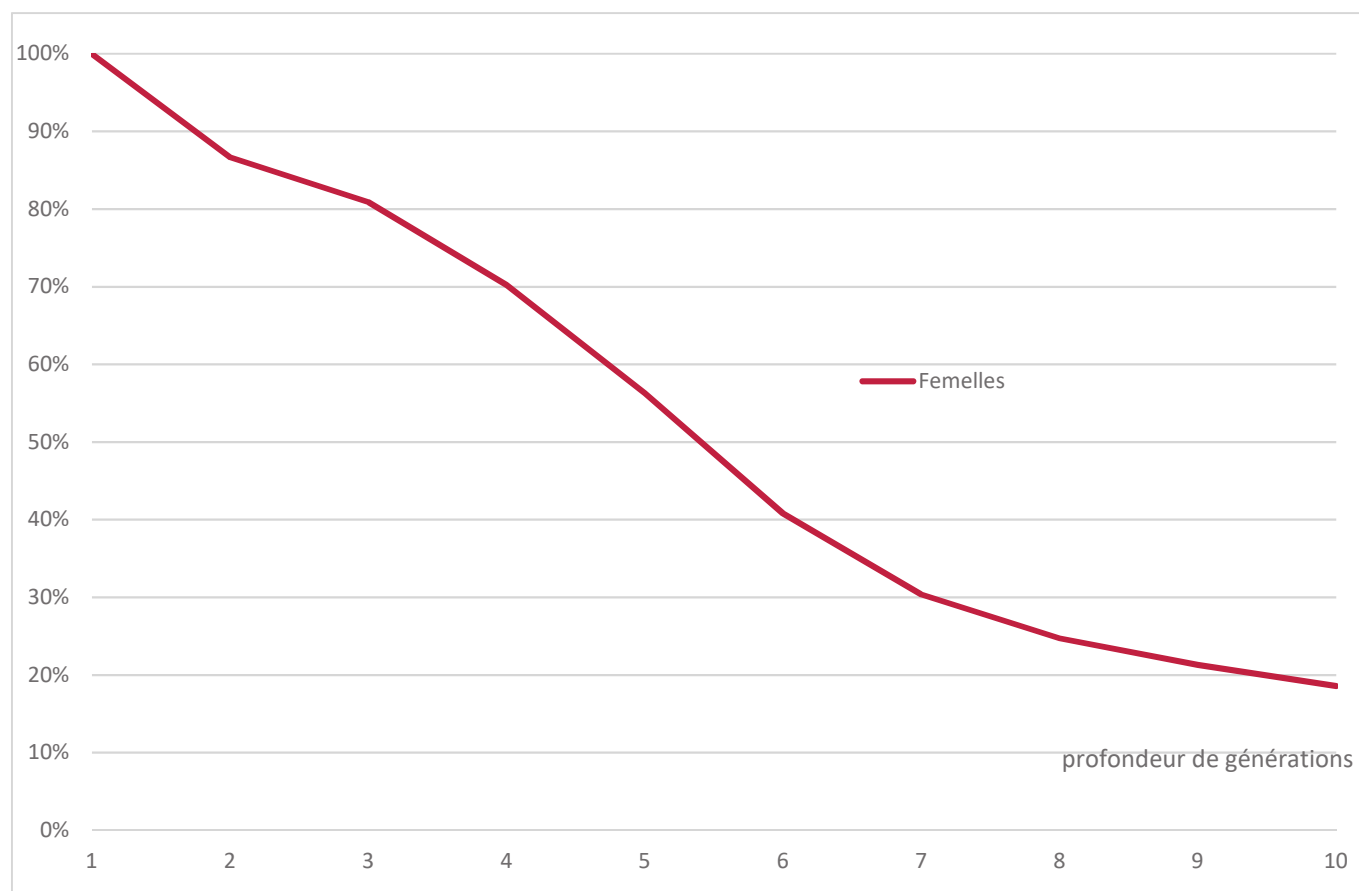
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,2
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,8
Moyenne 4 voies	3,1

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	355
Nb moyen de générations remontées	5,8
Nb moyen d'ancêtres connus	8 847
Nb maximum de générations remontées	25

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	255
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	51
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	20
Ratio Ae/Fe	40,1%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	13,5%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	8

**Détail des ancêtres les plus importants
de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	50087330030008	030008	M	2003	13,5%	13,5%	13,5%
2	37198610010	10010	M	2010	9,7%	9,7%	23,2%
3	36917480014	80014	M	2008	12,1%	9,1%	32,3%
4	50616001030026	030026	M	2003	5,5%	5,5%	37,8%
5	36726810033	10033	M	2011	5,0%	4,4%	42,1%
6	36537212011	12011	M	2012	5,2%	3,9%	46,0%
7	37044390003	90003	M	2009	3,4%	3,0%	49,0%
8	36588370001	70001	F	2007	3,0%	3,0%	52,0%
9	36726860010	60010	F	2006	2,9%	2,9%	54,9%
10	50249031020215	020215	F	2002	3,3%	2,7%	57,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,8
Consanguinité moyenne (%)	2,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	1,8
Parenté (%)	4,6
Consanguinité des parents (%)	2,1
Parentés des parents (%)	2,7
Taille efficace (méthode Cervantès)	63
Taille efficace (méthode démographique)	114

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

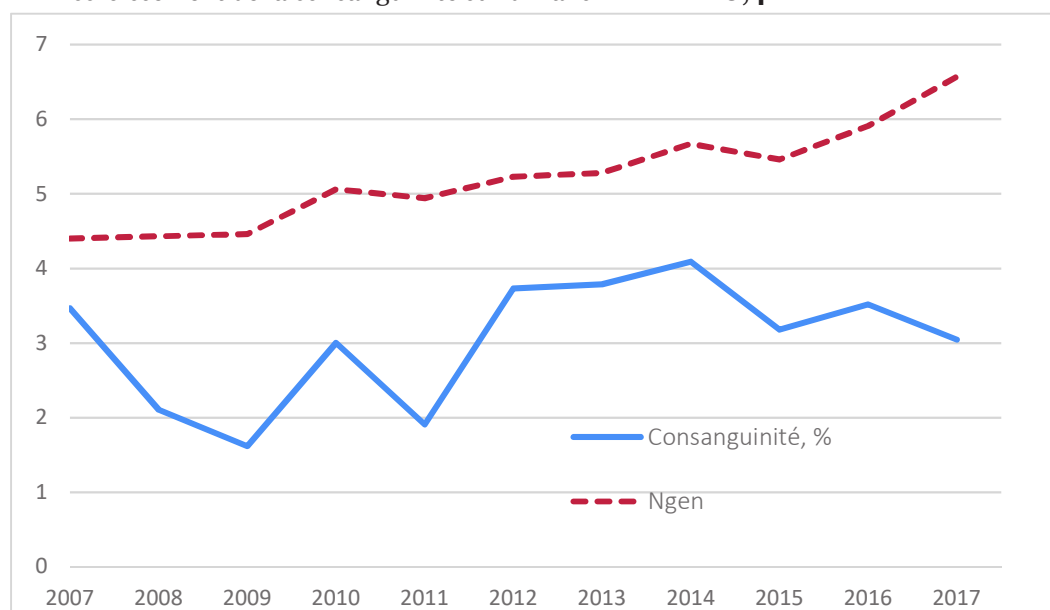
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	33,5%
entre 0 à 3,125% inclus	36,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	18,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	7,7%
entre 12,5% à 25% inclus	3,1%
plus de 25%	1,6%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **12,4%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-0,42

DORSET-DOWN**Informations démographiques**

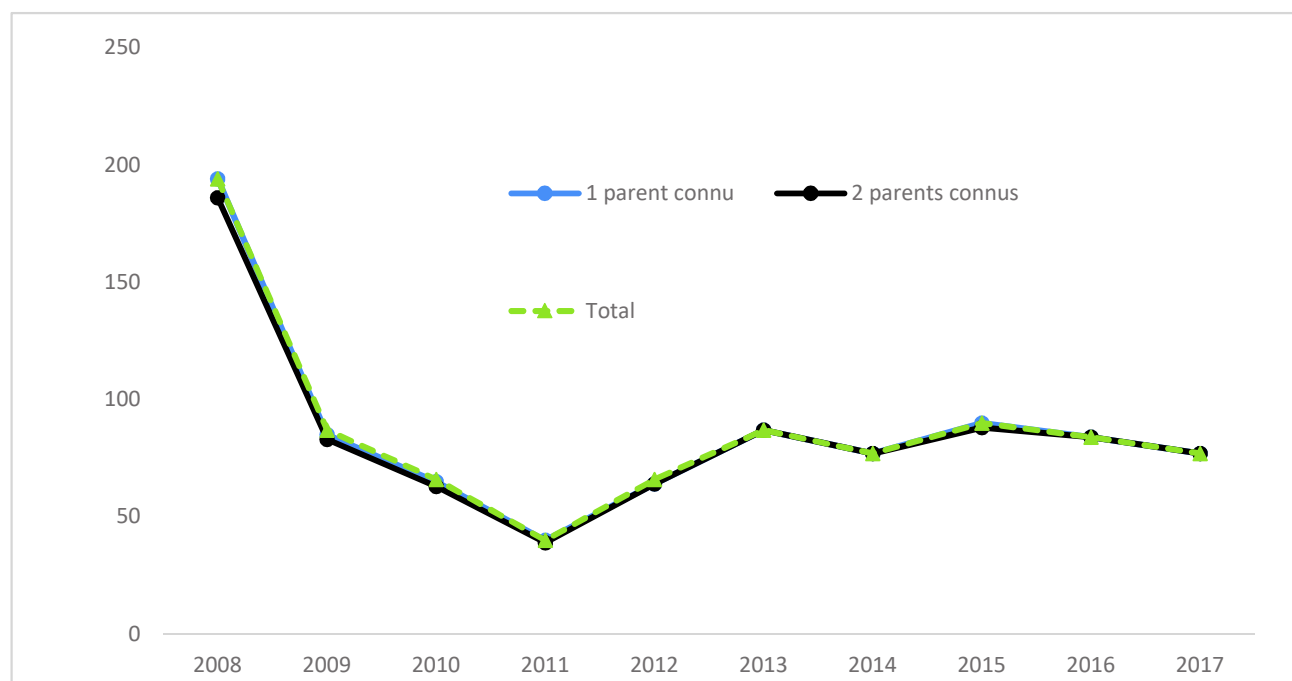
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	328
Nb pères différents	22
Nb max de descendants par père	64
Nb grands-pères paternels différents	11
Nb max de descendants par GPP	64
Nb mères différentes	158
Nb max de descendants par mère	7
Nb grands-pères maternels différents	31
Nb max de descendants par GPM	73
Nb d'animaux avec deux parents connus	326

Rapport 2 parents connus/total des femelles 99%

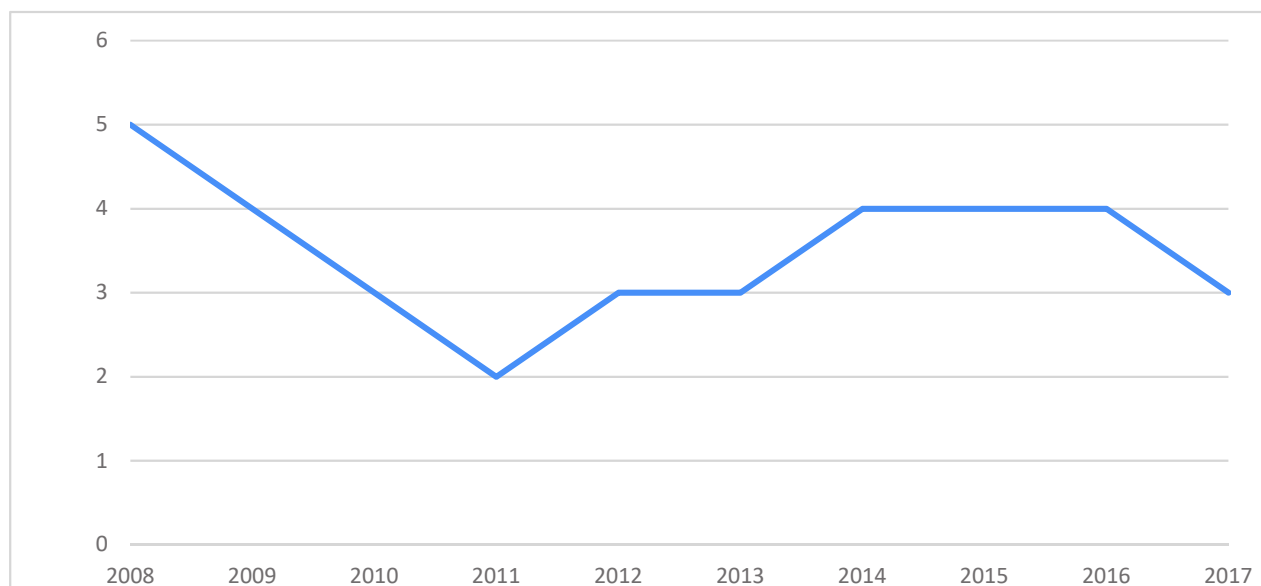
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

