

Bilan de variabilité génétique à partir des données de généalogies

Races bovines allaitantes

Edition 2019

Races analysées :

- Aubrac
- Blonde d'Aquitaine
- Charolaise
- Gasconne
- Limousine
- Parthenaise
- Rouge des Prés
- Salers

Populations analysées intra-race : femelles avec deux parents connus nées entre 2015 et 2018

AUBRAC**Informations démographiques**

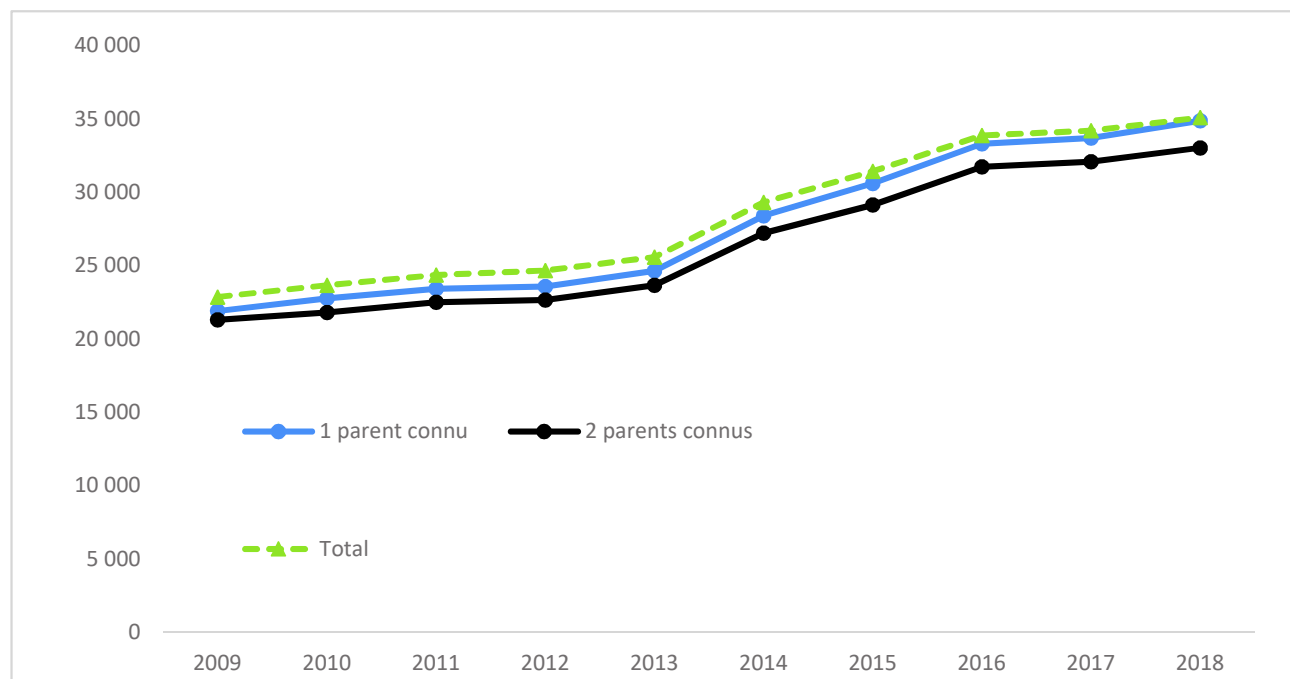
Période de naissance des femelles 2015 -2018

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	134 664	68
Nb pères différents	6 252	65
Nb max de descendants par père	1 403	2
Nb grands-pères paternels différents	1 998	60
Nb max de descendants par GPP	2 757	3
Nb mères différentes	85 569	68
Nb max de descendants par mère	12	1
Nb grands-pères maternels différents	8 170	60
Nb max de descendants par GPM	7 209	2
Nb d'animaux avec deux parents connus	126 041	68

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 94%

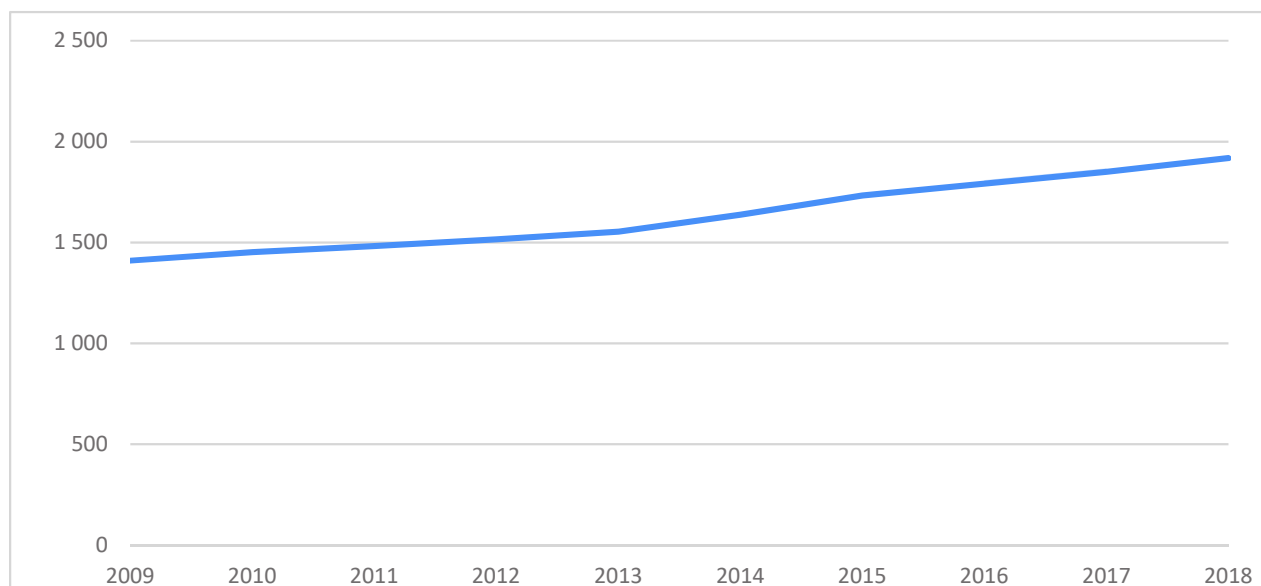
% femelles issues IA 10

Evolution de la population femelle

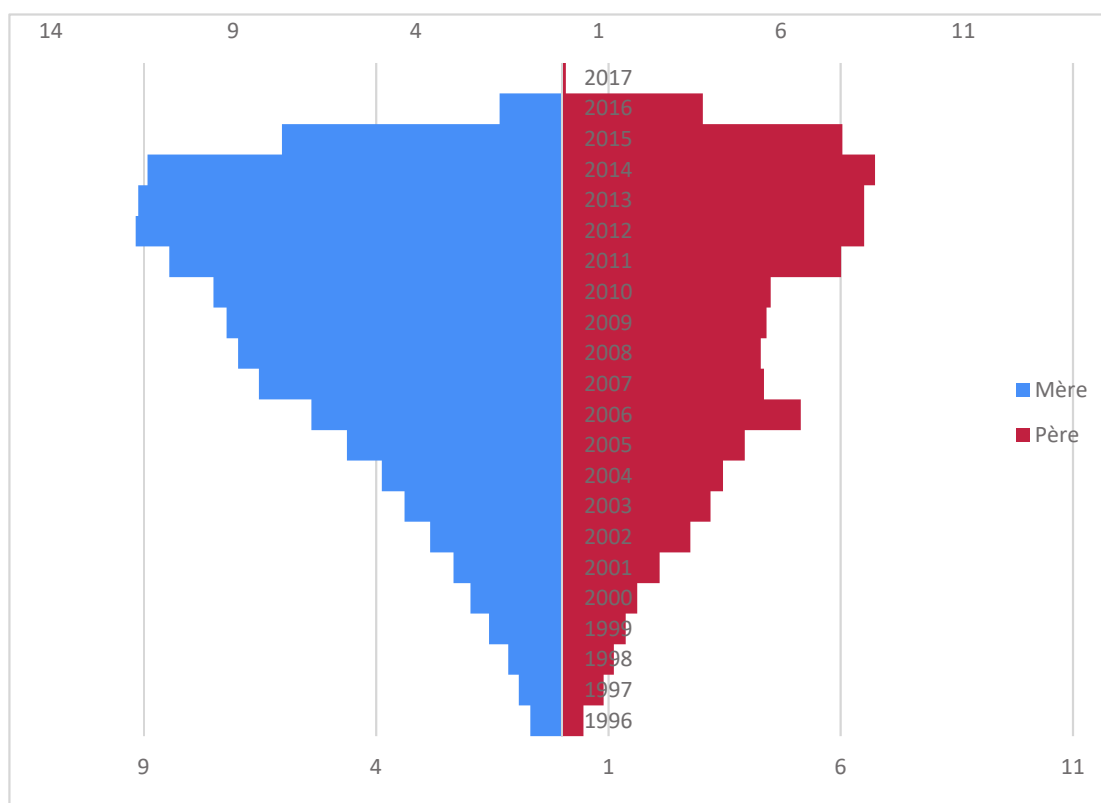
Croissance démographique ● 35

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

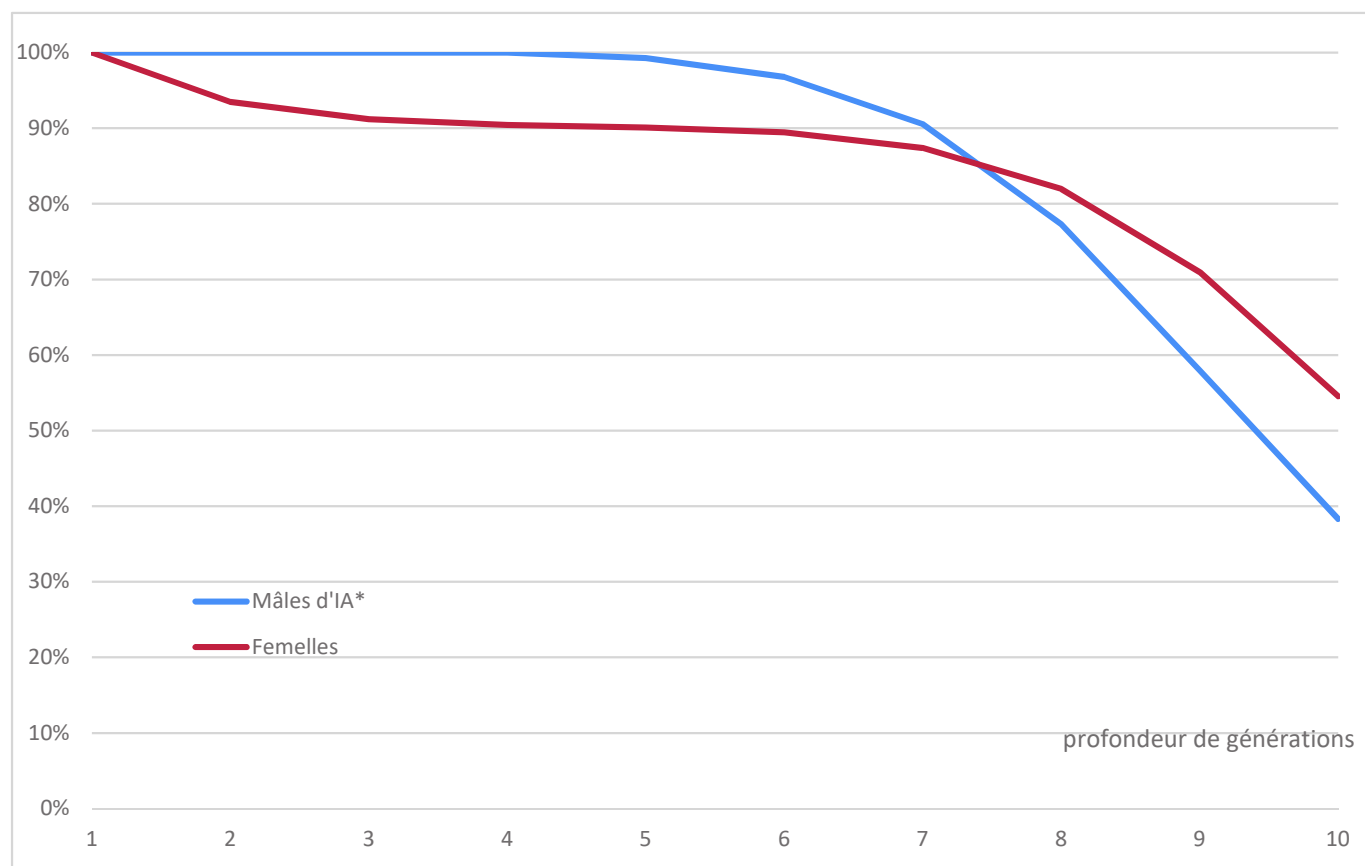
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,1
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	6,8
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	6,1
Moyenne 4 voies	5,8

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	126 022	68
Nb moyen de générations remontées	9,2	9,0
Nb moyen d'ancêtres connus	5 841	3 266
Nb maximum de générations remontées	23	22

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2015 -2018

Nombre de fondateurs	22 492
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	214
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	109
Ratio Ae/Fe	51,0%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	44

**Détail des ancêtres les plus importants
de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR1210454175	BIZERT	M	1967	4,9%	4,9%	4,9%
2	FR1210345497	MARQUIS	M	1971	2,6%	2,6%	7,6%
3	FR1595031647	LIORAN	M	1995	2,7%	2,5%	10,1%
4	FR1277042573	FROMENT	M	1977	2,4%	2,4%	12,5%
5	FR1569169029	AMOUREUX	M	1966	2,1%	2,1%	14,6%
6	FR1292013981	HARPON	M	1992	1,9%	1,9%	16,5%
7	FR1285047417	ASEIGNOUR	M	1985	1,8%	1,7%	18,2%
8	FR1278042416	LEBROU	M	1978	1,7%	1,7%	19,9%
9	FR1288017380	DUCHES	M	1988	2,0%	1,6%	21,4%
10	FR1289016319	ESPAGNOU	M	1989	1,4%	1,4%	22,8%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	9,2
Consanguinité moyenne (%)	1,4
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,4
Parenté (%)	1,0
Consanguinité des parents (%)	1,1
Parentés des parents (%)	0,8
Taille efficace (méthode Cervantès)	455
Taille efficace (méthode démographique)	23 305

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

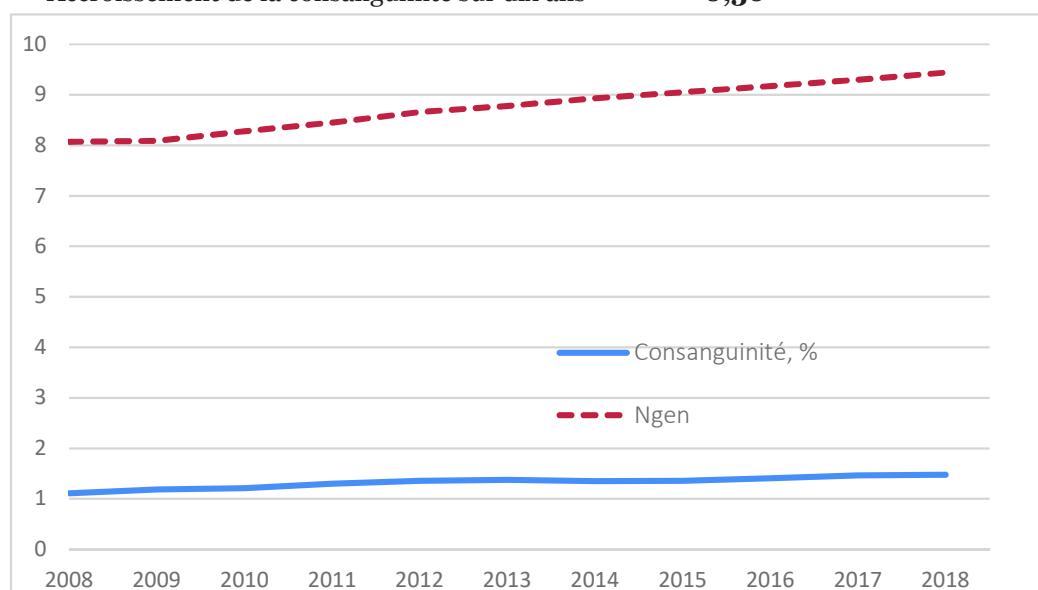
0% de consanguinité	11,7%
entre 0 à 3,125% inclus	82,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	3,5%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,4%
entre 12,5% à 25% inclus	0,7%
plus de 25%	0,5%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **2,6%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,36



