

NORMANDE**Informations démographiques**

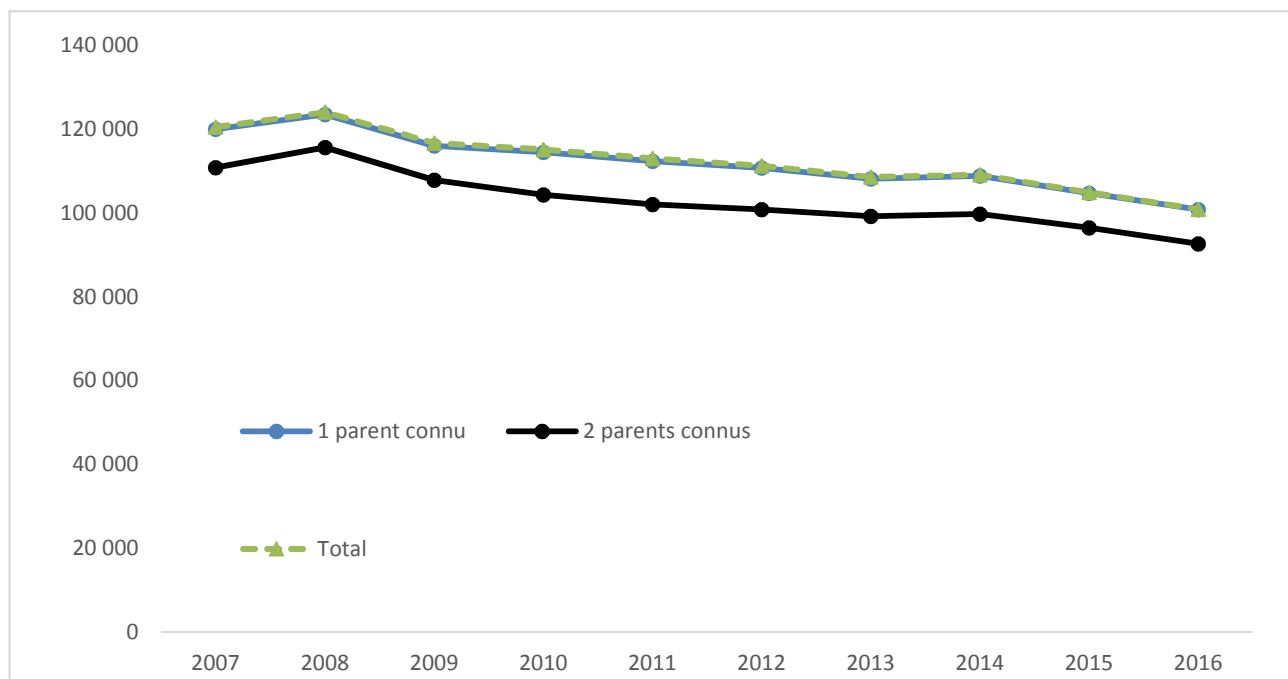
Période de naissance des femelles 2013 -2016

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	423 835	777
Nb pères différents	1 547	252
Nb max de descendants par père	10 901	31
Nb grands-pères paternels différents	369	117
Nb max de descendants par GPP	34 824	45
Nb mères différentes	303 530	698
Nb max de descendants par mère	22	4
Nb grands-pères maternels différents	3 170	117
Nb max de descendants par GPM	17 540	42
Nb d'animaux avec deux parents connus	388 330	777