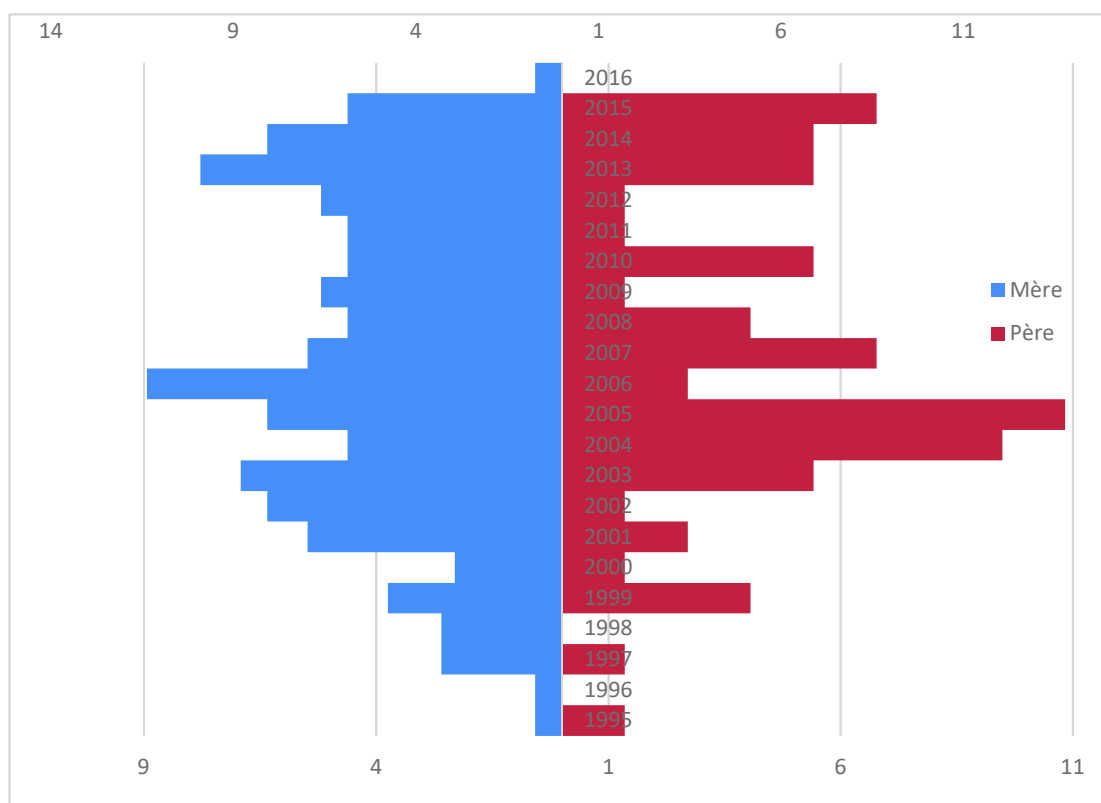
Croissance démographique 🟡-8

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



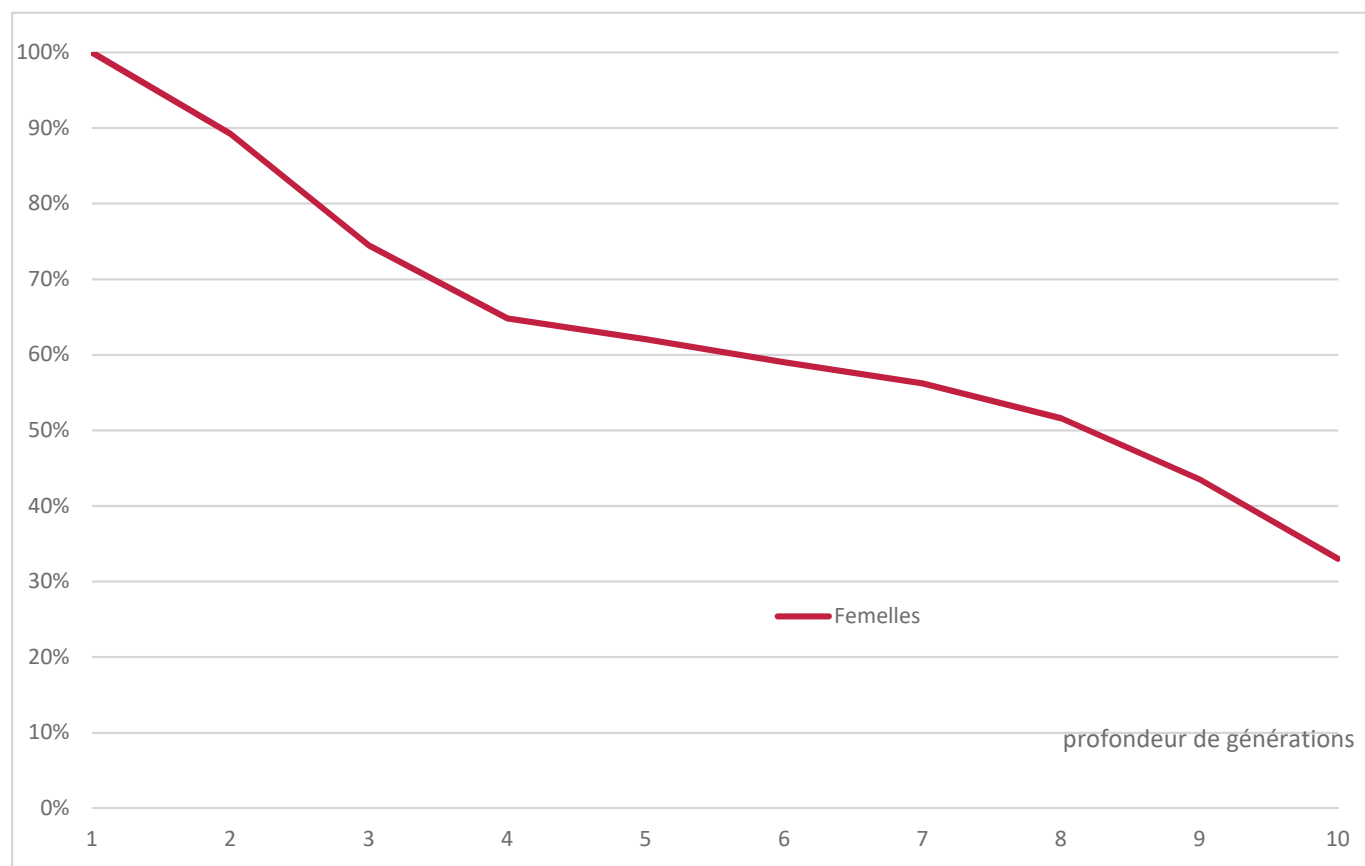
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,7
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,9
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,4
Moyenne 4 voies	4,1

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	326
Nb moyen de générations remontées	6,8
Nb moyen d'ancêtres connus	3 053
Nb maximum de générations remontées	21

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	654
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	31
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	13
Ratio Ae/Fe	42,0%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	19,8%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	5

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	20036980010	80010	M	2008	19,8%	19,8%	19,8%
2	23075119050014	050014	M	2005	11,1%	11,1%	30,9%
3	22549390053	90053	M	2009	8,2%	8,2%	39,1%
4	86280625050018	050018	M	2005	7,2%	7,2%	46,2%
5	17657600135	00135	M	2010	4,5%	4,5%	50,7%
6	17657600045	00045	M	2010	4,2%	4,2%	55,0%
7	18108901810037	810037	M	1981	9,4%	3,9%	58,9%
8	22549360080	60080	F	2006	3,7%	3,7%	62,6%
9	UK038530700888	700888	M	2014	3,4%	3,4%	66,0%
10	86280625030029	030029	M	2003	8,6%	3,3%	69,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,8
Consanguinité moyenne (%)	6,0
Consanguinité sur 3 générations (%)	1,9
Parenté (%)	7,1
Consanguinité des parents (%)	4,3
Parentés des parents (%)	6,1
Taille efficace (méthode Cervantès)	47
Taille efficace (méthode démographique)	77

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

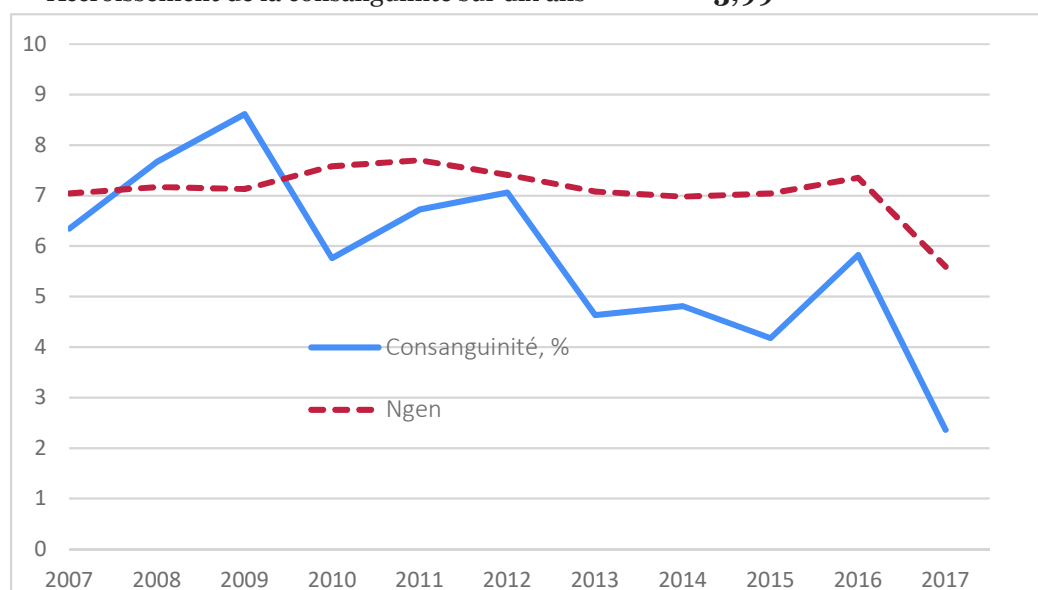
0% de consanguinité	14,7%
entre 0 à 3,125% inclus	19,7%
entre 3,125% à 6,25% inclus	29,2%
entre 6,25% à 12,5% inclus	24,7%
entre 12,5% à 25% inclus	9,4%
plus de 25%	2,3%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **36,4%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-3,99



FINNOISE**Informations démographiques**

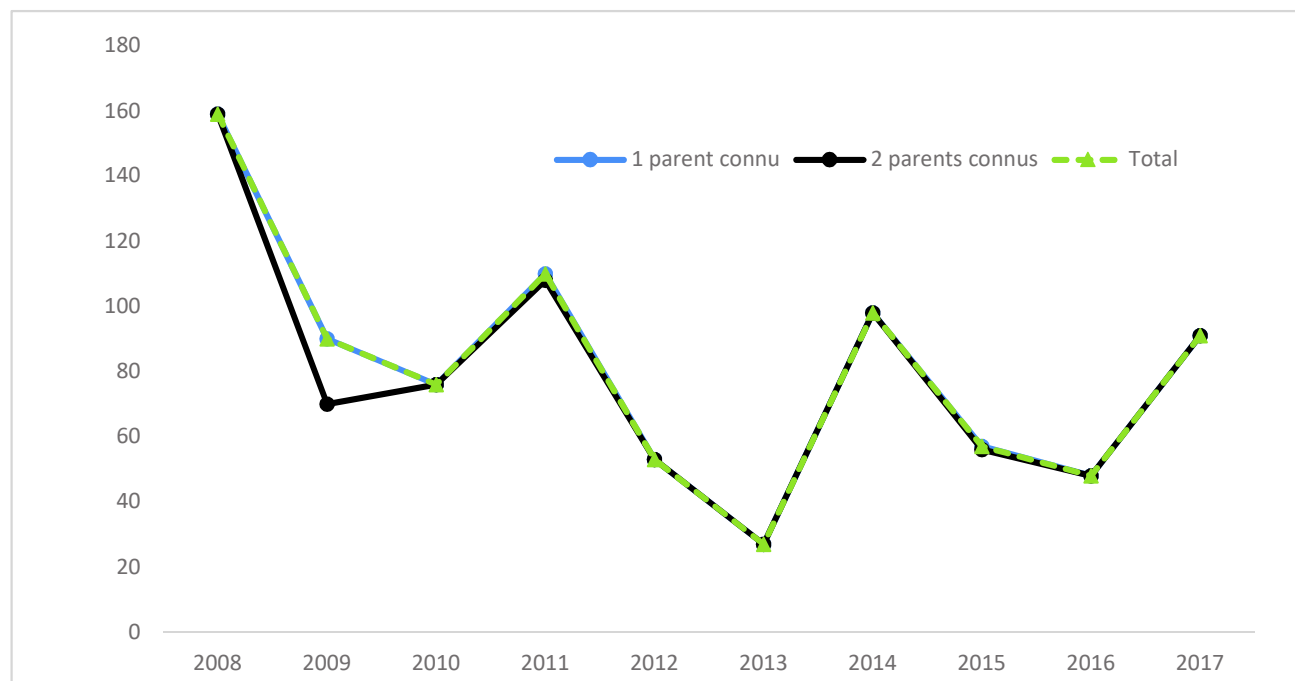
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	294
Nb pères différents	16
Nb max de descendants par père	40
Nb grands-pères paternels différents	9
Nb max de descendants par GPP	52
Nb mères différentes	132
Nb max de descendants par mère	9
Nb grands-pères maternels différents	19
Nb max de descendants par GPM	44
Nb d'animaux avec deux parents connus	293

Rapport 2 parents connus/total des femelles 100%

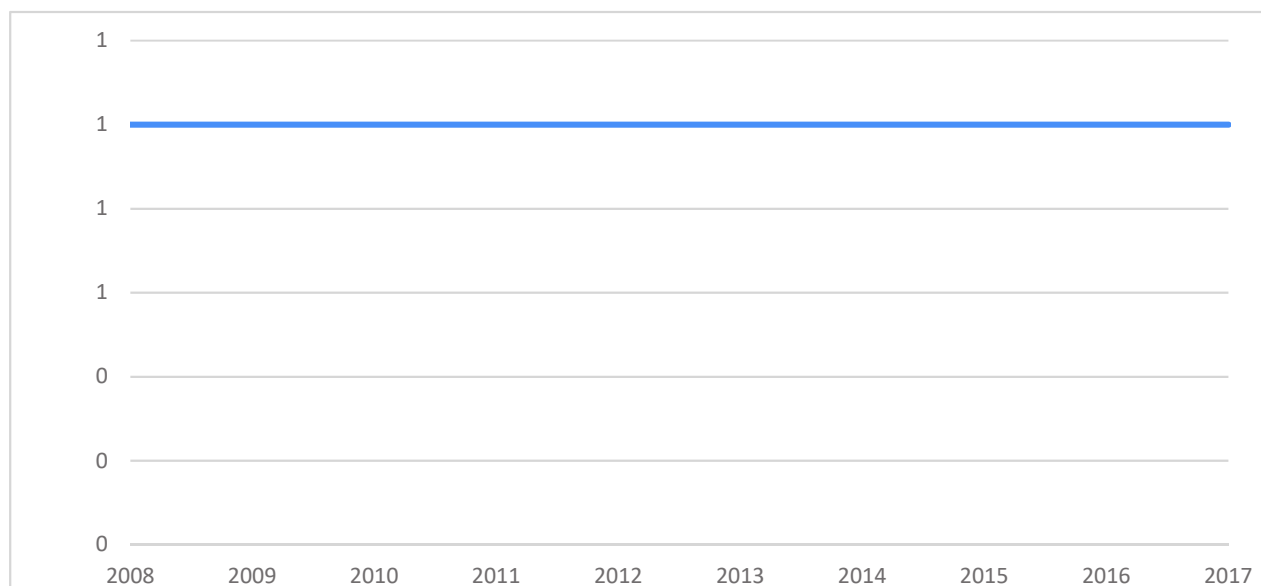
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

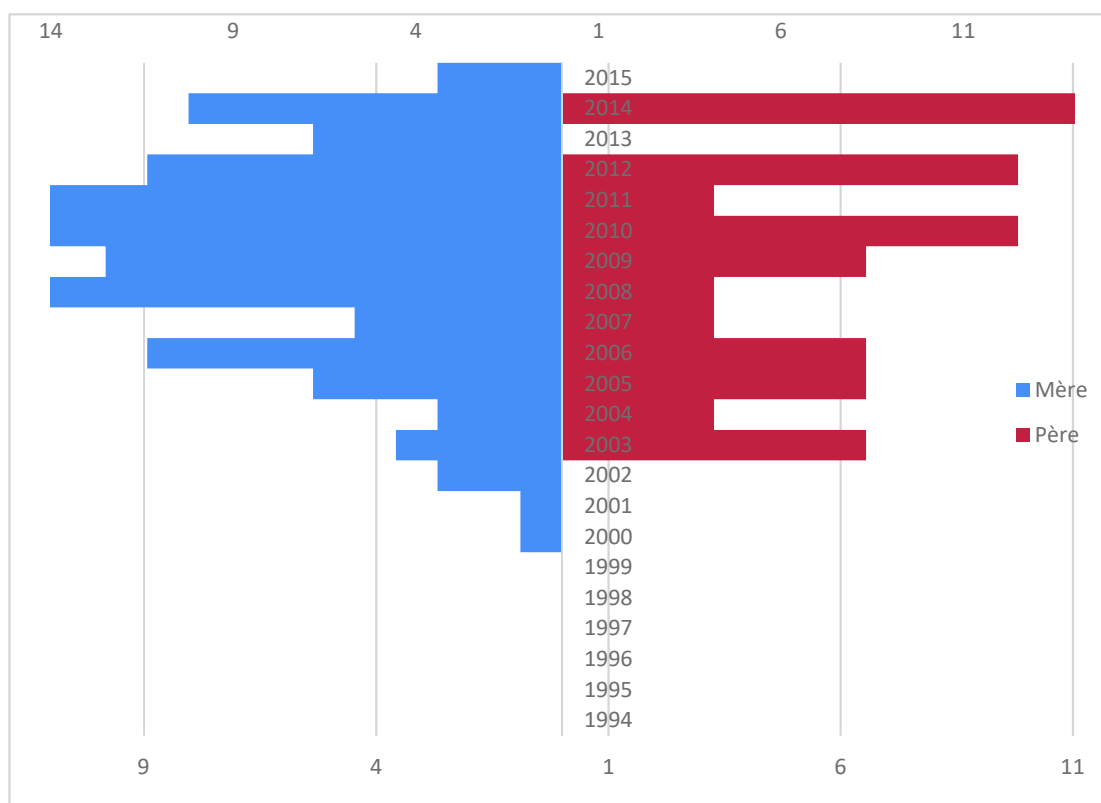
Croissance démographique ● -34

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



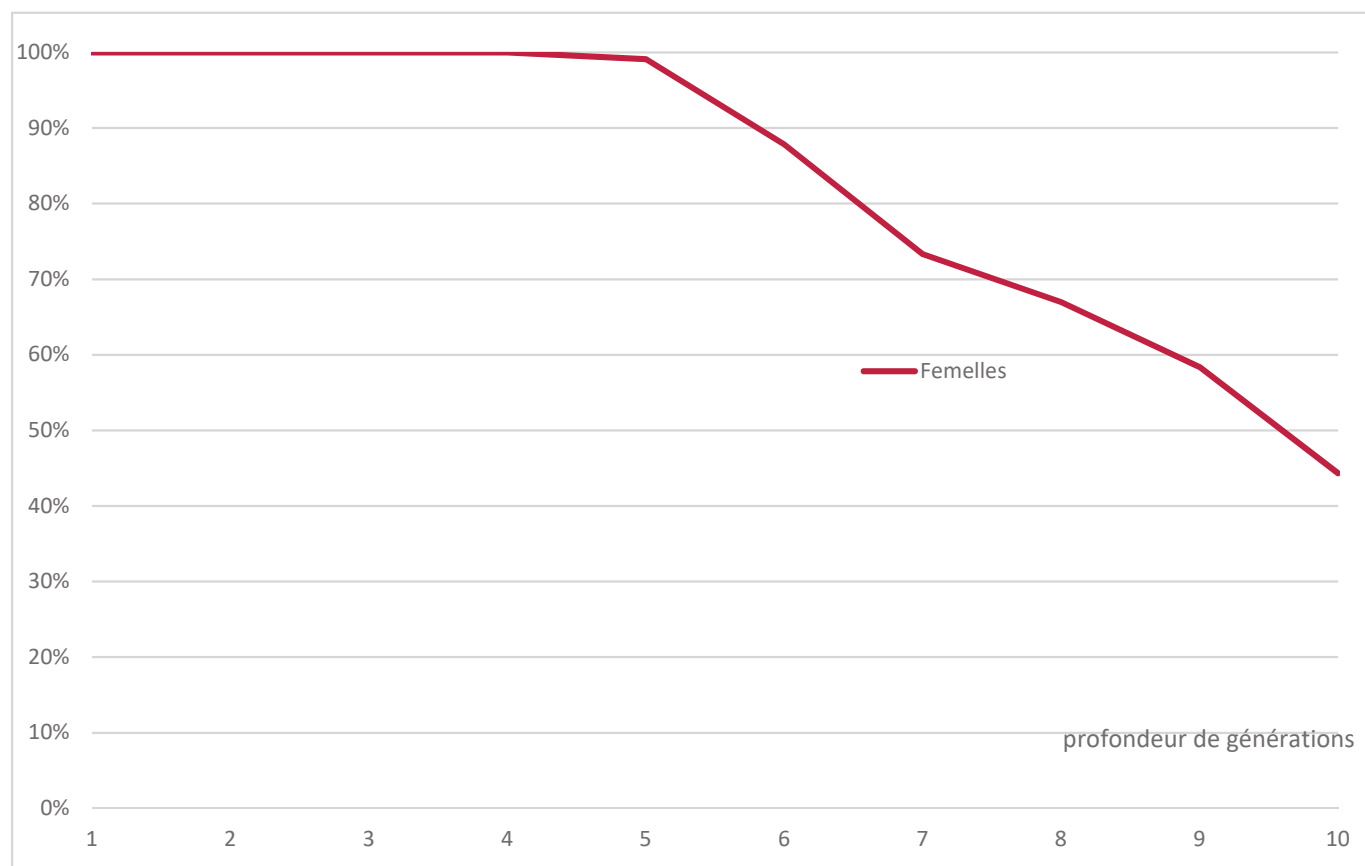
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,6
Moyenne 4 voies	4,1