BLONDE D'AQUITAINE**Informations démographiques**

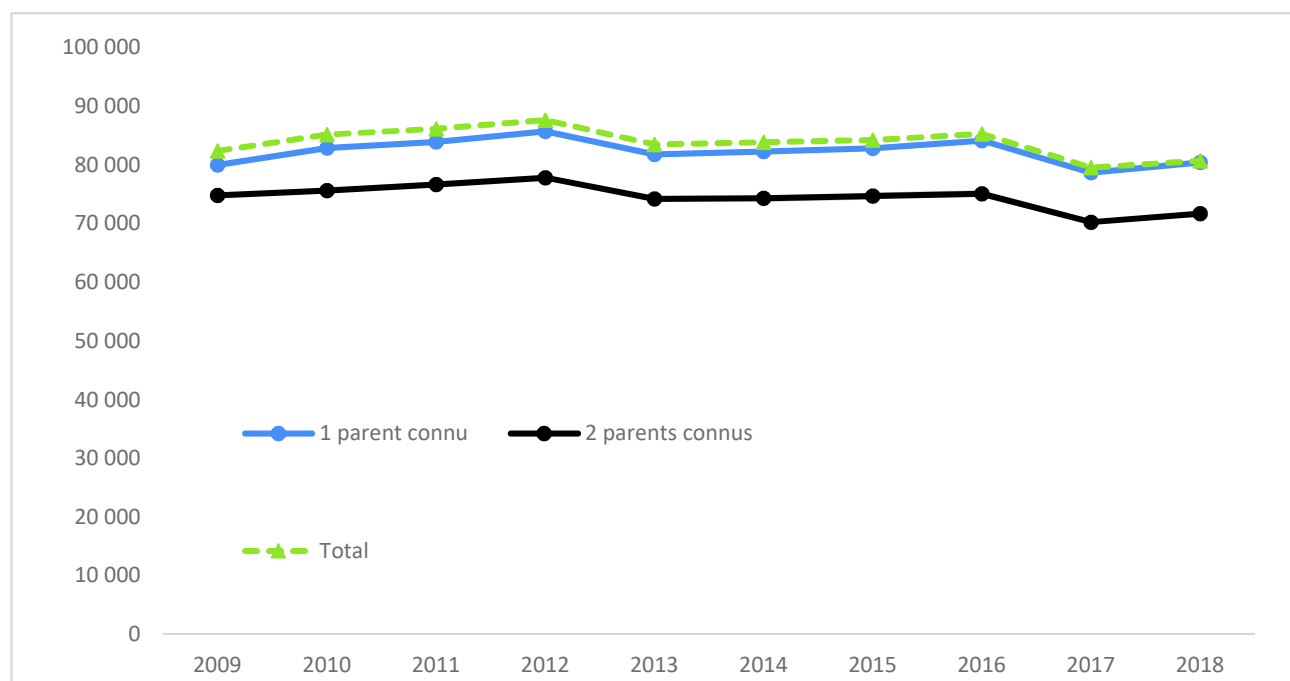
Période de naissance des femelles 2015 -2018

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	329 947	362
Nb pères différents	10 143	239
Nb max de descendants par père	9 498	10
Nb grands-pères paternels différents	2 703	170
Nb max de descendants par GPP	13 493	22
Nb mères différentes	215 014	346
Nb max de descendants par mère	40	3
Nb grands-pères maternels différents	15 783	170
Nb max de descendants par GPM	20 378	24
Nb d'animaux avec deux parents connus	291 848	362

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 88%

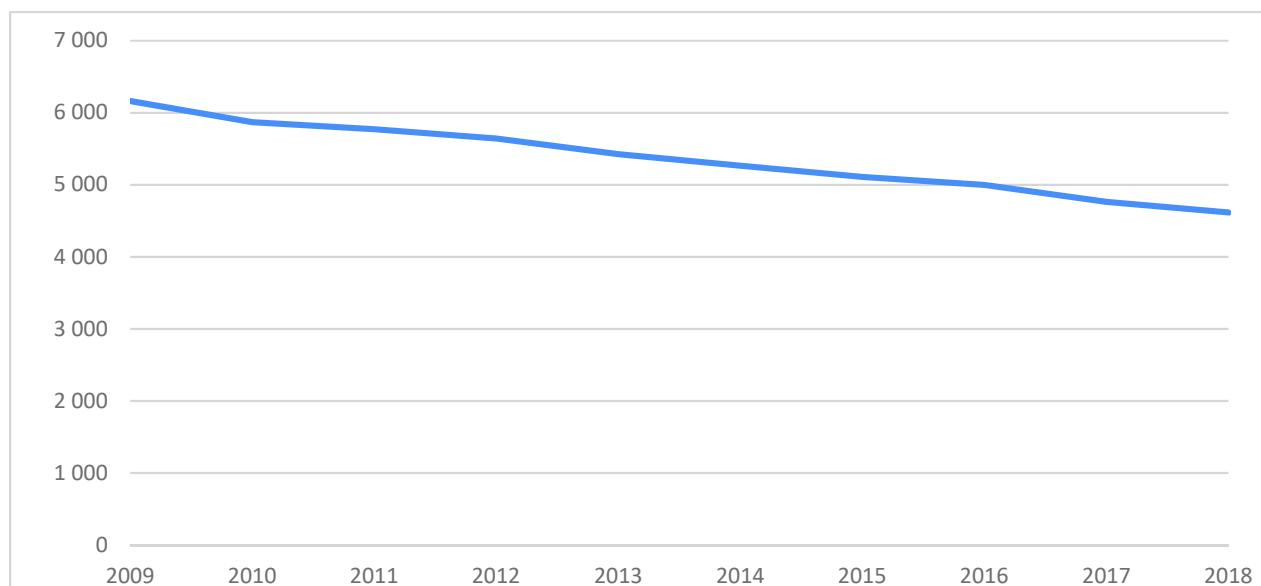
% femelles issues IA 28

Evolution de la population femelle

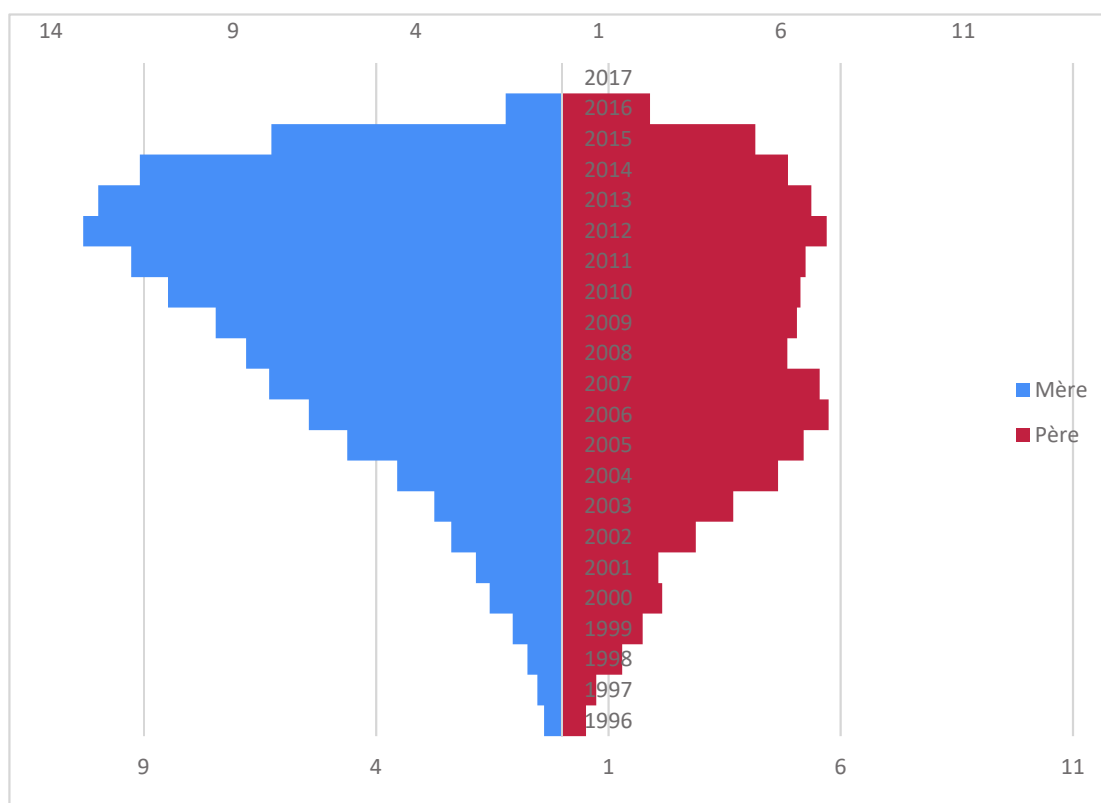
Croissance démographique 🟡-3

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

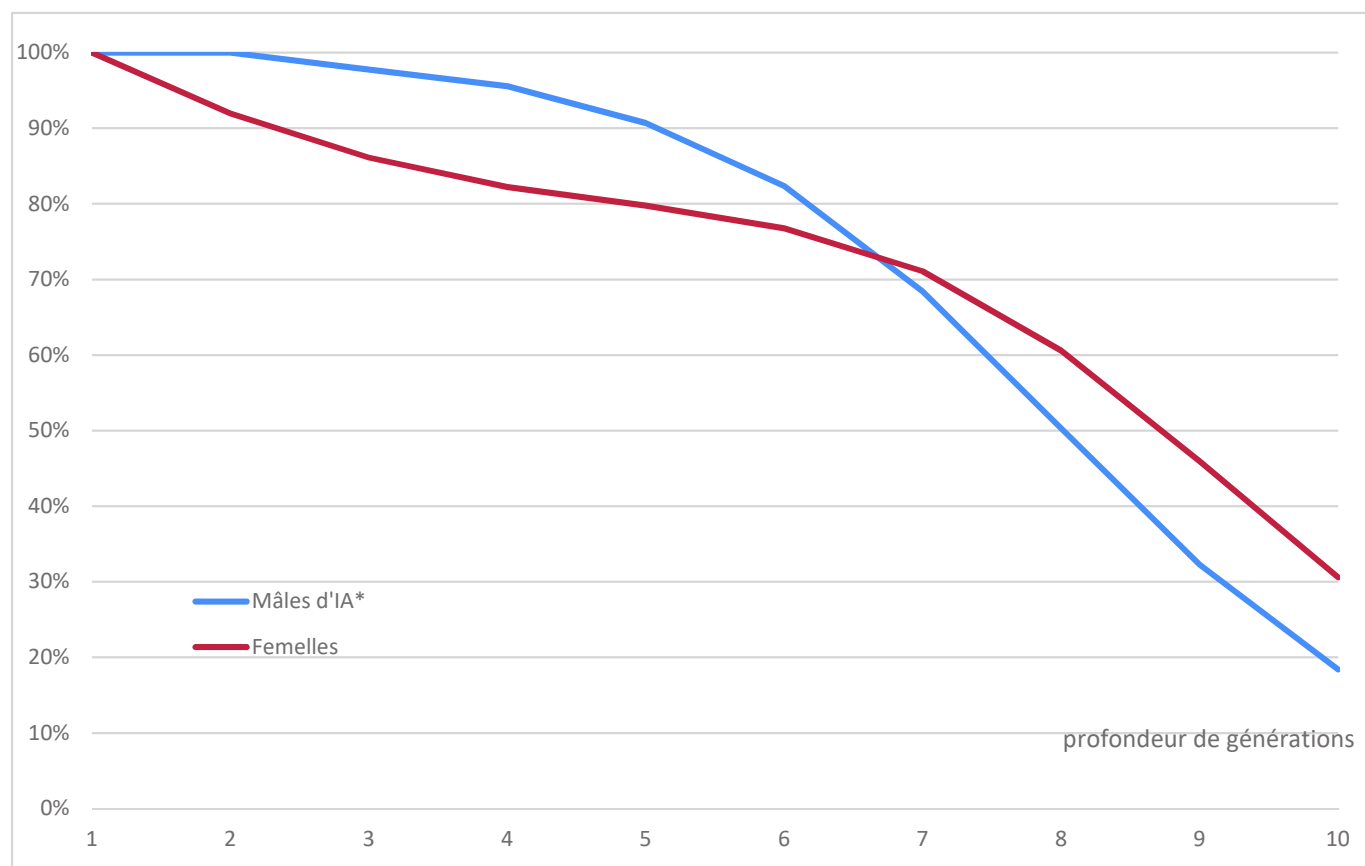
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	6,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	6,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	6,3
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,5
Moyenne 4 voies	6,1

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	291 519	362
Nb moyen de générations remontées	7,6	7,5
Nb moyen d'ancêtres connus	2 408	1 243
Nb maximum de générations remontées	25	20

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2015 -2018

Nombre de fondateurs	99 016
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	173
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	63
Ratio Ae/Fe	36,4%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	7,3%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	32

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR4770131060	FURET	M	1970	7,3%	7,3%	7,3%
2	FR4702301B13	BARICAUT	M	1966	5,1%	5,1%	12,3%
3	FR1295135021	LEO	M	1995	5,6%	4,9%	17,2%
4	FRoBL0000954	KAPUCIN	M	1960	4,3%	3,6%	20,8%
5	FR8177132385	NESTOR	M	1977	4,6%	2,4%	23,2%
6	FR4715717Co1	CERVANTES	M	1967	2,5%	2,3%	25,6%
7	FR8284130516	VAN	M	1984	2,2%	2,0%	27,6%
8	FR4780010937	RAMO	M	1980	2,7%	1,7%	29,2%
9	FR4642162440	OULOU	M	1998	2,2%	1,6%	30,8%
10	FR4700609Co7	CRESSON	M	1967	1,7%	1,4%	32,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,6
Consanguinité moyenne (%)	1,6
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,49
Parenté (%)	1,6
Consanguinité des parents (%)	1,2
Parentés des parents (%)	1,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	247
Taille efficace (méthode démographique)	38 744

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

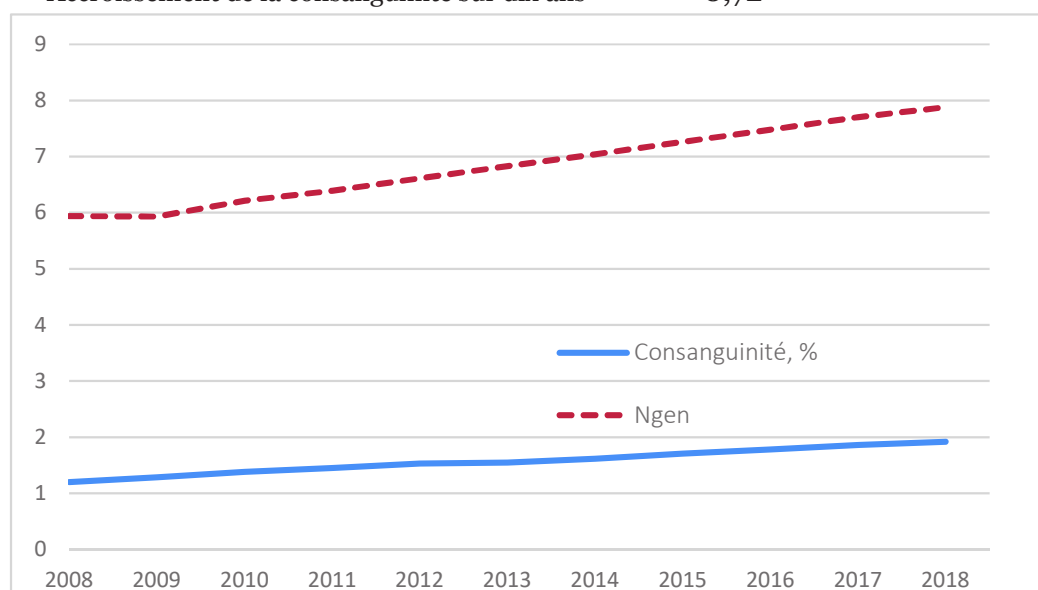
0% de consanguinité	21,9%
entre 0 à 3,125% inclus	69,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	6,2%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,3%
entre 12,5% à 25% inclus	0,7%
plus de 25%	0,7%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **2,7%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,72



