

Provençale**Informations démographiques**

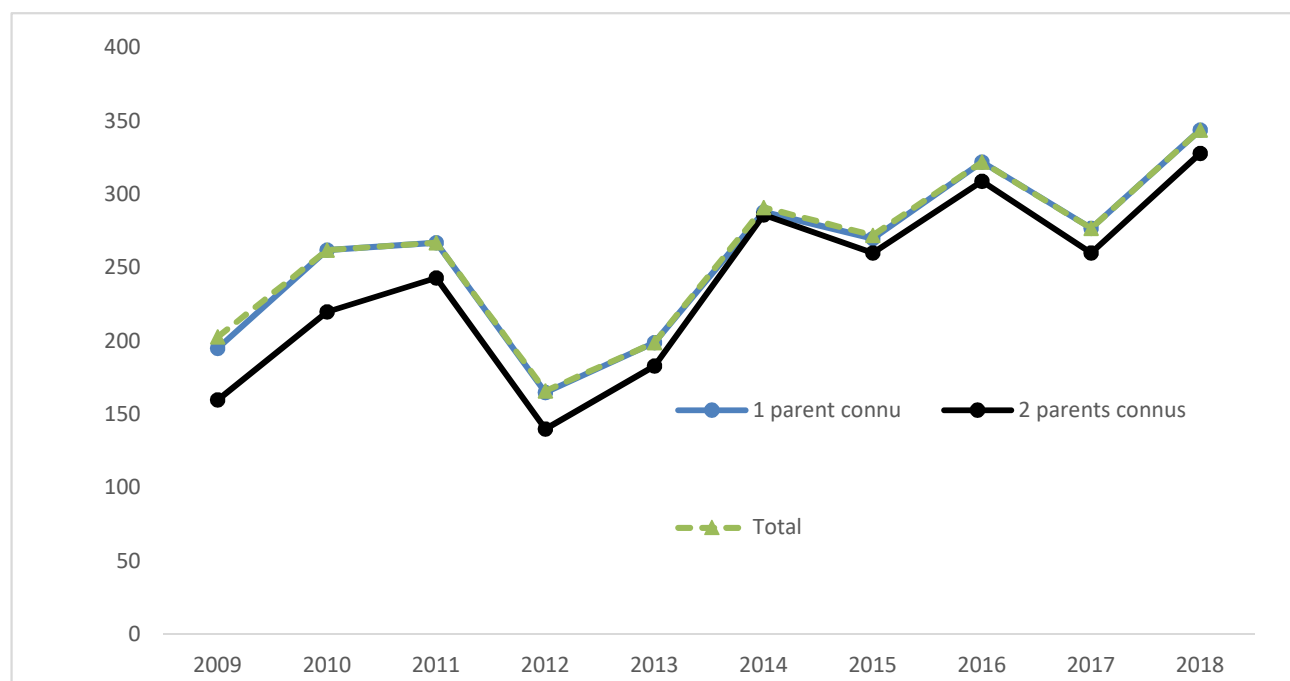
Période de naissance des femelles 2015 -2018

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	1 213	2
Nb pères différents	95	2
Nb max de descendants par père	64	1
Nb grands-pères paternels différents	44	2
Nb max de descendants par GPP	118	1
Nb mères différentes	721	2
Nb max de descendants par mère	7	1
Nb grands-pères maternels différents	109	2
Nb max de descendants par GPM	65	1
Nb d'animaux avec deux parents connus	1 157	2