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	293
Nb moyen de générations remontées	8,9
Nb moyen d'ancêtres connus	4 077
Nb maximum de générations remontées	20

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	69
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	27
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	12
Ratio Ae/Fe	42,8%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	16,5%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	5

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	60605002910617	910617	M	1991	16,5%	16,5%	16,5%
2	60605002030141	030141	M	2003	14,0%	12,3%	28,8%
3	60605002970032	970032	M	1997	12,6%	11,1%	39,8%
4	42573301040	01040	M	2010	12,5%	9,1%	48,9%
5	42573301105	01105	M	2010	12,2%	8,0%	56,9%
6	60605002925295	925295	M	1992	8,4%	6,8%	63,7%
7	60605002951916	951916	M	1995	7,1%	5,6%	69,3%
8	60605002966065	966065	M	1996	6,8%	4,5%	73,8%
9	60605002790466	790466	F	1978	9,1%	3,7%	77,4%
10	62457028790244	790244	M	1979	8,2%	3,6%	81,1%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	8,9
Consanguinité moyenne (%)	7,0
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,4
Parenté (%)	12,1
Consanguinité des parents (%)	6,2
Parentés des parents (%)	10,3
Taille efficace (méthode Cervantès)	34
Taille efficace (méthode démographique)	57

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

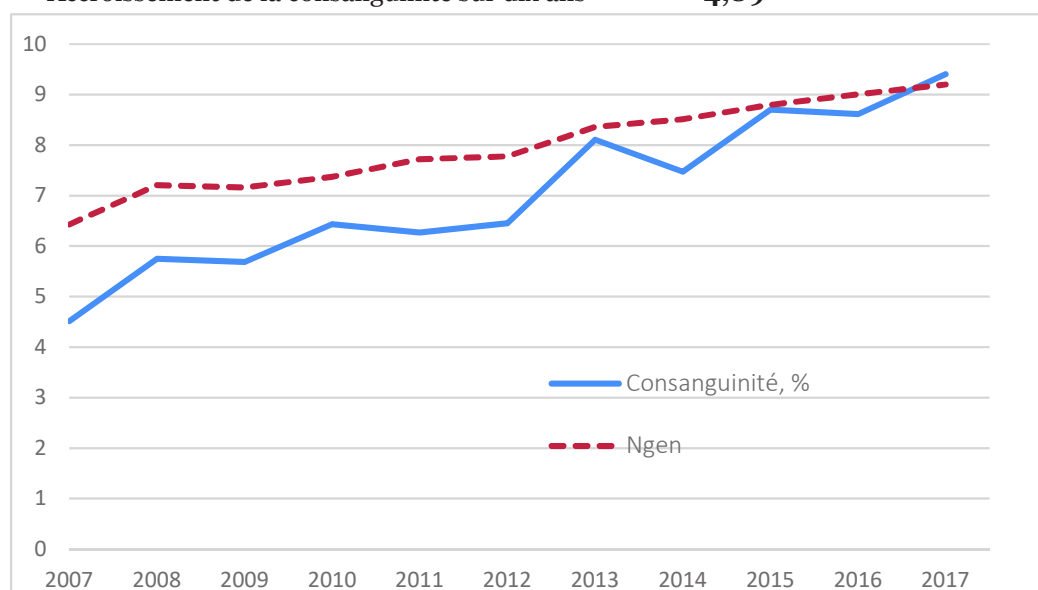
0% de consanguinité	0,0%
entre 0 à 3,125% inclus	2,3%
entre 3,125% à 6,25% inclus	34,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	62,3%
entre 12,5% à 25% inclus	1,5%
plus de 25%	0,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **63,8%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

4,89



HAMPSHIRE**Informations démographiques**

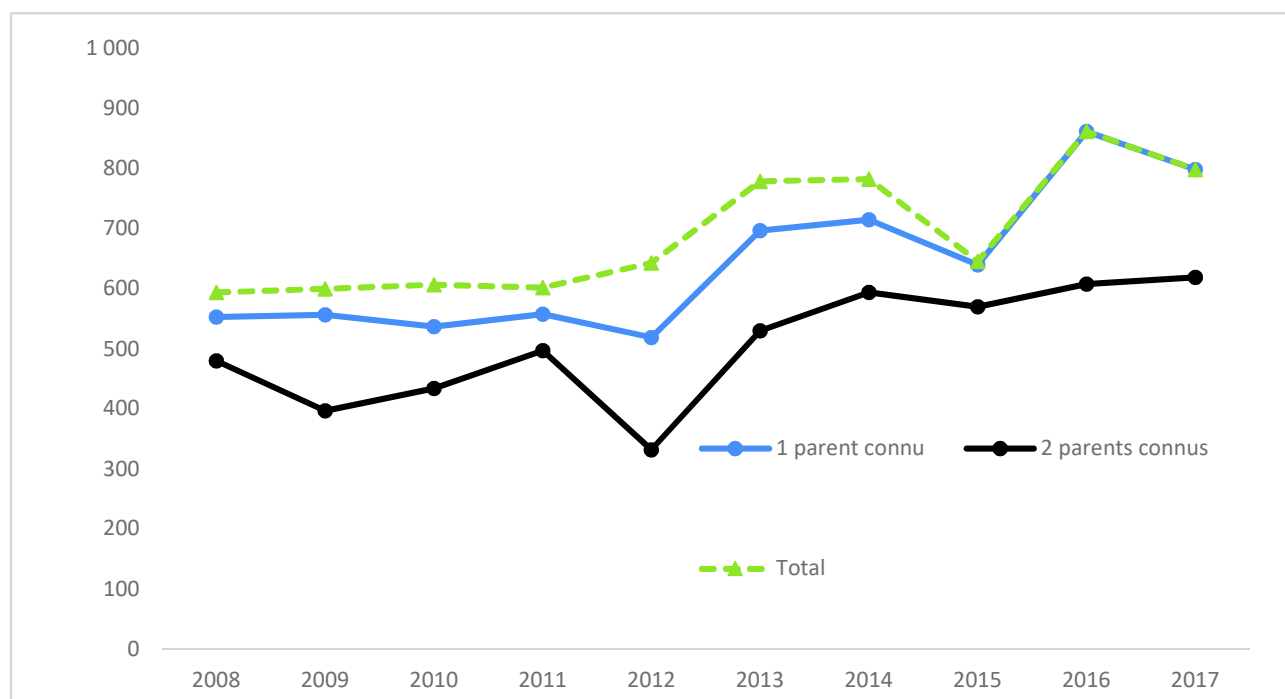
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	3 013
Nb pères différents	85
Nb max de descendants par père	131
Nb grands-pères paternels différents	44
Nb max de descendants par GPP	263
Nb mères différentes	1 504
Nb max de descendants par mère	7
Nb grands-pères maternels différents	129
Nb max de descendants par GPM	109
Nb d'animaux avec deux parents connus	2 391

Rapport 2 parents connus/total des femelles 77%

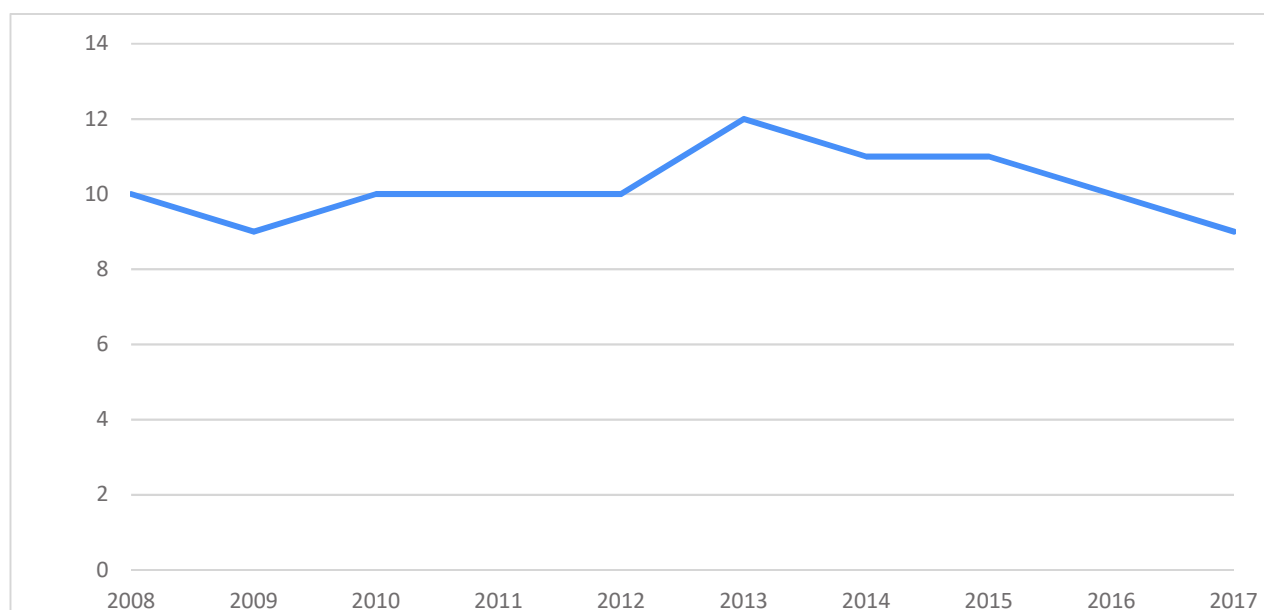
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

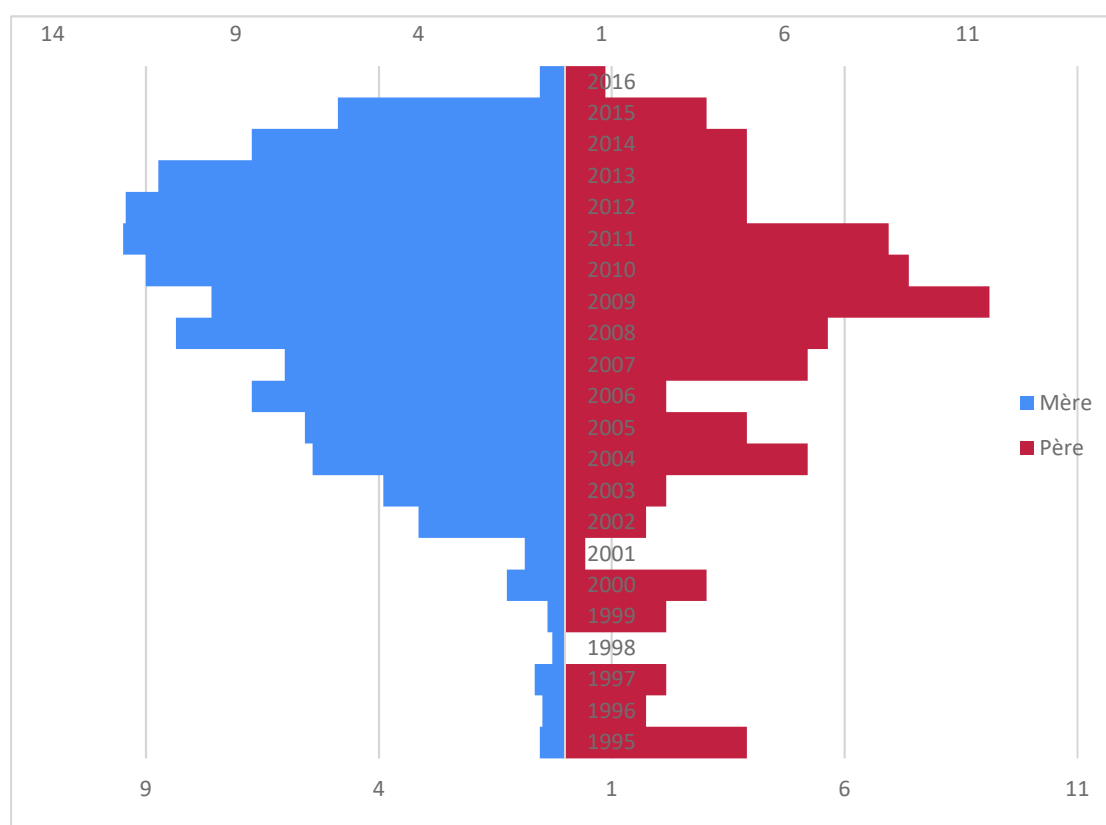
Croissance démographique ● 27

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



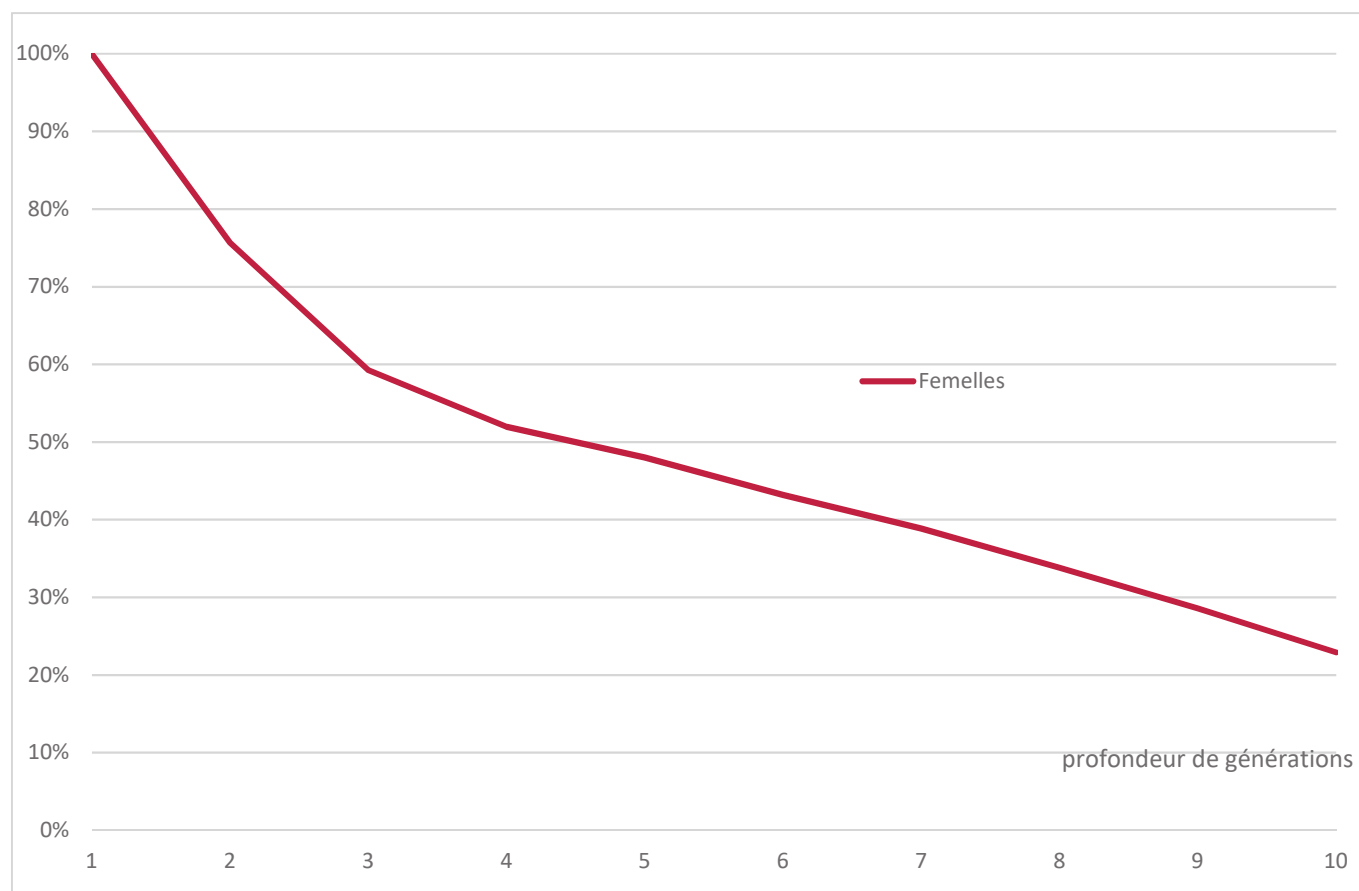
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,4
Moyenne 4 voies	3,9