CHAROLAISE**Informations démographiques**

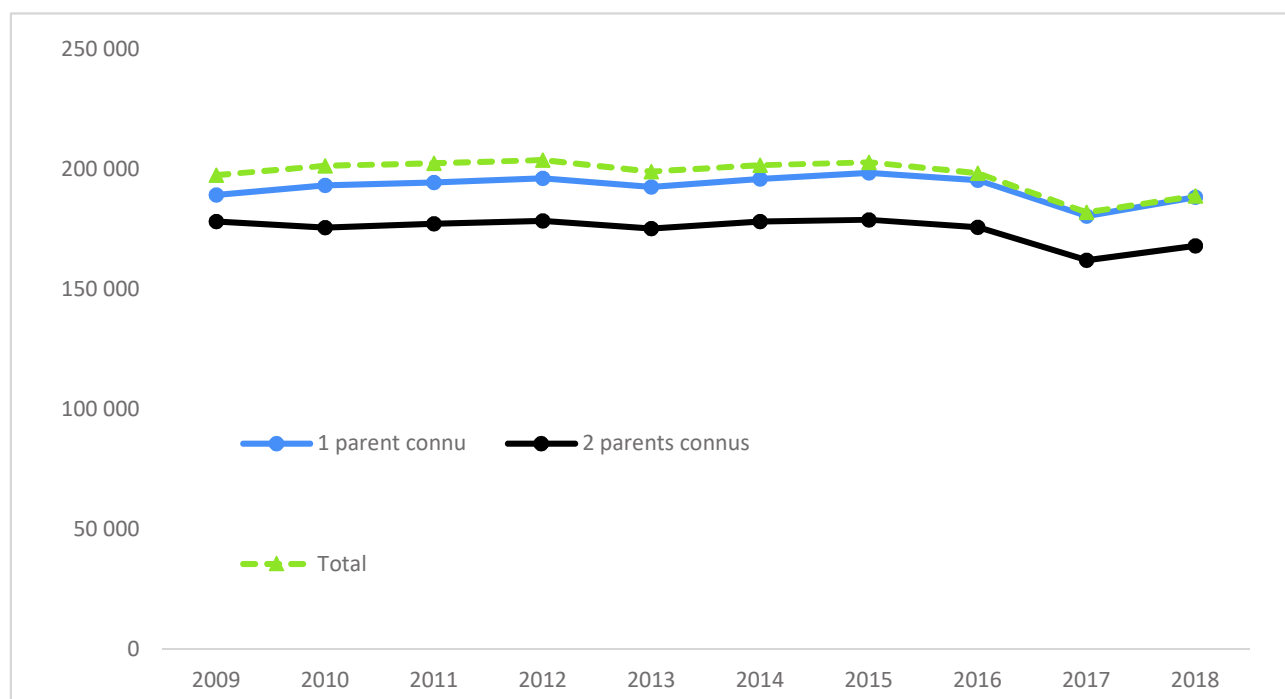
Période de naissance des femelles 2015 -2018

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	771 587	769
Nb pères différents	27 284	416
Nb max de descendants par père	16 016	13
Nb grands-pères paternels différents	7 908	317
Nb max de descendants par GPP	25 394	19
Nb mères différentes	493 532	711
Nb max de descendants par mère	20	3
Nb grands-pères maternels différents	41 893	317
Nb max de descendants par GPM	42 650	19
Nb d'animaux avec deux parents connus	684 477	769

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 89%

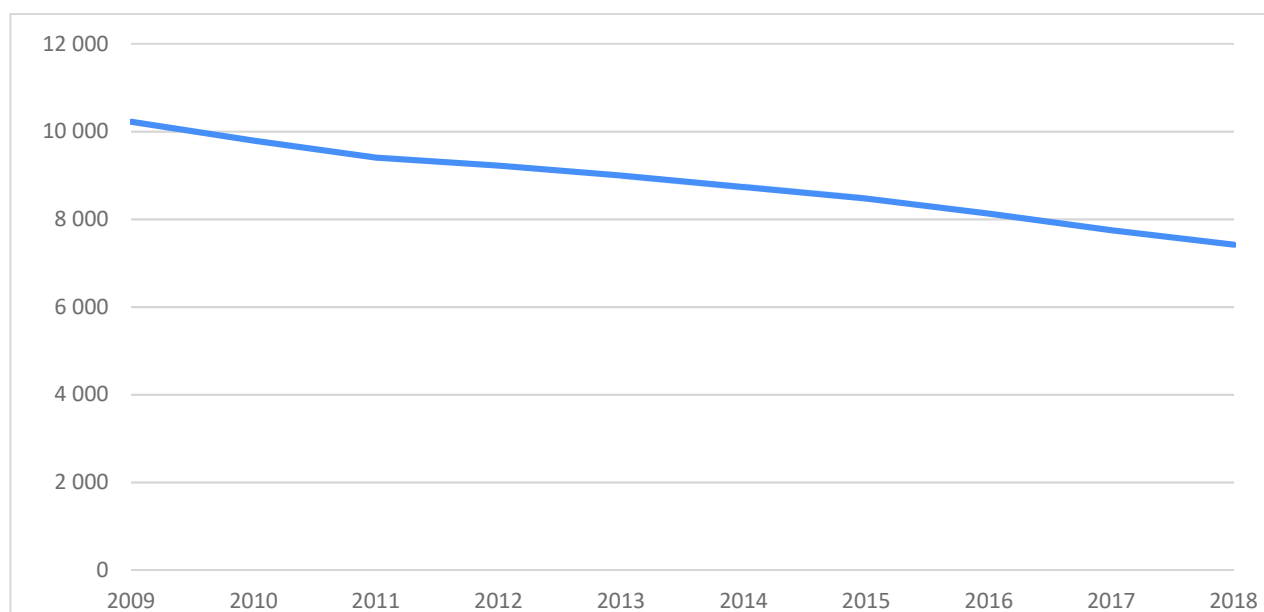
% femelles issues IA 31

Evolution de la population femelle

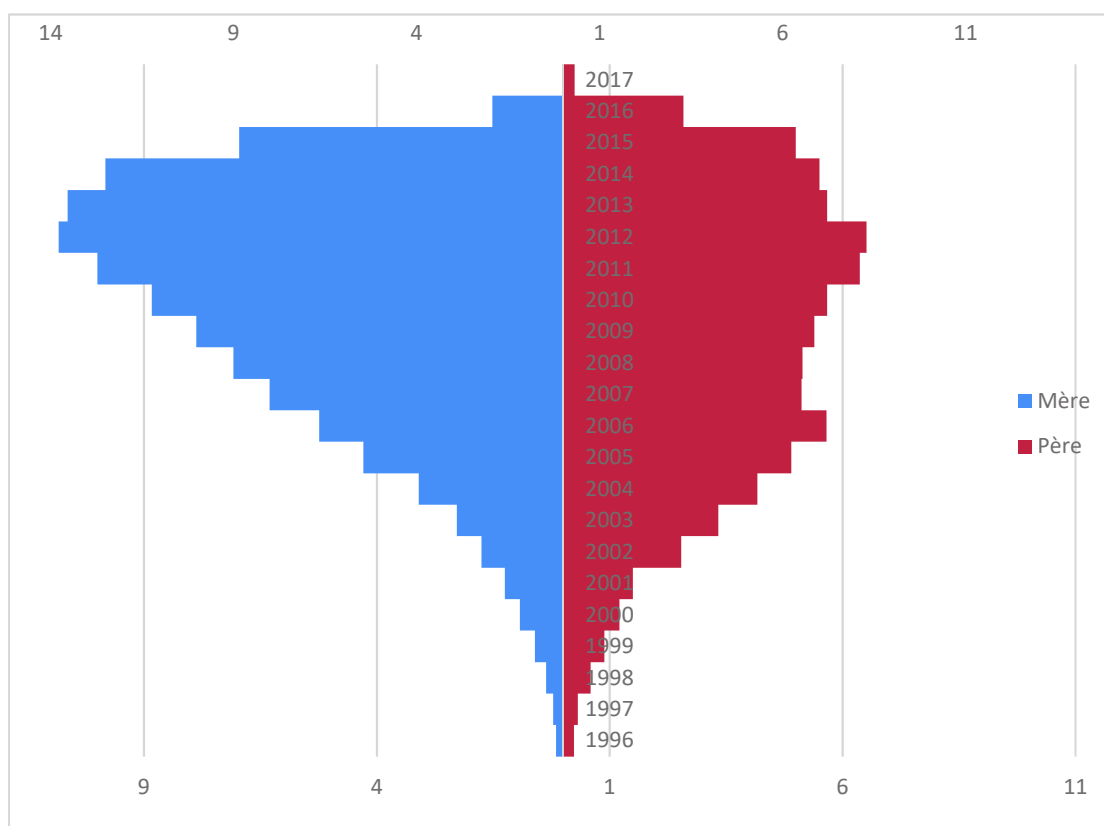
Croissance démographique 🟡-3

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

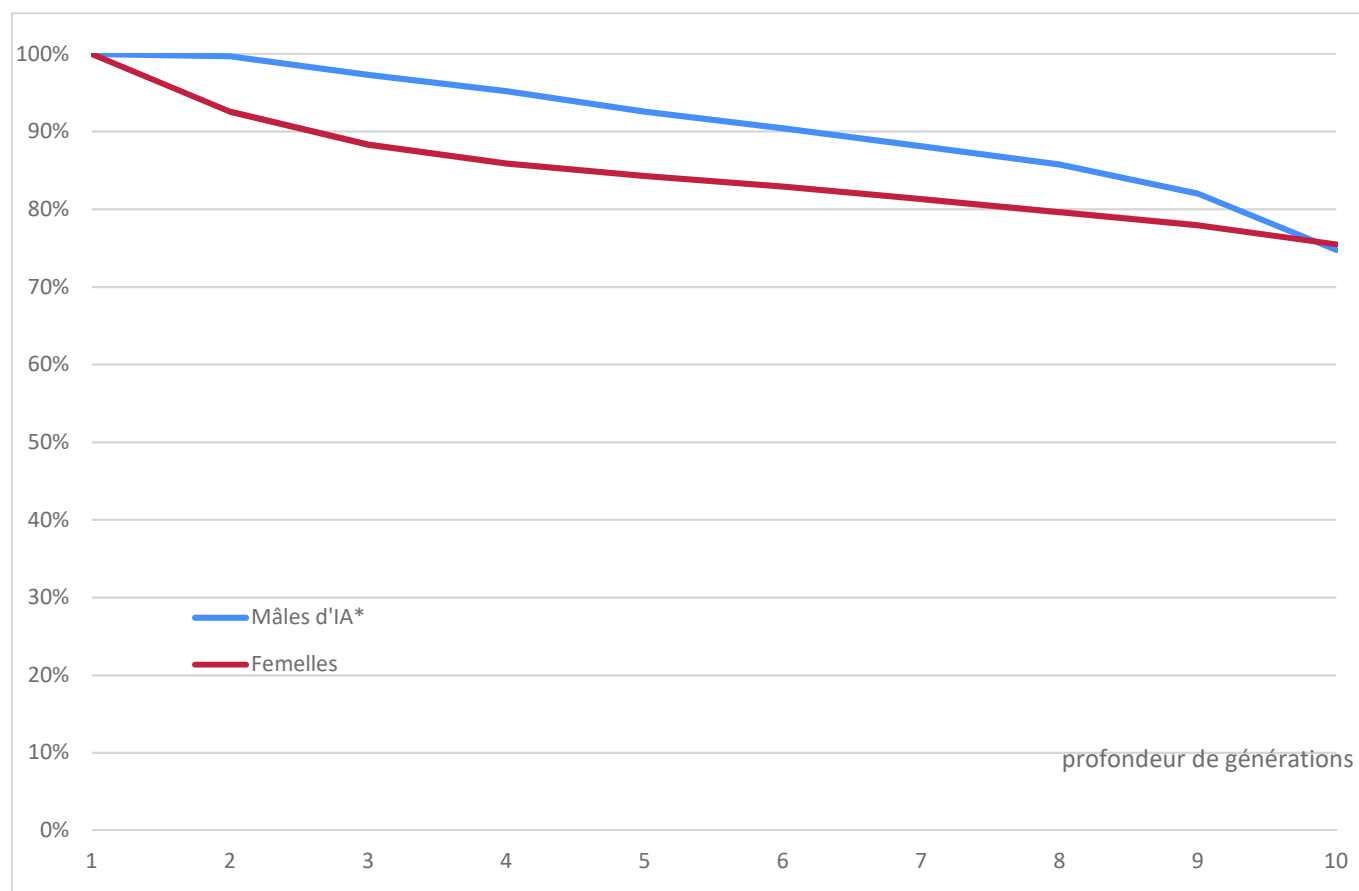
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,7
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	6,5
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,8
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,2
Moyenne 4 voies	5,8

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	684 018	769
Nb moyen de générations remontées	11,1	10,8
Nb moyen d'ancêtres connus	43 199	17 383
Nb maximum de générations remontées	32	24

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2015 -2018

Nombre de fondateurs	191 636
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	416
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	162
Ratio Ae/Fe	38,8%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	2,9%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	66

**Détail des ancêtres les plus importants
de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR4286100325	BLASON	M	1986	2,9%	2,9%	2,9%
2	FR0370119503	FLAMBEAU	M	1970	2,6%	2,6%	5,5%
3	FR5882101816	TILL	M	1982	2,1%	2,1%	7,6%
4	FR0384106449	VLADIMIR	M	1984	1,8%	1,8%	9,4%
5	FR8894104162	JUMPER	M	1994	1,9%	1,6%	11,1%
6	FR580793V025	VELOURS	M	1964	2,0%	1,6%	12,6%
7	FR2178102945	OFFICINE	F	1978	1,5%	1,5%	14,2%
8	FR8587103951	CONCILE	M	1987	1,6%	1,5%	15,6%
9	FR5703388462	SESAME	M	2001	1,4%	1,4%	17,0%
10	FR000D168012	/	M	1944	1,5%	1,3%	18,4%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	11,1
Consanguinité moyenne (%)	0,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,22
Parenté (%)	0,8
Consanguinité des parents (%)	0,7
Parentés des parents (%)	0,5
Taille efficace (méthode Cervantès)	684
Taille efficace (méthode démographique)	103 419

