

Manech Tête Rousse**Informations démographiques**

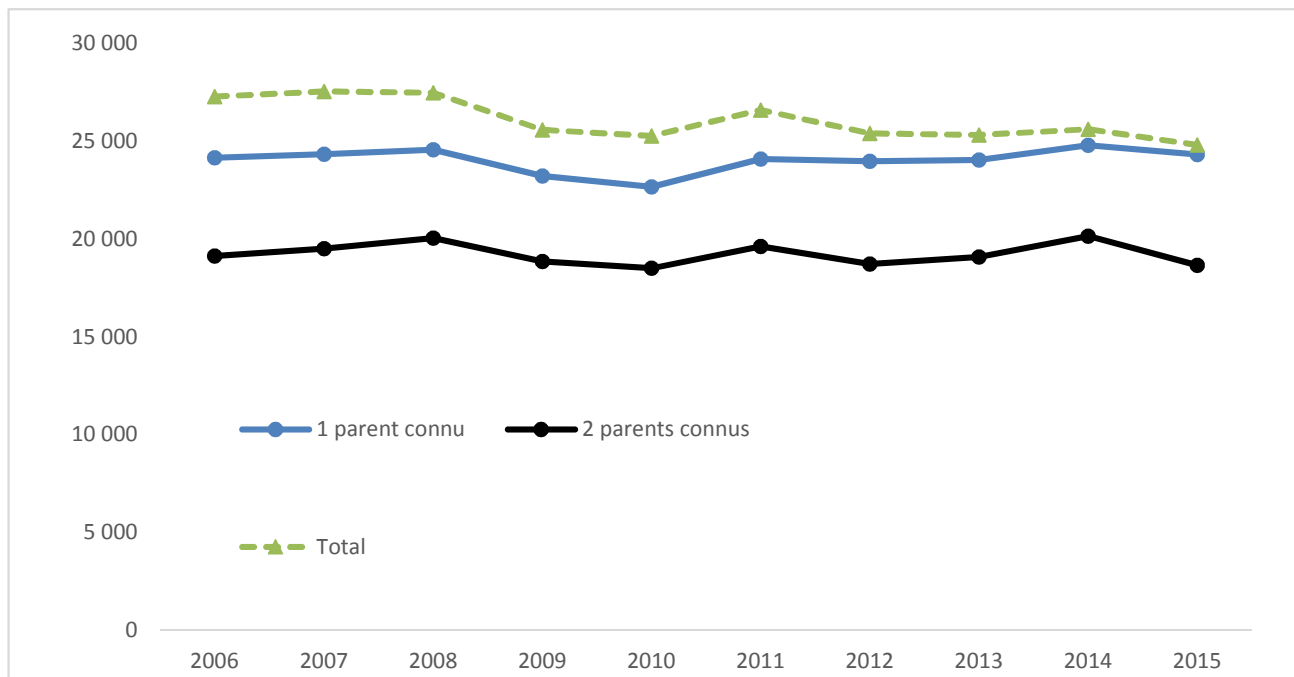
Période de naissance des femelles 2012 -2015

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	97 179	666
Nb pères différents	1 649	124
Nb max de descendants par père	679	32
Nb grands-pères paternels différents	242	72
Nb max de descendants par GPP	5 415	90
Nb mères différentes	61 305	601
Nb max de descendants par mère	8	12
Nb grands-pères maternels différents	2 954	72
Nb max de descendants par GPM	846	23
Nb d'animaux avec deux parents connus	76 666	664