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	2 391
Nb moyen de générations remontées	5,4
Nb moyen d'ancêtres connus	2 637
Nb maximum de générations remontées	21

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	991
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	174
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	77
Ratio Ae/Fe	44,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,1%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	27

**Détail des ancêtres les plus importants
de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	54553960147	60147	M	2006	5,1%	5,1%	5,1%
2	80467012890011	890011	M	1989	3,5%	3,5%	8,6%
3	15080820020100	020100	M	2002	3,4%	3,4%	11,9%
4	51022310038	10038	M	2011	2,9%	2,9%	14,9%
5	24558290041	90041	M	2009	2,7%	2,6%	17,4%
6	27267151030063	030063	F	2003	3,1%	2,4%	19,8%
7	60655008910729	910729	M	1991	2,7%	2,2%	22,0%
8	40032284677	84677	M	2007	1,9%	1,9%	24,0%
9	44102680045	80045	M	2008	2,2%	1,9%	25,8%
10	44222710060	10060	M	2011	1,8%	1,8%	27,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,4
Consanguinité moyenne (%)	1,5
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,4
Parenté (%)	1,6
Consanguinité des parents (%)	0,9
Parentés des parents (%)	0,7
Taille efficace (méthode Cervantès)	180
Taille efficace (méthode démographique)	322

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

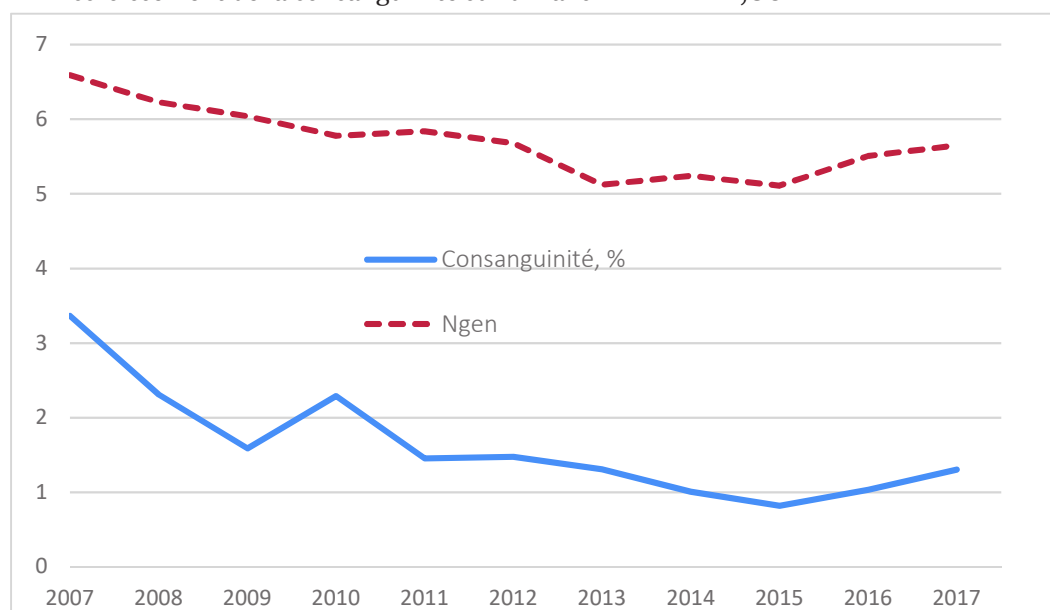
(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	41,2%
entre 0 à 3,125% inclus	46,9%
entre 3,125% à 6,25% inclus	7,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	2,7%
entre 12,5% à 25% inclus	1,4%
plus de 25%	0,7%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 4,8%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-2,06

MERINOS DE RAMBOUILLET**Informations démographiques**

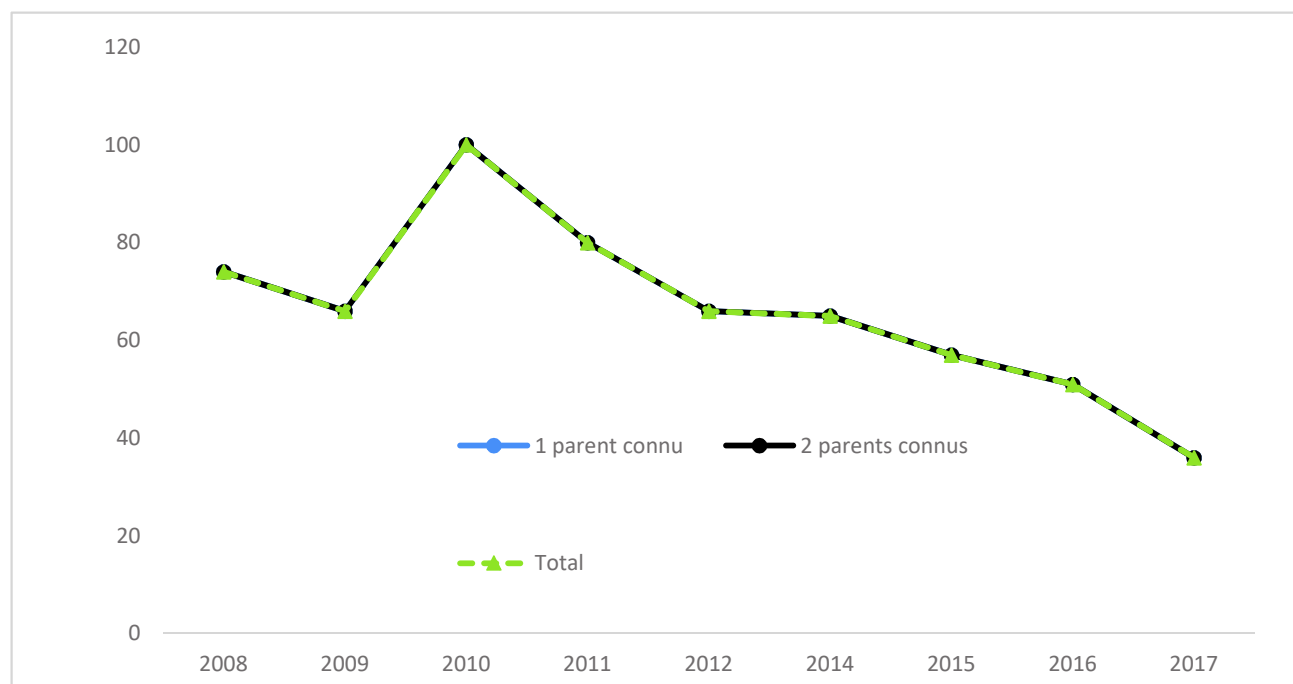
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

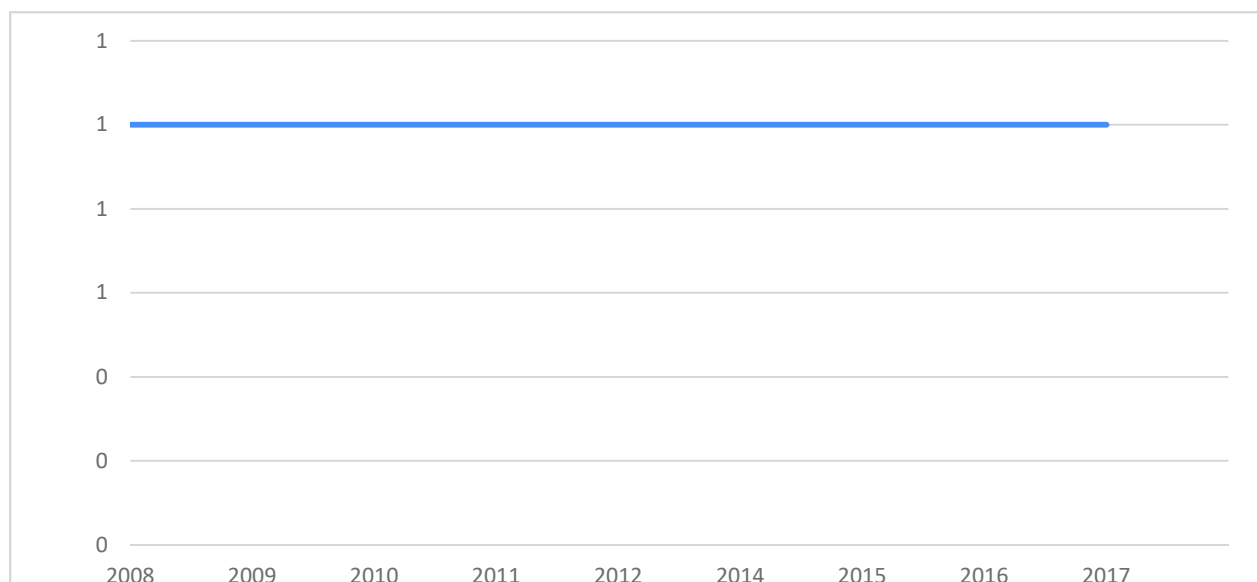
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	209
Nb pères différents	44
Nb max de descendants par père	14
Nb grands-pères paternels différents	32
Nb max de descendants par GPP	16
Nb mères différentes	134
Nb max de descendants par mère	5
Nb grands-pères maternels différents	51
Nb max de descendants par GPM	16
Nb d'animaux avec deux parents connus	209

Rapport 2 parents connus/total des femelles 100%

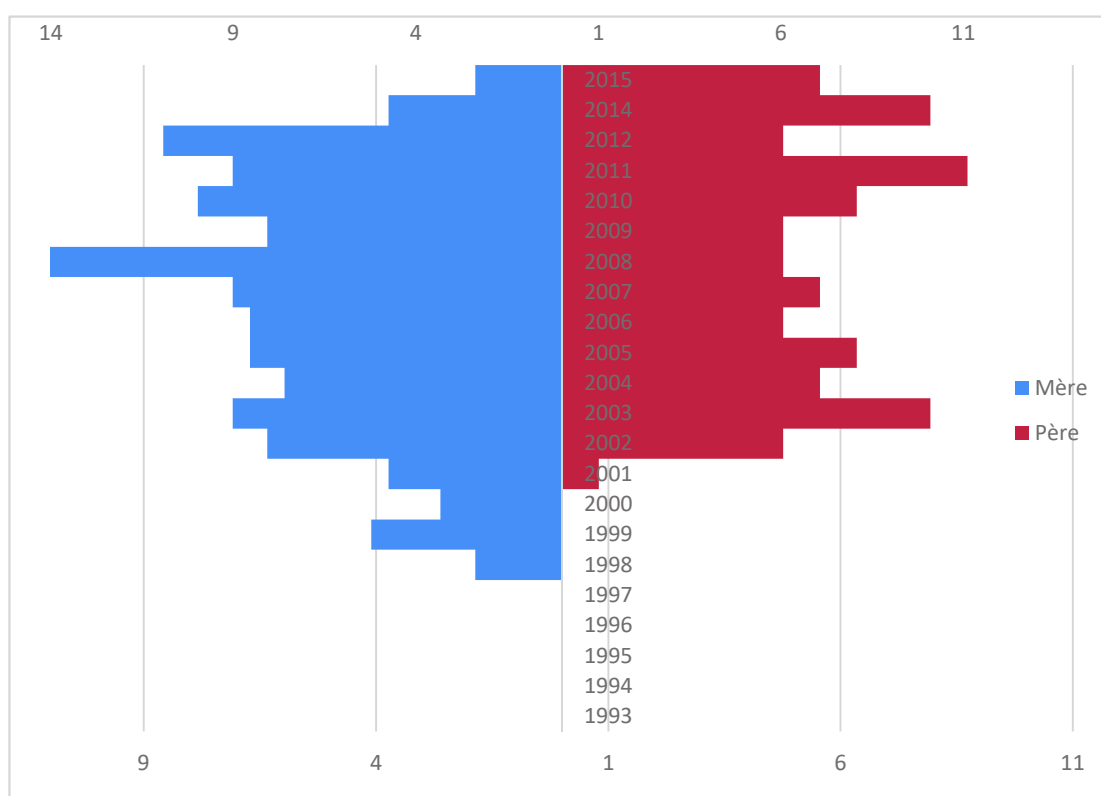
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



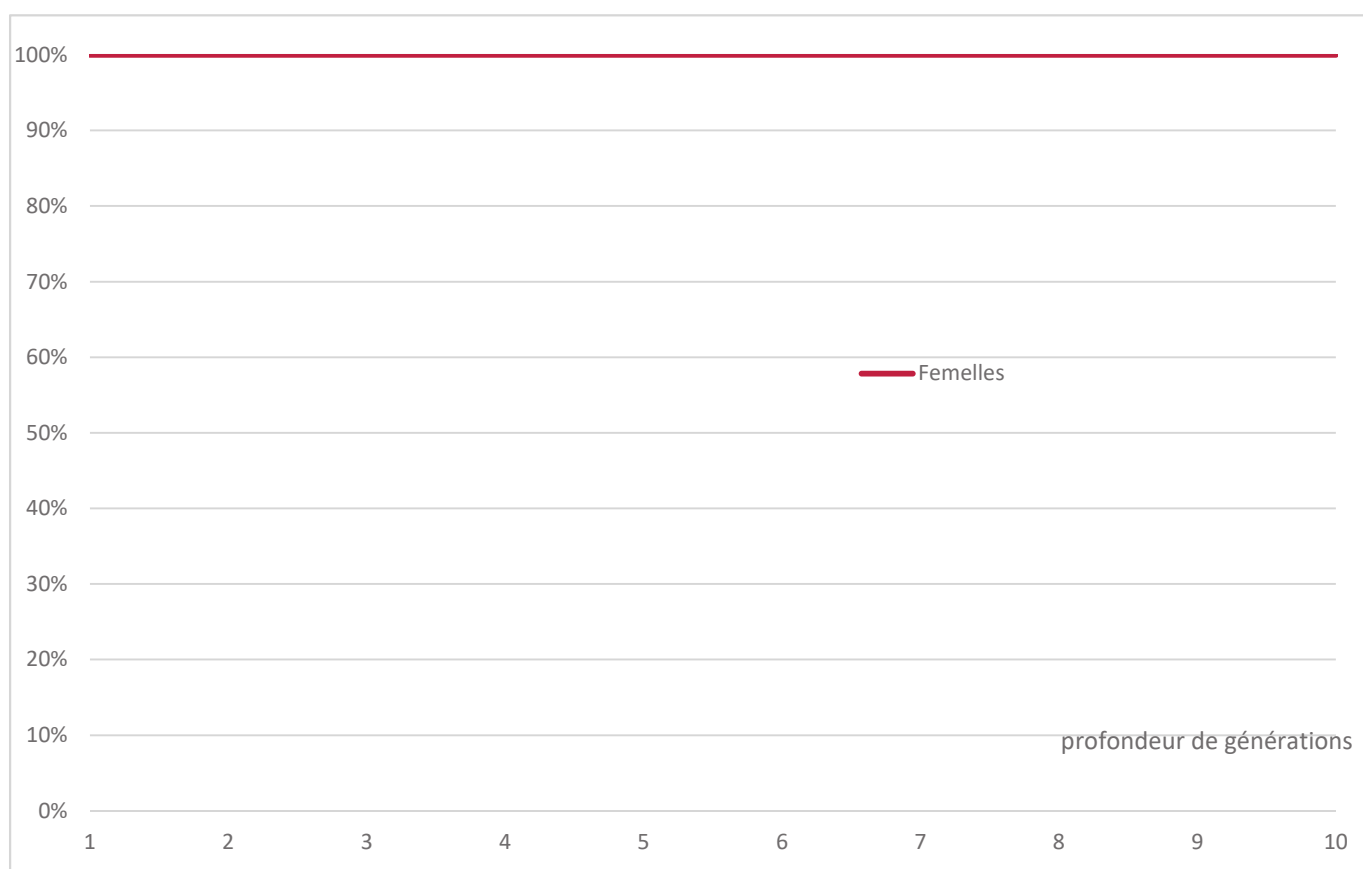
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,5
Moyenne 4 voies	3,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	209
Nb moyen de générations remontées	29,6
Nb maximum de générations remontées	65