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

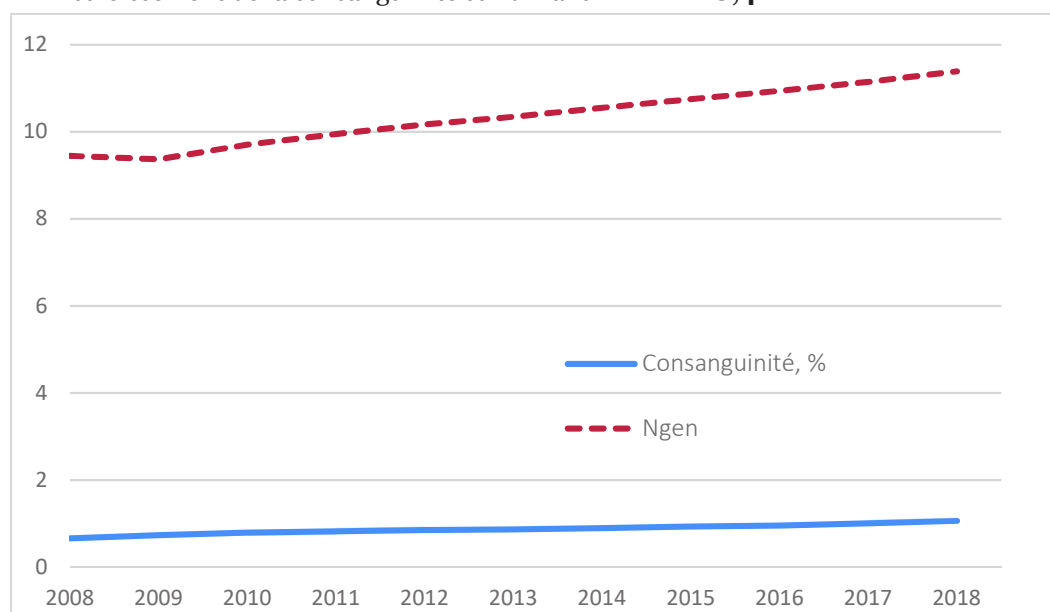
0% de consanguinité	18,4%
entre 0 à 3,125% inclus	78,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,6%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,4%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	1,2%
---	------

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,4



GASCONNE**Informations démographiques**

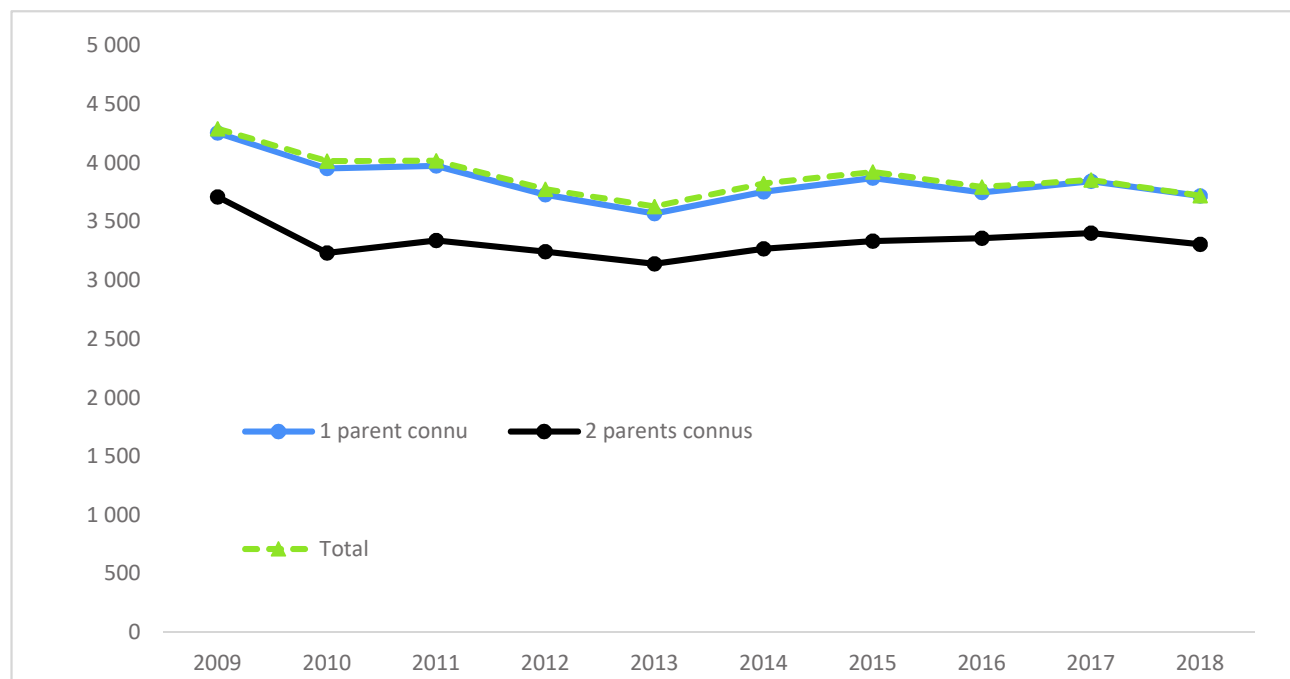
Période de naissance des femelles 2015 -2018

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	15 302	21
Nb pères différents	618	17
Nb max de descendants par père	290	3
Nb grands-pères paternels différents	253	14
Nb max de descendants par GPP	624	3
Nb mères différentes	9 769	20
Nb max de descendants par mère	6	2
Nb grands-pères maternels différents	1 097	14
Nb max de descendants par GPM	642	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	13 409	21

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 88%

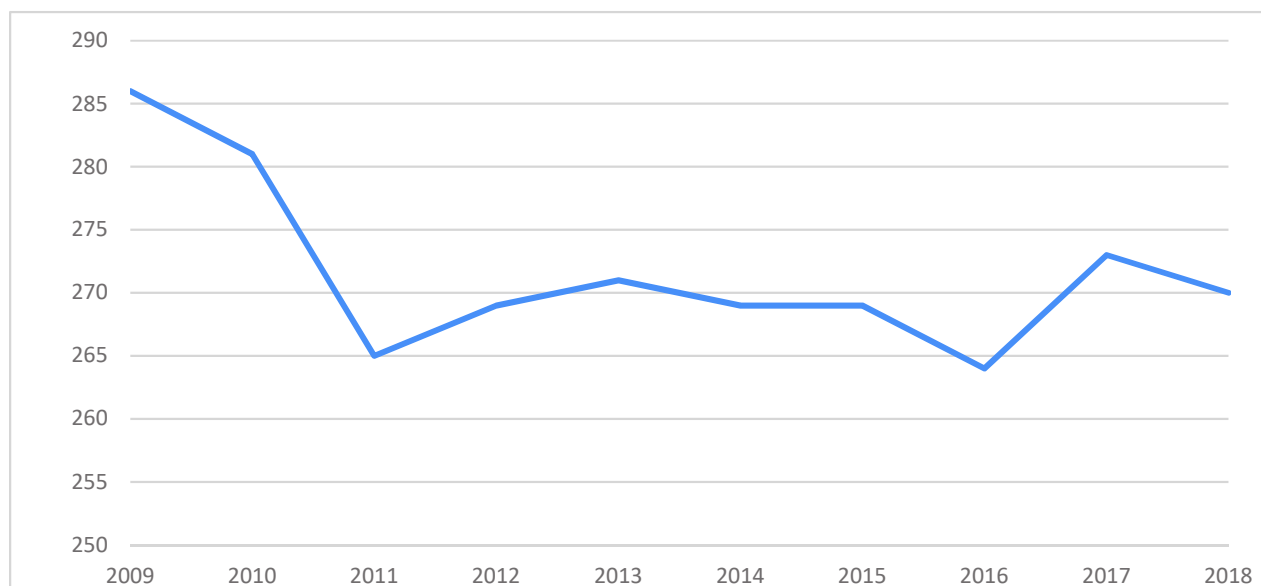
% femelles issues IA 14

Evolution de la population femelle

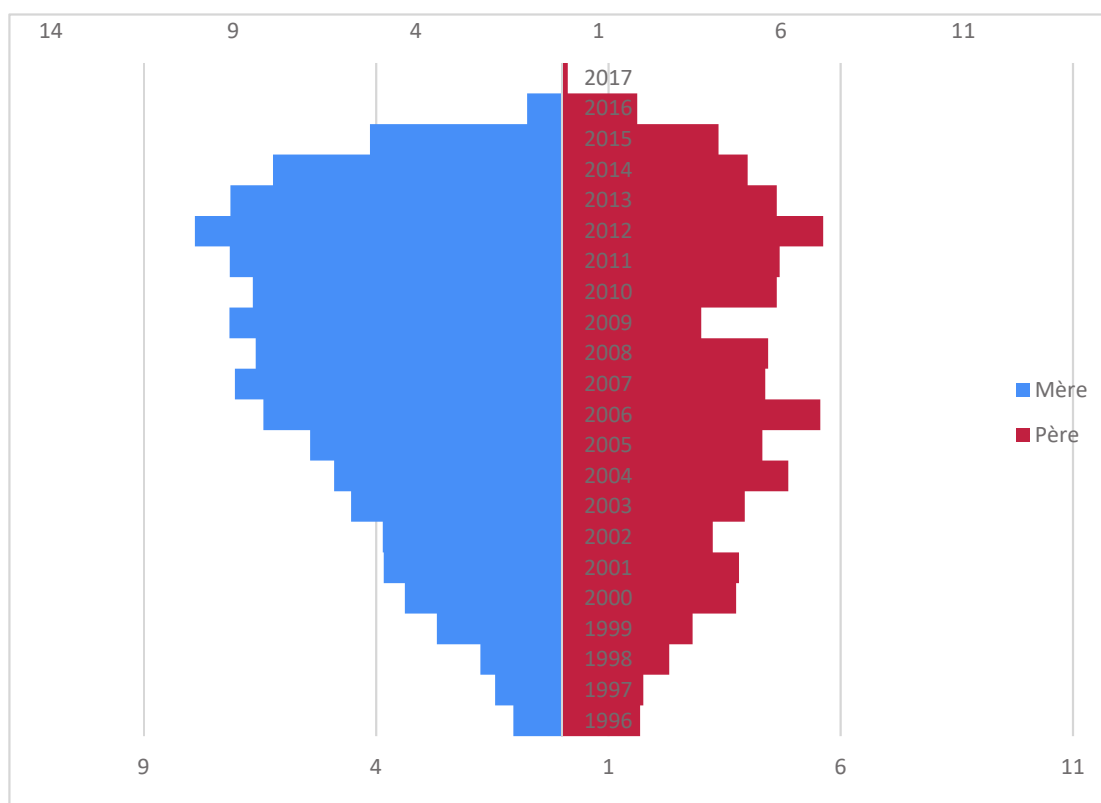
Croissance démographique 🟡-3

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

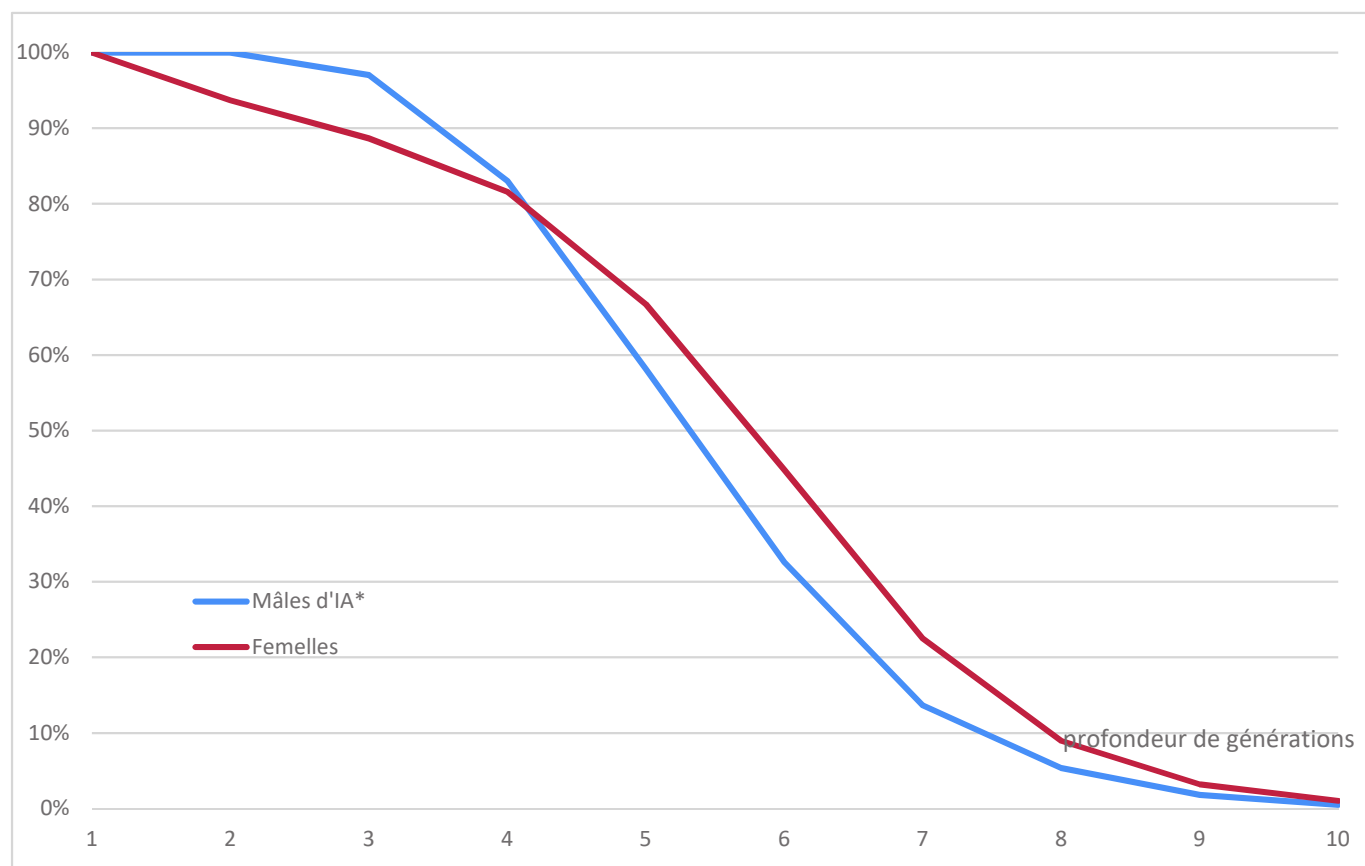
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,7
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	7,2
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	6,6
Moyenne 4 voies	6,3

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	13 407	21
Nb moyen de générations remontées	5,1	4,9
Nb moyen d'ancêtres connus	166	117
Nb maximum de générations remontées	19	15

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2015 -2018

Nombre de fondateurs	6 683
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	198
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	75
Ratio Ae/Fe	37,7%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	7,1%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	45

**Détail des ancêtres les plus importants
de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR1140029030	RELIEF	M	2000	7,1%	7,1%	7,1%
2	FR0904916416	COURNIER	M	1987	4,9%	4,9%	12,0%
3	FR1146019610	BLACK	M	2006	3,1%	3,1%	15,1%
4	FR1109402256	EVEQUE	M	1989	3,0%	3,0%	18,1%
5	FR3192042121	HERACLES	M	1992	2,5%	2,5%	20,6%
6	FR6506203674	ULSTER	M	2003	2,3%	2,3%	22,9%
7	FR1141039380	SULTAN	M	2001	2,0%	2,0%	24,9%
8	FR1140008933	REVOLVER	M	2000	1,8%	1,6%	26,5%
9	FR0910924061	ESSENTIEL	M	2009	1,9%	1,5%	28,0%
10	FR0900100565	RODIN	M	2000	1,4%	1,4%	29,4%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieur à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,1
Consanguinité moyenne (%)	1,2
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,81
Parenté (%)	1,1
Consanguinité des parents (%)	0,7
Parentés des parents (%)	0,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	248
Taille efficace (méthode démographique)	2 325