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 95%

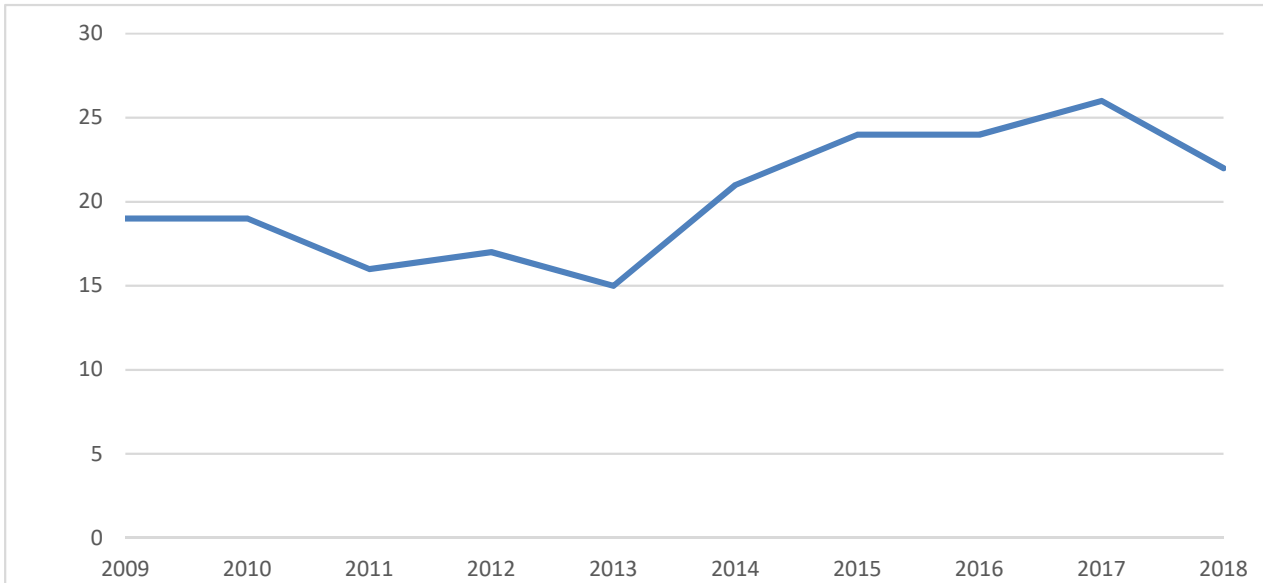
% femelles issues IA 2

Evolution de la population femelle

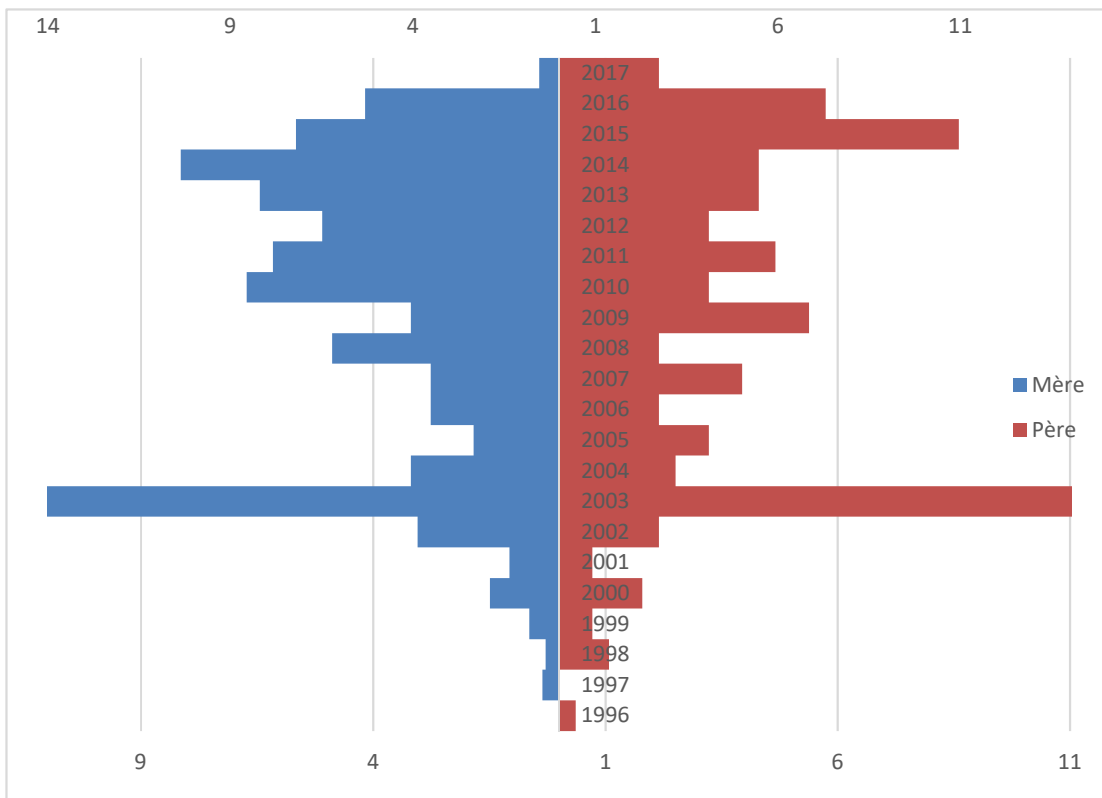
Croissance démographique ● 37

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

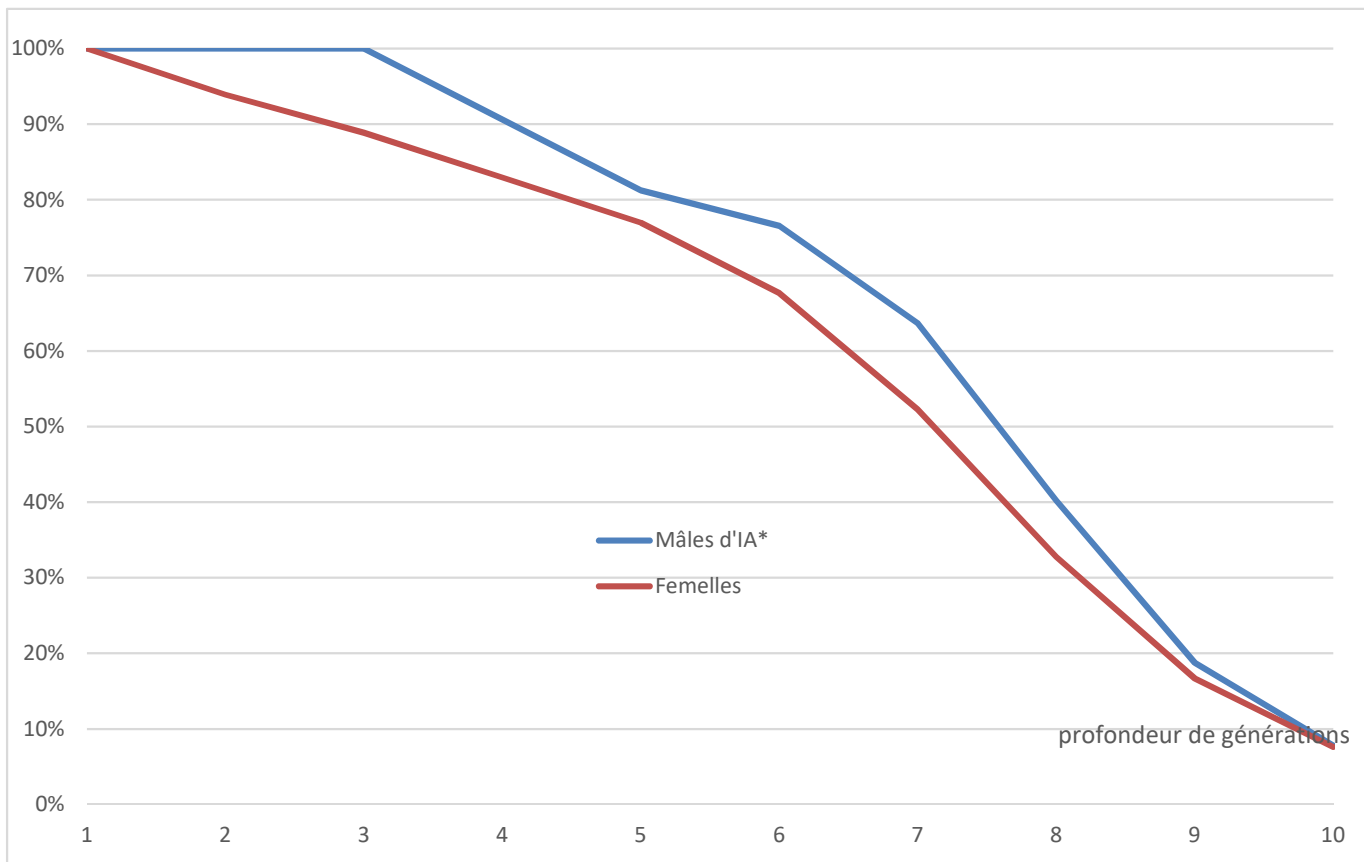
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,2
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,0
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,8
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,4
Moyenne 4 voies	3,9

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	1 157	2
Nb moyen de générations remontées	6,2	6,8
Nb moyen d'ancêtres connus	513	546
Nb maximum de générations remontées	15	13

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2015 -2018

Nombre de fondateurs	319
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	40
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	22
Ratio Ae/Fe	56,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	13,1%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	8

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	0450792014	HASCHICH	M	1992	13,1%	13,1%	13,1%
2	0450700900	RONALDO	M	2000	9,6%	8,4%	21,5%
3	0446494016	JOSELOU	M	1994	6,9%	6,9%	28,4%
4	0440496101	MALBORO	M	1996	7,1%	5,4%	33,8%
5	0414406500	CABRIMgr	M	2006	5,3%	5,1%	38,9%
6	0440401023	S'TELLE	M	2001	5,1%	4,4%	43,3%
7	0412207500	CADILLAC	M	2007	5,7%	3,6%	46,9%
8	12092100243	FROBELIX	M	2010	4,3%	3,3%	50,2%
9	0446087001	CHERIE	F	1987	5,6%	2,7%	52,9%
10	0446088005	DOLLY	F	1988	2,8%	2,7%	55,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	6,2
Consanguinité moyenne (%)	4,7
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,8
Parenté (%)	5,1
Consanguinité des parents (%)	4,0
Parentés des parents (%)	4,1
Taille efficace (méthode Cervantès)	62
Taille efficace (méthode démographique)	336

