

Saanen**Informations démographiques**

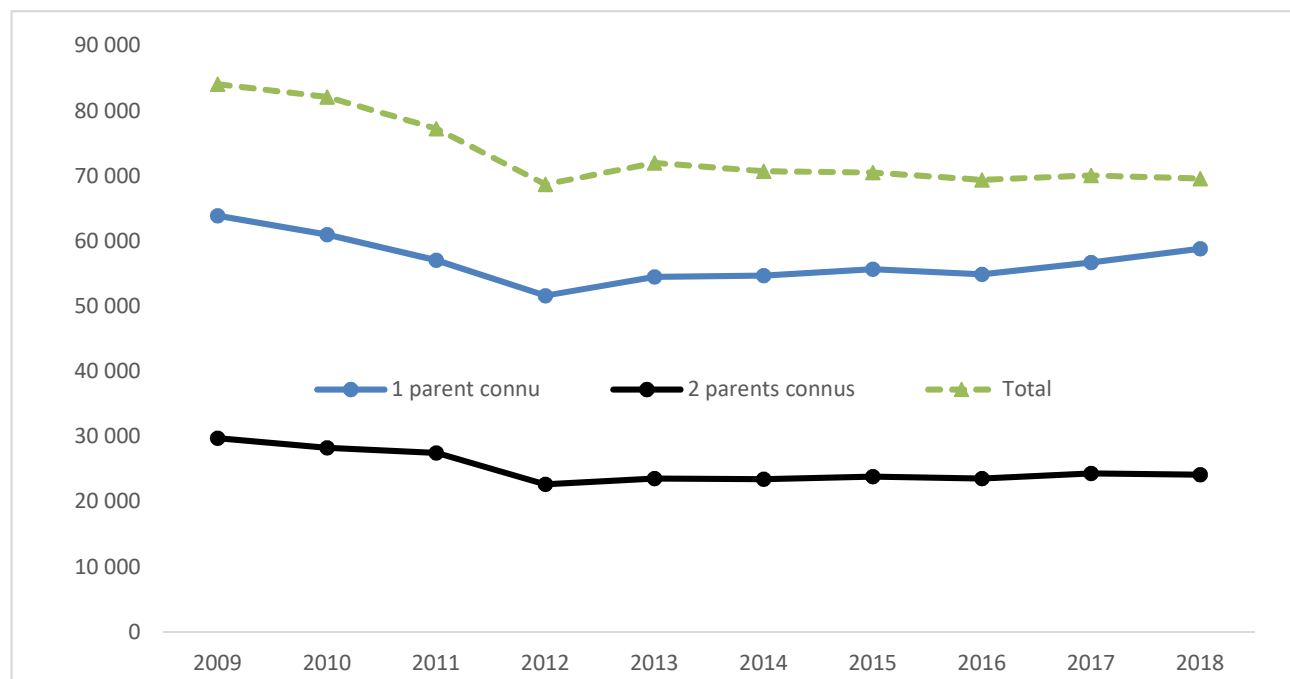
Période de naissance des femelles 2015 -2018

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	279 684	300
Nb pères différents	3 502	82
Nb max de descendants par père	1 058	9
Nb grands-pères paternels différents	419	53
Nb max de descendants par GPP	4 404	20
Nb mères différentes	131 481	282
Nb max de descendants par mère	10	2
Nb grands-pères maternels différents	5 439	53
Nb max de descendants par GPM	1 173	11
Nb d'animaux avec deux parents connus	96 042	300

* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 34%

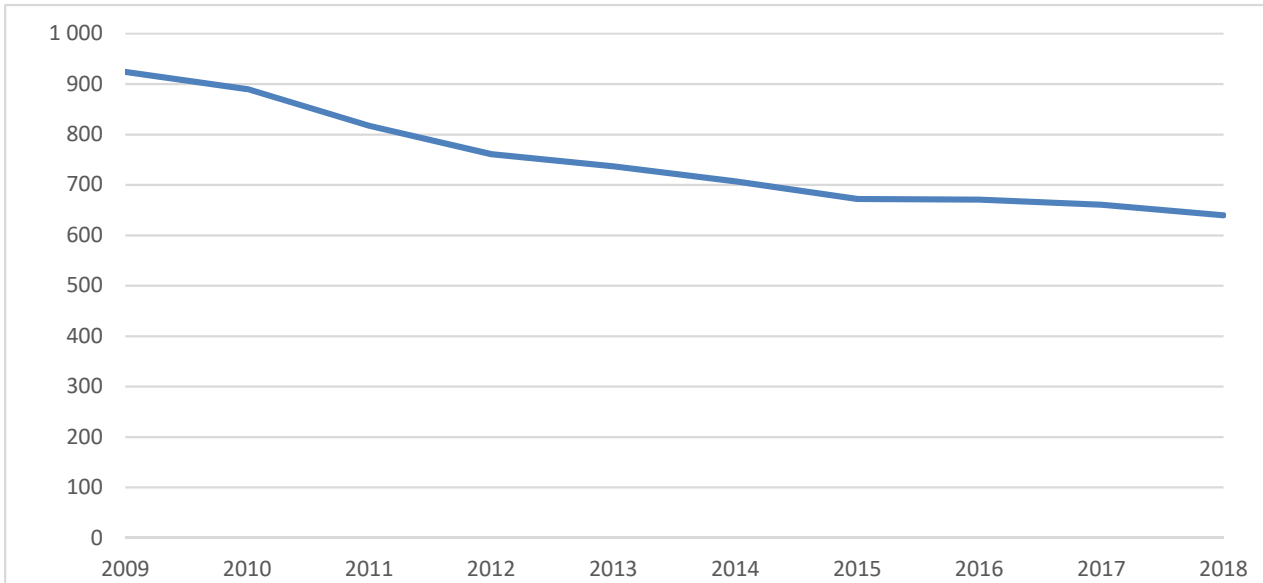
% femelles issues IA 18

Evolution de la population femelle

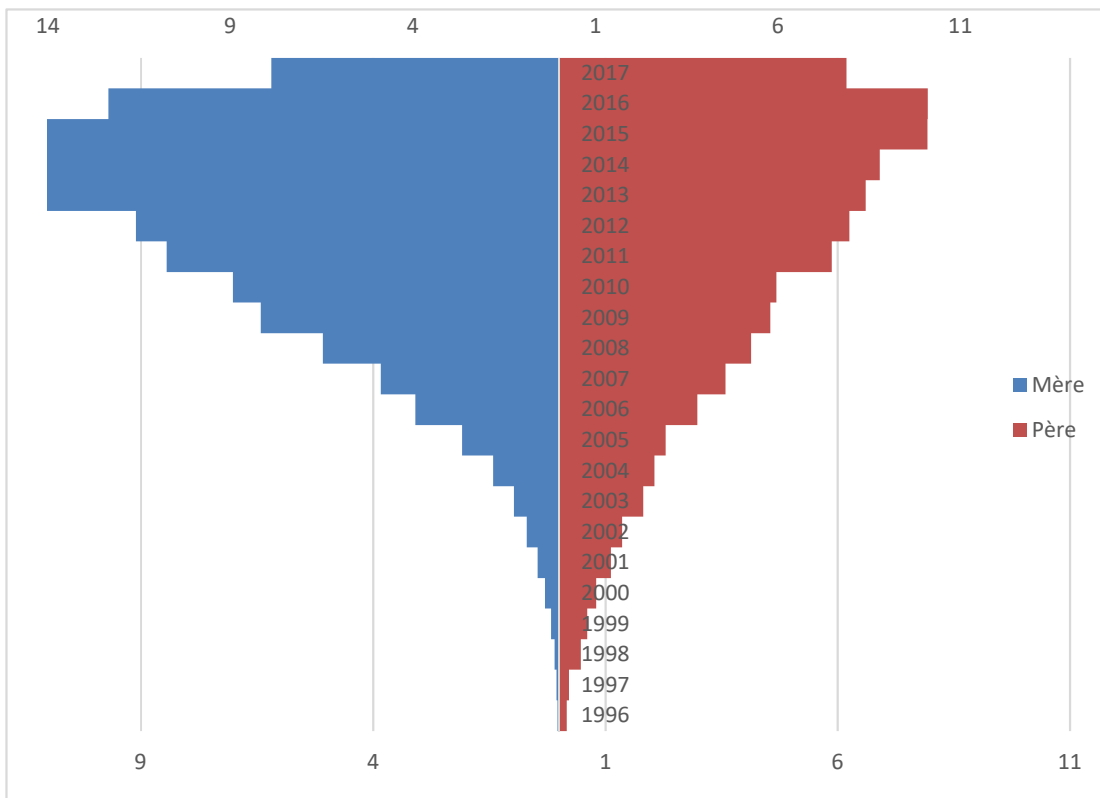
Croissance démographique ●-9

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

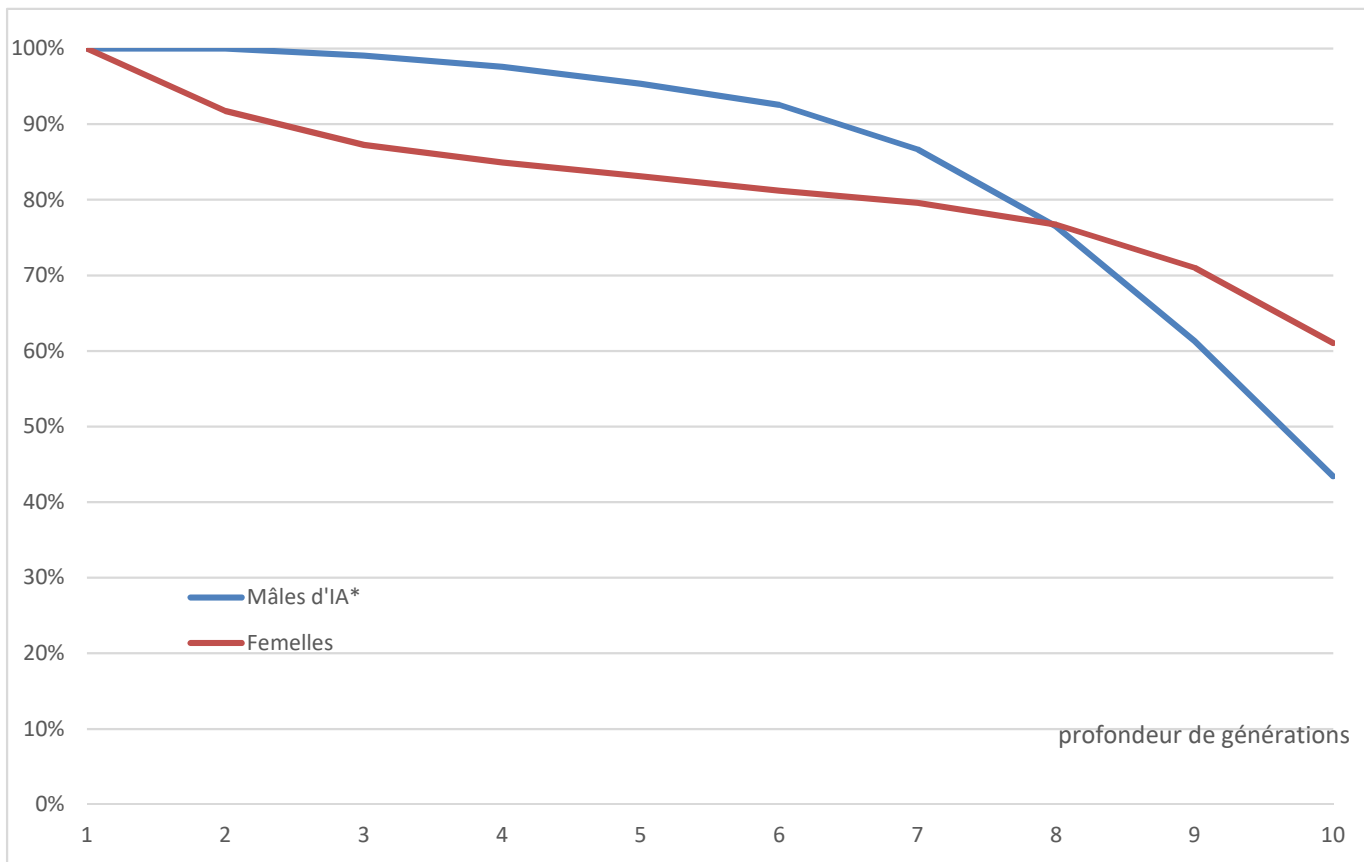
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,9
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,9
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,2
Moyenne 4 voies	4,1

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	95 806	300
Nb moyen de générations remontées	9,3	9,0
Nb moyen d'ancêtres connus	10 368	4 061
Nb maximum de générations remontées	30	24

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2015 -2018

Nombre de fondateurs	45 341
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	81
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	38
Ratio Ae/Fe	46,9%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	8,8%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	15

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR7955994029	JUMP	M	1994	8,8%	8,8%	8,8%