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

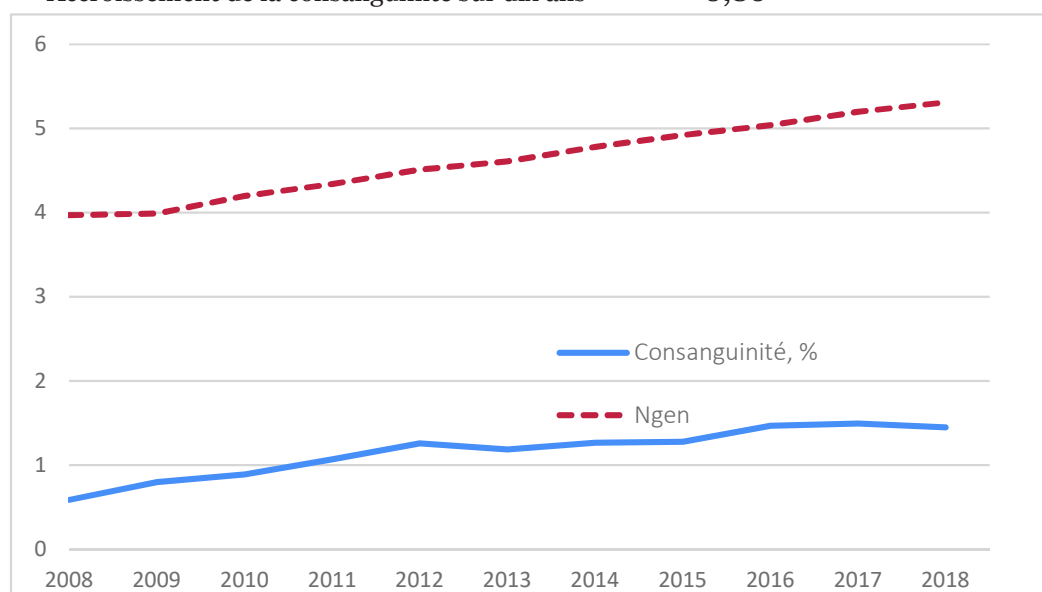
0% de consanguinité	34,6%
entre 0 à 3,125% inclus	56,8%
entre 3,125% à 6,25% inclus	4,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,9%
entre 12,5% à 25% inclus	1,5%
plus de 25%	0,8%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 4,2%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,86



LIMOUSINE**Informations démographiques**

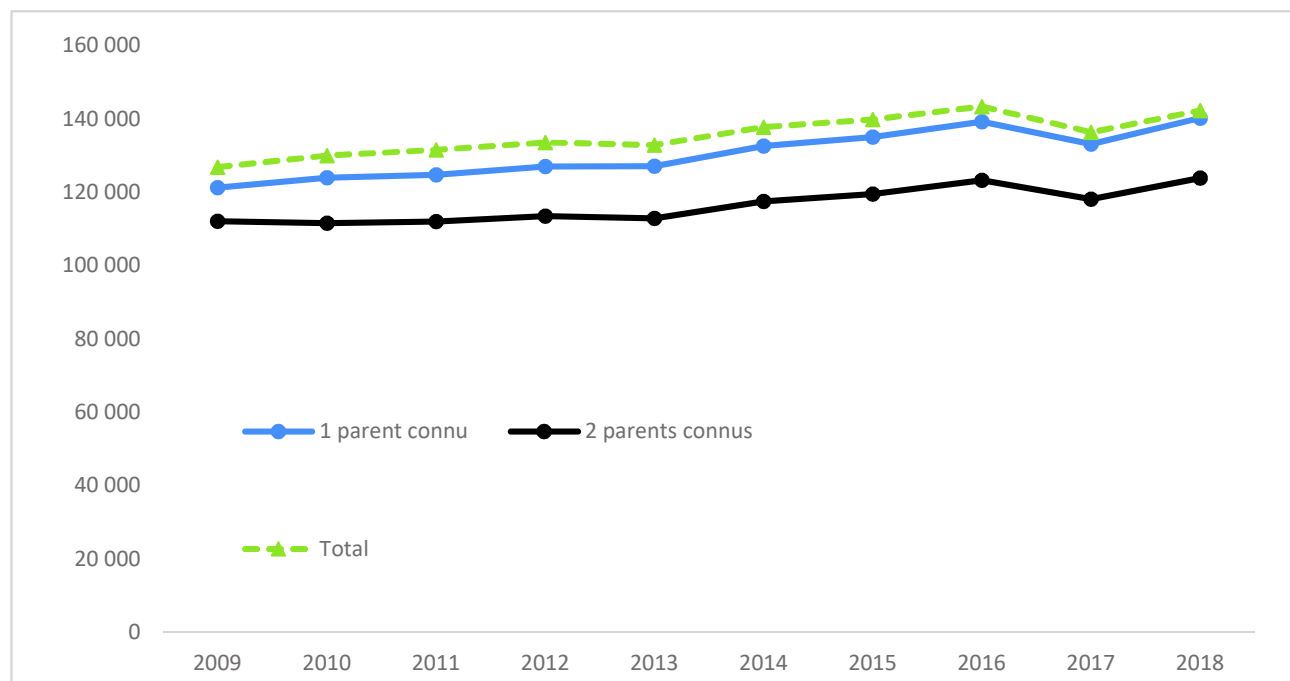
Période de naissance des femelles 2015 -2018

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	562 169	454
Nb pères différents	19 913	301
Nb max de descendants par père	7 111	11
Nb grands-pères paternels différents	6 051	244
Nb max de descendants par GPP	14 908	18
Nb mères différentes	350 962	446
Nb max de descendants par mère	15	2
Nb grands-pères maternels différents	28 210	244
Nb max de descendants par GPM	29 472	16
Nb d'animaux avec deux parents connus	484 995	454

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 86%

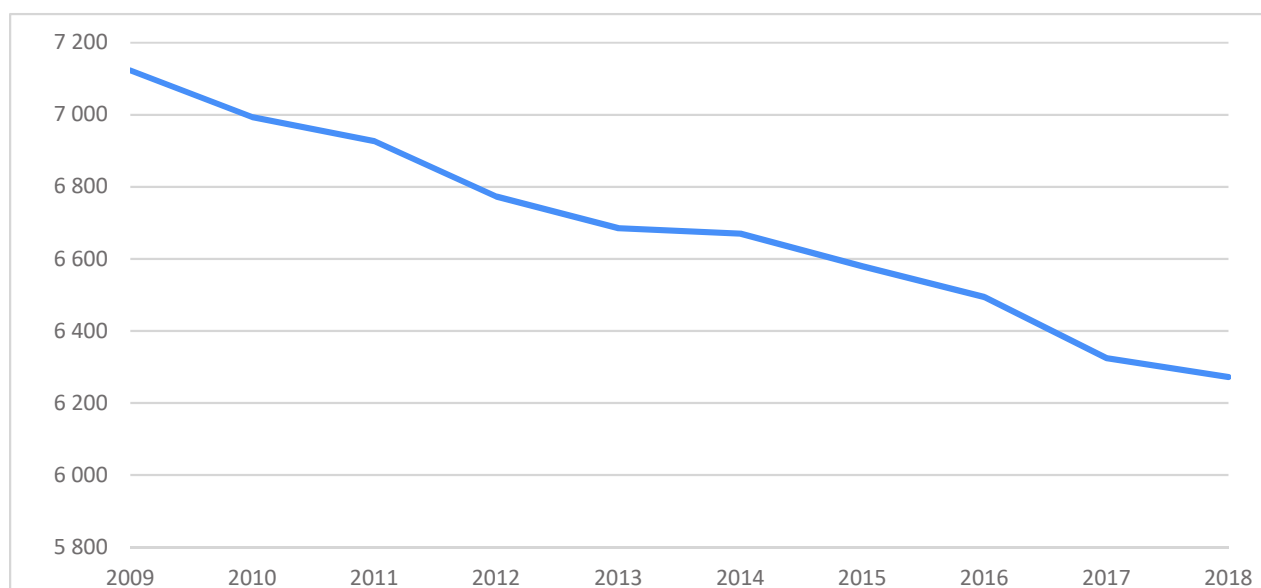
% femelles issues IA 15

Evolution de la population femelle

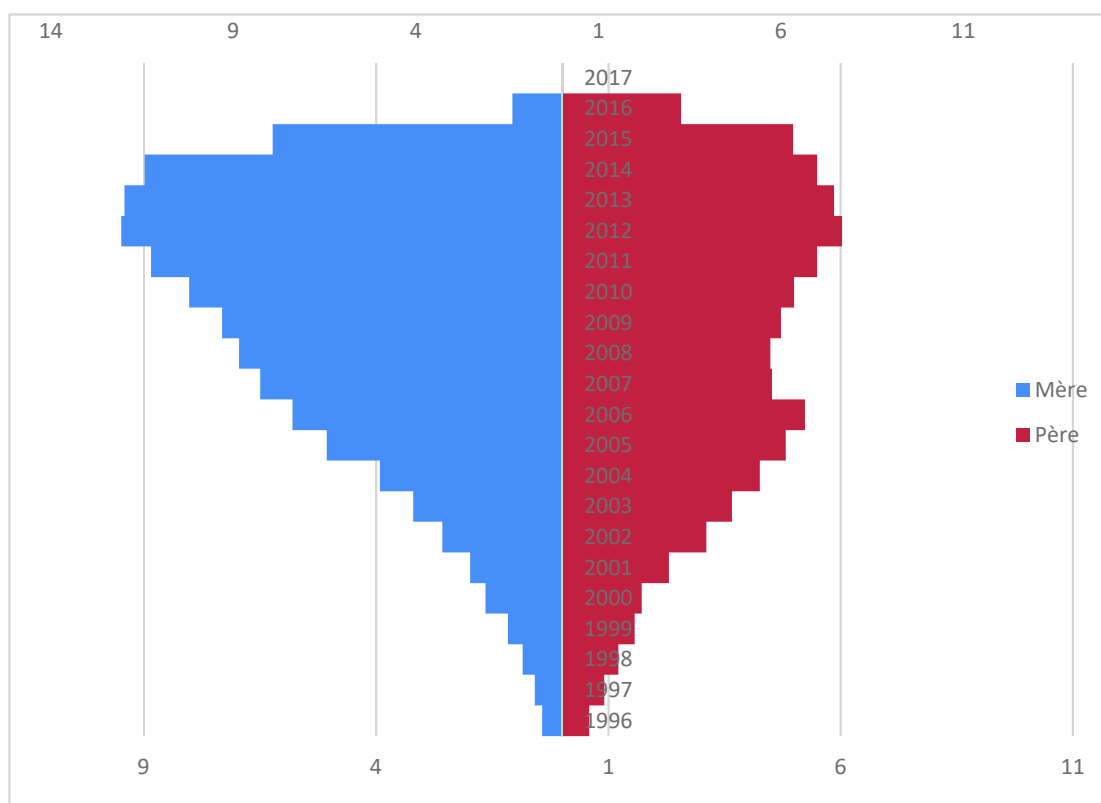
Croissance démographique ●7

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

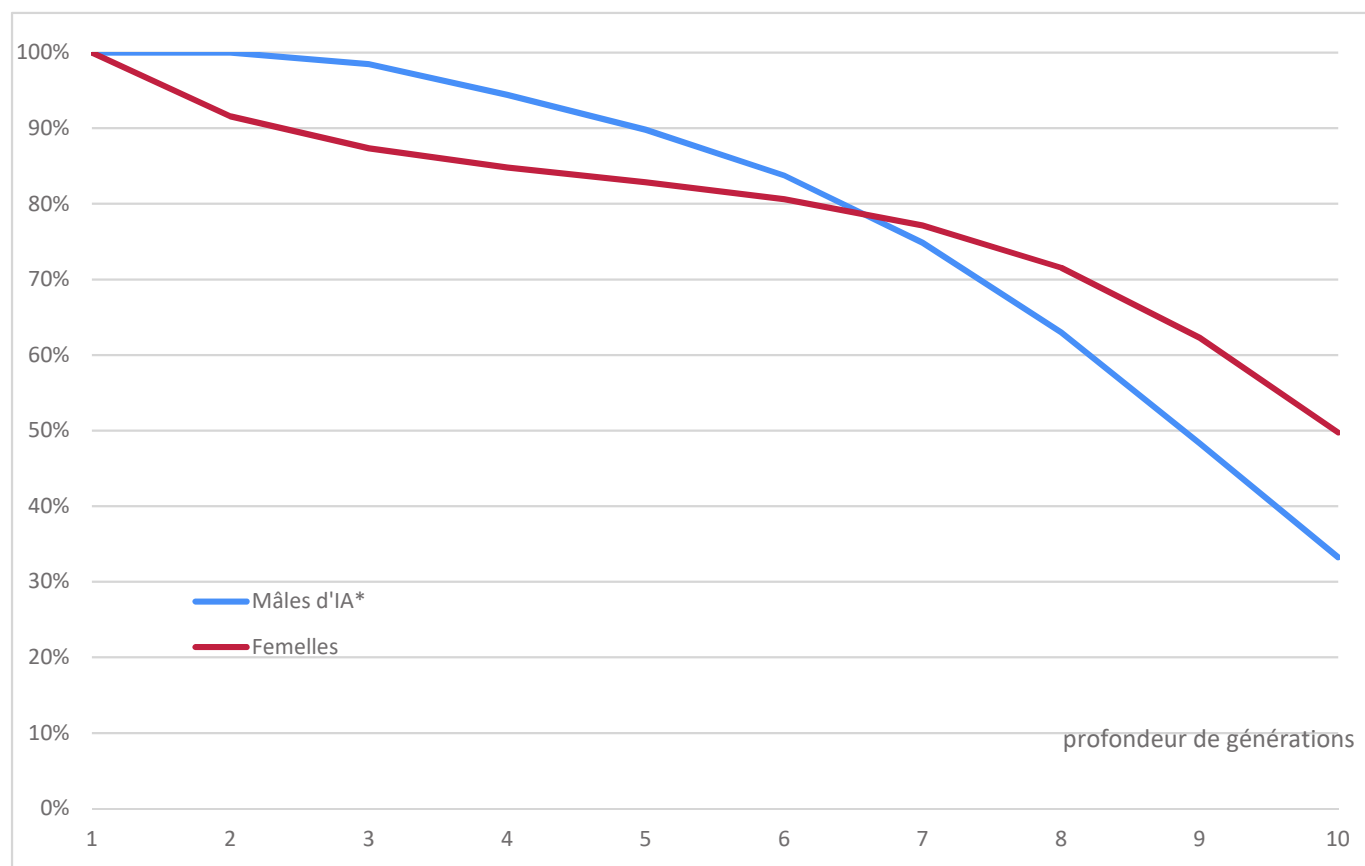
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	6,2
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	6,0
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,6
Moyenne 4 voies	5,9

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	484 682	454
Nb moyen de générations remontées	8,7	8,2
Nb moyen d'ancêtres connus	6 254	2 660
Nb maximum de générations remontées	24	21

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2015 -2018

Nombre de fondateurs	130 864
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	562
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	146
Ratio Ae/Fe	26,0%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	3,2%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	72

**Détail des ancêtres les plus importants
de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR0060139447	ROSSIGNOL	M	1960	3,2%	3,2%	3,2%
2	FR1988004715	DAUPHIN	M	1988	2,9%	2,9%	6,0%
3	FR0059126024	LAUREAT	M	1959	2,6%	2,6%	8,6%
4	FR3615069746	ON DIT	M	1998	2,7%	2,5%	11,1%
5	FR2297004114	NEUF	M	1997	2,3%	2,2%	13,3%
6	FR1692111209	HIGHLANDER	M	1992	2,2%	2,0%	15,3%
7	FR2287033854	CESARHENON	M	1987	2,7%	1,8%	17,1%
8	FR2396032213	MAS DU CLO	M	1996	1,6%	1,4%	18,5%
9	FR8796005024	MICMAC MN	M	1996	1,7%	1,4%	19,9%
10	FR8789003682	EPSON	M	1989	1,5%	1,4%	21,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	8,7
Consanguinité moyenne (%)	0,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,39
Parenté (%)	0,7
Consanguinité des parents (%)	0,6
Parentés des parents (%)	0,45
Taille efficace (méthode Cervantès)	646
Taille efficace (méthode démographique)	75 375