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	163
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	24
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	13
Ratio Ae/Fe	54,9%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	7,3%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	5

**Détail des ancêtres les plus importants
de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	78519668470427	470427	M	1948	13,9%	13,9%	13,9%
2	78519667420233	420233	M	1943	13,3%	13,3%	27,2%
3	78519668510569	510569	M	1952	12,2%	10,7%	37,9%
4	78519668490519	490519	M	1950	10,2%	8,9%	46,8%
5	78518668570044	570044	M	1858	13,9%	7,4%	54,2%
6	78518668671547	671547	M	1868	10,3%	5,5%	59,7%
7	78519668480473	480473	M	1949	7,3%	4,8%	64,5%
8	78519668480452	480452	M	1949	6,8%	3,9%	68,4%
9	78519668580001	580001	M	1959	9,8%	3,7%	72,1%
10	78519668560878	560878	M	1957	7,6%	3,6%	75,7%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	29,6
Consanguinité moyenne (%)	26,2
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,1
Parenté (%)	
Consanguinité des parents (%)	25,7
Parentés des parents (%)	0,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	
Taille efficace (méthode démographique)	

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

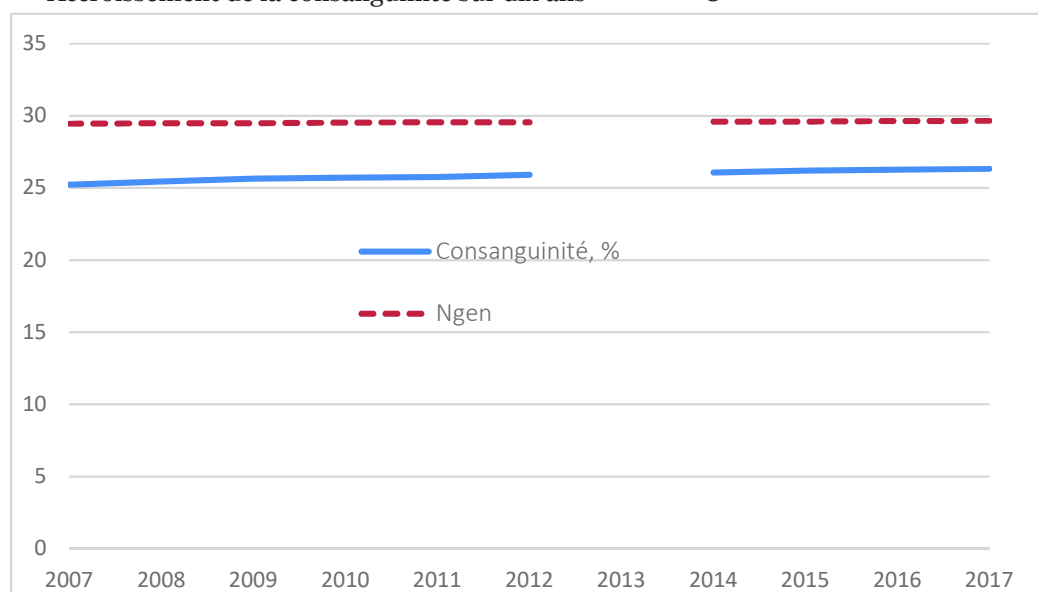
0% de consanguinité	0,0%
entre 0 à 3,125% inclus	0,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	0,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,0%
entre 12,5% à 25% inclus	0,0%
plus de 25%	100,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 100,0%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0



ROMANOV**Informations démographiques**

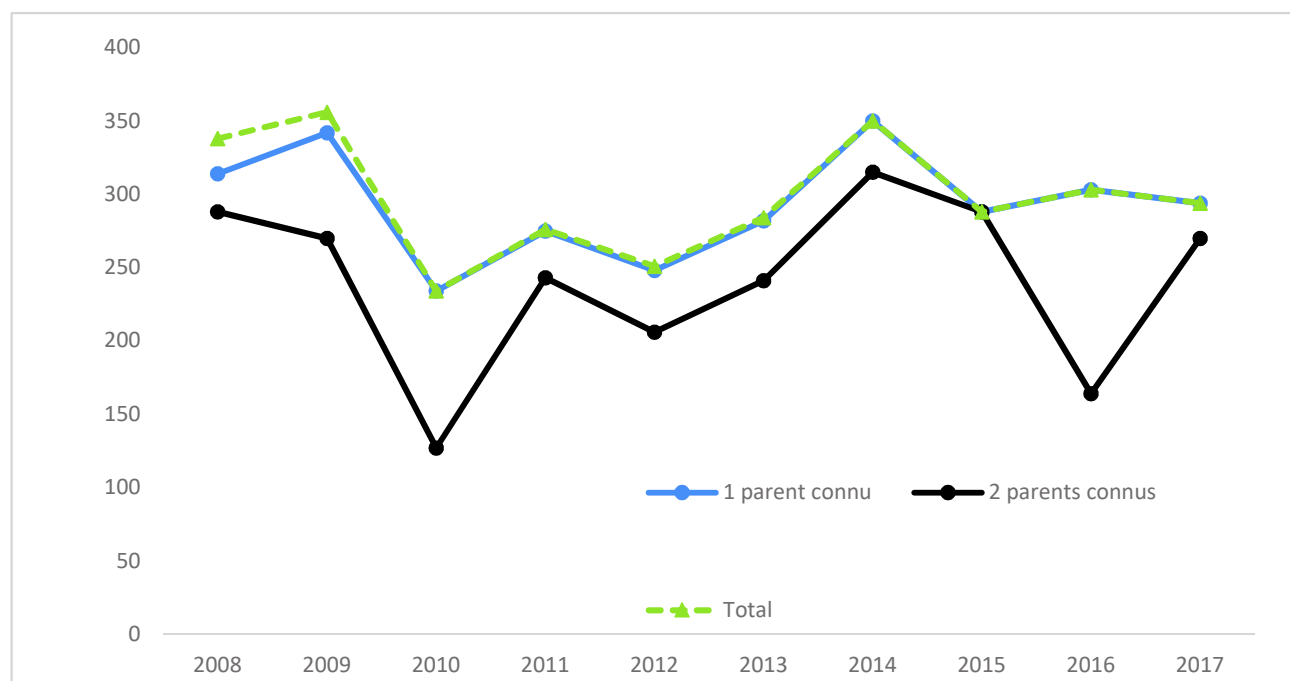
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	1 235
Nb pères différents	33
Nb max de descendants par père	105
Nb grands-pères paternels différents	26
Nb max de descendants par GPP	123
Nb mères différentes	499
Nb max de descendants par mère	9
Nb grands-pères maternels différents	50
Nb max de descendants par GPM	104
Nb d'animaux avec deux parents connus	1 037

Rapport 2 parents connus/total des femelles 84%

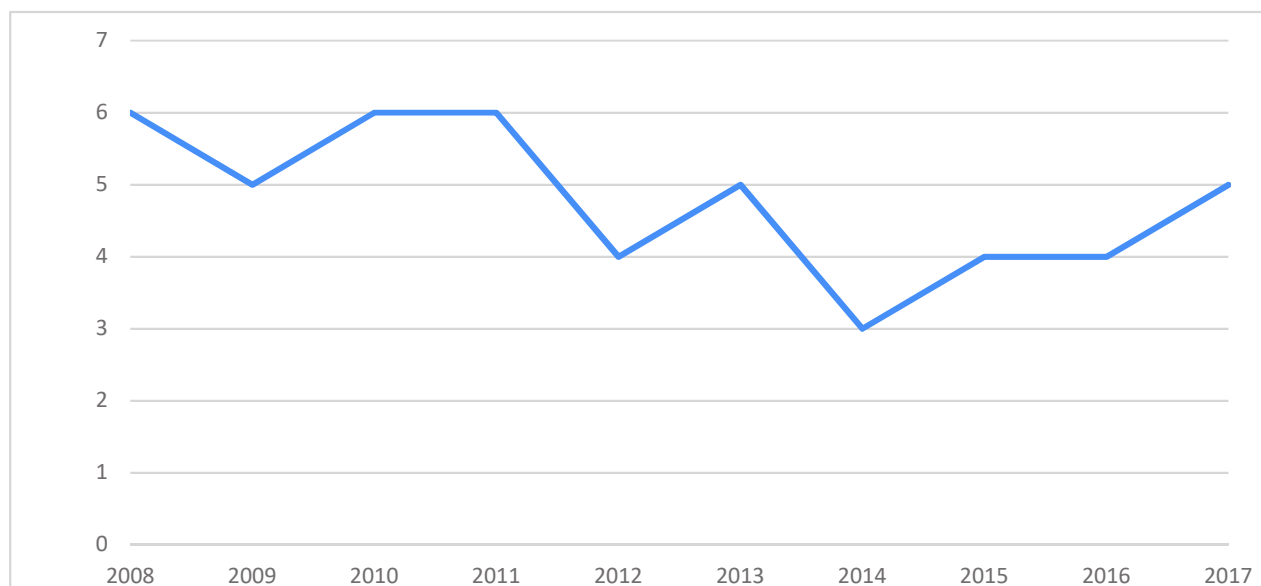
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

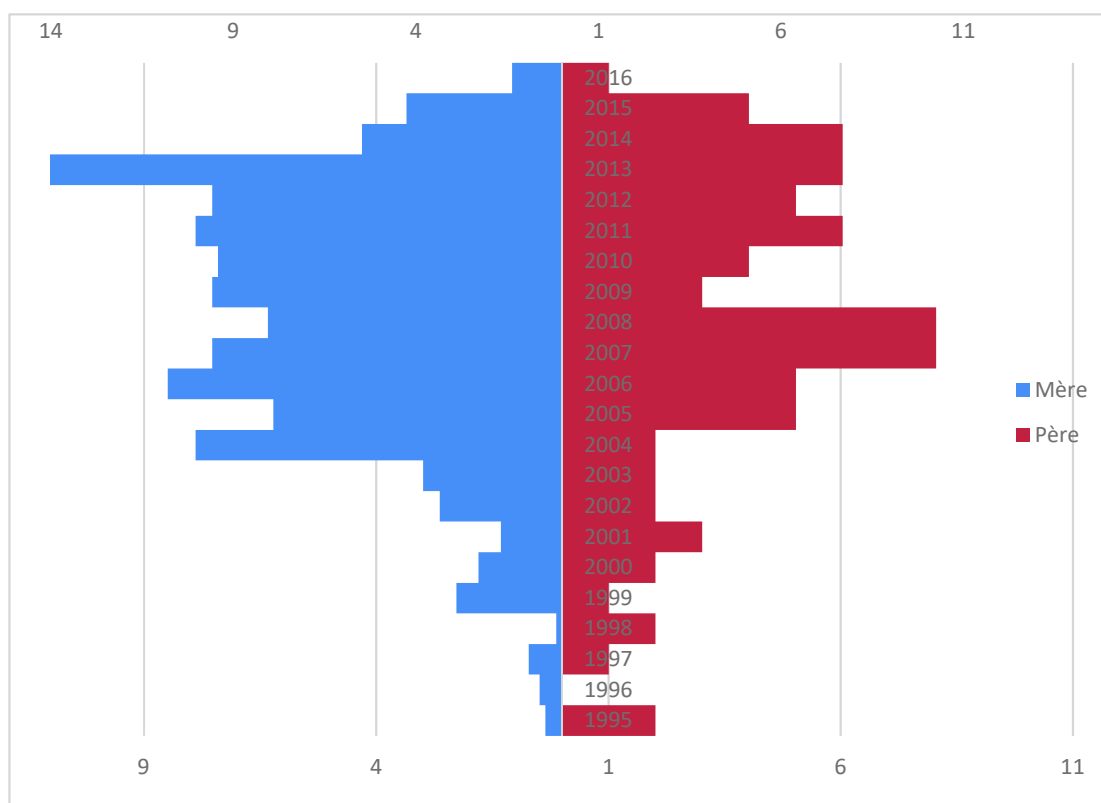
Croissance démographique ●4

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



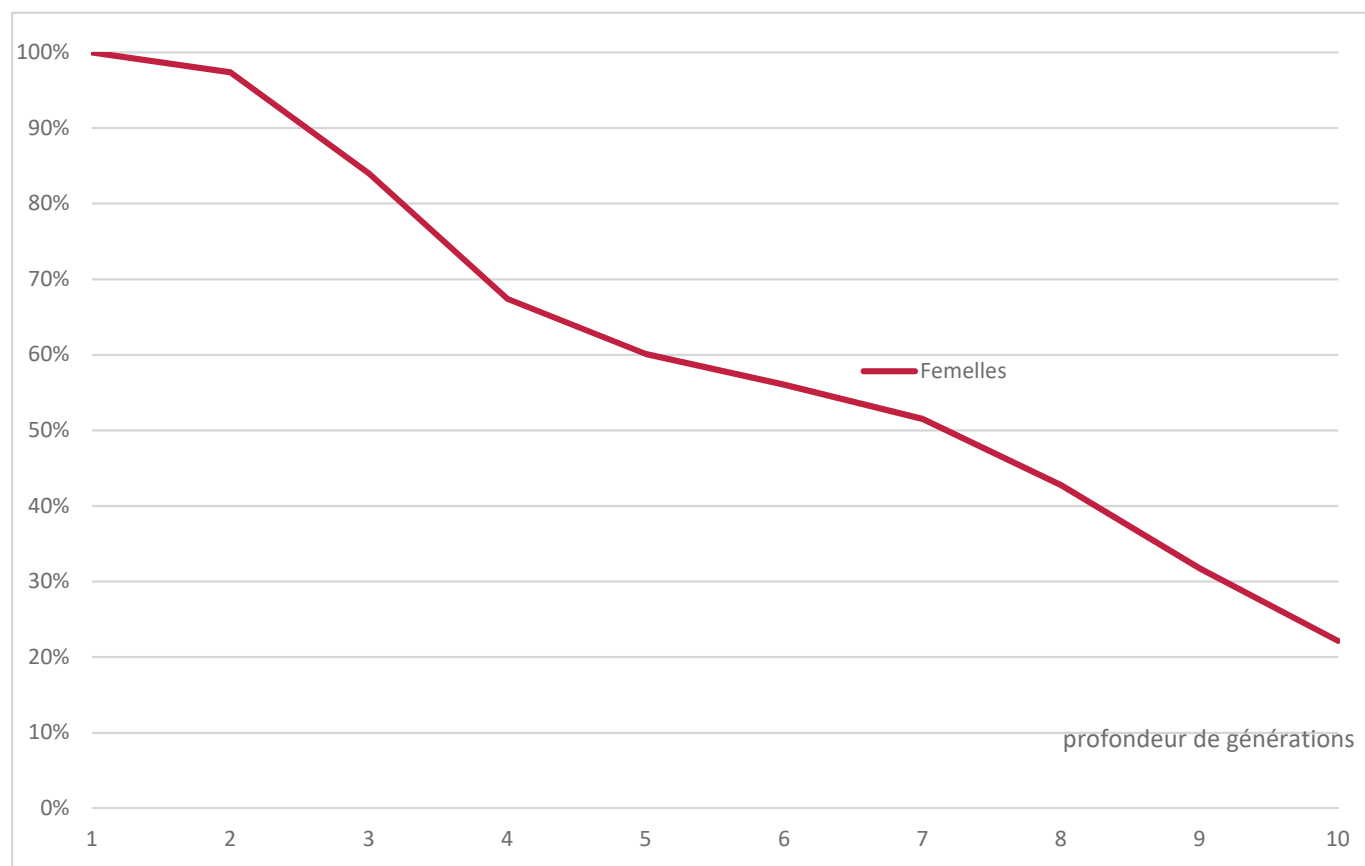
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,0
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,2
Moyenne 4 voies	3,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	1 037
Nb moyen de générations remontées	6,4
Nb moyen d'ancêtres connus	2 783
Nb maximum de générations remontées	24

