

Corse**Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2012 -2015

Femelles

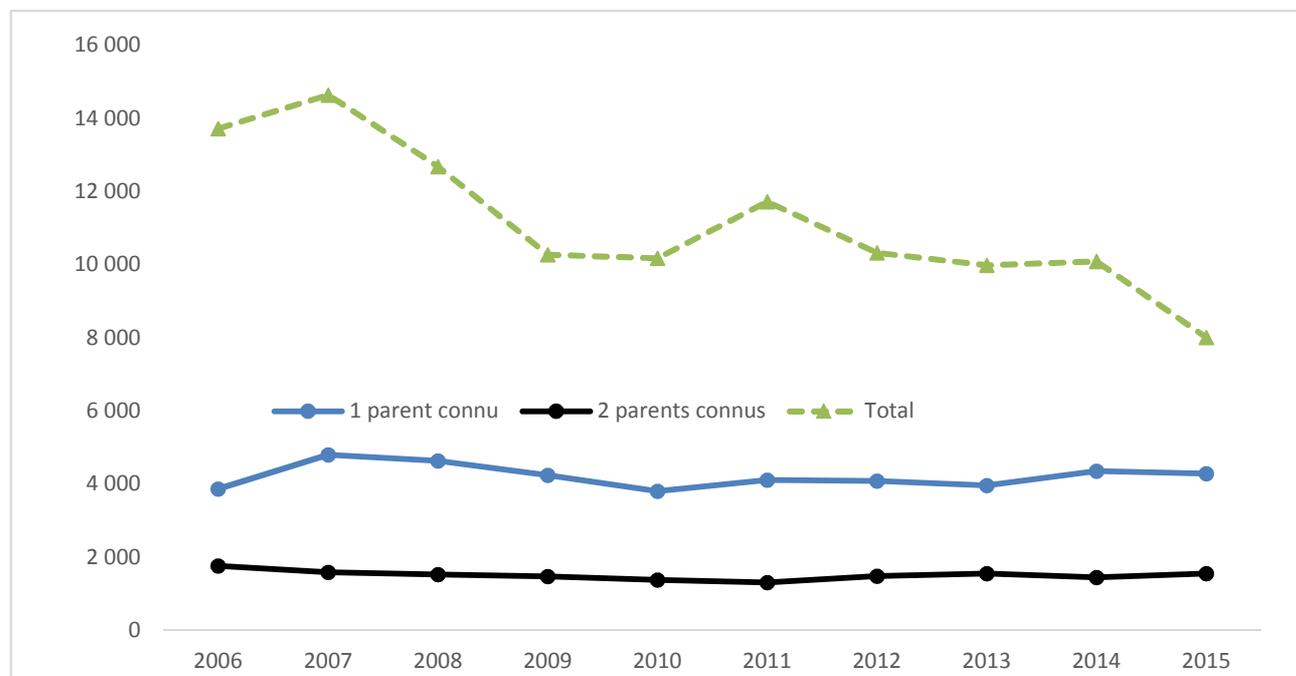
Mâles d'IA*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	16 664	113
Nb pères différents	141	37
Nb max de descendants par père	203	11
Nb grands-pères paternels différents	43	27
Nb max de descendants par GPP	472	11
Nb mères différentes	11 702	110
Nb max de descendants par mère	6	2
Nb grands-pères maternels différents	350	27
Nb max de descendants par GPM	161	6
Nb d'animaux avec deux parents connus	6 018	113

