

**Alpine****Informations démographiques**

Période de naissance des femelles 2011 -2014

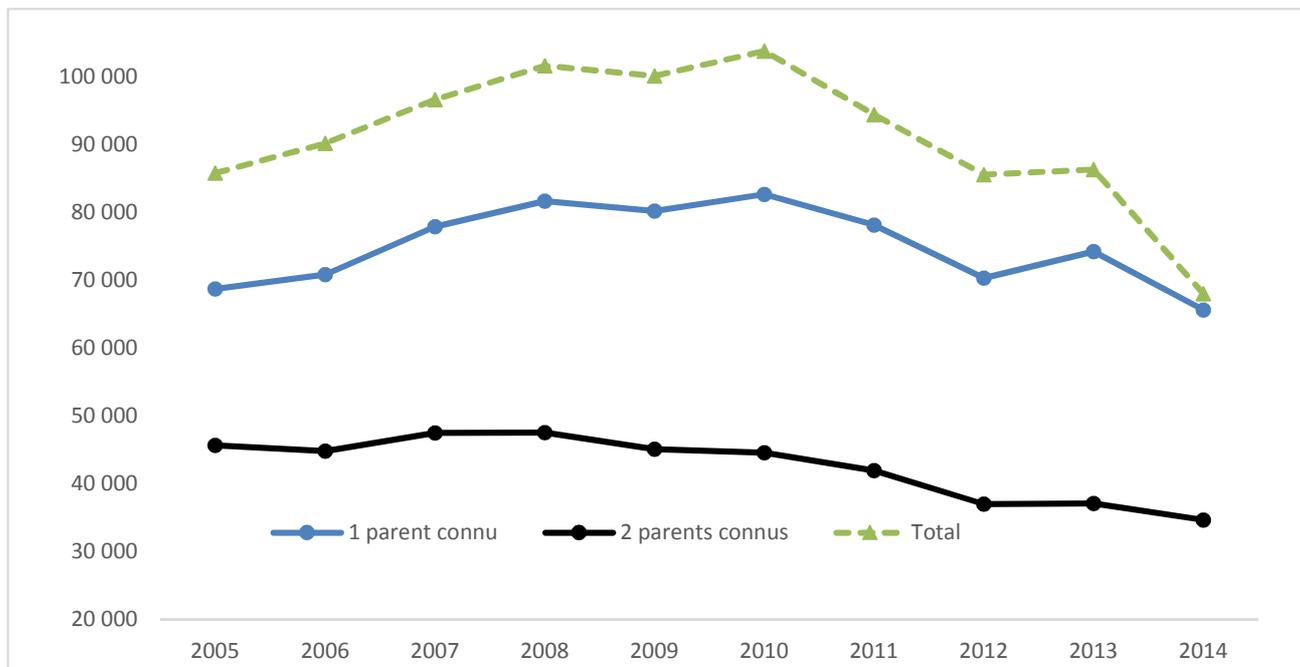
Femelles

Mâles d'IA\*

Nb d'animaux (au moins un parent connu)	288 081	375
Nb pères différents	5 248	98
Nb max de descendants par père	1 858	20
Nb grands-pères paternels différents	677	59
Nb max de descendants par GPP	9 277	24
Nb mères différentes	169 809	346
Nb max de descendants par mère	11	4
Nb grands-pères maternels différents	8 482	59
Nb max de descendants par GPM	1 675	17
Nb d'animaux avec deux parents connus	150 721	375

