

Provençale**Informations démographiques**

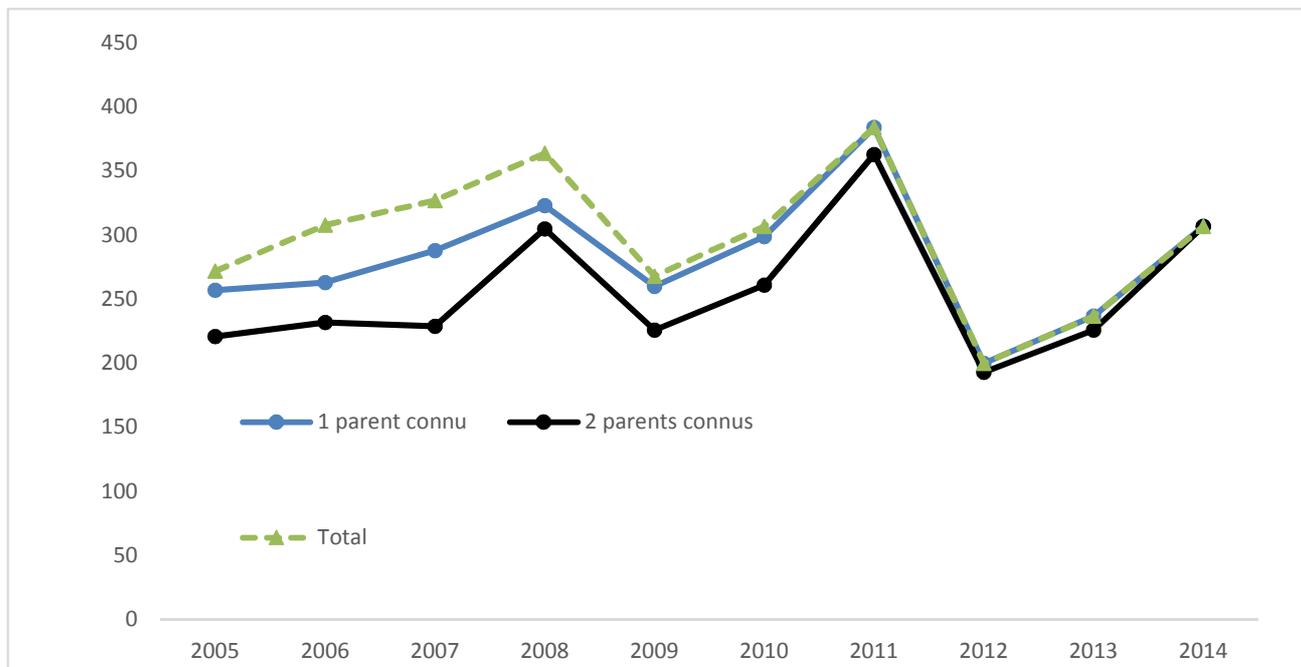
Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	946
Nb pères différents	64
Nb max de descendants par père	78
Nb grands-pères paternels différents	31
Nb max de descendants par GPP	117
Nb mères différentes	557
Nb max de descendants par mère	7
Nb grands-pères maternels différents	81
Nb max de descendants par GPM	63
Nb d'animaux avec deux parents connus	908