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 16%

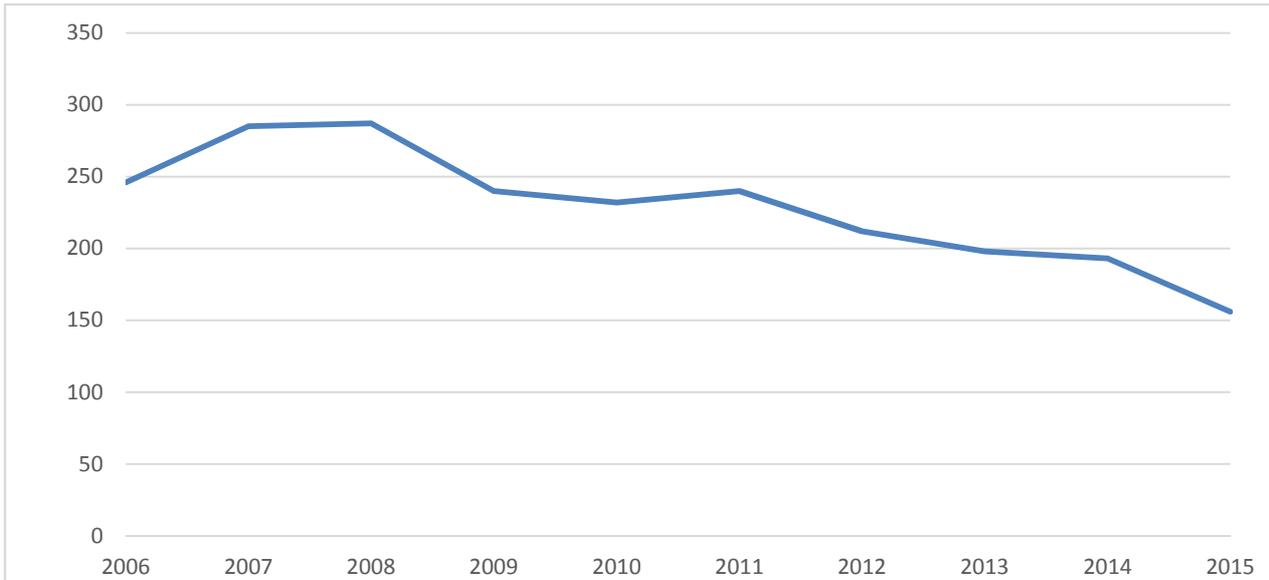
% femelles issues IA 32

Evolution de la population femelle

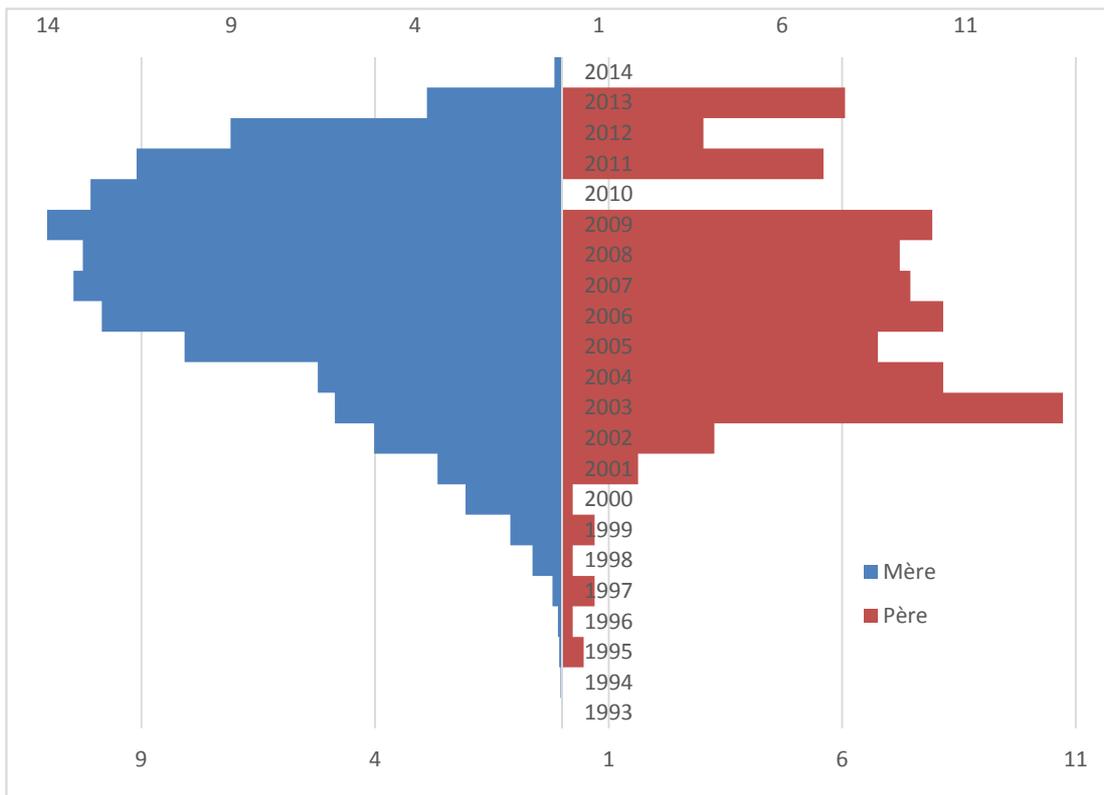
Croissance démographique ●-18

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

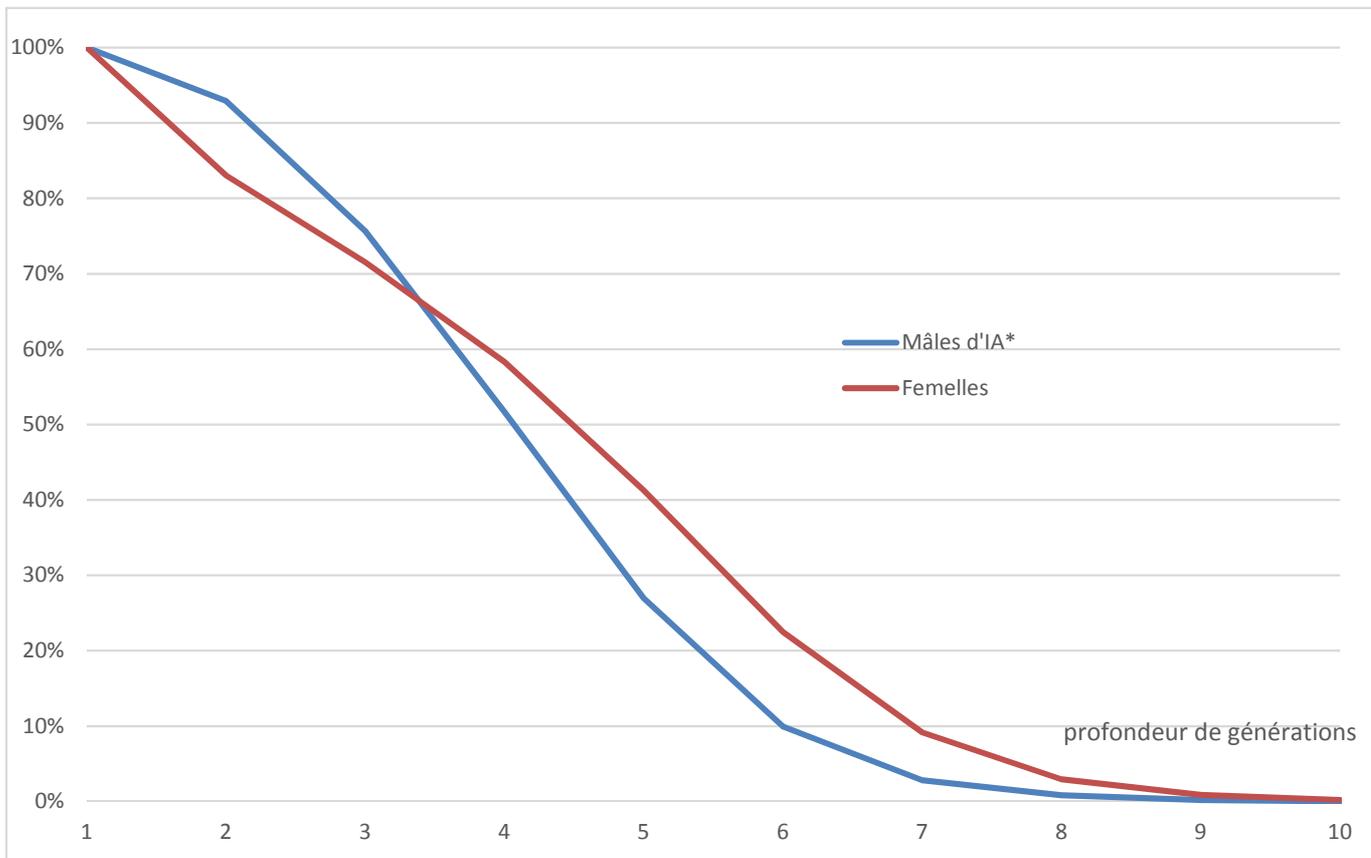
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	4,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,4
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	5,4
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	7,2
Moyenne 4 voies	5,2

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	6 018	113
Nb moyen de générations remontées	3,9	3,6
Nb moyen d'ancêtres connus	75	42
Nb maximum de générations remontées	14	11

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	7 030
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	239
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	94
Ratio Ae/Fe	39,3%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	4,2%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	38

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	20000399050292		M	2005	4,2%	4,2%	4,2%
2	20000399940069		M	1994	3,7%	3,7%	7,9%
3	21017260236		M	2006	3,7%	3,4%	11,3%
4	21033473664		M	2007	3,3%	3,1%	14,4%
5	20000399030114		M	2003	2,6%	2,6%	16,9%
6	20000399970042		M	1997	2,3%	2,3%	19,2%
7	20000399970027		M	1997	2,6%	2,2%	21,4%
8	20000399990009		M	1999	2,2%	2,2%	23,5%
9	20000399970044		M	1997	2,8%	1,9%	25,4%
10	20000399030124		M	2003	1,8%	1,8%	27,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	3,9
Consanguinité moyenne (%)	0,3
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,0
Parenté (%)	1,0
Consanguinité des parents (%)	0,1
Parentés des parents (%)	0,1
Taille efficace (méthode Cervantès)	192
Taille efficace (méthode démographique)	557

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	68,0%
entre 0 à 3,125% inclus	31,3%
entre 3,125% à 6,25% inclus	0,6%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,1%
entre 12,5% à 25% inclus	0,0%
plus de 25%	0,0%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	0,1%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,21

