

Alpine**Informations démographiques**

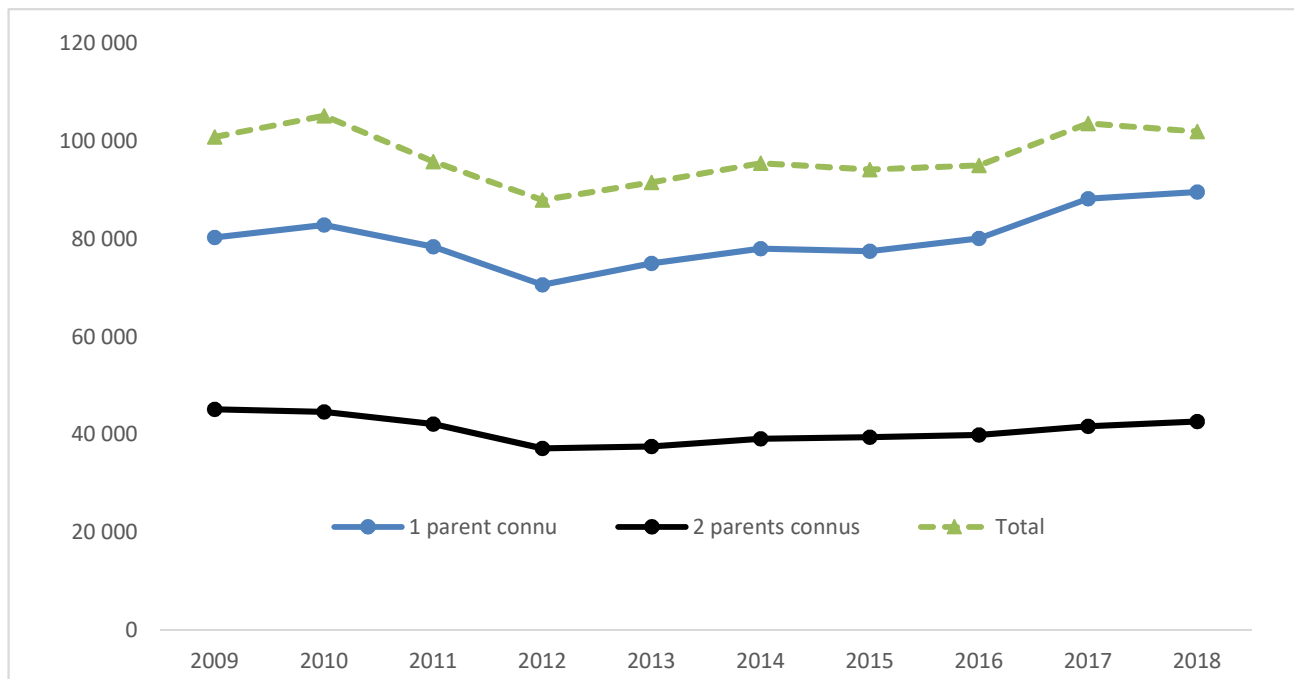
Période de naissance des femelles 2015 -2018

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	395 191	391
Nb pères différents	5 543	109
Nb max de descendants par père	1 561	16
Nb grands-pères paternels différents	565	69
Nb max de descendants par GPP	15 970	23
Nb mères différentes	192 811	365
Nb max de descendants par mère	11	3
Nb grands-pères maternels différents	8 384	69
Nb max de descendants par GPM	2 898	19
Nb d'animaux avec deux parents connus	163 990	391

* père des femelles

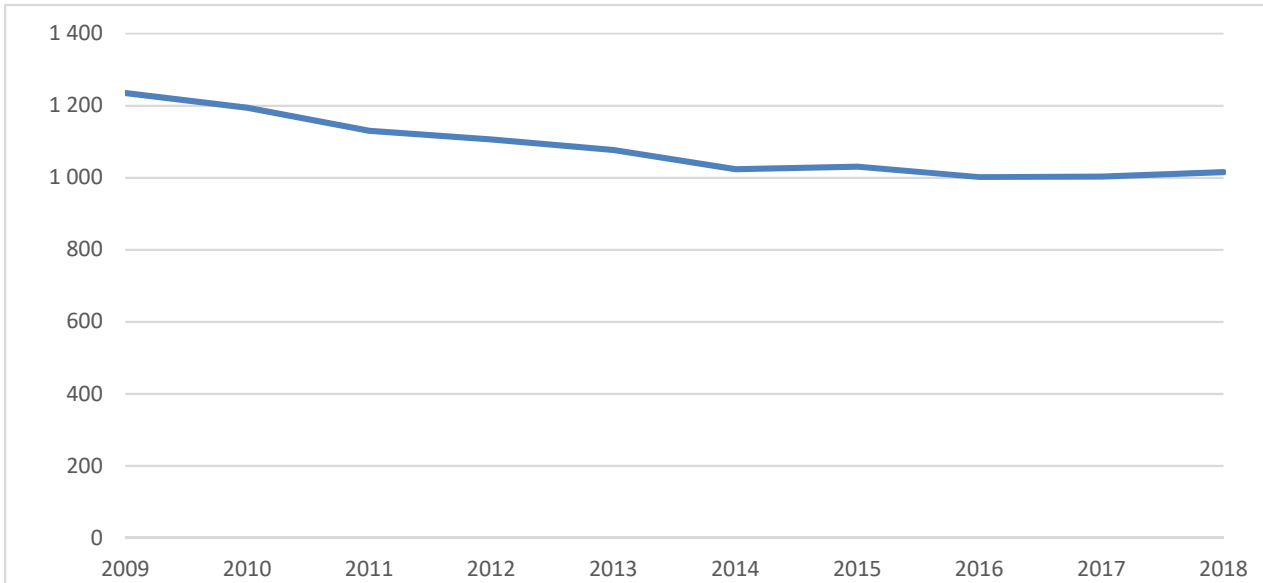
Rapport 2 parents connus/total des femelles 41%