* père des femelles

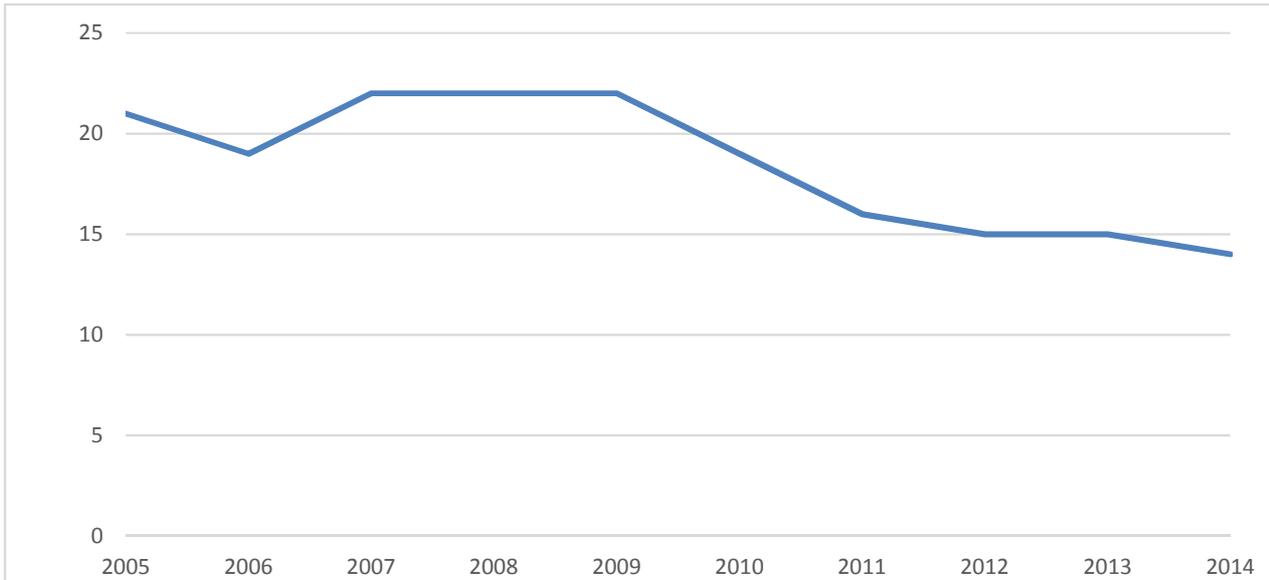
% femelles issues IA 0

Evolution de la population femelle

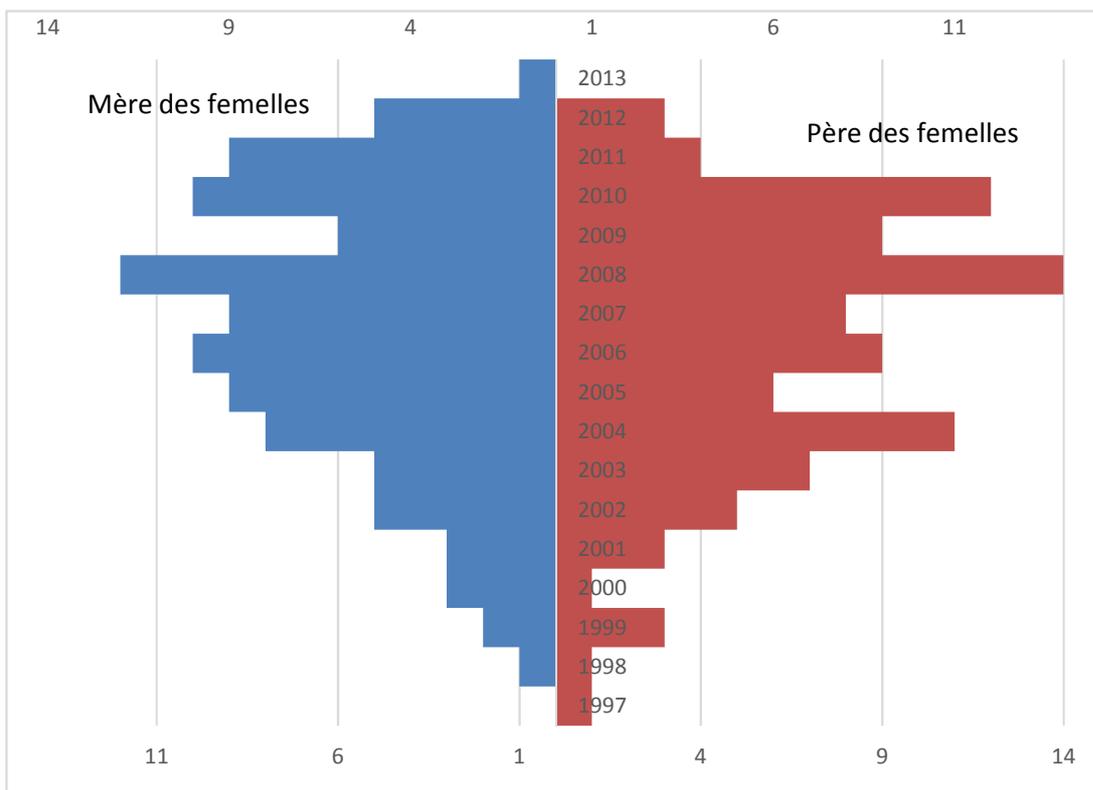
Croissance démographique 🟡-7

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

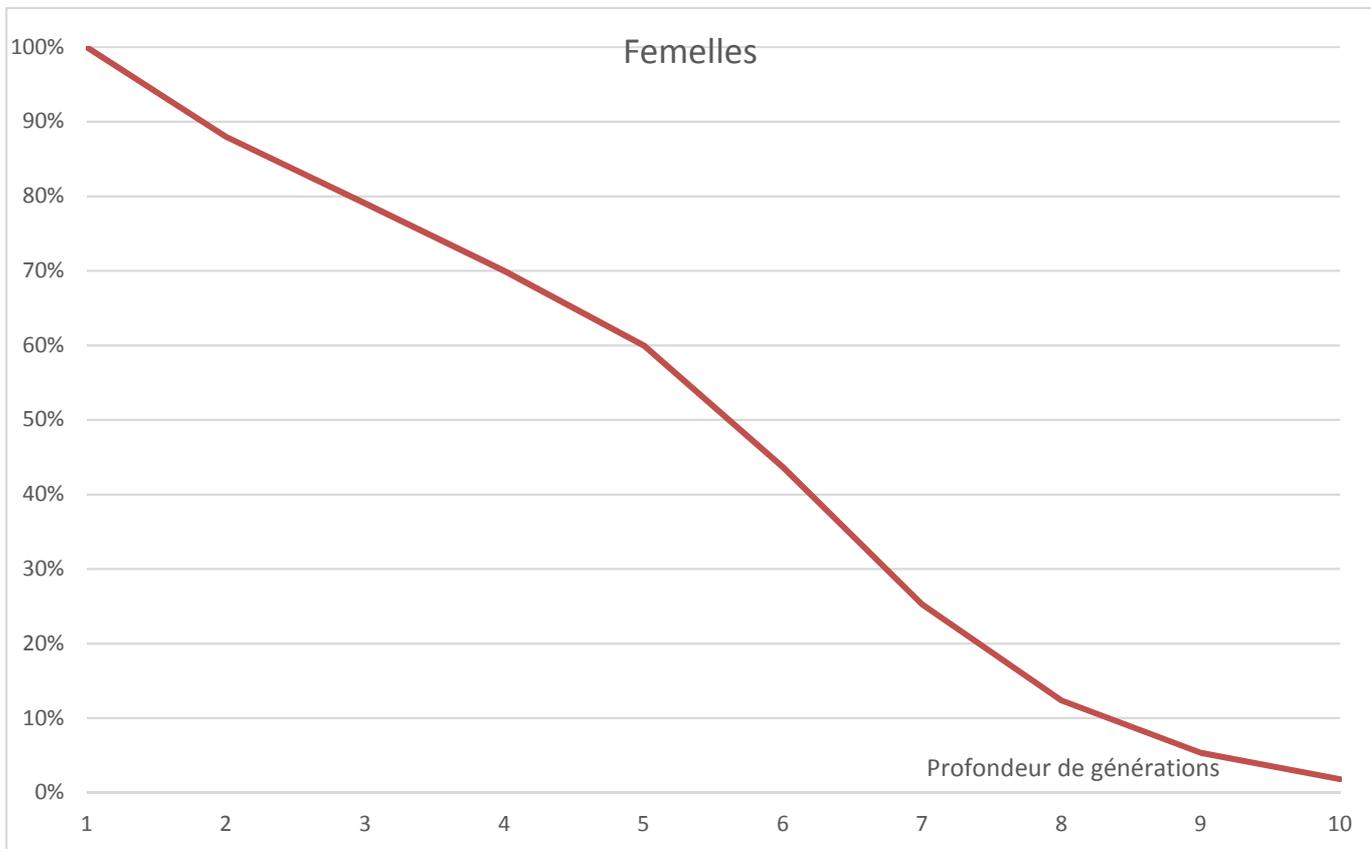
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,0
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,1
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	4,8
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	4,4
Moyenne 4 voies	3,8

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles
Nb d'animaux dans la population analysée	1 089
Nb moyen de générations remontées	4,9
Nb moyen d'ancêtres connus	188
Nb maximum de générations remontées	13

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	377
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	44
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	24
Ratio Ae/Fe	56,2%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	12,6%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	9

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	0450792014	HASCHICH	M	1992	12,6%	12,6%	12,6%
2	0450700900	RONALDO	M	2000	9,3%	8,1%	20,8%
3	0446494016	JOSELOU	M	1994	7,2%	7,2%	28,0%
4	0440401023	S'TELLE	M	2001	5,6%	5,6%	33,6%
5	0450707071	CACOU	M	2007	5,4%	4,6%	38,2%
6	0446087001	CHERIE	F	1987	5,0%	4,3%	42,5%
7	0440489005	EUCALYPTUS	F	1989	2,8%	2,8%	45,3%
8	0446088005	DOLLY	F	1988	2,7%	2,7%	48,0%
9	0412207500	CADILLAC	M	2007	4,4%	2,7%	50,6%
10	0440489011	ESPIEGLE	F	1989	5,0%	2,3%	53,0%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute: cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal dont la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	4,9
Consanguinité moyenne	4,2
Consanguinité sur 3 générations	1,8
Parenté	4,7
Consanguinité des parents	3,5
Parentés des parents	3,9
Taille efficace (Cervantès)	55
Taille efficace (méthode démographique)	230

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population compris entre 2 seuils)

0% de consanguinité	26,6%
entre 0 à 3,125% inclus	30,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	26,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	9,9%
entre 12,5% à 25% inclus	3,6%
plus de 25%	3,5%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **16,9%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique

Consanguinité

Information généalogique (ngen)