\* père des femelles

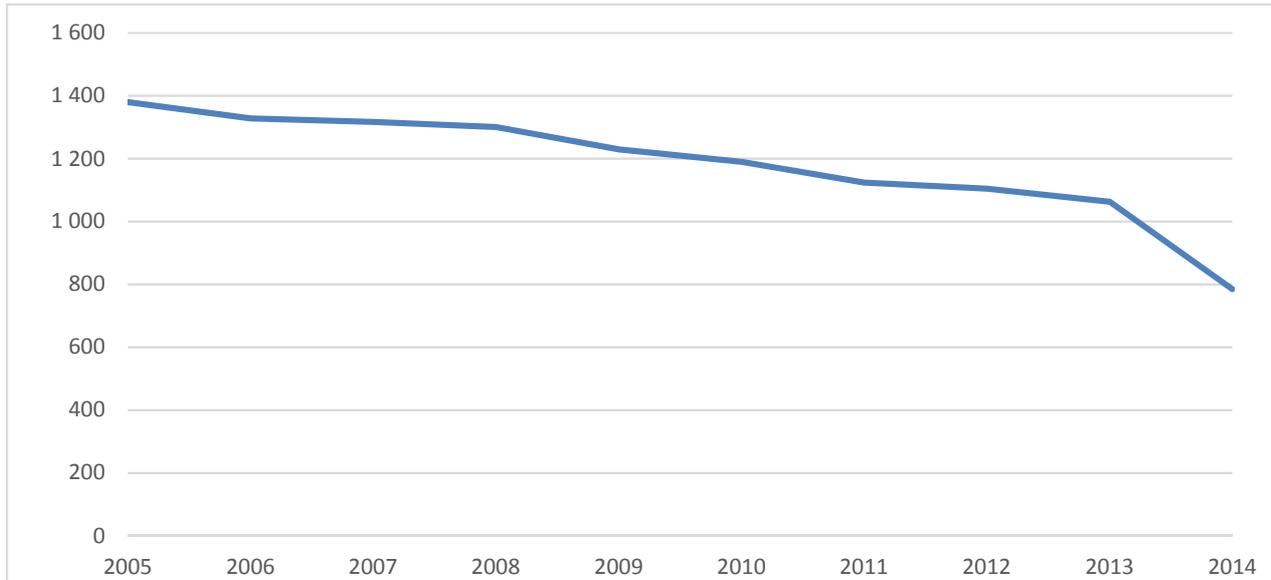
% femelles issues IA 25

**Evolution de la population femelle**

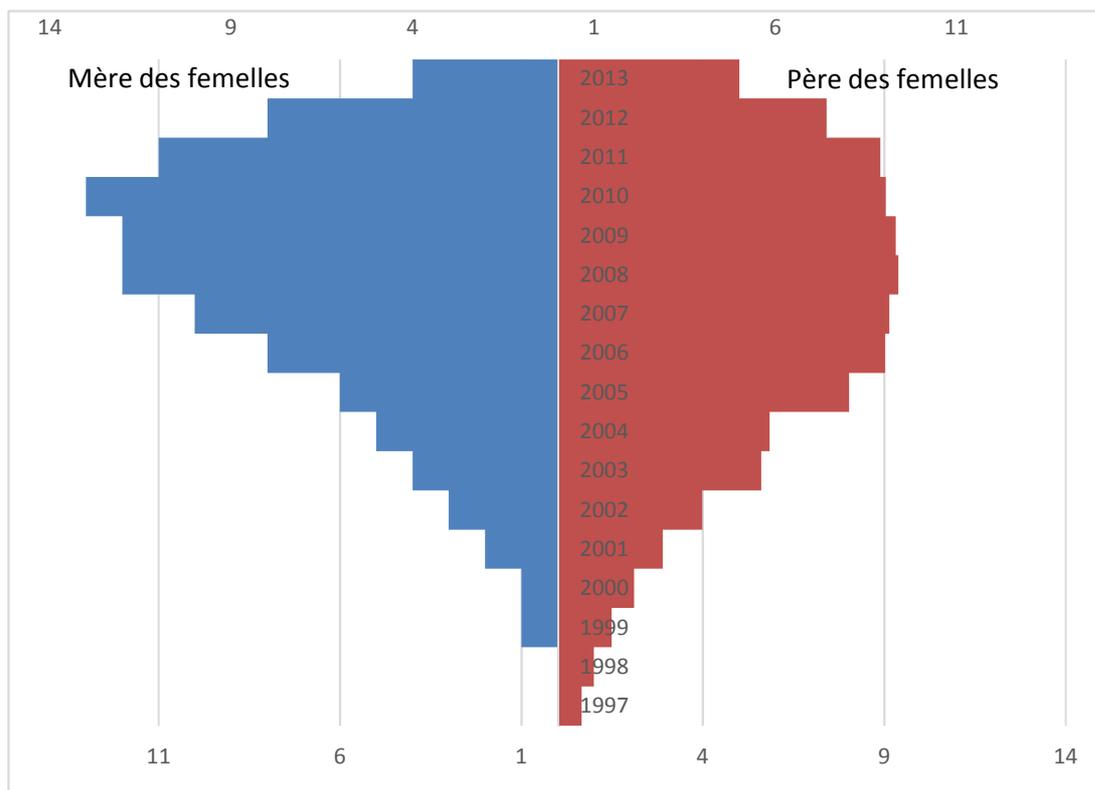
Développement de la population (%) ●-8

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

## Evolution du nombre de naisseurs



## Pyramide des âges de la population active femelle (%)



## Intervalle de générations des animaux reproducteurs

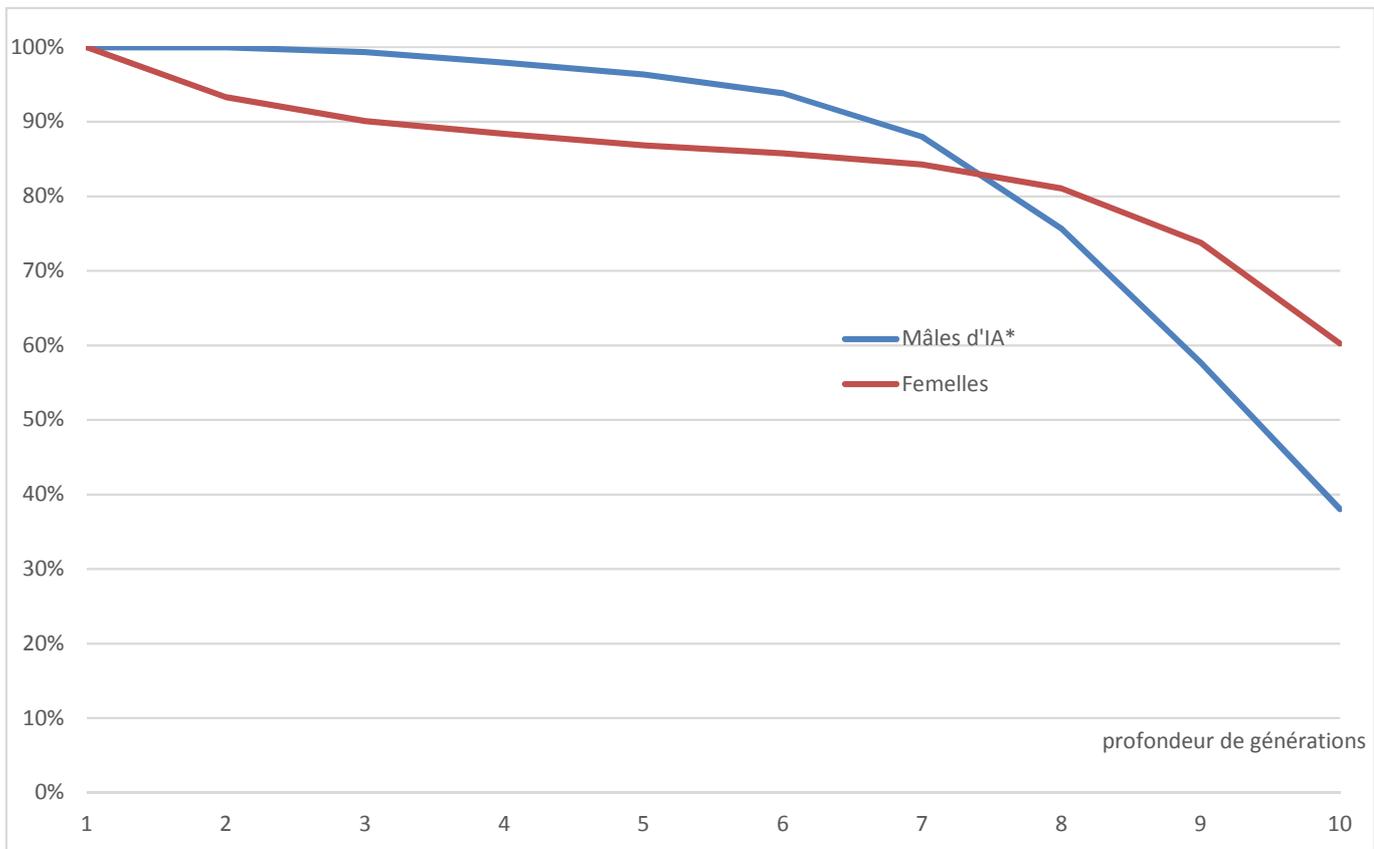
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,3
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,7
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,6
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,3
Moyenne 4 voies	4,0

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	150 721	375
Nb moyen de générations remontées	9,4	8,9
Nb moyen d'ancêtres connus	7 364	2 933
Nb maximum de générations remontées	28	24

\* père des femelles

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	50 718
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	172
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	38
Ratio Ae/Fe	22,4%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	11,0%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	16

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR3704379003	P306PIRATE	M	1979	11,0%	11,0%	11,0%