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 92%

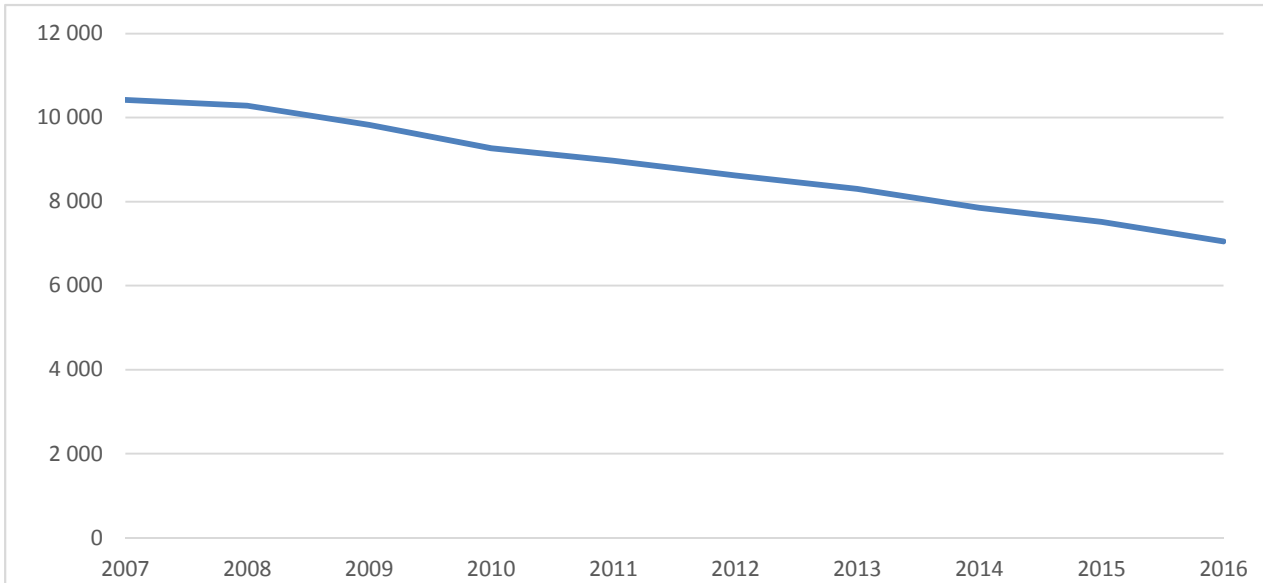
% femelles issues IA 90

Evolution de la population femelle

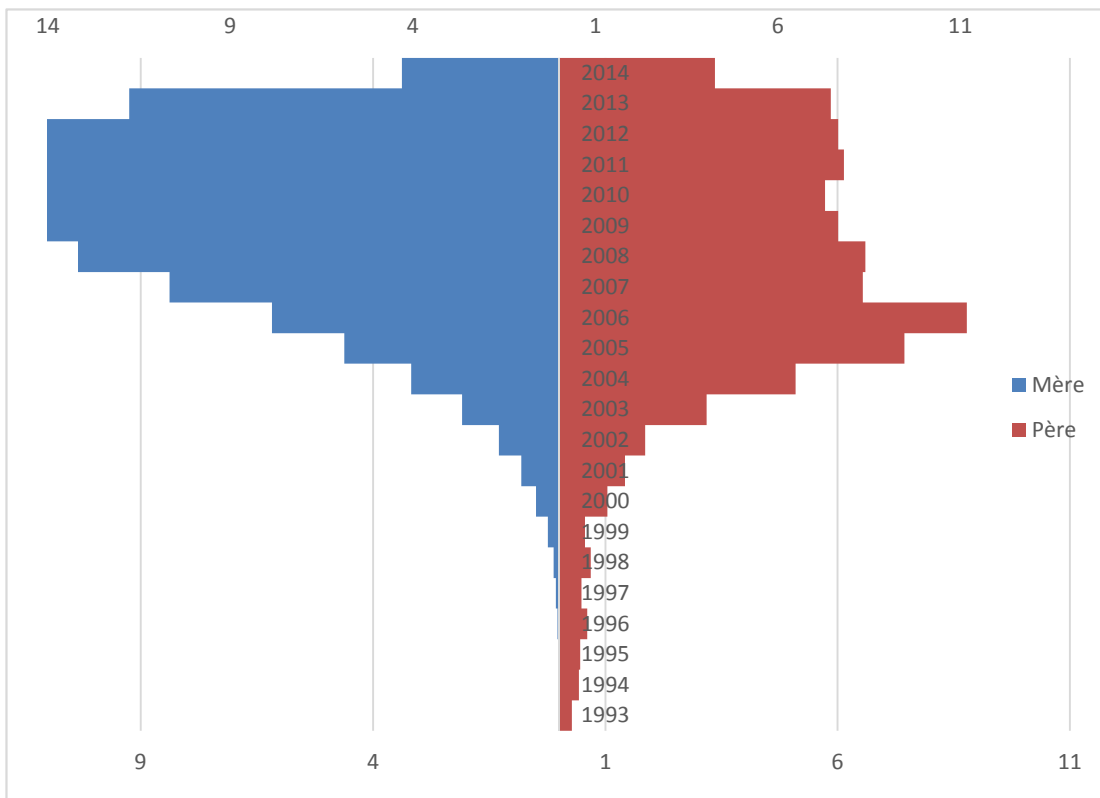
Croissance démographique ●-9

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

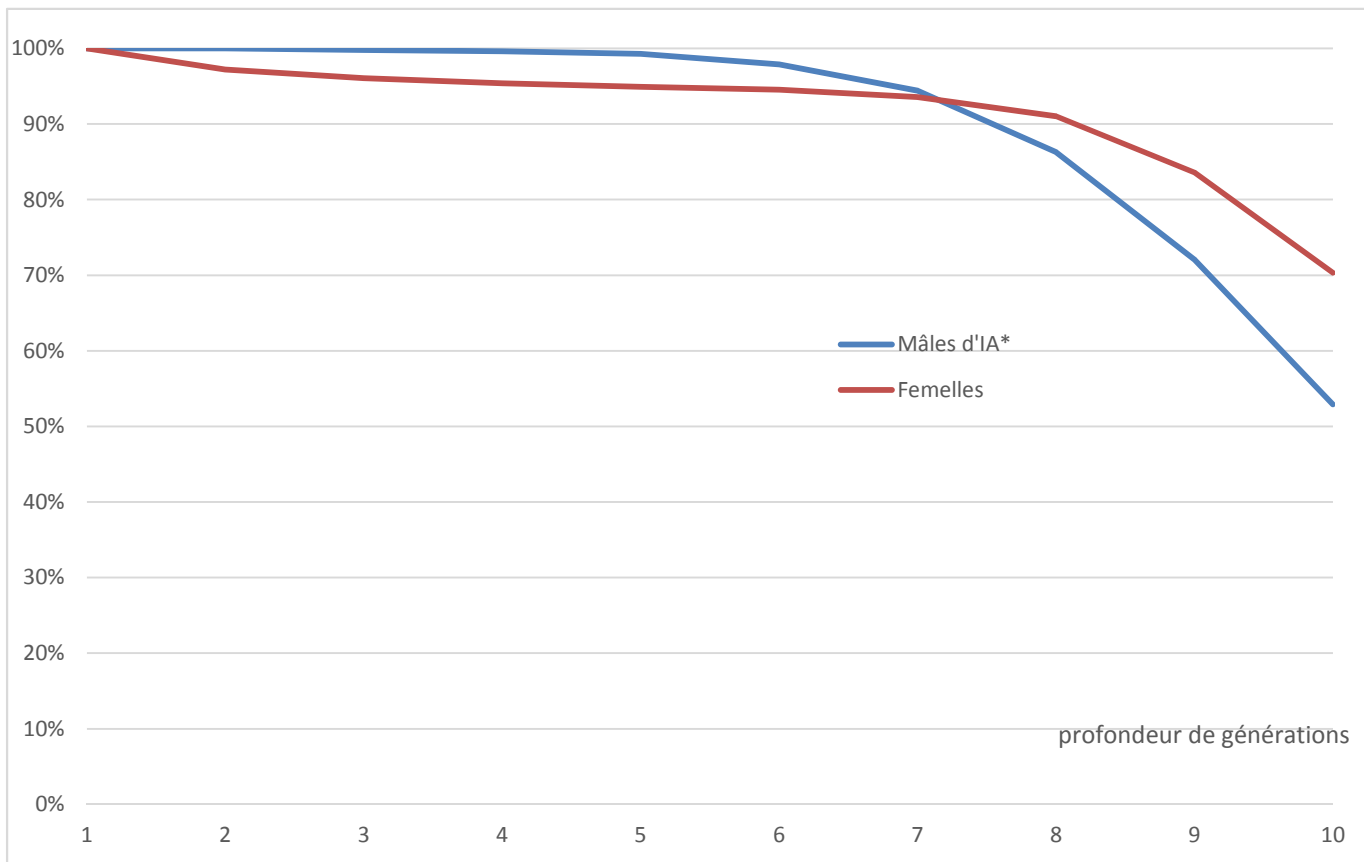
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	7,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	7,3
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,4
Moyenne 4 voies	6,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	387 812	777
Nb moyen de générations remontées	10,2	9,5
Nb moyen d'ancêtres connus	6 153	3 327
Nb maximum de générations remontées	28	21

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2013 -2016

Nombre de fondateurs	109 410
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	80
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	21
Ratio Ae/Fe	26,5%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	12,5%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	8

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR7279014430	PARAMETRE	M	1979	12,5%	12,5%	12,5%
2	FR0194556P23	NICK	M	1961	9,9%	8,3%	20,8%
3	FR0245645L28	NEUILLY	M	1958	8,6%	7,1%	27,9%
4	FR6185008014	ARMENIA	M	1985	6,3%	6,3%	34,1%
5	FR6184008946	VALABRI	M	1984	7,7%	5,8%	39,9%
6	FR5389014161	ELIXIR	M	1989	5,5%	4,7%	44,7%
7	FR6173002201	IGUATU	M	1973	6,0%	4,4%	49,0%
8	FR5382025737	TUNISIE	F	1982	5,6%	4,0%	53,1%
9	FR4484034157	VODENA	M	1984	5,6%	3,7%	56,7%
10	FR2290023403	FOIX	M	1990	4,2%	3,6%	60,3%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	10,2
Consanguinité moyenne (%)	4,9
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,2
Parenté (%)	5,8
Consanguinité des parents (%)	4,3
Parentés des parents (%)	4,8
Taille efficace (méthode Cervantès)	85
Taille efficace (méthode démographique)	6 157

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	4,7%
entre 0 à 3,125% inclus	11,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	64,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	19,7%
entre 12,5% à 25% inclus	0,2%
plus de 25%	0,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **19,9%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

1,27