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	365
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	62
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	25
Ratio Ae/Fe	39,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	8,6%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	9

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	45228602970262	970262	M	1998	8,6%	8,6%	8,6%
2	18174901055136	055136	M	2005	8,4%	8,4%	16,9%
3	20000115052	15052	M	2011	6,4%	6,4%	23,3%
4	56110708050020	050020	M	2005	7,6%	5,7%	29,0%
5	45228602021145	021145	M	2002	5,3%	5,3%	34,3%
6	22500390535	90535	M	2009	6,2%	4,6%	38,9%
7	20000115015	15015	M	2011	4,2%	4,2%	43,2%
8	20000105046	05046	M	2010	3,9%	3,9%	47,1%
9	20000165045	65045	M	2006	3,8%	3,8%	50,9%
10	20000185242	85242	M	2008	3,7%	3,7%	54,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,4
Consanguinité moyenne (%)	2,4
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,5
Parenté (%)	4,0
Consanguinité des parents (%)	2,0
Parentés des parents (%)	3,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	80
Taille efficace (méthode démographique)	124

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

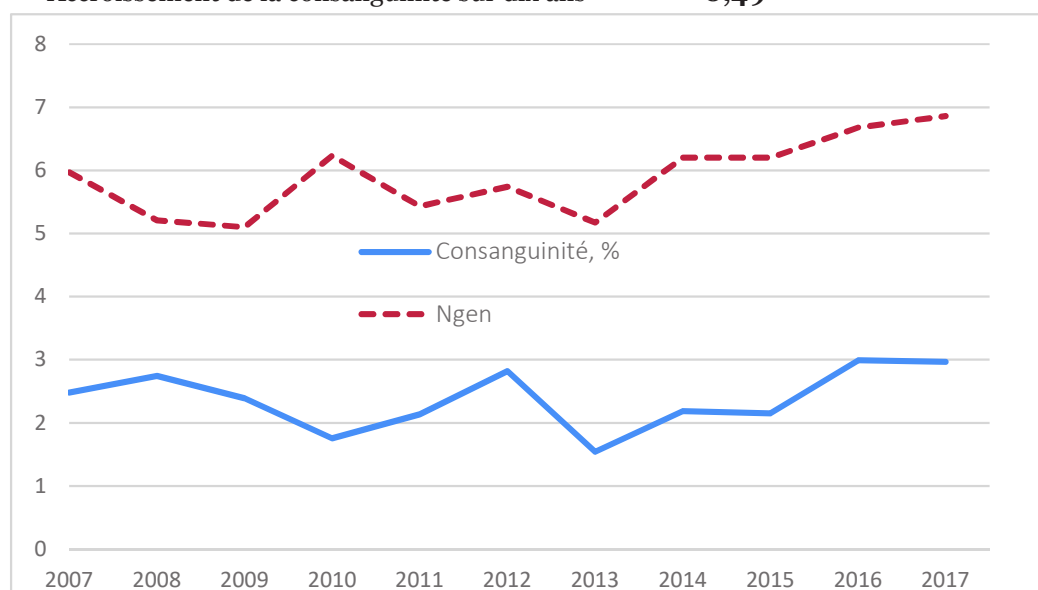
0% de consanguinité	37,9%
entre 0 à 3,125% inclus	29,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	23,0%
entre 6,25% à 12,5% inclus	8,7%
entre 12,5% à 25% inclus	1,1%
plus de 25%	0,2%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 10,0%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,49



ROUSSIN**Informations démographiques**

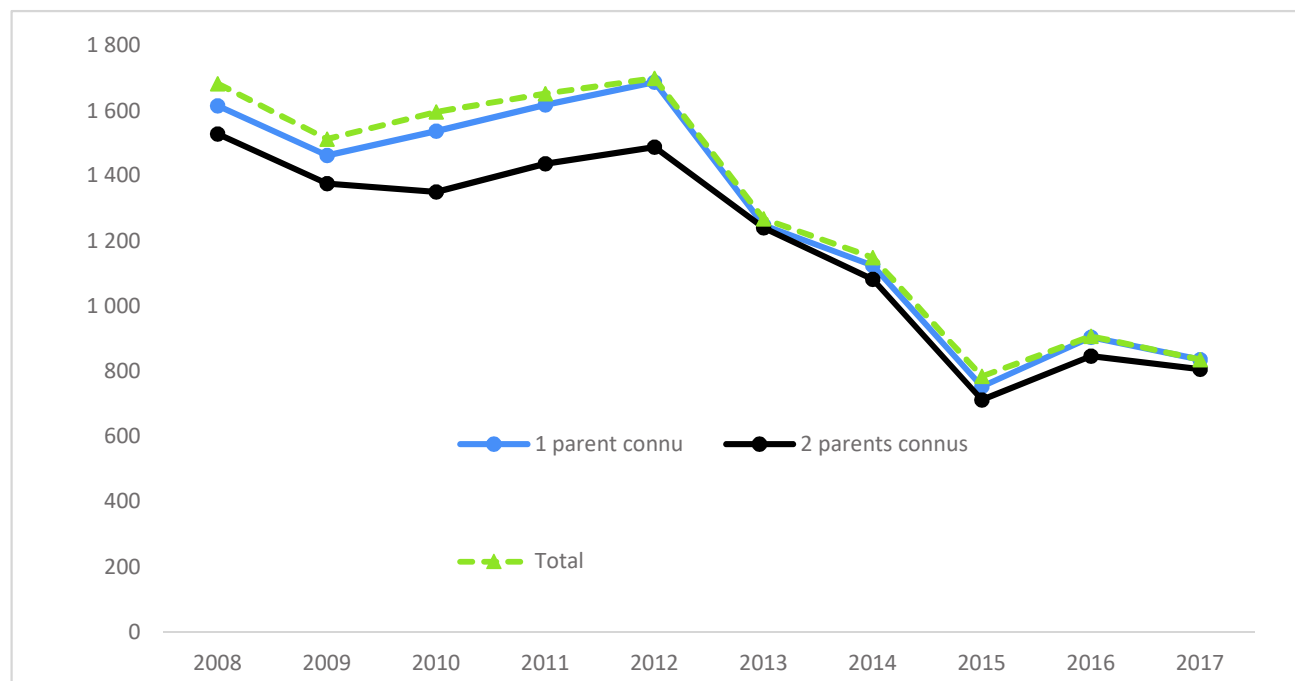
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	3 616
Nb pères différents	144
Nb max de descendants par père	112
Nb grands-pères paternels différents	70
Nb max de descendants par GPP	240
Nb mères différentes	1 821
Nb max de descendants par mère	9
Nb grands-pères maternels différents	211
Nb max de descendants par GPM	108
Nb d'animaux avec deux parents connus	3 450

Rapport 2 parents connus/total des femelles 94%

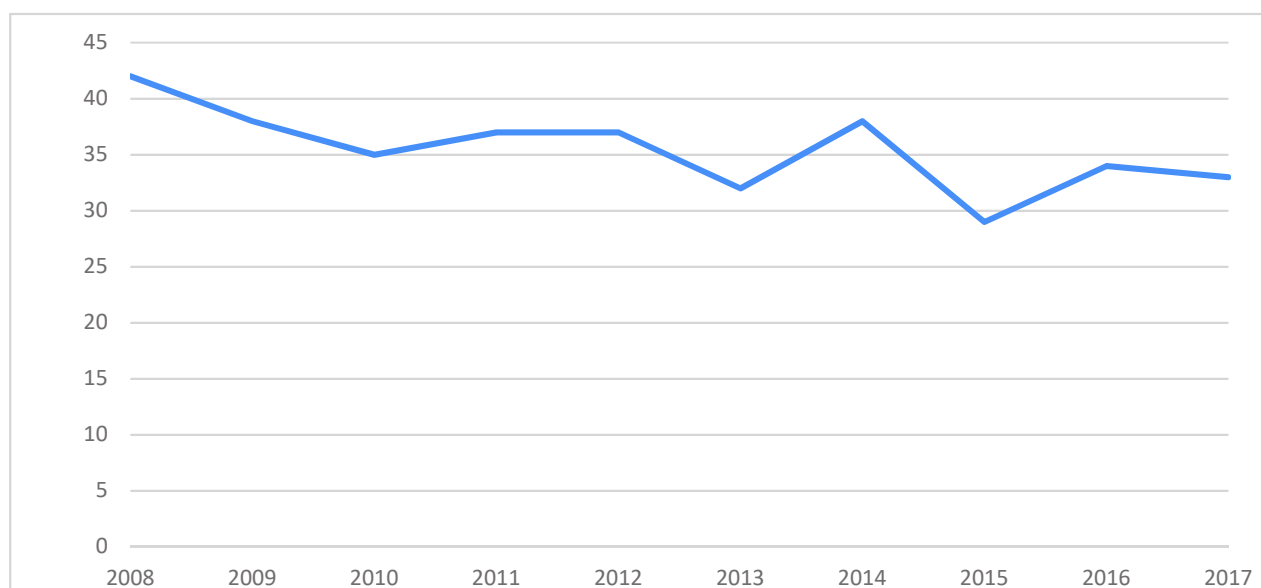
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

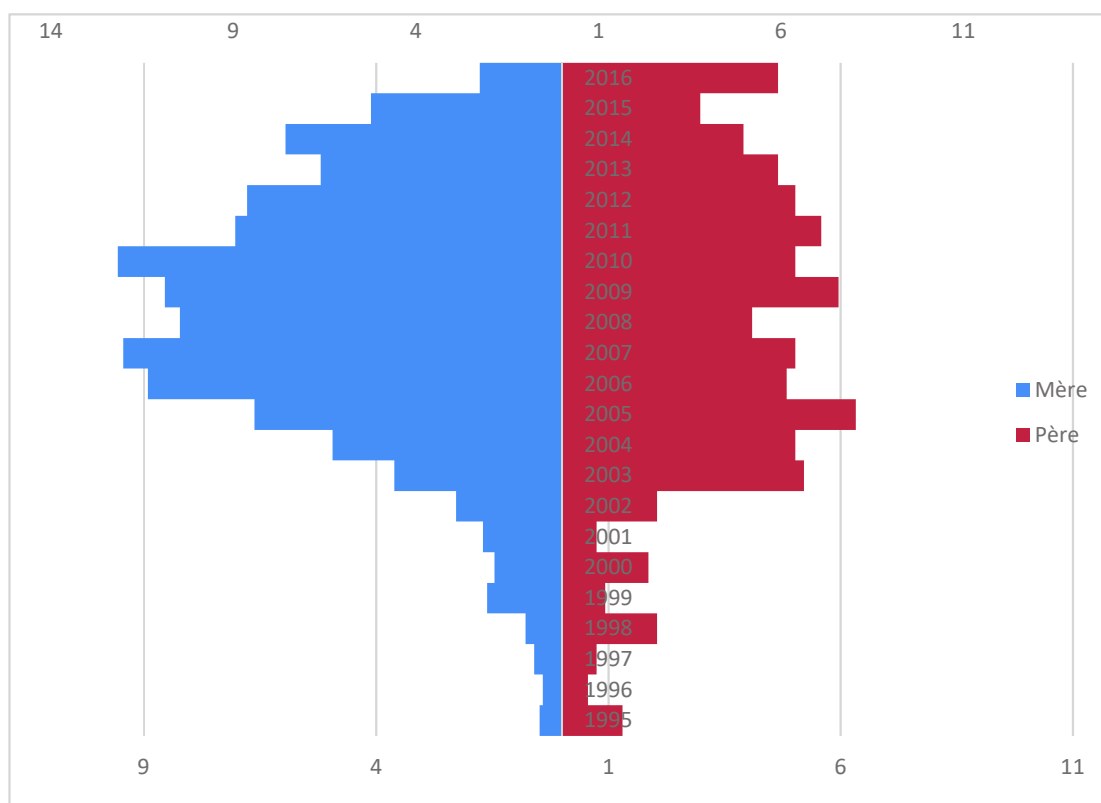
Croissance démographique ●-39

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



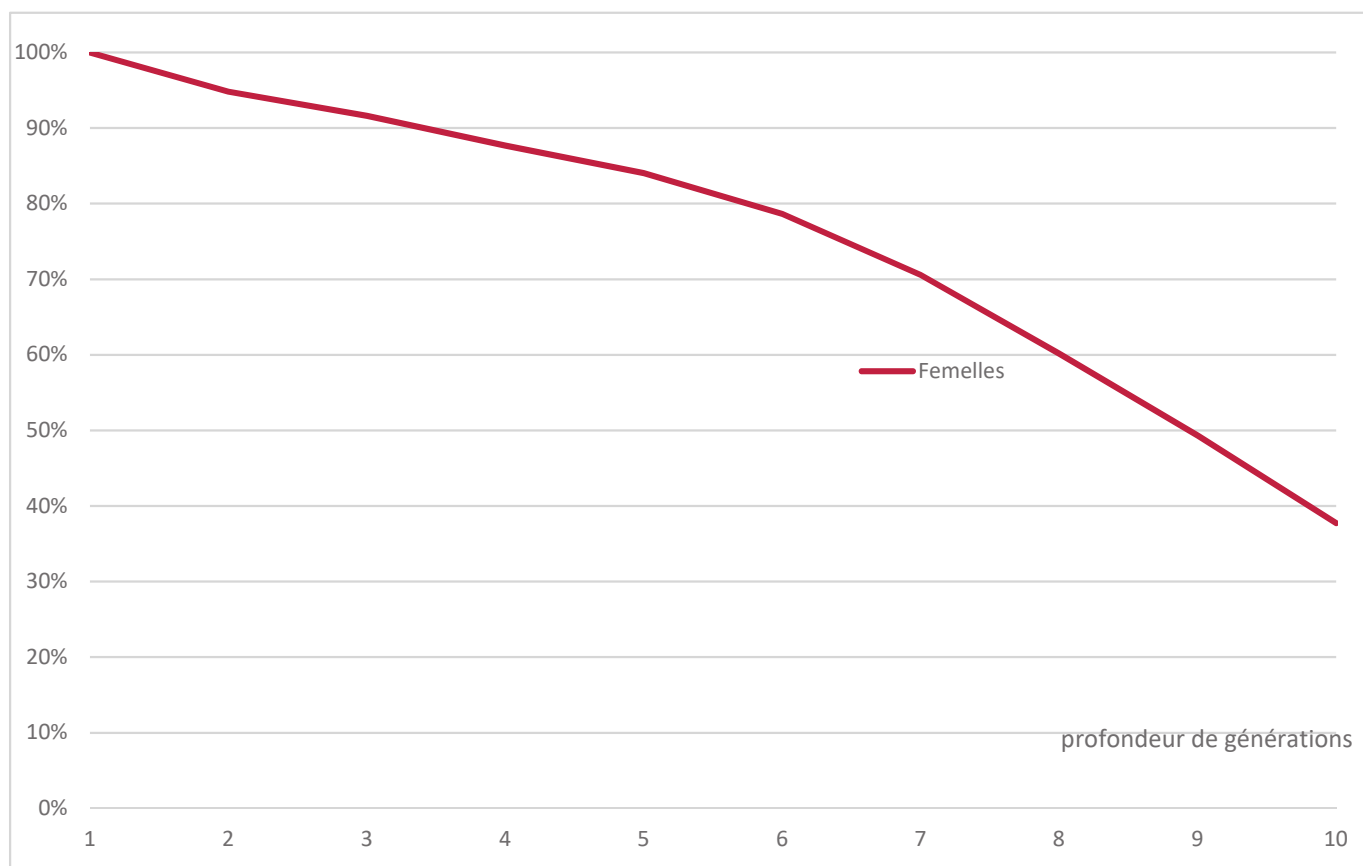
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	2,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	2,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,7
Moyenne 4 voies	3,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	3 450
Nb moyen de générations remontées	8,1
Nb moyen d'ancêtres connus	4 328
Nb maximum de générations remontées	23

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	596
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	57
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	27
Ratio Ae/Fe	47,5%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	10,3%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	10