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

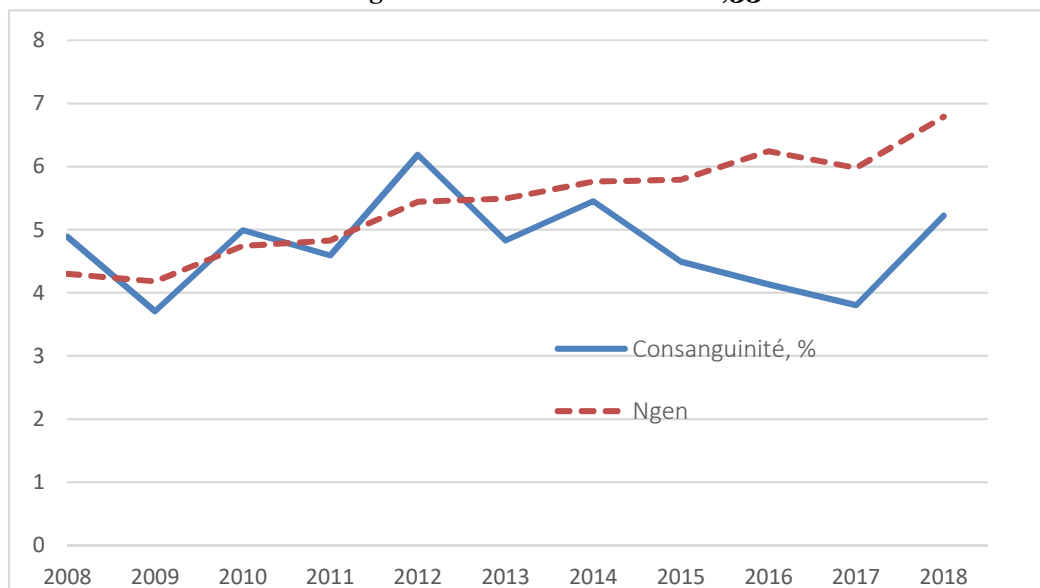
0% de consanguinité	11,0%
entre 0 à 3,125% inclus	30,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	39,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	14,0%
entre 12,5% à 25% inclus	2,8%
plus de 25%	3,0%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **19,7%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

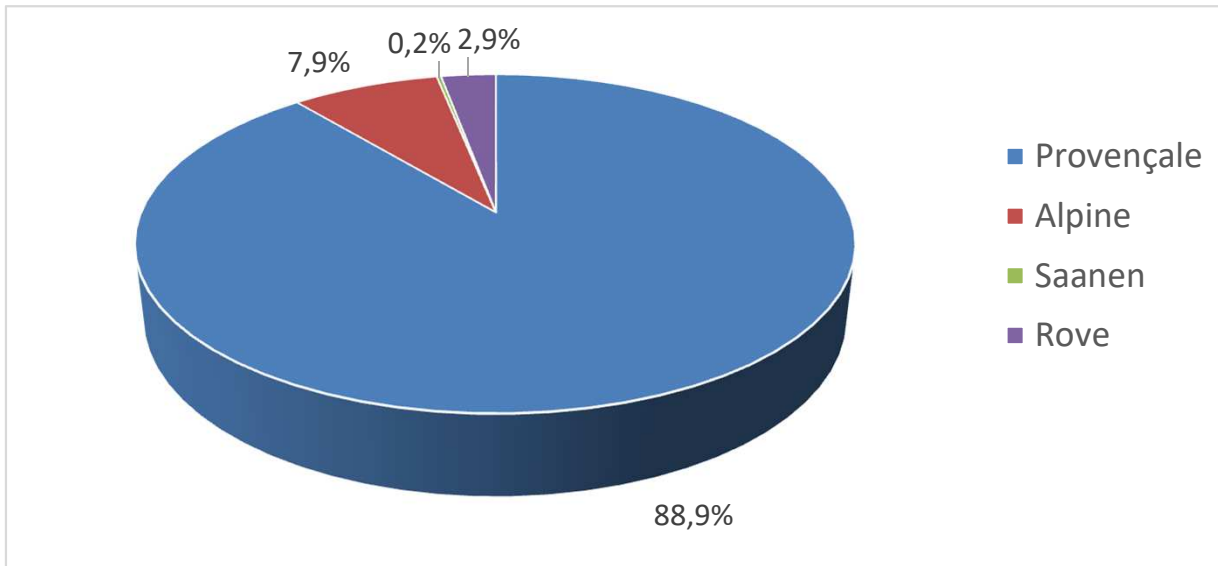
Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,33



Gènes étrangers

Composition de la population femelle
2015 -2018



Evolution des gènes étrangers (population femelle)

