

Manech Tête Noire**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2012 -2015

Femelles

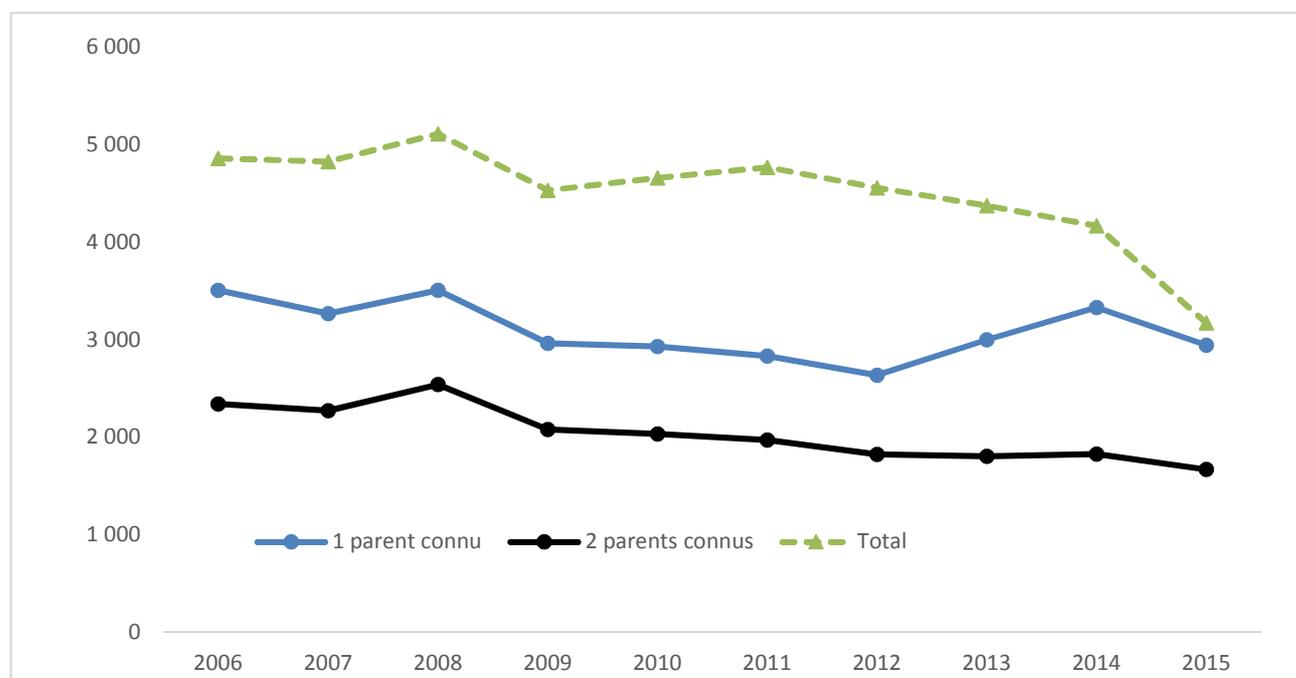
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	11 913	152
Nb pères différents	269	35
Nb max de descendants par père	165	22
Nb grands-pères paternels différents	65	22
Nb max de descendants par GPP	1 089	36
Nb mères différentes	8 429	143
Nb max de descendants par mère	6	3
Nb grands-pères maternels différents	488	22
Nb max de descendants par GPM	181	7
Nb d'animaux avec deux parents connus	7 131	152