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	22031029000065	000065	M	2000	10,3%	10,3%	10,3%
2	50087327050010	050010	M	2005	8,1%	8,1%	18,4%
3	50412050050031	050031	M	2005	7,3%	6,4%	24,8%
4	50600004950088	950088	M	1995	6,0%	5,6%	30,3%
5	50087005020068	020068	M	2002	5,4%	5,1%	35,4%
6	22031029020109	020109	M	2002	8,7%	4,4%	39,8%
7	50539133910051	910051	M	1991	4,9%	3,9%	43,7%
8	50082033030065	030065	F	2003	3,2%	2,6%	46,4%
9	50412050980045	980045	F	1997	2,5%	2,5%	48,9%
10	22054135040059	040059	M	2004	8,1%	2,5%	51,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	8,1
Consanguinité moyenne (%)	3,5
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,9
Parenté (%)	4,6
Consanguinité des parents (%)	3,1
Parentés des parents (%)	3,3
Taille efficace (méthode Cervantès)	86
Taille efficace (méthode démographique)	534

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

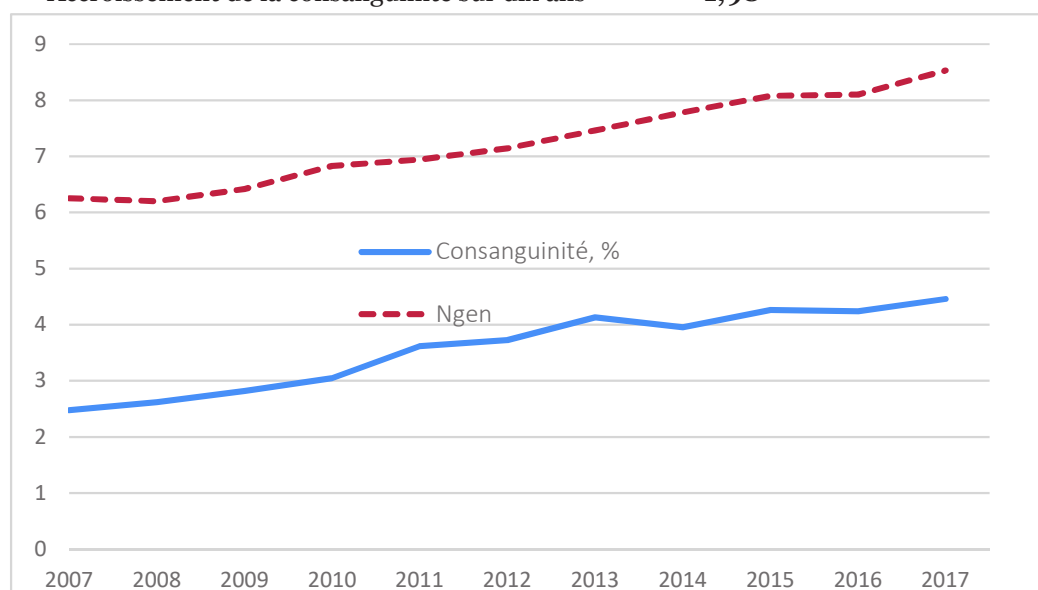
0% de consanguinité	13,1%
entre 0 à 3,125% inclus	39,7%
entre 3,125% à 6,25% inclus	36,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	8,3%
entre 12,5% à 25% inclus	1,5%
plus de 25%	1,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 10,8%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

1,98



SOLOGNOTE**Informations démographiques**

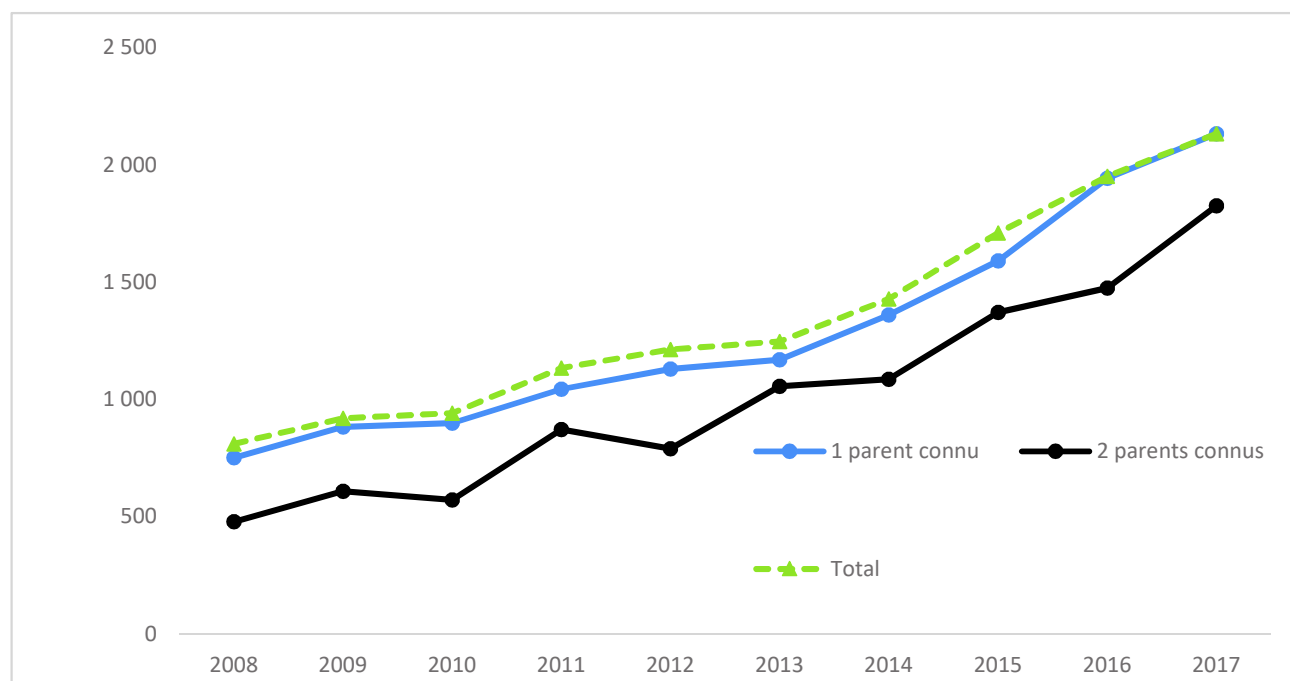
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	7 029
Nb pères différents	196
Nb max de descendants par père	252
Nb grands-pères paternels différents	84
Nb max de descendants par GPP	220
Nb mères différentes	3 643
Nb max de descendants par mère	8
Nb grands-pères maternels différents	236
Nb max de descendants par GPM	129
Nb d'animaux avec deux parents connus	5 760

Rapport 2 parents connus/total des femelles 80%

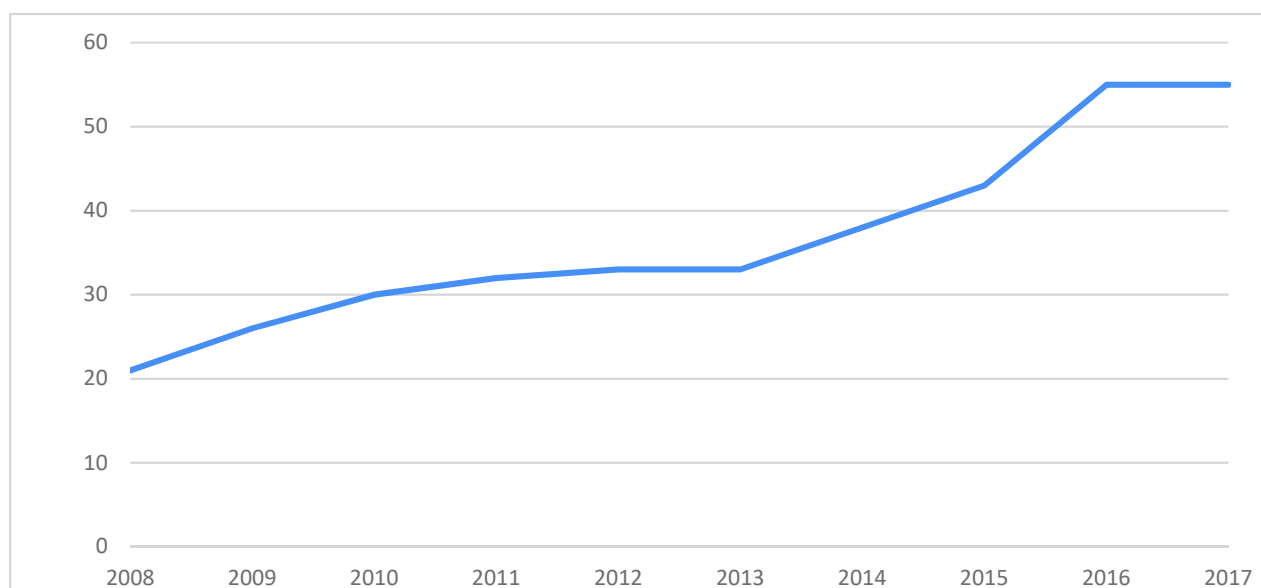
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

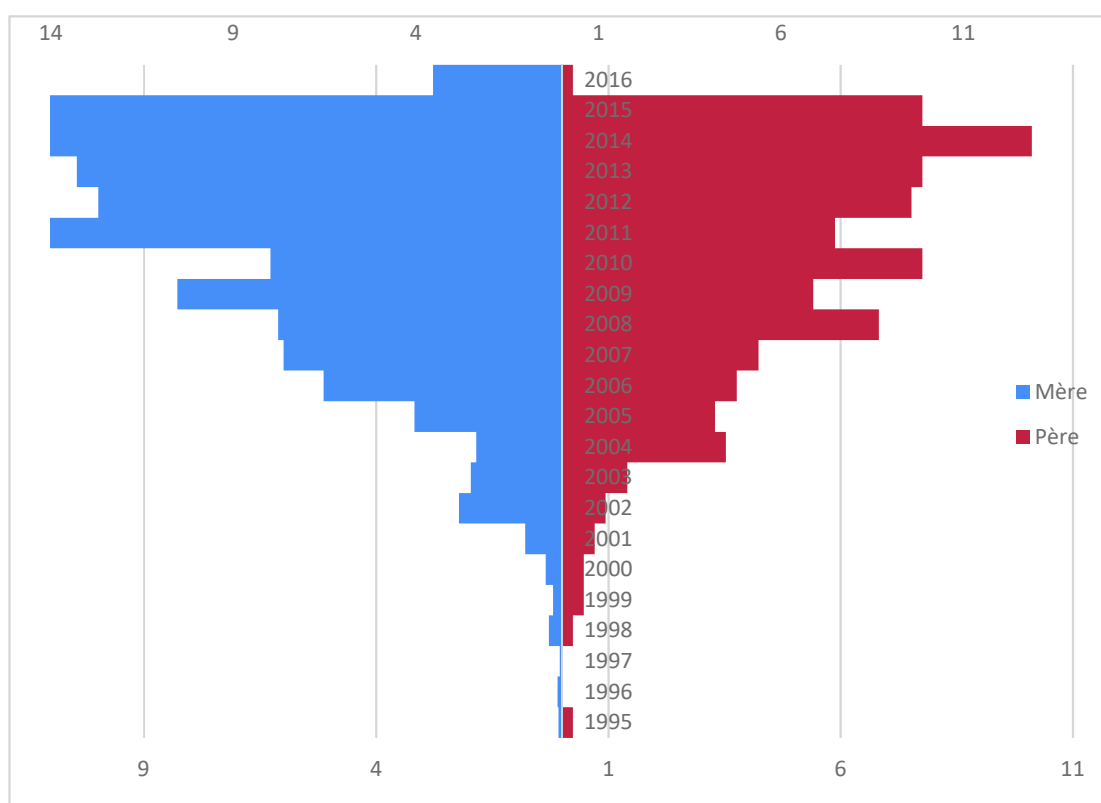
Croissance démographique ● 69

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



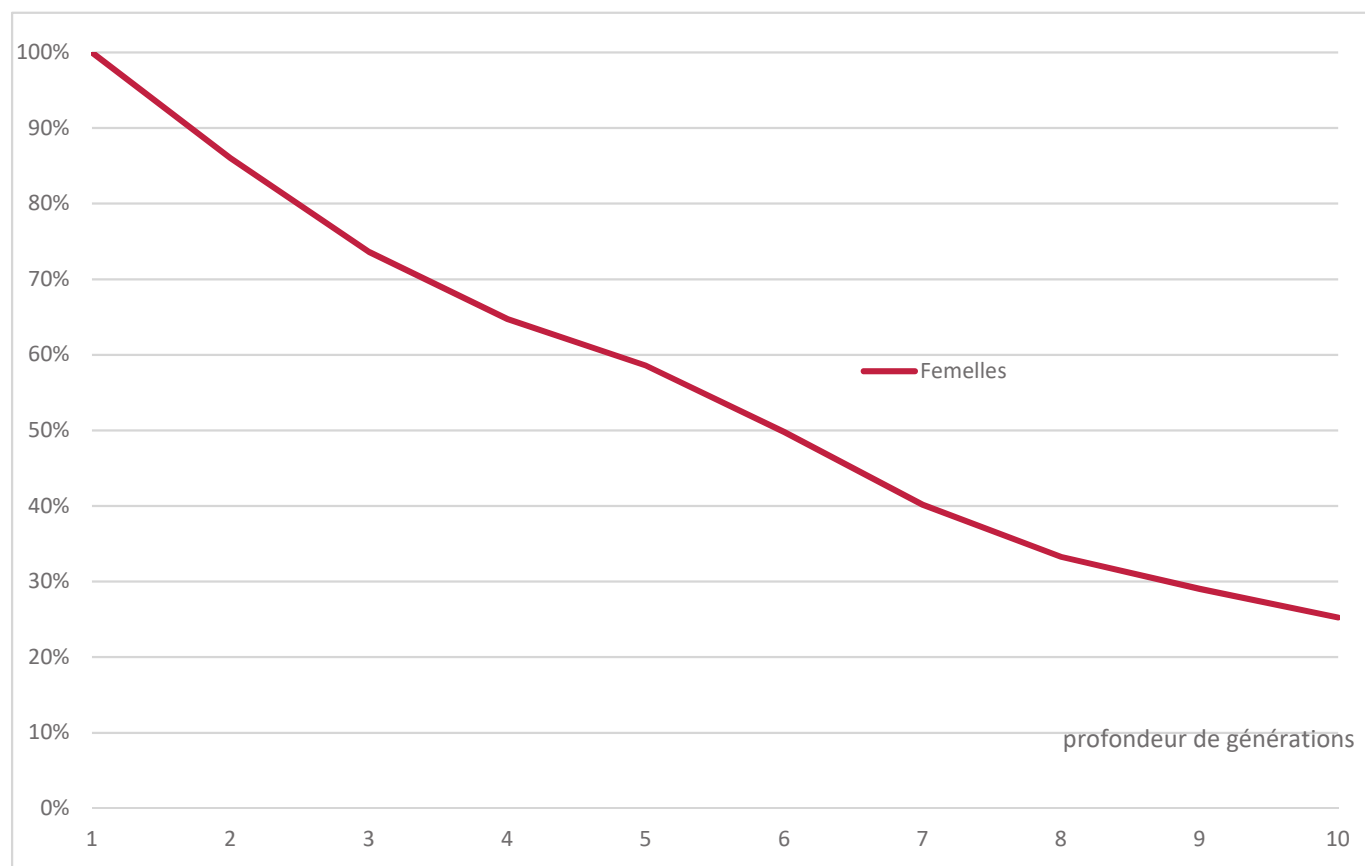
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,1
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,1
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,1
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,1
Moyenne 4 voies	3,6

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	5 760
Nb moyen de générations remontées	6,1
Nb moyen d'ancêtres connus	4 118
Nb maximum de générations remontées	23

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	1 891
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	235
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	96
Ratio Ae/Fe	41,0%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,0%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	35

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N° travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	18037037960052	960052	M	1996	4,0%	4,0%	4,0%
2	18159094010033	010033	M	2001	3,1%	3,1%	7,1%
3	18037037890007	890007	M	1989	3,0%	3,0%	10,1%
4	45101516970382	970382	M	1997	2,6%	2,6%	12,7%
5	34546491160	91160	M	2010	2,4%	2,3%	15,0%
6	86193083970042	970042	M	1997	2,1%	2,1%	17,1%
7	41185224980006	980006	M	1998	2,4%	2,1%	19,2%
8	49516370015	70015	M	2007	2,3%	2,1%	21,3%
9	45171605980037	980037	M	1998	2,1%	2,1%	23,4%
10	41185224050001	050001	M	2005	2,0%	1,8%	25,1%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,1
Consanguinité moyenne (%)	1,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,5
Parenté (%)	1,3
Consanguinité des parents (%)	1,3
Parentés des parents (%)	0,7
Taille efficace (méthode Cervantès)	249
Taille efficace (méthode démographique)	744