% femelles issues IA 22

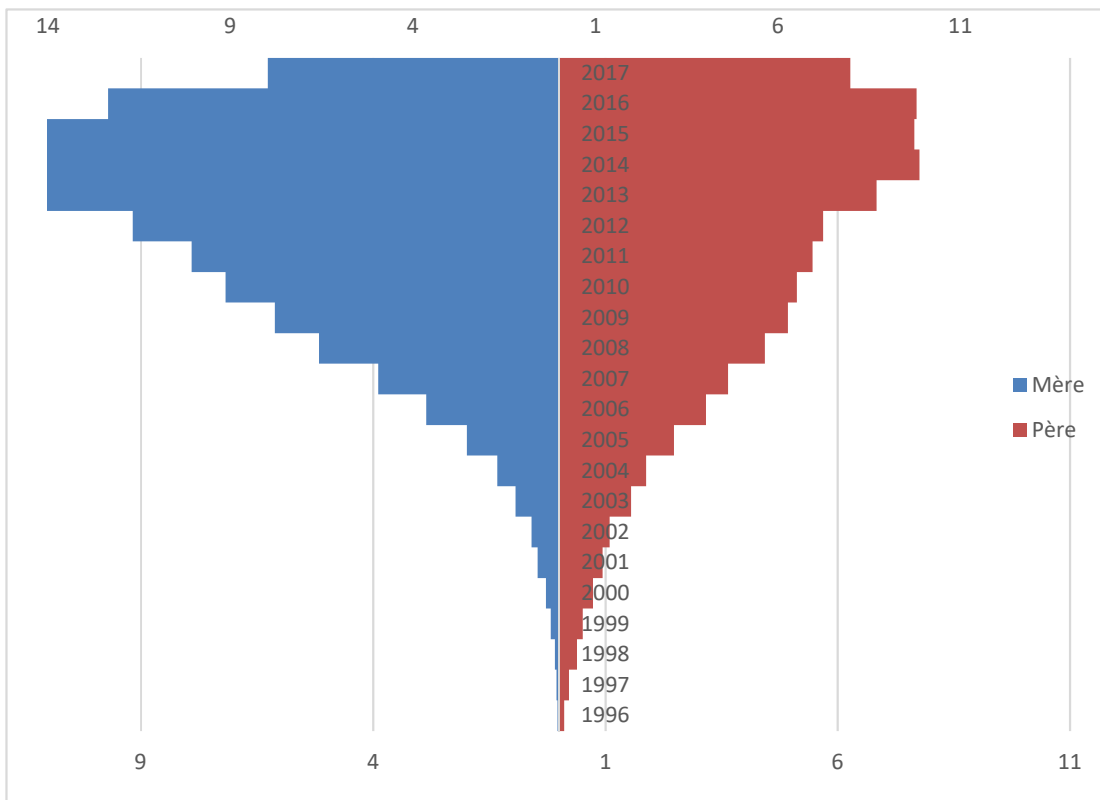
Evolution de la population femelle**Croissance démographique ●2**