2	FR7905887002	COLLARO	M	1987	7,4%	7,4%	16,1%
3	FR8601275062	LYS	M	1975	7,0%	6,0%	22,1%
4	FR7941890040	FRANCK	M	1990	5,2%	4,9%	26,9%
5	FR7979982038	T321TAPIOC	M	1982	6,0%	3,8%	30,7%
6	FR9900170256	MIXER	M	1970	6,2%	3,5%	34,2%
7	FR9900271277	GOODSON JA	M	1971	4,5%	2,9%	37,1%
8	FR8618890050	FUSAIN	M	1990	2,4%	2,3%	39,4%
9	FR7944484018	VETERAN	M	1984	3,5%	2,2%	41,6%
10	FR7961896019	MERVEILLEU	M	1996	3,3%	2,0%	43,6%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	9,3
Consanguinité moyenne (%)	3,3
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,42
Parenté (%)	3,2
Consanguinité des parents (%)	1,5
Parentés des parents (%)	0,90
Taille efficace (méthode Cervantès)	146
Taille efficace (méthode démographique)	13 645

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	10,7%
entre 0 à 3,125% inclus	37,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	44,6%
entre 6,25% à 12,5% inclus	6,1%
entre 12,5% à 25% inclus	0,9%
plus de 25%	0,5%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **7,5%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0,25