2	FR7978286154	BAZAN	M	1986	5,1%	5,1%	16,0%
3	FR7953582008	T317TANGO	M	1982	5,0%	5,0%	21,0%
4	FR7981080005	RENARDE	F	1980	3,3%	3,3%	24,4%
5	FR7930990076	FANTOME	M	1990	4,4%	3,3%	27,7%
6	FR7965680021	R312RAPHAË	M	1980	3,3%	3,3%	31,0%
7	FR7997292016	HAVANE	M	1992	3,2%	3,2%	34,3%
8	FR3711582038	TRAPPE	F	1982	2,4%	2,4%	36,6%
9	FR7933074061	IMAGO	M	1974	3,5%	2,4%	39,0%
10	FR7929583006	UBA	M	1983	2,7%	2,0%	41,0%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute: cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal dont la contribution cumulée atteint 50 %.

## Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	9,4
Consanguinité moyenne	2,7
Consanguinité sur 3 générations	0,4
Parenté	2,6
Consanguinité des parents	1,5
Parentés des parents	1,0
Taille efficace (Cervantès)	185
Taille efficace (méthode démographique)	20 363

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### Répartition de la consanguinité

(% de la population compris entre 2 seuils)

0% de consanguinité	9,6%
entre 0 à 3,125% inclus	62,9%
entre 3,125% à 6,25% inclus	22,7%
entre 6,25% à 12,5% inclus	3,3%
entre 12,5% à 25% inclus	0,9%
plus de 25%	0,6%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **4,8%**

### Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique

Consanguinité

Information généalogique (ngen)