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

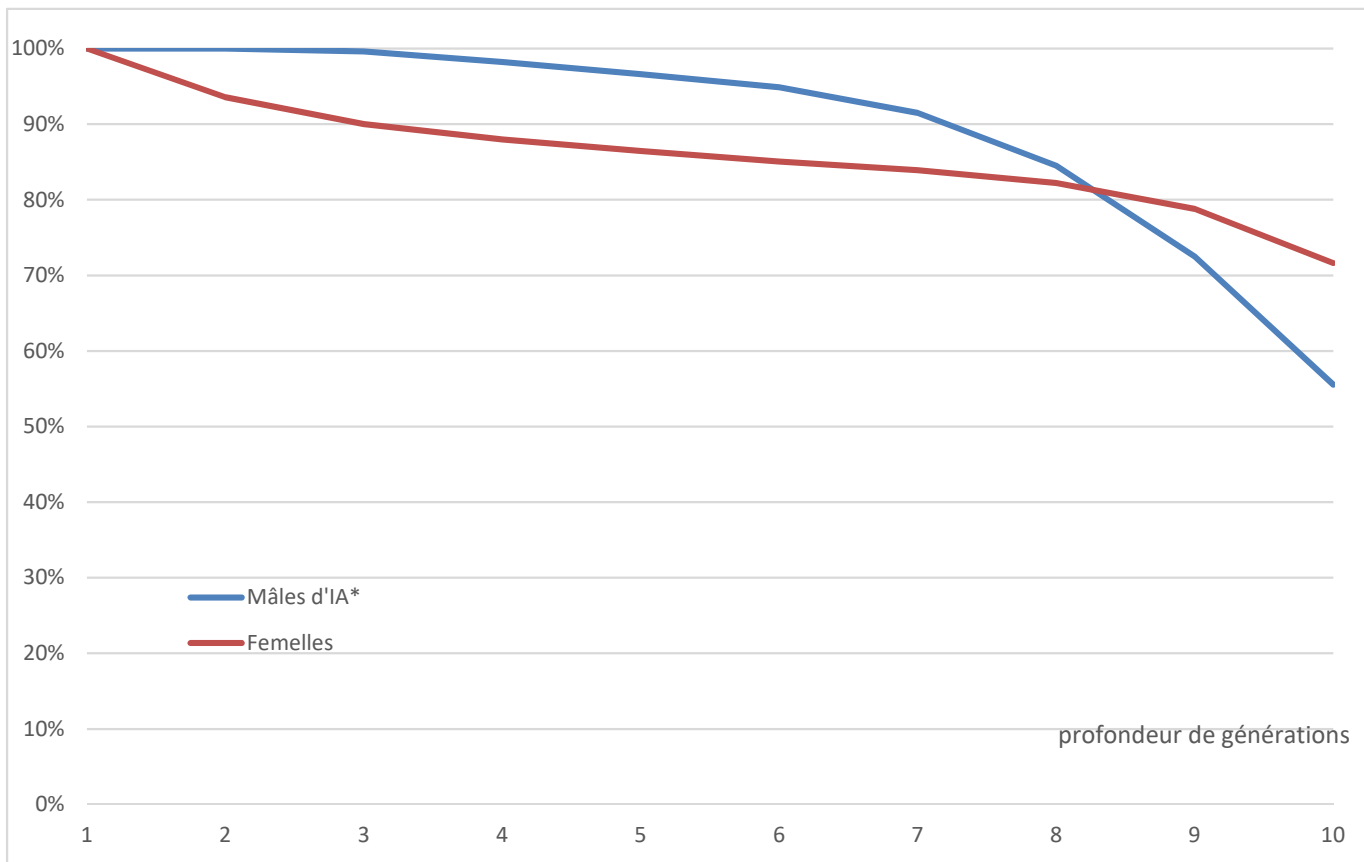
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,3
Moyenne 4 voies	4,0

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	163 803	391
Nb moyen de générations remontées	10,1	9,7
Nb moyen d'ancêtres connus	16 036	6 237
Nb maximum de générations remontées	30	27

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2015 -2018

Nombre de fondateurs	57 835
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	177
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	39
Ratio Ae/Fe	22,3%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	10,6%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	16

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR3704379003	P306PIRATE	M	1979	10,6%	10,6%	10,6%
2	FR7953582008	T317TANGO	M	1982	5,0%	5,0%	15,6%
3	FR7978286154	BAZAN	M	1986	4,7%	4,7%	20,3%
4	FR7997292016	HAVANE	M	1992	3,6%	3,6%	23,9%
5	FR7930990076	FANTOME	M	1990	4,6%	3,4%	27,4%
6	FR7965680021	R312RAPHAË	M	1980	3,3%	3,3%	30,6%
7	FR7981080005	RENARDE	F	1980	3,3%	3,3%	33,9%
8	FR53709570240	CHILI	M	2007	4,3%	2,5%	36,4%
9	FR7910386134	B310BIBAR	M	1986	2,5%	2,2%	38,6%
10	FR3711582038	TRAPPE	F	1982	2,2%	2,1%	40,7%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	10,1
Consanguinité moyenne (%)	2,8
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,39
Parenté (%)	2,7
Consanguinité des parents (%)	1,5
Parentés des parents (%)	1,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	189
Taille efficace (méthode démographique)	21 552

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	8,5%
entre 0 à 3,125% inclus	60,1%
entre 3,125% à 6,25% inclus	27,1%
entre 6,25% à 12,5% inclus	3,2%
entre 12,5% à 25% inclus	0,8%
plus de 25%	0,4%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	4,3%

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,23

