

**Alpine****Informations démographiques**

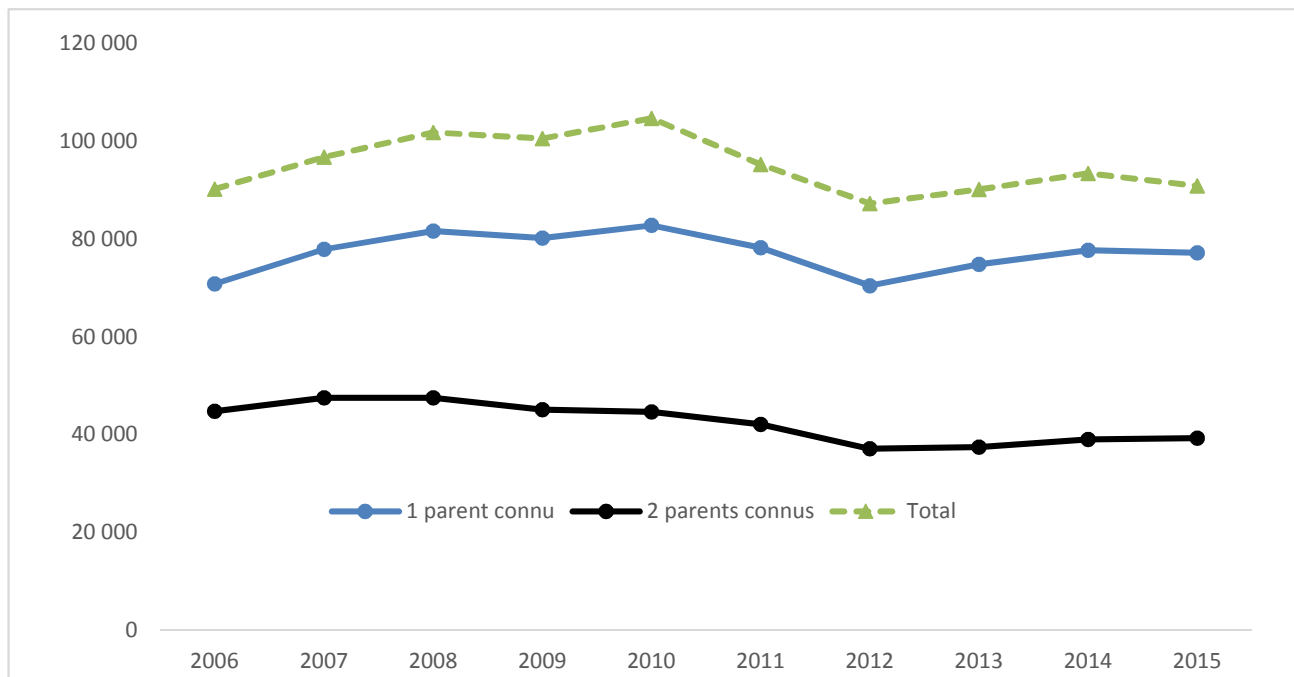
Période de naissance des femelles 2012 -2015

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	300 077	366
Nb pères différents	5 265	97
Nb max de descendants par père	2 249	15
Nb grands-pères paternels différents	679	62
Nb max de descendants par GPP	8 613	17
Nb mères différentes	175 716	340
Nb max de descendants par mère	10	4
Nb grands-pères maternels différents	8 396	62
Nb max de descendants par GPM	1 765	18
Nb d'animaux avec deux parents connus	152 914	366

\* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 42%

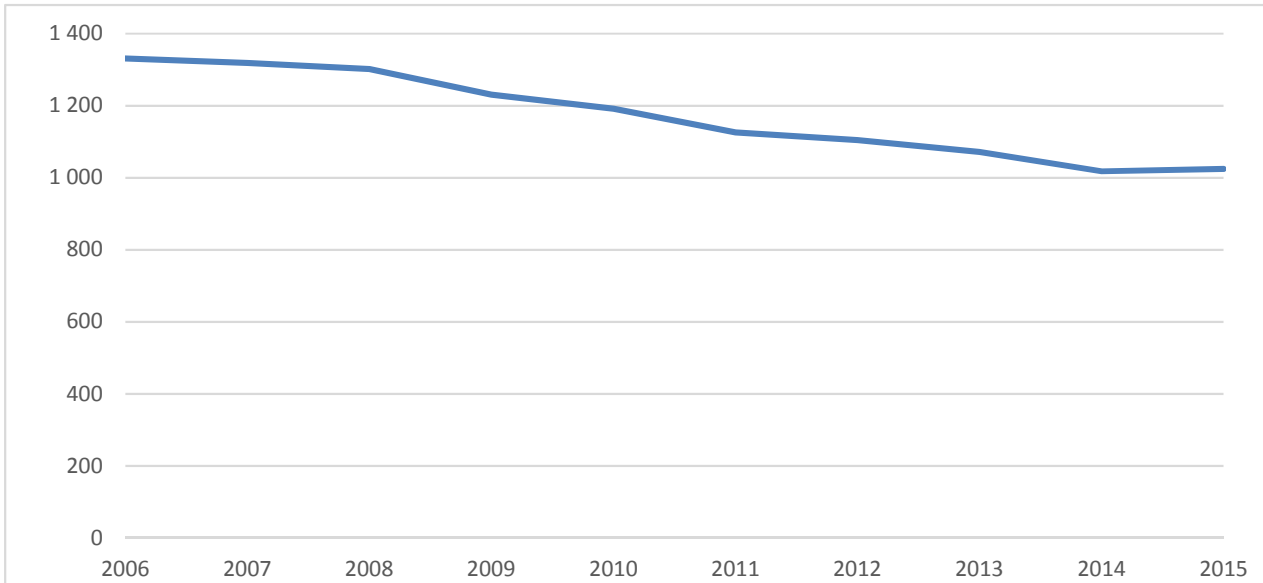
% femelles issues IA 24

**Evolution de la population femelle**

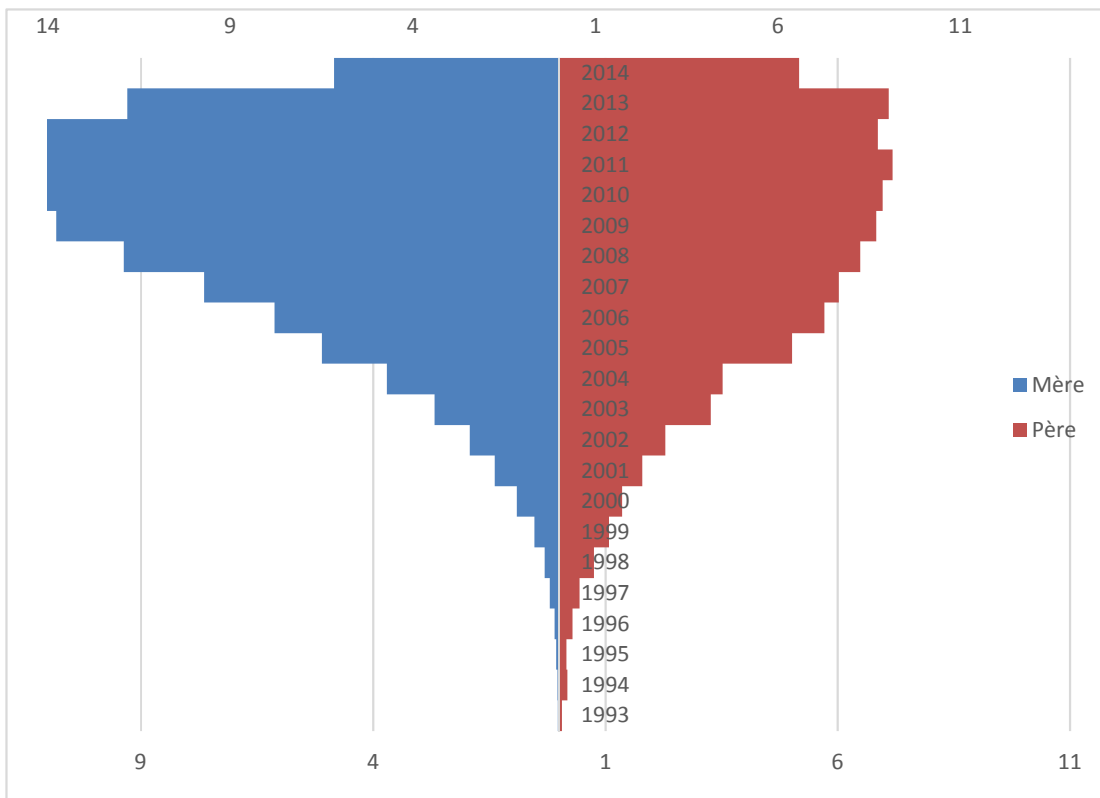
Croissance démographique ●-8

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

## Evolution du nombre de naisseurs



## Pyramide des âges de la population active femelle (%)



## Intervalle de générations des animaux reproducteurs

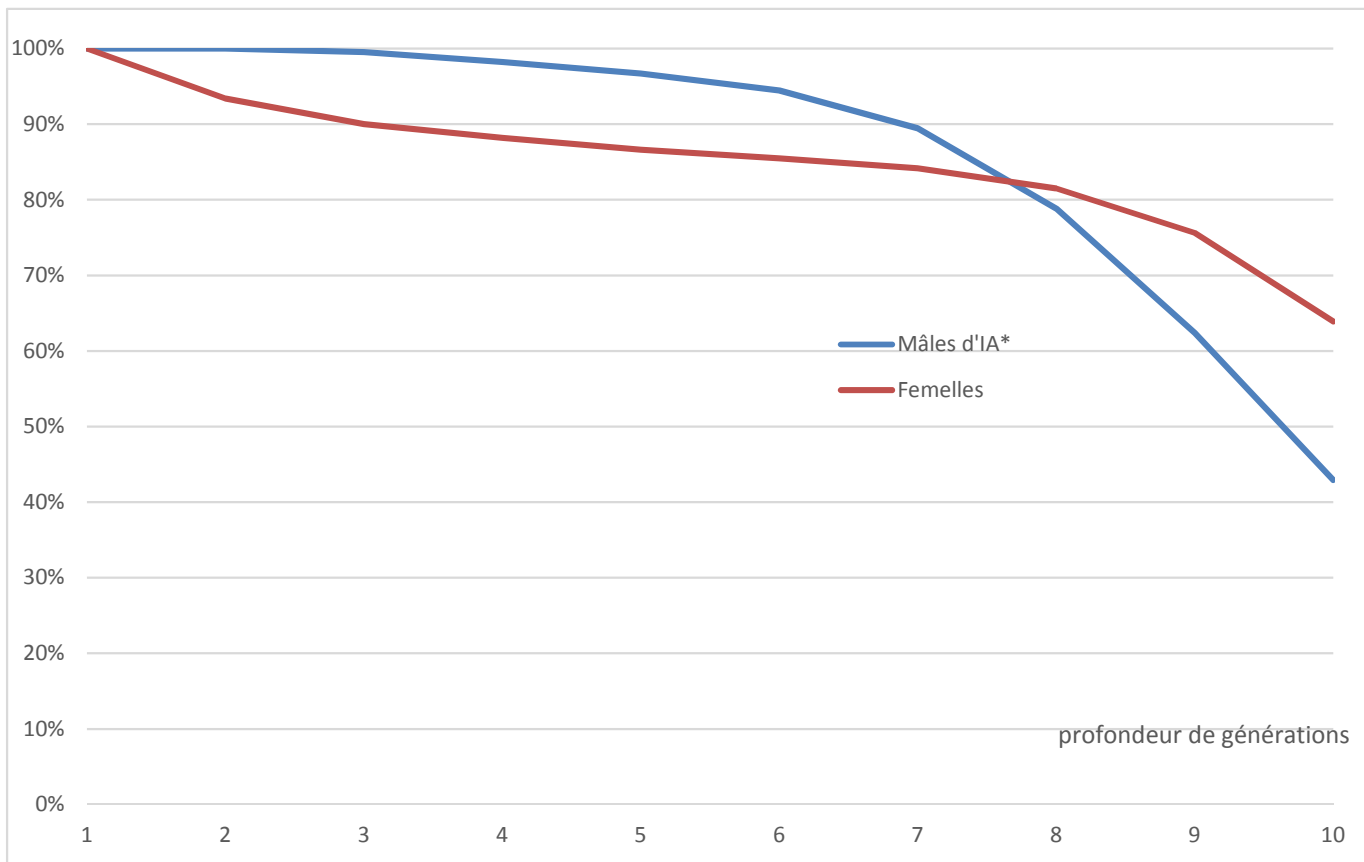
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,7
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,3
Moyenne 4 voies	4,0

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	152 914	366
Nb moyen de générations remontées	9,6	9,1
Nb moyen d'ancêtres connus	9 033	3 611
Nb maximum de générations remontées	29	24

\* père des femelles

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	51 937
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	173
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	38
Ratio Ae/Fe	22,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	10,9%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	16

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR3704379003	P306PIRATE	M	1979	10,9%	10,9%	10,9%
2	FR7978286154	BAZAN	M	1986	5,0%	5,0%	15,9%