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

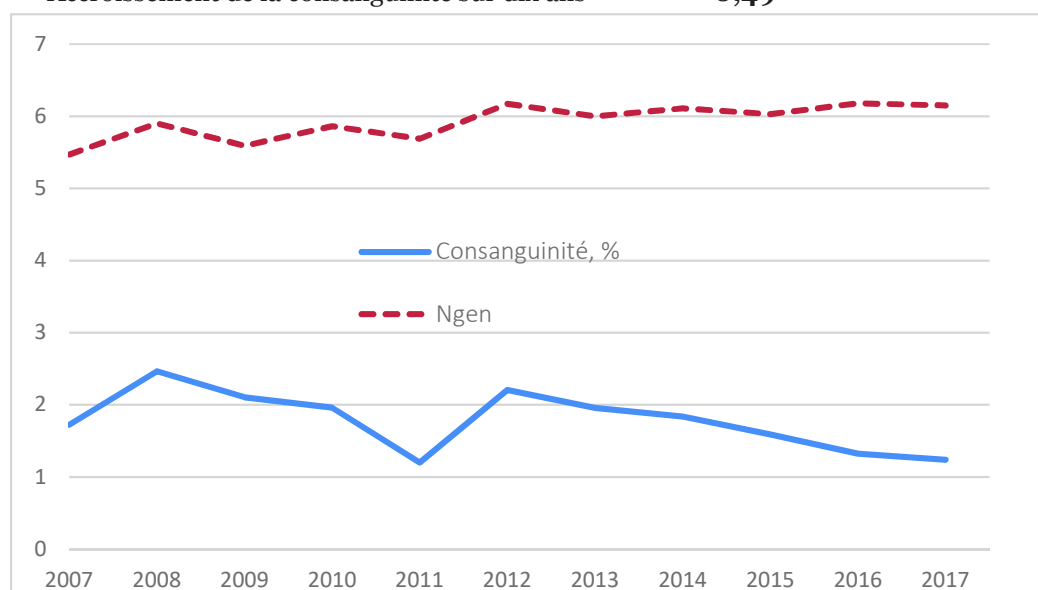
0% de consanguinité	27,8%
entre 0 à 3,125% inclus	56,7%
entre 3,125% à 6,25% inclus	11,2%
entre 6,25% à 12,5% inclus	3,0%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	1,1%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 4,4%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-0,49



SOUTHDOWN**Informations démographiques**

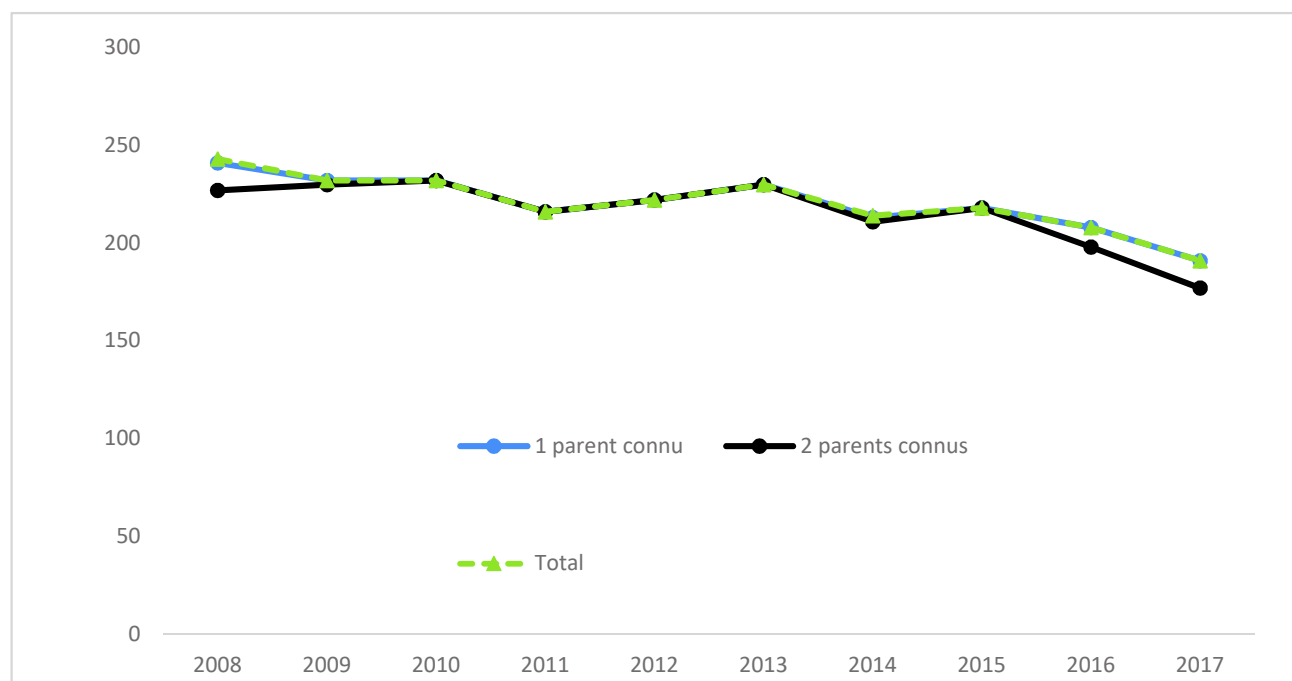
Période de naissance des femelles 2014 -2017

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	830
Nb pères différents	38
Nb max de descendants par père	80
Nb grands-pères paternels différents	20
Nb max de descendants par GPP	98
Nb mères différentes	406
Nb max de descendants par mère	6
Nb grands-pères maternels différents	46
Nb max de descendants par GPM	70
Nb d'animaux avec deux parents connus	804

Rapport 2 parents connus/total des femelles 97%

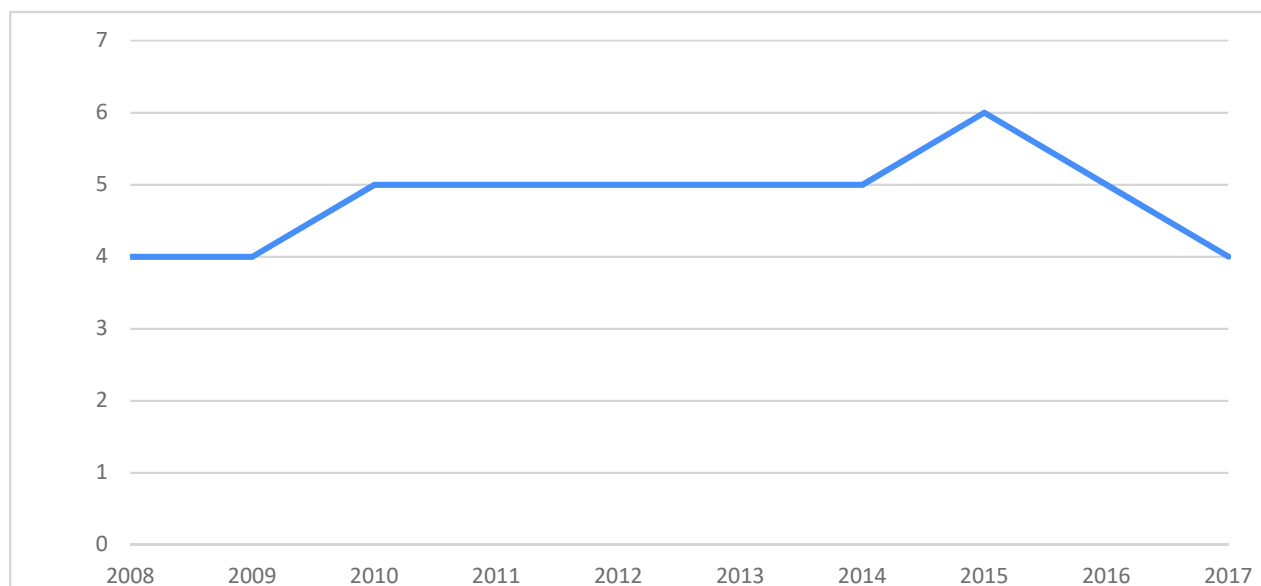
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

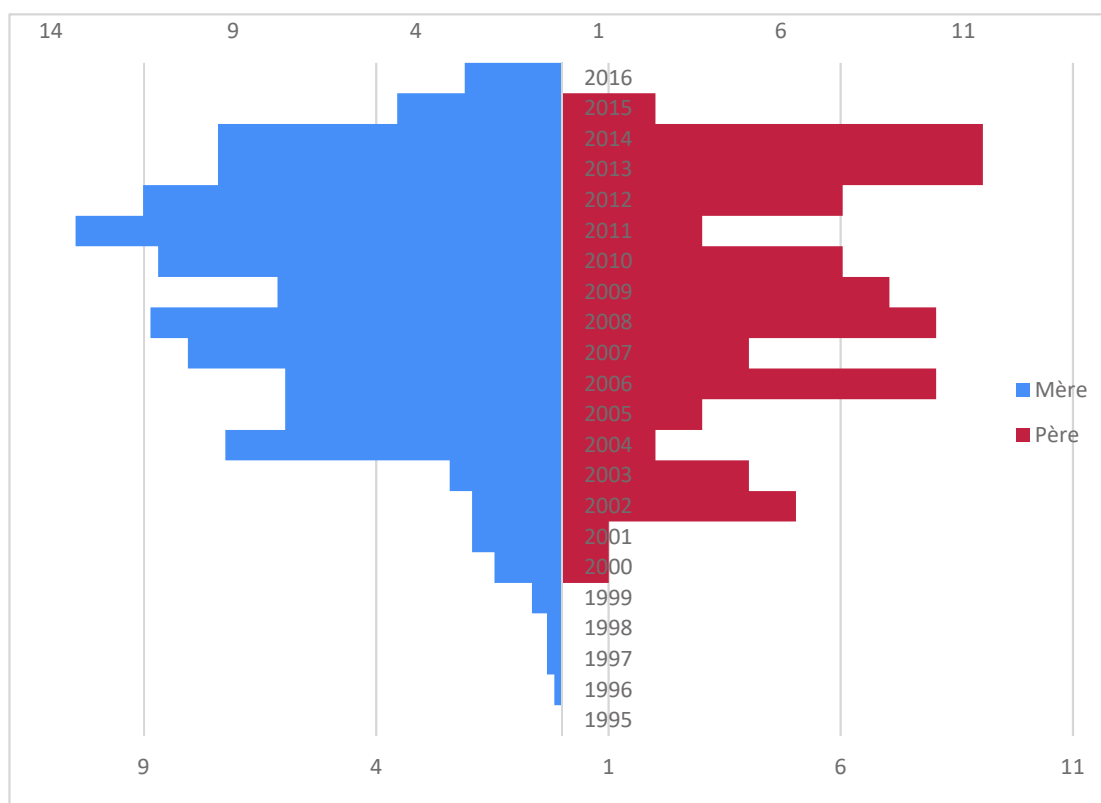
Croissance démographique 🟡-7

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



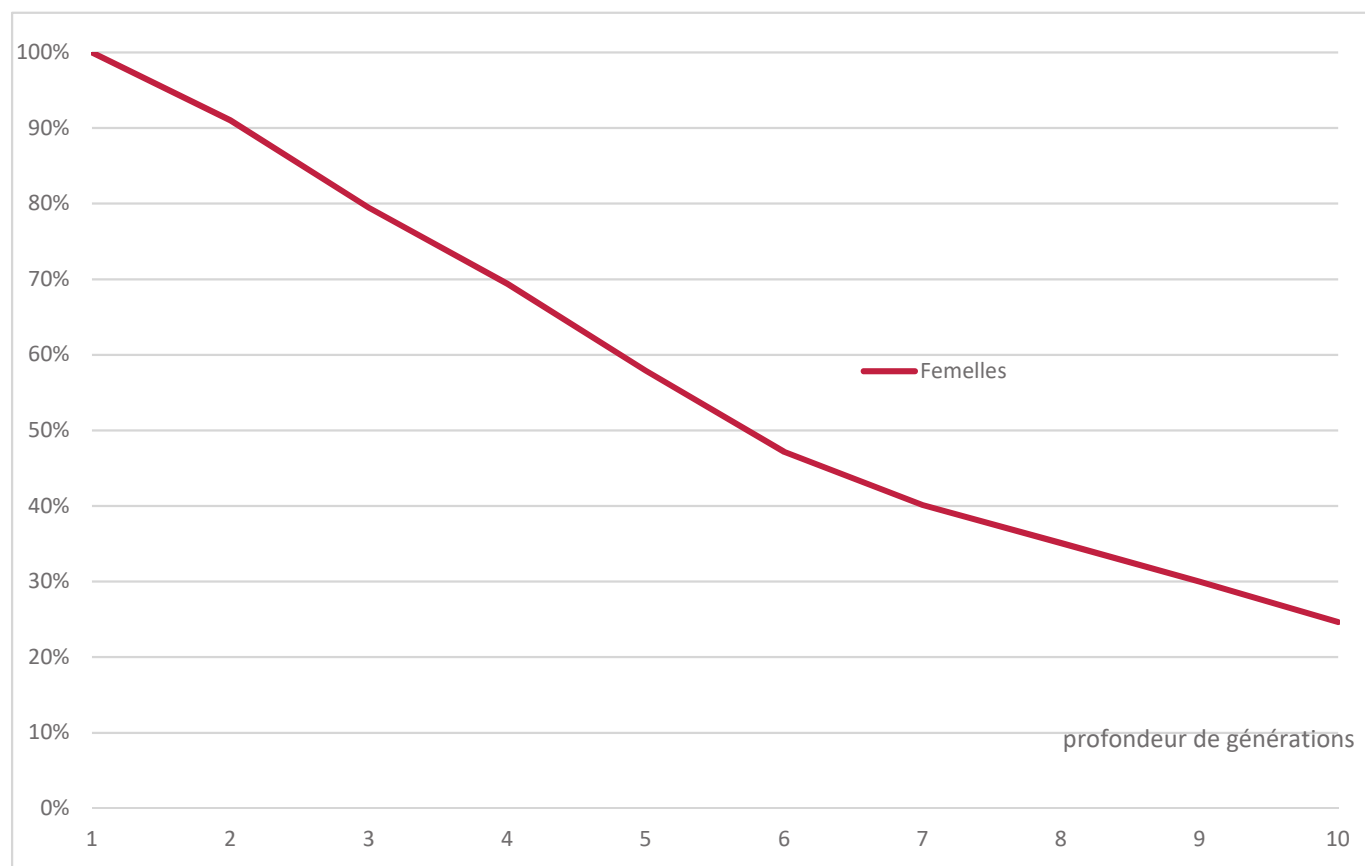
Intervalle de générations des animaux reproducteurs

Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,5
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,0
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,1
Moyenne 4 voies	3,8

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	804
Nb moyen de générations remontées	6,2
Nb moyen d'ancêtres connus	3 204
Nb maximum de générations remontées	19

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2014 -2017

Nombre de fondateurs	219
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	29
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	23
Ratio Ae/Fe	80,6%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	11,4%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	9

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	N°travail	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	03129001960006	960006	M	1996	11,4%	11,4%	11,4%
2	63237027050014	050014	M	2005	10,3%	7,7%	19,1%
3	UK244099571509	571509	M	2009	6,5%	6,5%	25,5%
4	36060021970007	970007	M	1997	5,3%	5,3%	30,9%
5	UK262667168109	168109	M	2009	4,9%	4,9%	35,8%
6	44173610021	610021	M	2011	7,6%	4,8%	40,6%
7	21629038010024	010024	M	2001	4,0%	4,0%	44,6%
8	03129001720057	720057	M	1972	5,3%	3,6%	48,2%
9	UK2630140597	140597	M	2006	3,4%	3,4%	51,5%
10	36060021030005	030005	M	2003	3,3%	3,3%	54,8%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,2
Consanguinité moyenne (%)	3,0
Consanguinité sur 3 générations (%)	1,1
Parenté (%)	4,4
Consanguinité des parents (%)	2,1
Parentés des parents (%)	3,7
Taille efficace (méthode Cervantès)	69
Taille efficace (méthode démographique)	139

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	22,2%
entre 0 à 3,125% inclus	43,7%
entre 3,125% à 6,25% inclus	19,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	11,6%
entre 12,5% à 25% inclus	3,0%
plus de 25%	0,2%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 14,7%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,99