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 44%

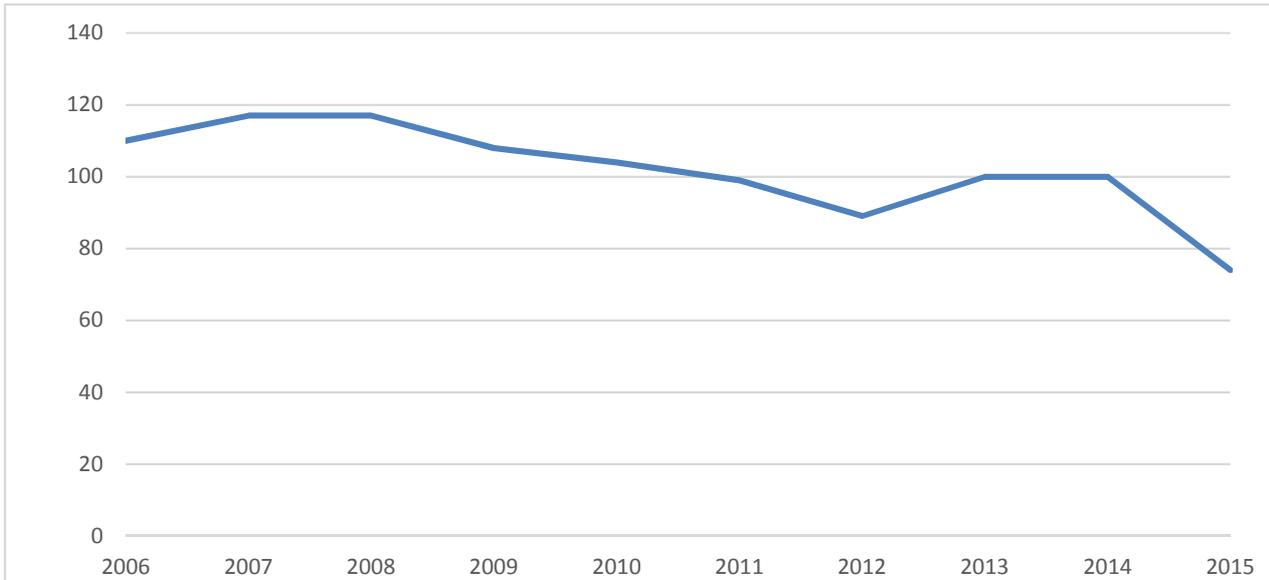
% femelles issues IA 48

Evolution de la population femelle

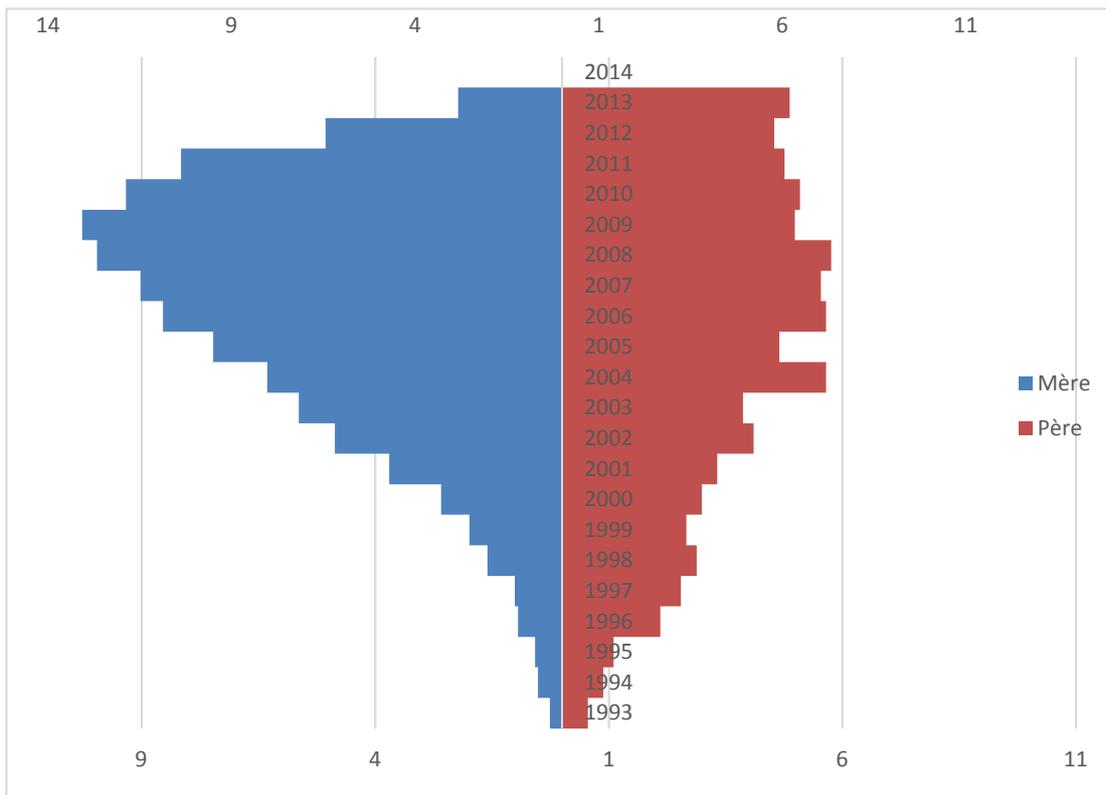
Croissance démographique ●-12

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

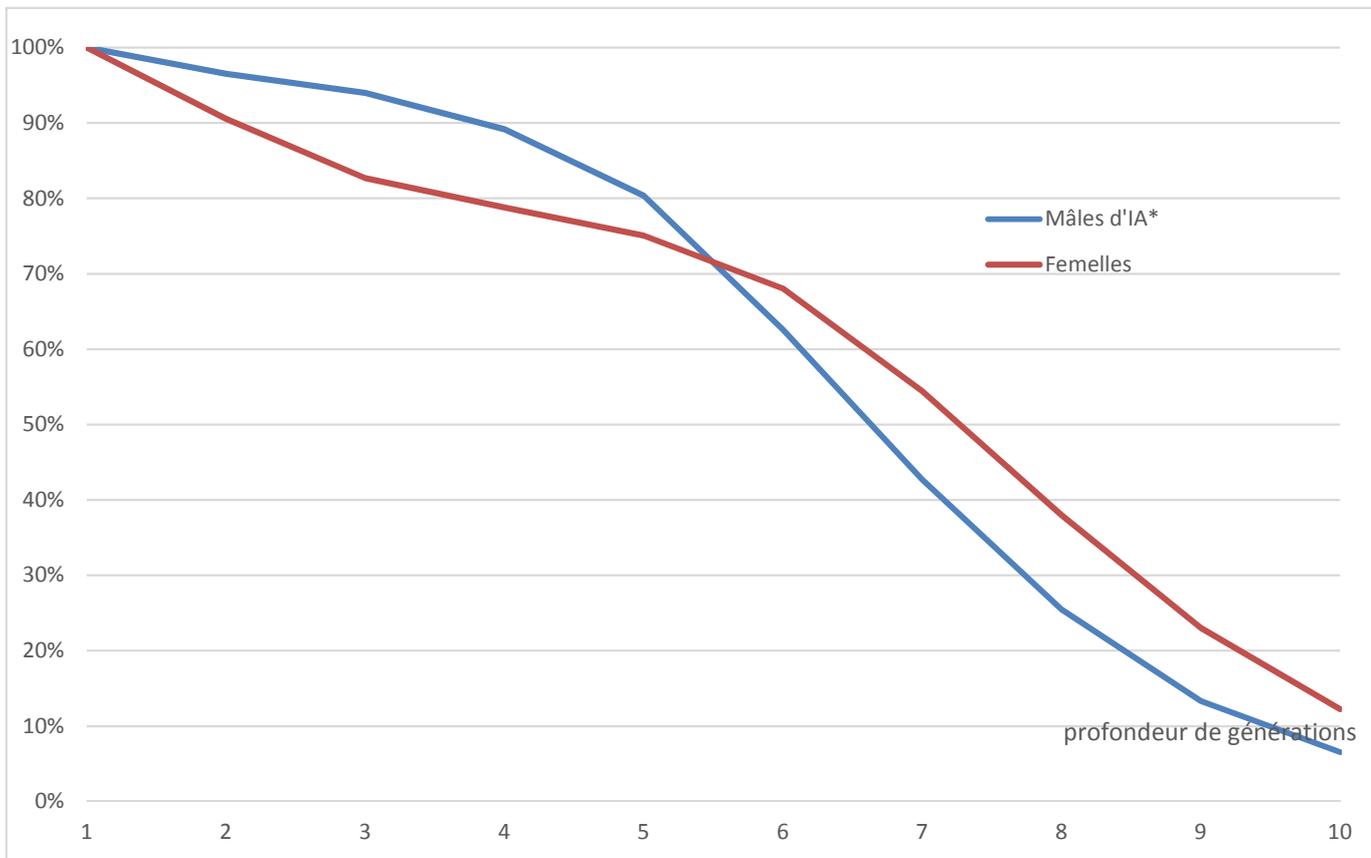
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	6,0
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,6
Moyenne 4 voies	4,6

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	7 131	152
Nb moyen de générations remontées	6,3	6,2
Nb moyen d'ancêtres connus	919	501
Nb maximum de générations remontées	19	17

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	5 826
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	80
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	27
Ratio Ae/Fe	33,3%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	13,4%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	10

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	64000739790006		M	1979	13,4%	13,4%	13,4%
2	64000050830010		M	1983	7,1%	7,1%	20,5%
3	64000050810026		F	1981	6,8%	6,8%	27,2%
4	64000071820008		M	1982	5,1%	5,1%	32,4%
5	64000170910243		M	1991	8,5%	4,3%	36,6%
6	64000165010107		M	2001	6,9%	3,8%	40,4%
7	64000702940268		M	1994	6,6%	3,3%	43,7%
8	64000746040726		M	2004	5,5%	3,0%	46,7%
9	64000071860036		M	1986	3,0%	2,1%	48,9%
10	64000196010168		M	2001	3,9%	1,6%	50,4%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,3
Consanguinité moyenne (%)	2,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	3,8
Consanguinité des parents (%)	1,7
Parentés des parents (%)	1,6
Taille efficace (méthode Cervantès)	83
Taille efficace (méthode démographique)	1 043

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	16,6%
entre 0 à 3,125% inclus	36,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	43,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	3,6%
entre 12,5% à 25% inclus	0,3%
plus de 25%	0,1%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	3,9%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,33