3	FR7953582008	T317TANGO	M	1982	5,0%	5,0%	21,0%
4	FR7930990076	FANTOME	M	1990	4,5%	3,4%	24,4%
5	FR7997292016	HAVANE	M	1992	3,4%	3,4%	27,7%
6	FR7981080005	RENARDE	F	1980	3,3%	3,3%	31,1%
7	FR7965680021	R312RAPHAË	M	1980	3,3%	3,3%	34,3%
8	FR3711582038	TRAPPE	F	1982	2,4%	2,4%	36,7%
9	FR7933074061	IMAGO	M	1974	3,5%	2,3%	39,0%
10	FR7930376002	MIROIR	M	1976	2,0%	2,0%	41,0%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## **Probabilité d'identité des gènes**

Nombre de générations connues	9,6
Consanguinité moyenne (%)	2,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,4
Parenté (%)	2,6
Consanguinité des parents (%)	1,5
Parentés des parents (%)	1,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	185
Taille efficace (méthode démographique)	20 447

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### **Répartition de la consanguinité**

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	9,4%
entre 0 à 3,125% inclus	62,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	23,9%
entre 6,25% à 12,5% inclus	3,3%
entre 12,5% à 25% inclus	0,9%
plus de 25%	0,5%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **4,7%**

### **Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)**

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

**0,38**

