

Lacaune lait**Informations démographiques**

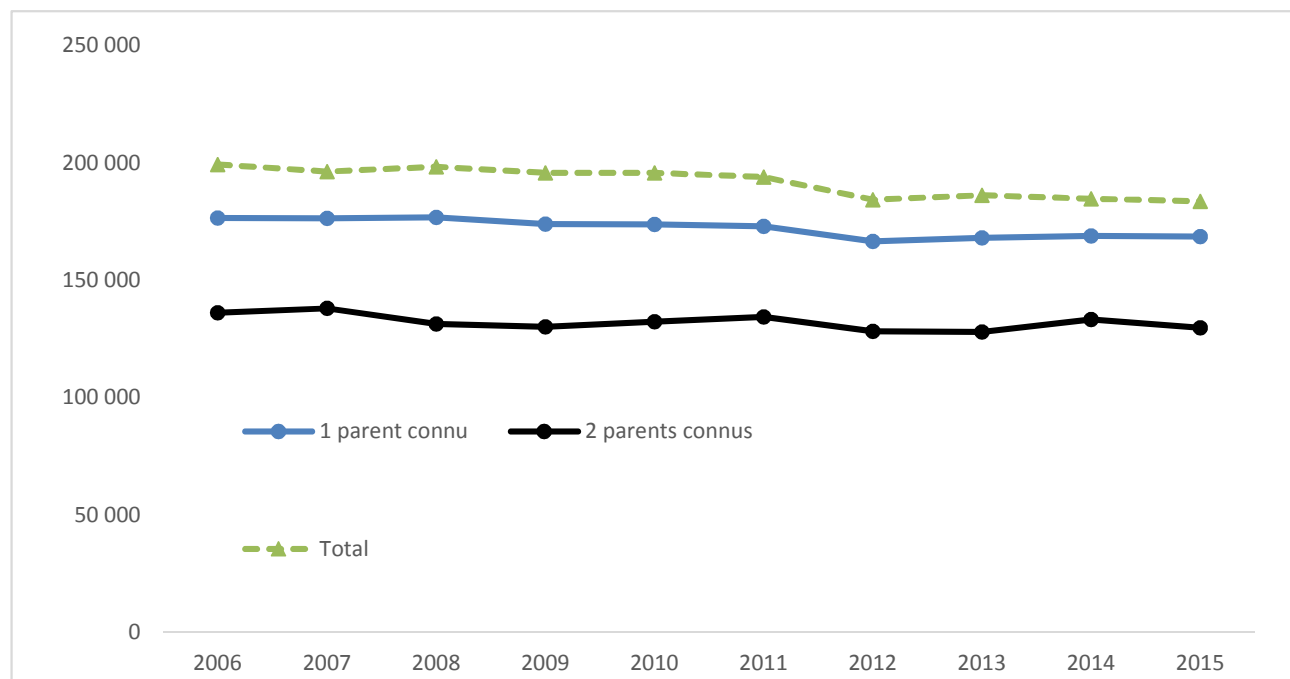
Période de naissance des femelles 2012 -2015

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	672 145	2 101
Nb pères différents	2 879	332
Nb max de descendants par père	2 693	36
Nb grands-pères paternels différents	413	195
Nb max de descendants par GPP	13 957	44
Nb mères différentes	415 065	1 921
Nb max de descendants par mère	15	3
Nb grands-pères maternels différents	5 976	195
Nb max de descendants par GPM	2 780	46
Nb d'animaux avec deux parents connus	519 353	2 068