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

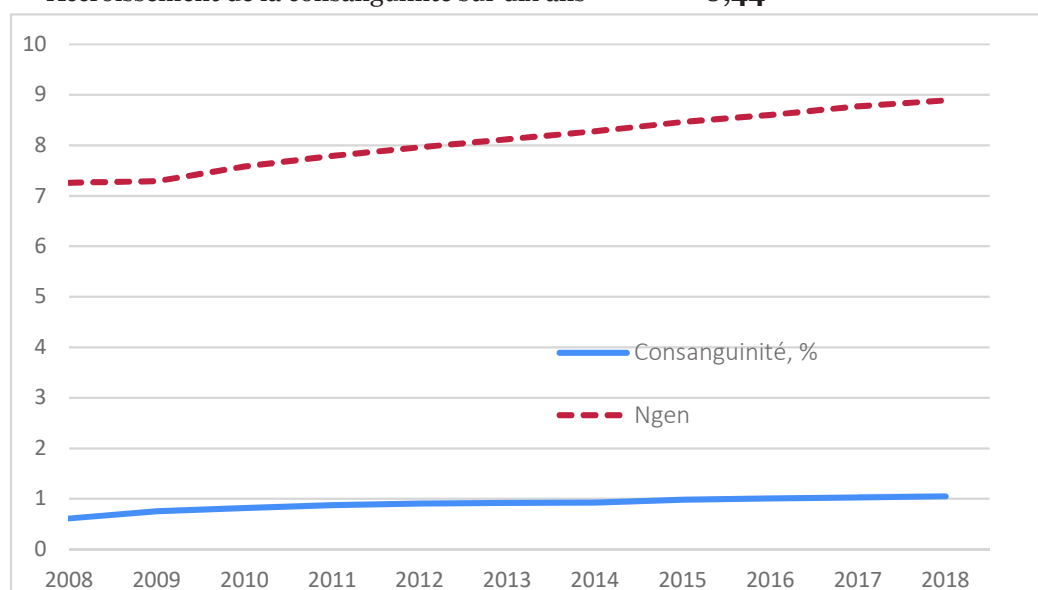
0% de consanguinité	18,2%
entre 0 à 3,125% inclus	77,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	2,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,0%
entre 12,5% à 25% inclus	0,5%
plus de 25%	0,7%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 2,2%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,44



PARTHENAISE**Informations démographiques**

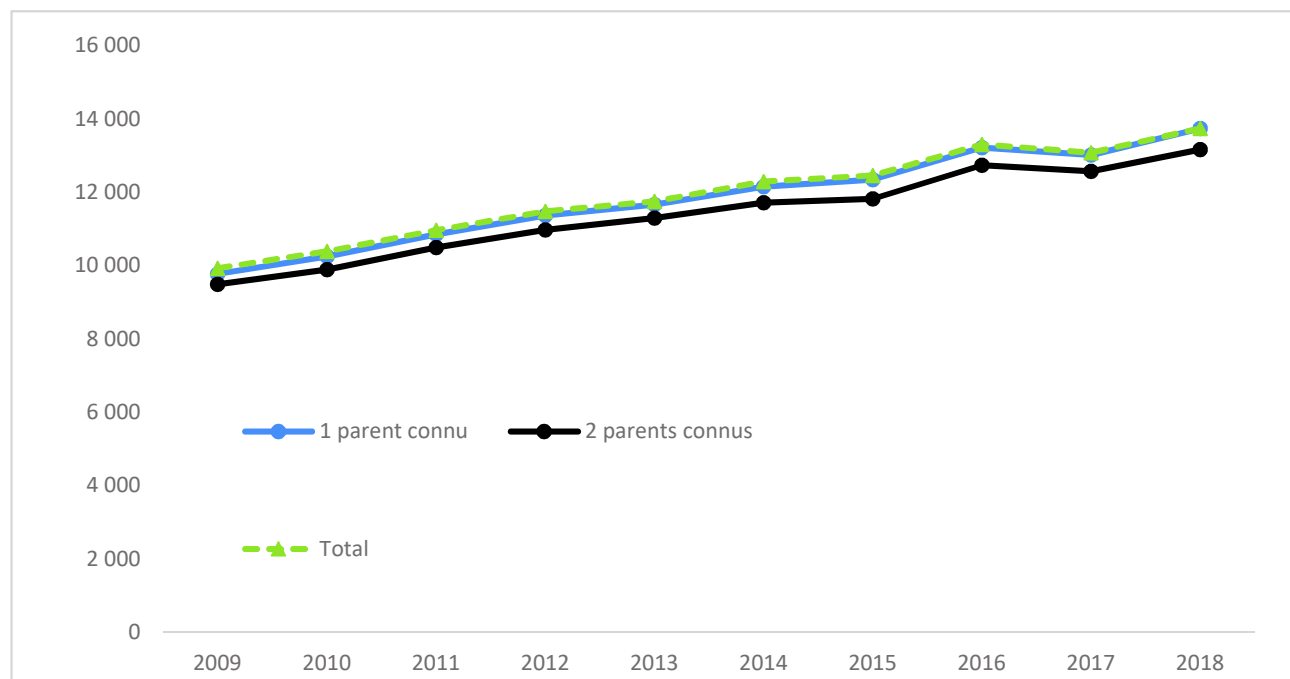
Période de naissance des femelles 2015 -2018

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	52 603	56
Nb pères différents	1 763	50
Nb max de descendants par père	2 357	3
Nb grands-pères paternels différents	608	45
Nb max de descendants par GPP	2 924	4
Nb mères différentes	34 565	55
Nb max de descendants par mère	18	2
Nb grands-pères maternels différents	2 419	45
Nb max de descendants par GPM	3 199	3
Nb d'animaux avec deux parents connus	50 316	56

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 96%

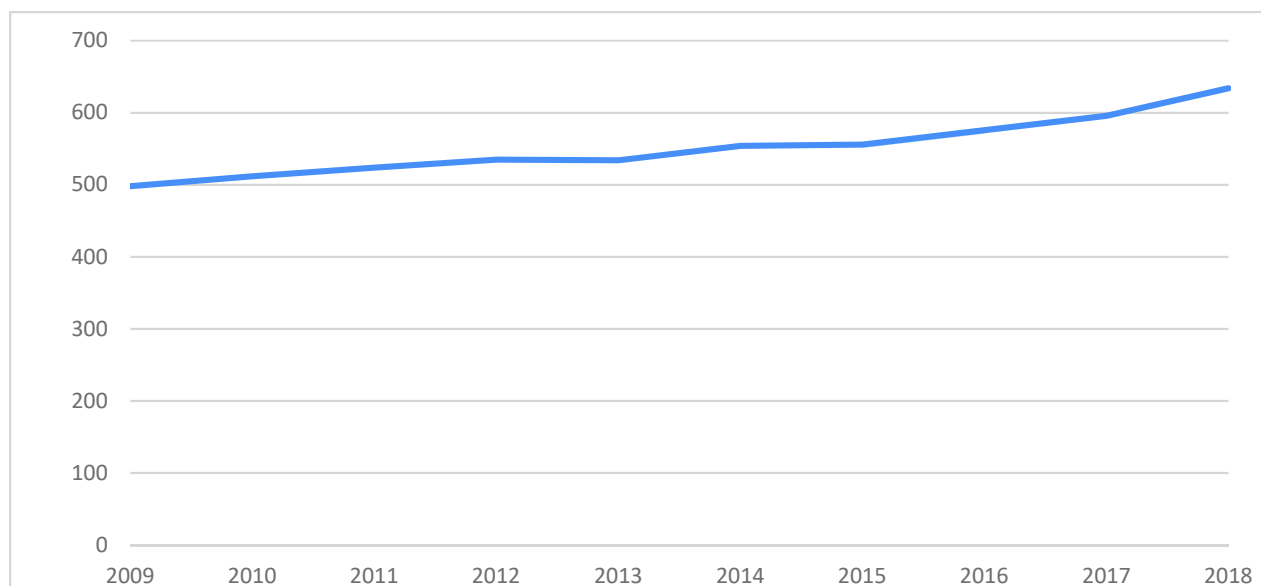
% femelles issues IA 29

Evolution de la population femelle

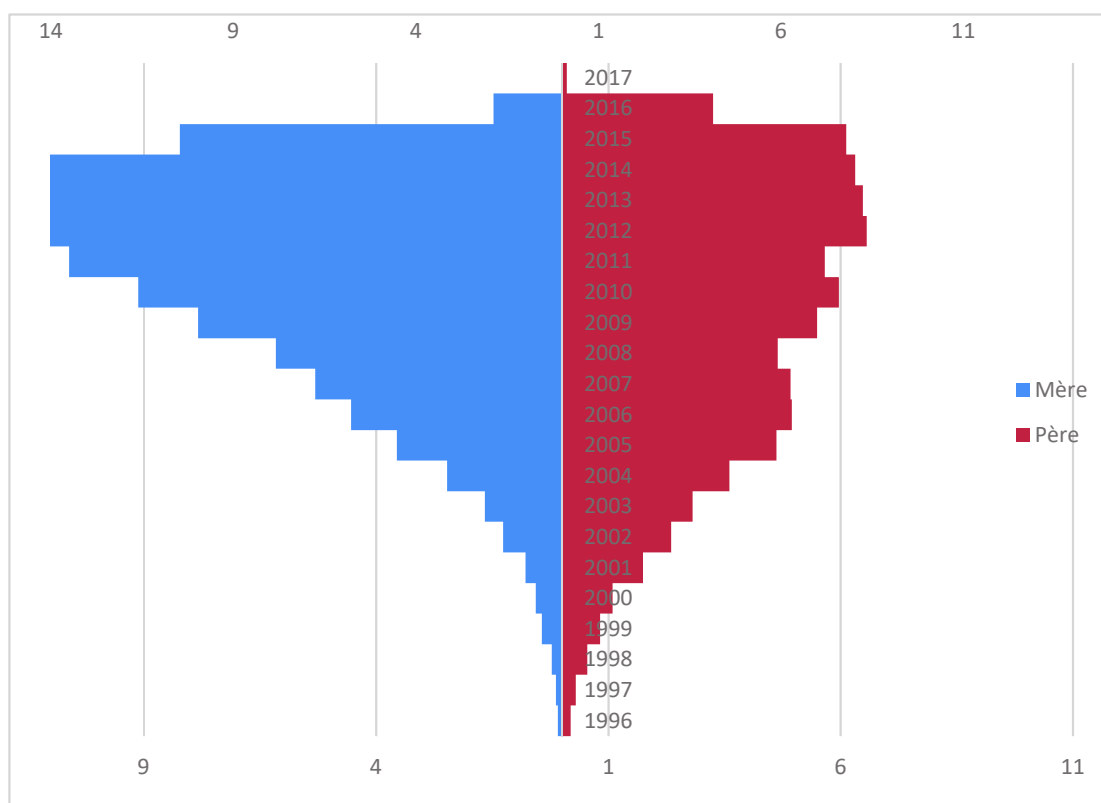
Croissance démographique ●19

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

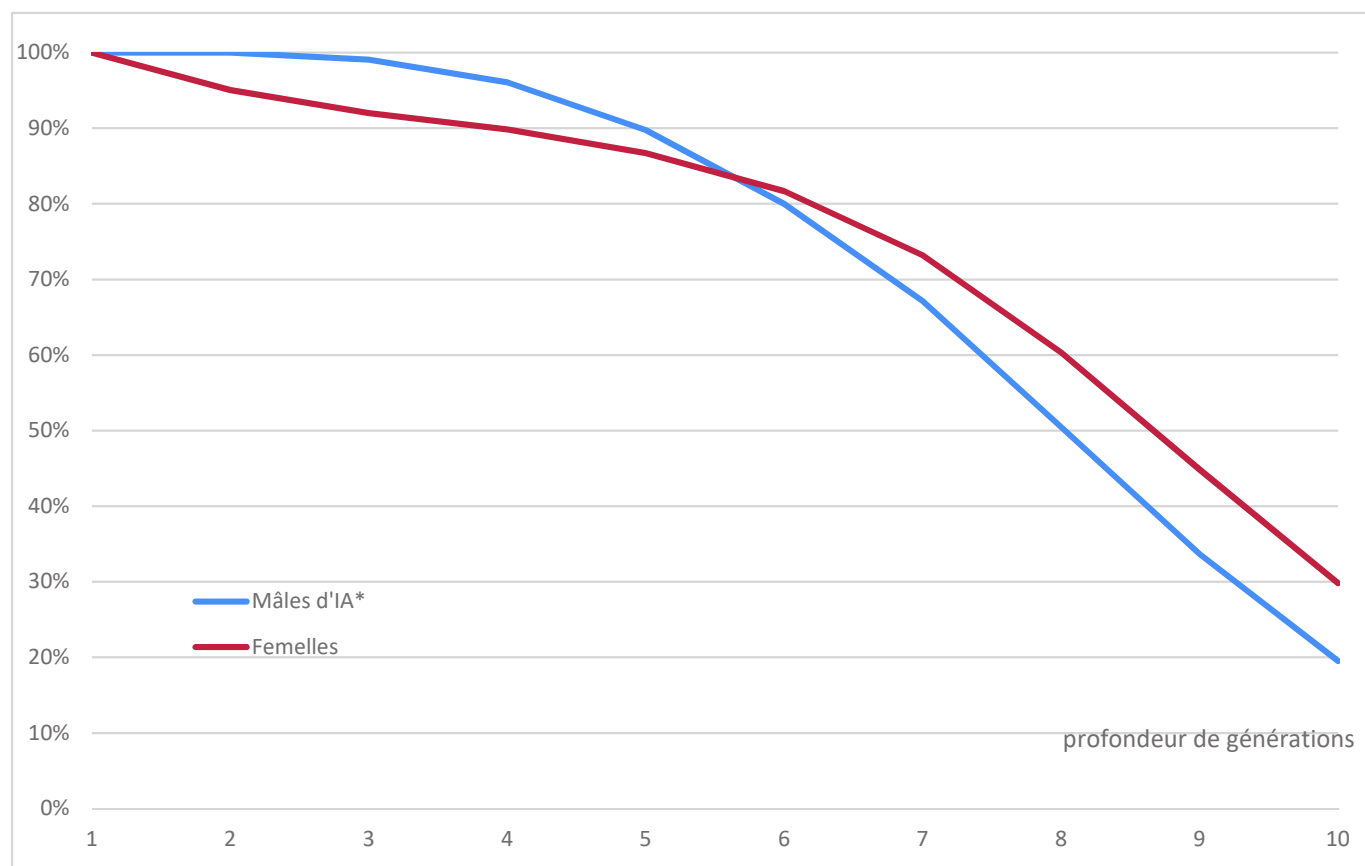
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,7
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	5,0
Moyenne 4 voies	5,3

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	50 293	56
Nb moyen de générations remontées	7,8	7,5
Nb moyen d'ancêtres connus	2 261	1 300
Nb maximum de générations remontées	24	20

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2015 -2018

Nombre de fondateurs	12 999
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	193
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	76
Ratio Ae/Fe	39,3%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,3%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	27

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR7903520279	TURBO	M	2002	4,3%	4,3%	4,3%
2	FR7989003629	ECUSSON	M	1989	3,8%	3,8%	8,1%
3	FR7991004851	GRILLON	M	1991	3,8%	3,8%	11,9%
4	FR7984001884	VELODROME	M	1984	3,6%	3,3%	15,2%
5	FR7949950013	POTIRON	M	1999	3,0%	3,0%	18,3%
6	FR7922662092	FAUSSET	M	2010	3,1%	2,9%	21,2%
7	FR7978001955	ORATEUR	M	1978	2,5%	2,4%	23,6%
8	FR7992001275	HANNETON	M	1992	2,5%	2,4%	26,0%
9	FR7969870066	PANACHE	M	1999	2,1%	1,9%	28,0%
10	FR7993002772	INDIVIDUE	M	1993	2,0%	1,9%	29,9%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,8
Consanguinité moyenne (%)	1,2
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,3
Parenté (%)	1,4
Consanguinité des parents (%)	1,0
Parentés des parents (%)	1,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	290
Taille efficace (méthode démographique)	6 710