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 76%

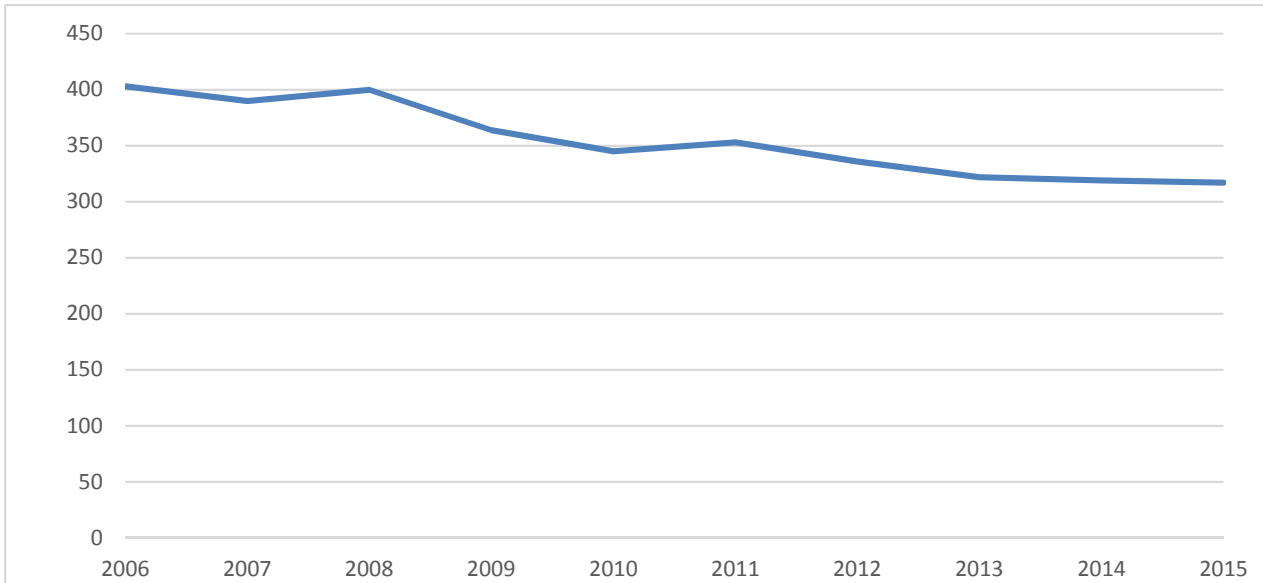
% femelles issues IA 61

Evolution de la population femelle

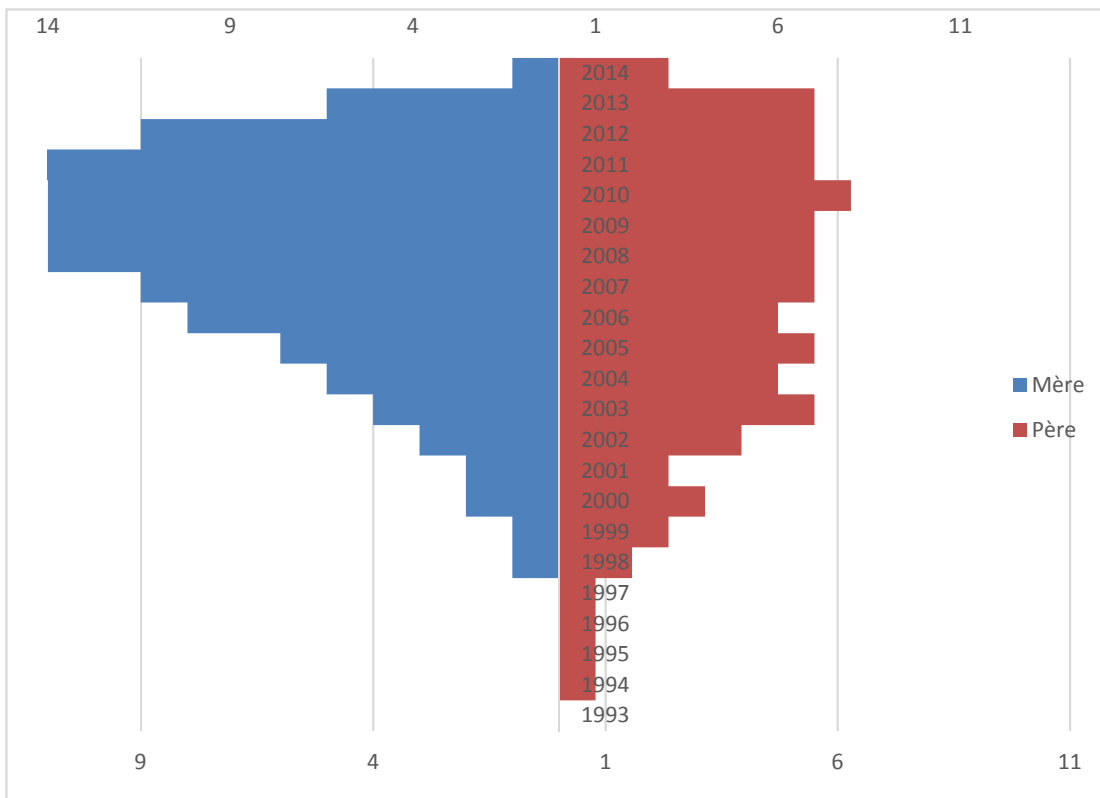
Croissance démographique ●-4

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

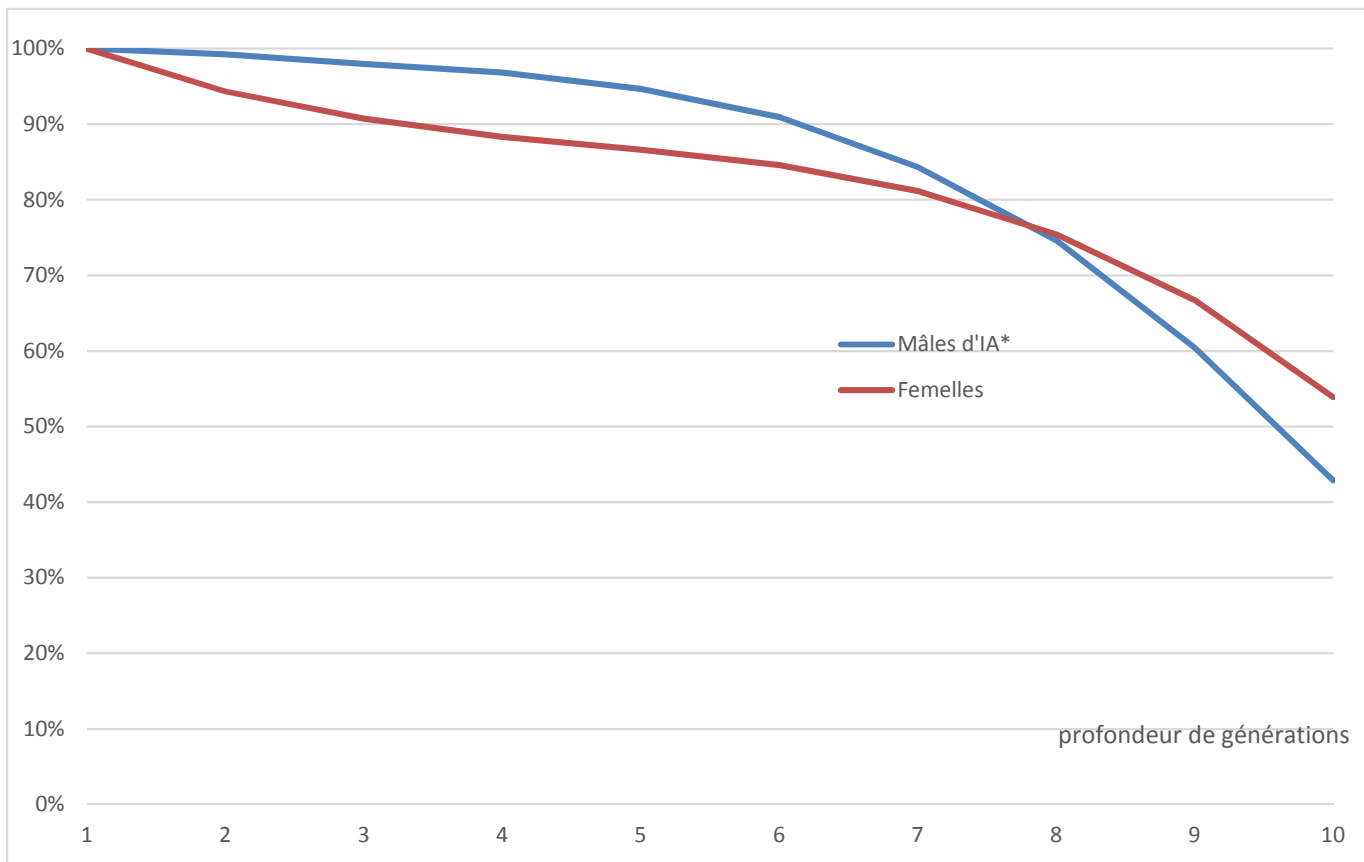
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,2
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,9
Moyenne 4 voies	3,7

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	76 666	664
Nb moyen de générations remontées	9,0	8,9
Nb moyen d'ancêtres connus	5 681	3 131
Nb maximum de générations remontées	25	23

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	28 217
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	159
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	37
Ratio Ae/Fe	23,3%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	10,6%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	15

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	64000713780133		M	1978	10,6%	10,6%	10,6%
2	64000015930519		M	1993	5,8%	5,4%	16,1%
3	64000252950572		M	1995	5,7%	5,4%	21,4%
4	64000015870268		M	1987	4,6%	4,6%	26,0%
5	64000028010308		M	2001	3,7%	3,5%	29,5%
6	64000016890568		M	1989	4,8%	3,1%	32,6%
7	00000778700036		M	1970	4,8%	3,0%	35,6%
8	64000765900312		M	1990	3,1%	2,3%	37,9%
9	64000765870199		M	1987	2,6%	2,2%	40,1%
10	64000323020547		M	2002	4,0%	2,2%	42,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	9,0
Consanguinité moyenne (%)	2,4
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,1
Parenté (%)	2,9
Consanguinité des parents (%)	1,9
Parentés des parents (%)	1,9
Taille efficace (méthode Cervantès)	154
Taille efficace (méthode démographique)	6 423

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	11,0%
entre 0 à 3,125% inclus	63,9%
entre 3,125% à 6,25% inclus	23,9%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,9%
entre 12,5% à 25% inclus	0,2%
plus de 25%	0,1%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité 1,2%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,88