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 70%

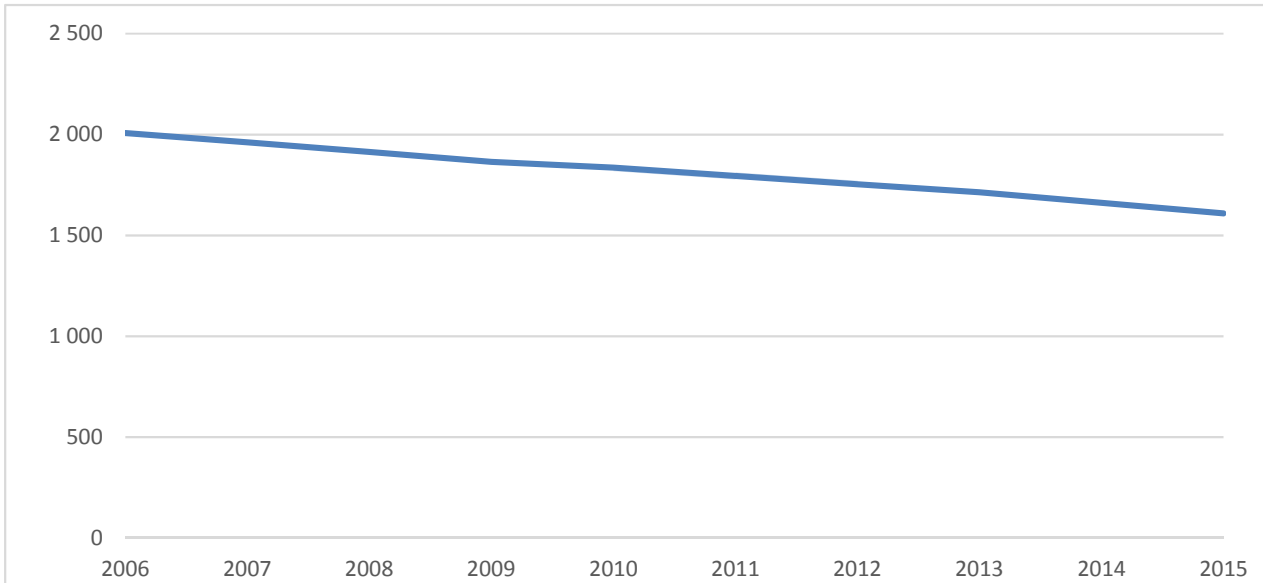
% femelles issues IA 74

Evolution de la population femelle

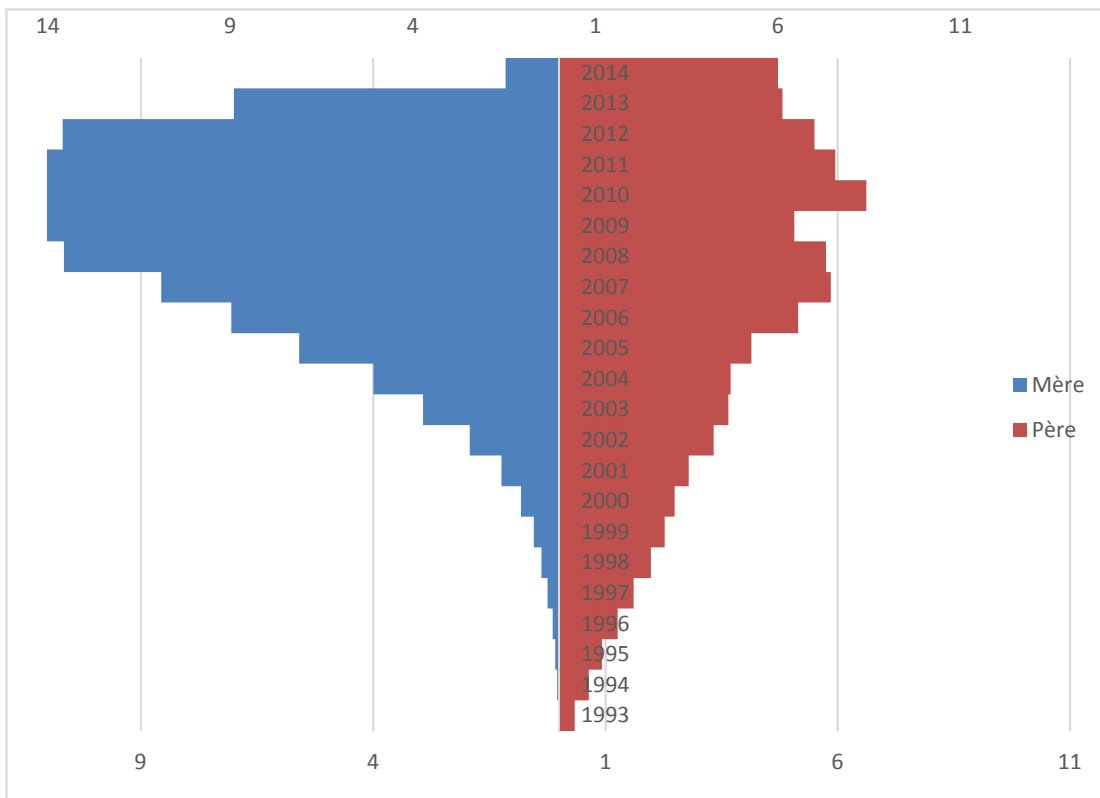
Croissance démographique ●-5

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

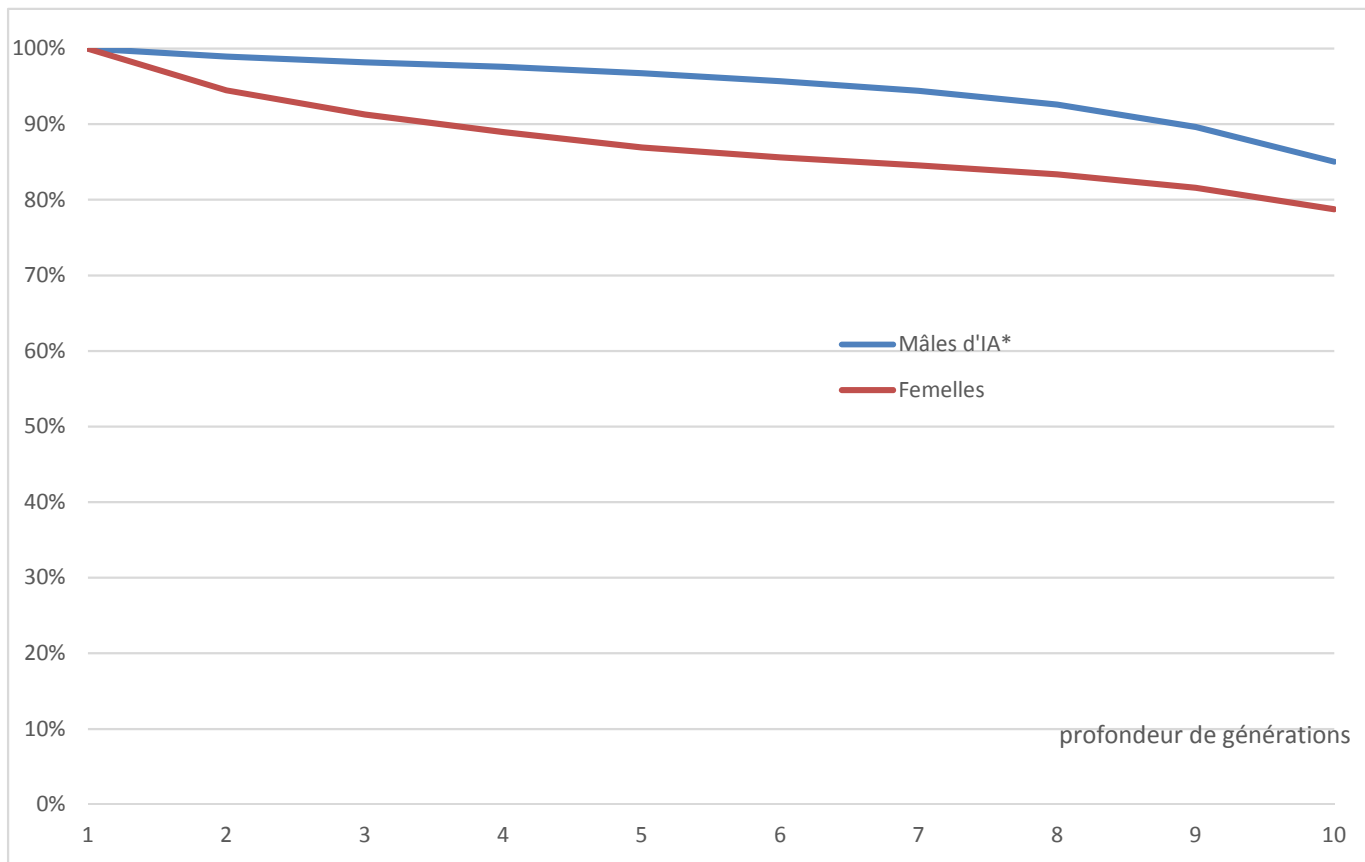
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,2
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,8
Moyenne 4 voies	3,6

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	519 353	2 068
Nb moyen de générations remontées	11,8	12,2
Nb moyen d'ancêtres connus	65 254	42 700
Nb maximum de générations remontées	31	29

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	188 263
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	174
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	69
Ratio Ae/Fe	39,5%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	6,6%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	30

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	00000018650008		M	1965	6,6%	6,6%	6,6%
2	00000123620032		M	1962	5,4%	5,4%	12,0%
3	00000003610064		M	1961	3,4%	3,4%	15,3%
4	00000128700080		M	1970	2,7%	2,7%	18,0%
5	12000263780555		M	1978	2,8%	2,2%	20,2%
6	00000040730152		M	1973	3,8%	2,2%	22,4%
7	81000187920218		M	1992	2,5%	2,0%	24,4%
8	12000185770502		M	1977	2,1%	1,9%	26,2%
9	12000040770451		M	1977	2,5%	1,7%	27,9%
10	12000040890205		M	1989	2,4%	1,6%	29,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	11,8
Consanguinité moyenne (%)	2,2
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,1
Parenté (%)	1,8
Consanguinité des parents (%)	1,7
Parentés des parents (%)	1,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	336
Taille efficace (méthode démographique)	11 437

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	11,1%
entre 0 à 3,125% inclus	66,8%
entre 3,125% à 6,25% inclus	21,3%
entre 6,25% à 12,5% inclus	0,6%
entre 12,5% à 25% inclus	0,1%
plus de 25%	0,0%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	0,8%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,95