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

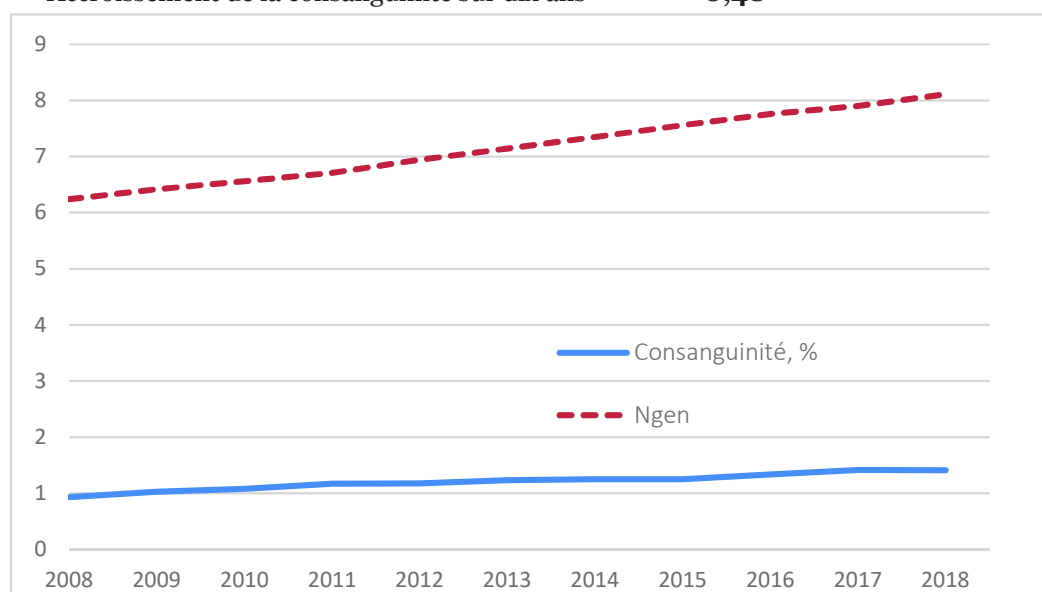
0% de consanguinité	11,4%
entre 0 à 3,125% inclus	82,6%
entre 3,125% à 6,25% inclus	3,9%
entre 6,25% à 12,5% inclus	1,2%
entre 12,5% à 25% inclus	0,5%
plus de 25%	0,4%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **2,2%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,48



ROUGE DES PRES**Informations démographiques**

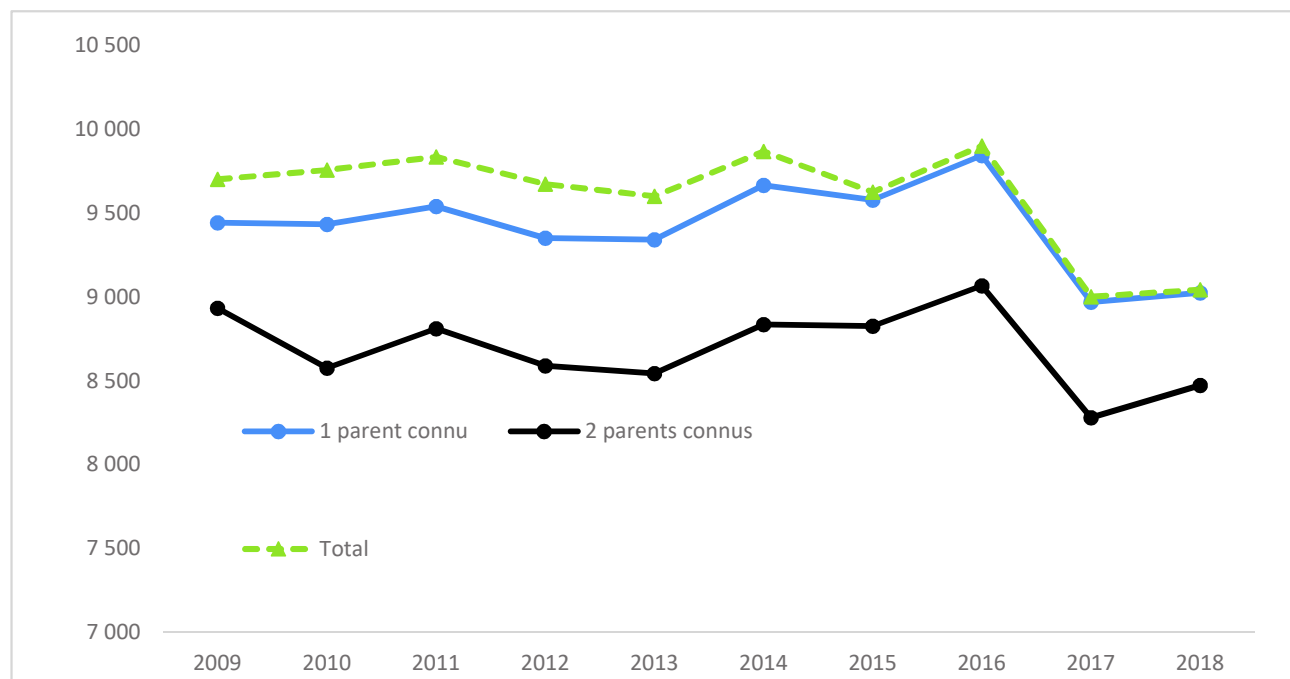
Période de naissance des femelles 2015 -2018

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	37 577	45
Nb pères différents	1 317	45
Nb max de descendants par père	1 254	1
Nb grands-pères paternels différents	420	42
Nb max de descendants par GPP	1 491	2
Nb mères différentes	24 834	45
Nb max de descendants par mère	6	1
Nb grands-pères maternels différents	1 959	42
Nb max de descendants par GPM	1 651	2
Nb d'animaux avec deux parents connus	34 648	45

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 92%

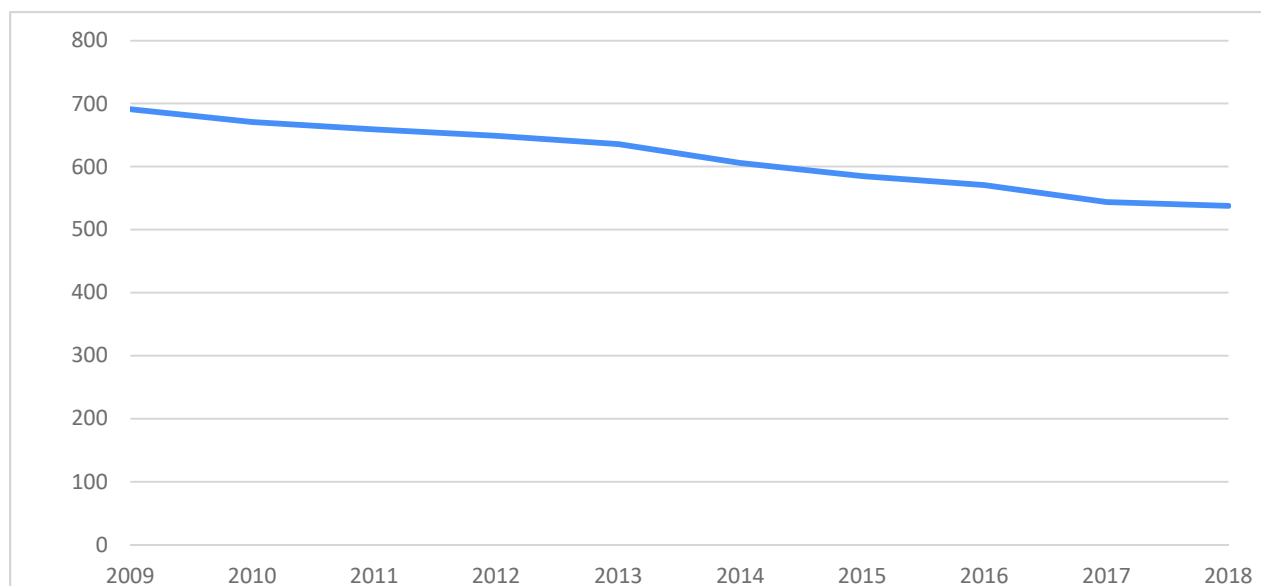
% femelles issues IA 22

Evolution de la population femelle

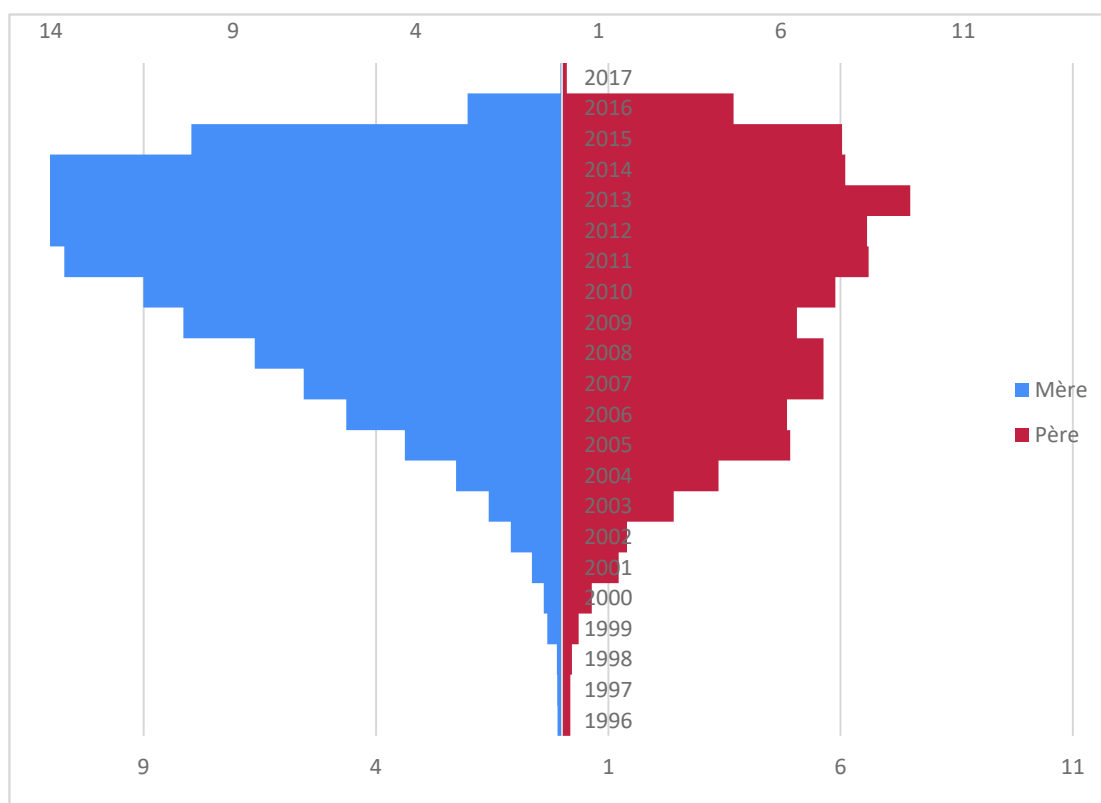
Croissance démographique 🟡-2

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

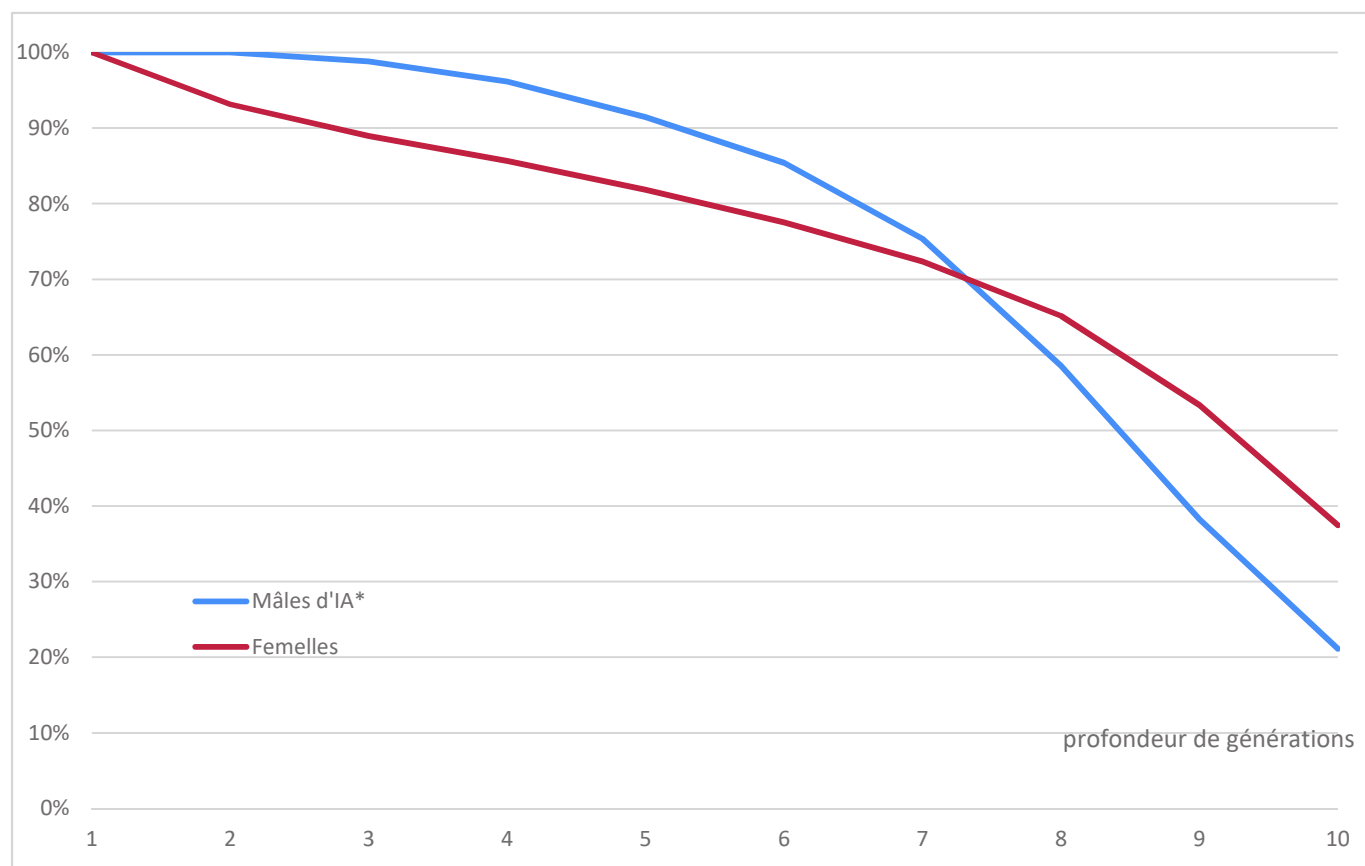
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,4
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,5
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,3
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,9
Moyenne 4 voies	5,3

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	34 606	45
Nb moyen de générations remontées	7,9	7,8
Nb moyen d'ancêtres connus	2 813	1 395
Nb maximum de générations remontées	24	21

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2015 -2018

Nombre de fondateurs	15 595
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	261
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	70
Ratio Ae/Fe	26,9%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	5,7%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	28

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR5373125641	INO	M	1973	5,7%	5,7%	5,7%
2	FR5375123998	LIRAN	M	1975	4,5%	4,5%	10,2%
3	FR5372124893	FELOVA	M	1972	3,8%	3,8%	14,0%
4	FR4977123999	NORBAN	M	1977	3,3%	3,3%	17,3%
5	FR7291122087	GERANIUM	M	1991	3,6%	3,1%	20,4%
6	FR4990122301	FESTIVAL	M	1990	2,8%	2,8%	23,2%
7	FR5385123140	ARICOT	M	1985	2,3%	2,3%	25,5%
8	FR7292122167	HIJOU	M	1992	2,5%	2,2%	27,7%
9	FR5389098700	ENIC	M	1989	2,7%	2,0%	29,7%
10	FR4971122640	ENCHANTEUR	M	1971	1,9%	1,9%	31,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	7,9
Consanguinité moyenne (%)	1,3
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,3
Parenté (%)	1,4
Consanguinité des parents (%)	1,0
Parentés des parents (%)	1,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	282
Taille efficace (méthode démographique)	5 003

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

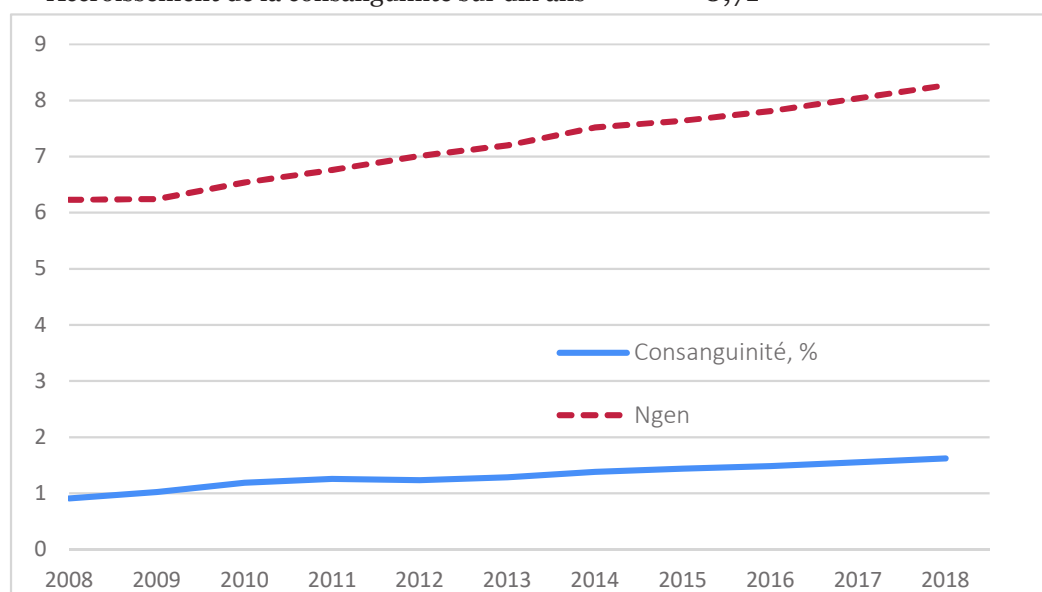
0% de consanguinité	16,9%
entre 0 à 3,125% inclus	76,8%
entre 3,125% à 6,25% inclus	4,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,9%
entre 12,5% à 25% inclus	0,4%
plus de 25%	0,6%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **1,8%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,71



SALERS**Informations démographiques**

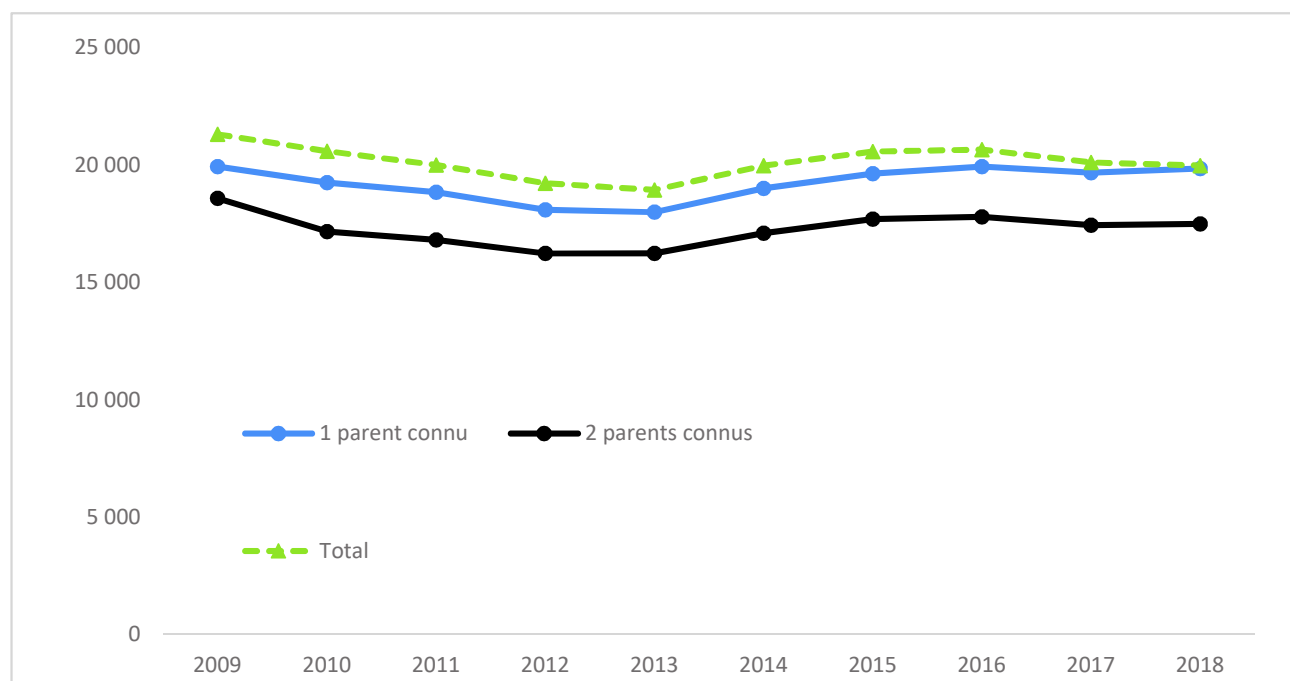
Période de naissance des femelles 2015 -2018

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	81 335	68
Nb pères différents	3 412	65
Nb max de descendants par père	1 752	2
Nb grands-pères paternels différents	1 288	59
Nb max de descendants par GPP	2 110	3
Nb mères différentes	52 776	68
Nb max de descendants par mère	8	1
Nb grands-pères maternels différents	5 549	59
Nb max de descendants par GPM	2 619	4
Nb d'animaux avec deux parents connus	70 432	68

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 87%

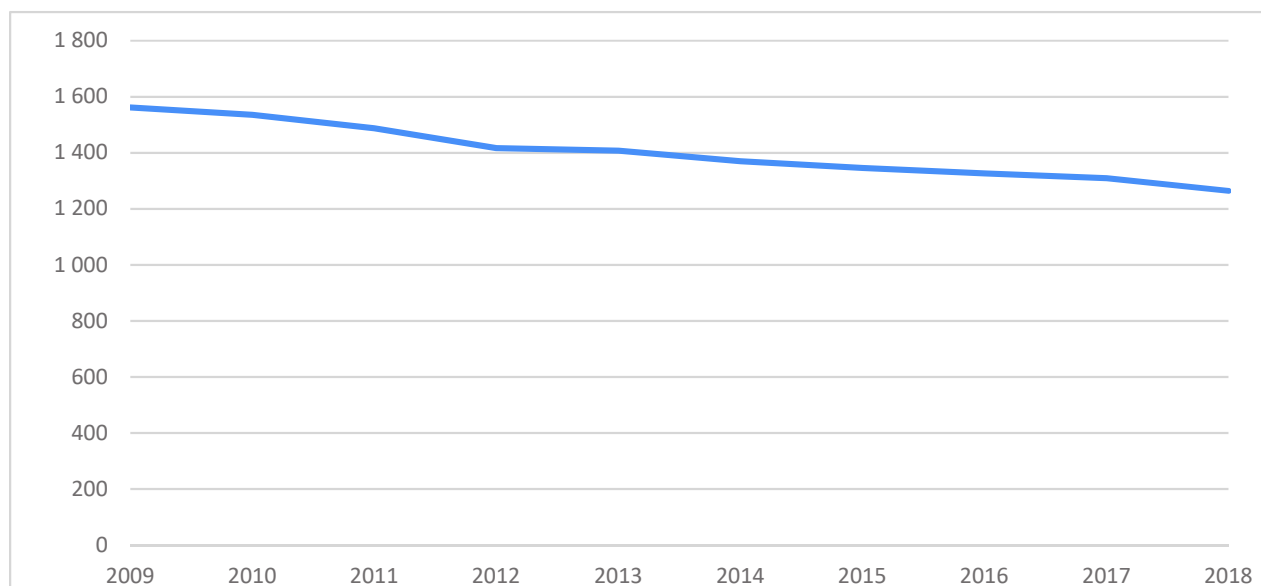
% femelles issues IA 11

Evolution de la population femelle

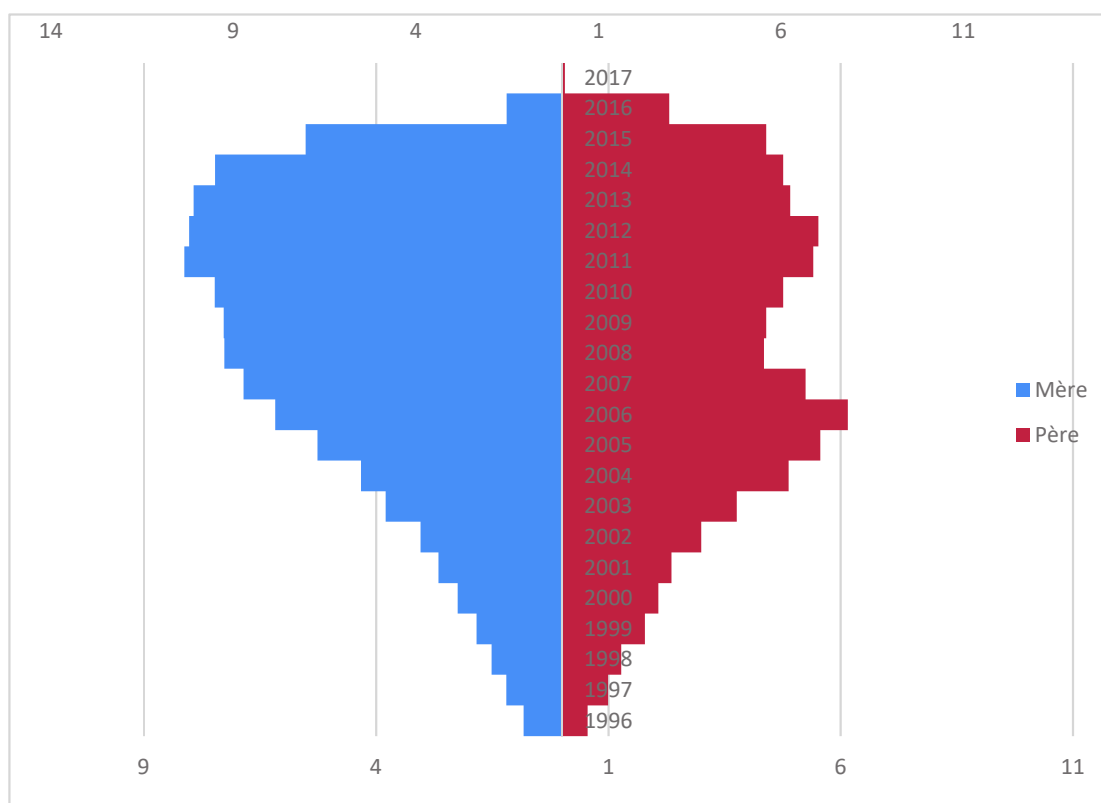
Croissance démographique ●1

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

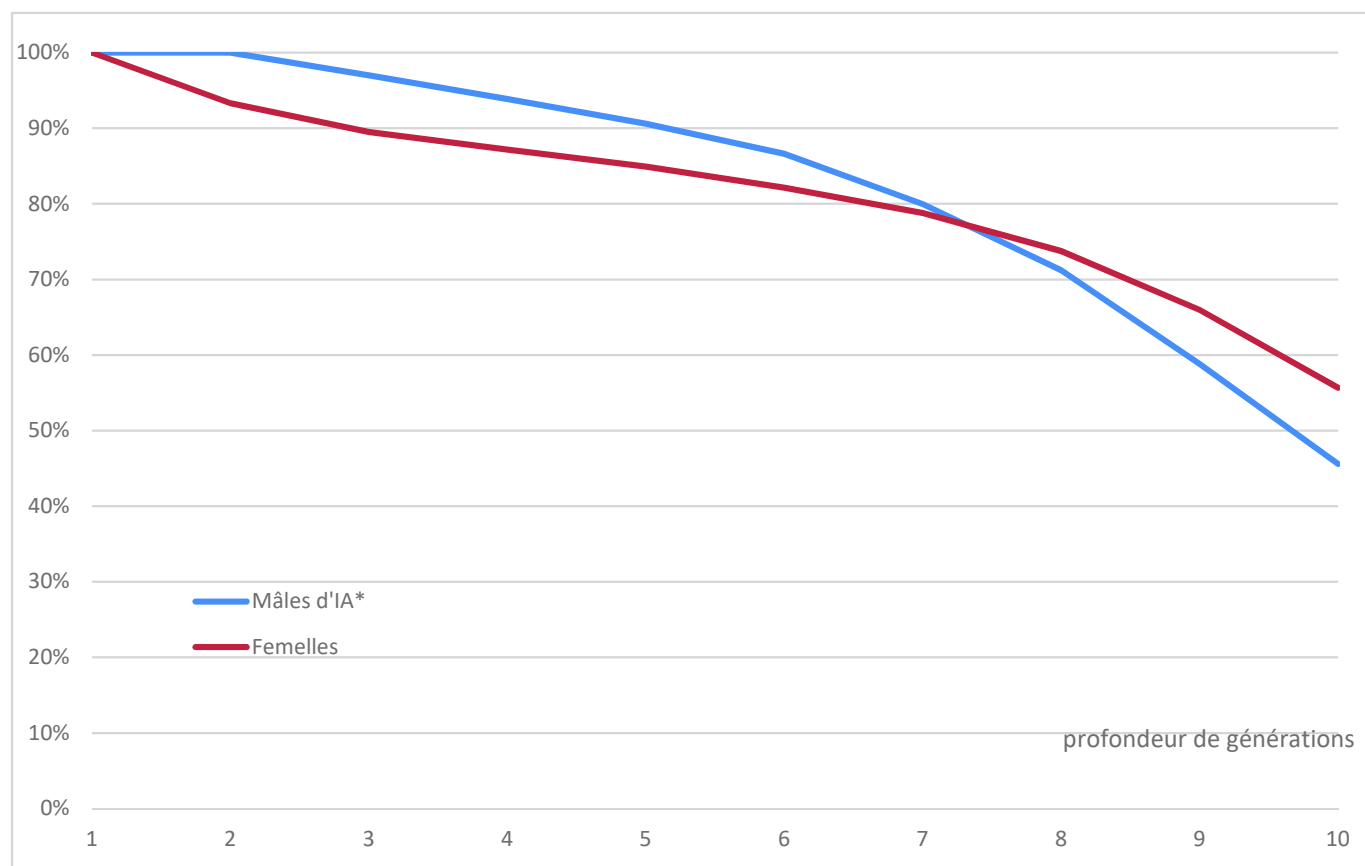
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	5,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	6,7
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	6,1
Moyenne 4 voies	6,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	70 390	68
Nb moyen de générations remontées	9,3	9,0
Nb moyen d'ancêtres connus	13 452	6 906
Nb maximum de générations remontées	25	23

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2015 -2018

Nombre de fondateurs	22 143
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	214
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	108
Ratio Ae/Fe	50,4%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,7%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	45

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR1583004347	UGOLIN	M	1983	4,7%	4,7%	4,7%
2	FR1569034479	SATAN	M	1969	4,2%	3,3%	8,0%
3	FRoSL0015623	IMPASSE	M	1961	3,0%	2,7%	10,7%
4	FR1591041076	GITAN	M	1991	2,5%	2,4%	13,1%
5	FR000001562N	/	M	1961	2,8%	2,3%	15,4%
6	FRoSL0095474	GERARD	M	1959	2,2%	2,1%	17,5%
7	FR1971038000	VAILLANT	M	1971	1,8%	1,6%	19,1%
8	FR1572015869	HERISSON	M	1972	1,5%	1,5%	20,6%
9	FR1575070574	LUPIN	M	1975	1,5%	1,5%	22,1%
10	FR1573026562	IMPASSE 2	M	1973	2,2%	1,4%	23,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	9,3
Consanguinité moyenne (%)	2,8
Consanguinité sur 3 générations (%)	1,0
Parenté (%)	1,3
Consanguinité des parents (%)	2,3
Parentés des parents (%)	0,9
Taille efficace (méthode Cervantès)	379
Taille efficace (méthode démographique)	12 819

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	14,7%
entre 0 à 3,125% inclus	61,8%
entre 3,125% à 6,25% inclus	10,8%
entre 6,25% à 12,5% inclus	7,2%
entre 12,5% à 25% inclus	4,4%
plus de 25%	1,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **12,6%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,69

