

**Saanen****Informations démographiques**

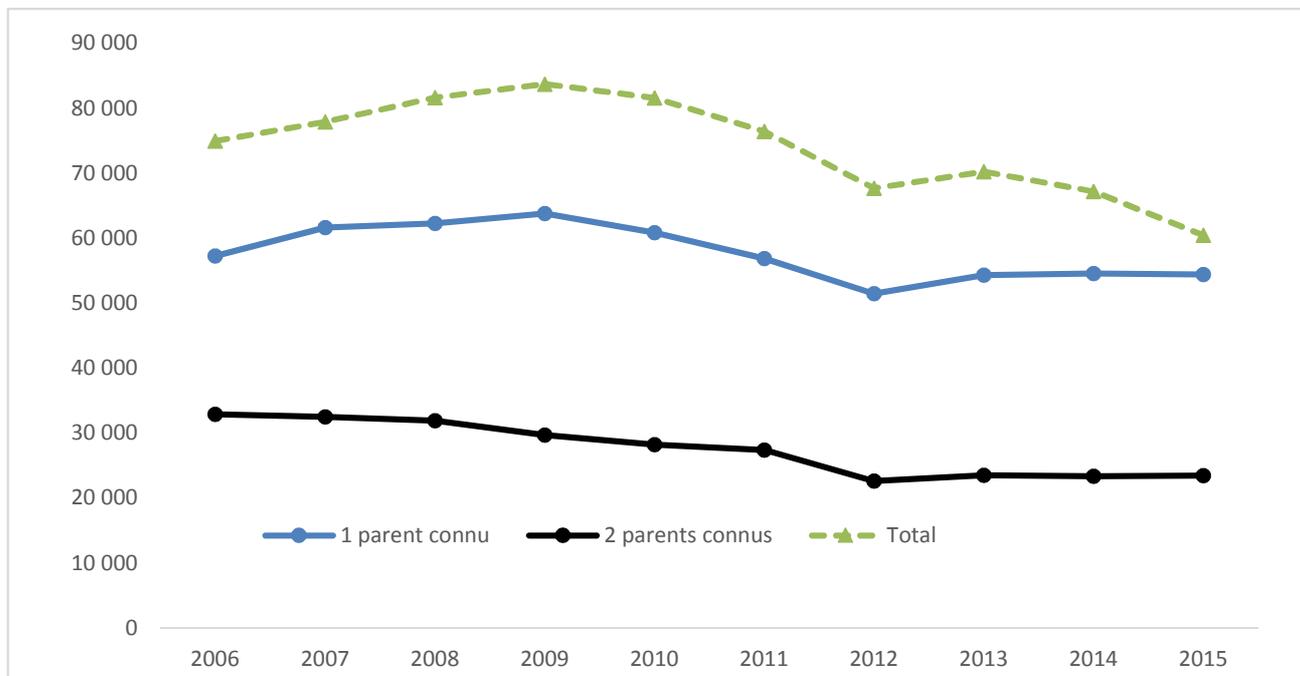
Période de naissance des femelles 2012 -2015

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	214 536	267
Nb pères différents	3 508	75
Nb max de descendants par père	977	10
Nb grands-pères paternels différents	504	49
Nb max de descendants par GPP	5 561	17
Nb mères différentes	126 795	249
Nb max de descendants par mère	10	2
Nb grands-pères maternels différents	5 813	49
Nb max de descendants par GPM	1 251	17
Nb d'animaux avec deux parents connus	92 962	267

\* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 35%

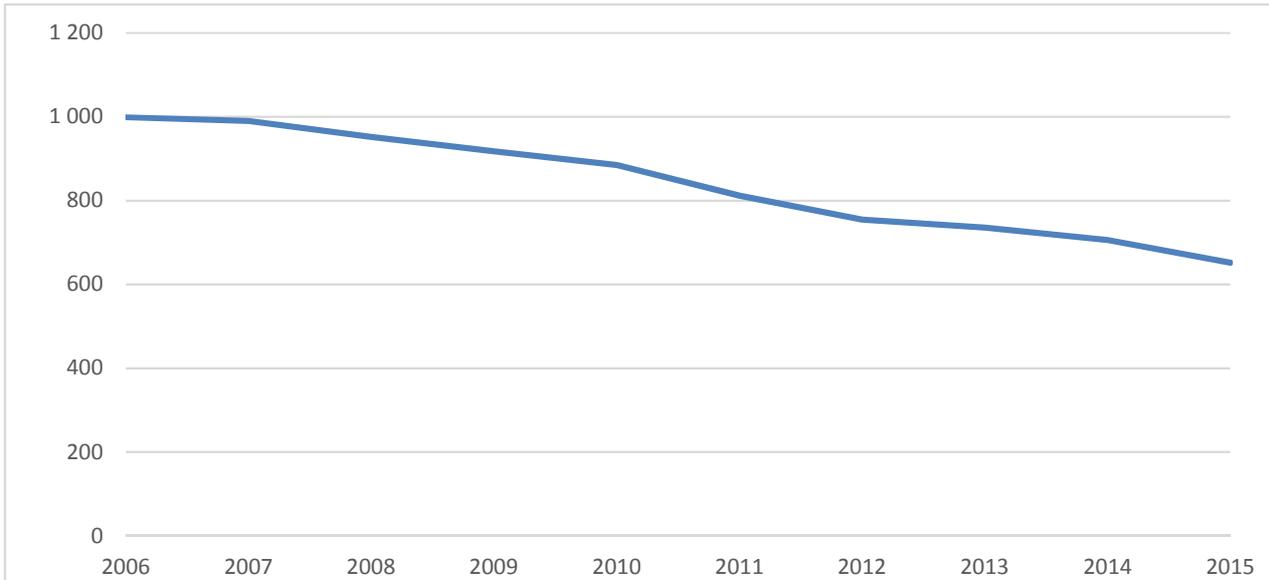
% femelles issues IA 19

**Evolution de la population femelle**

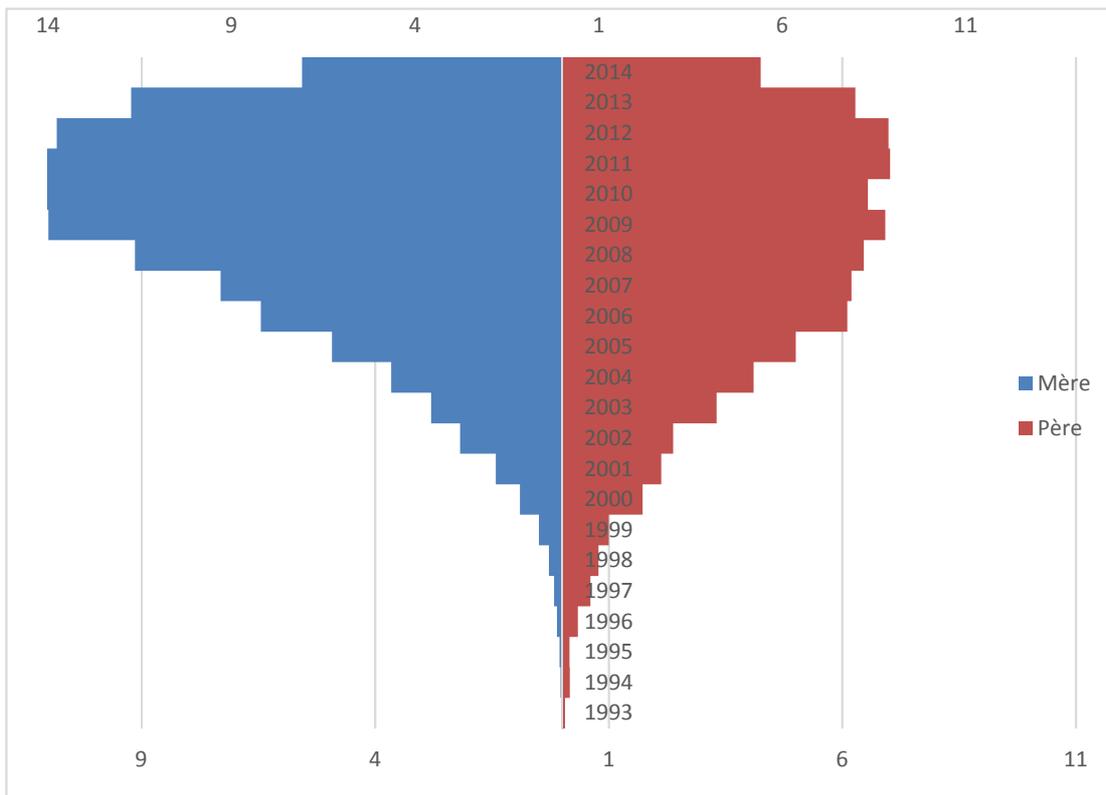
Croissance démographique ●-14

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

## Evolution du nombre de naisseurs



## Pyramide des âges de la population active femelle (%)



## Intervalle de générations des animaux reproducteurs

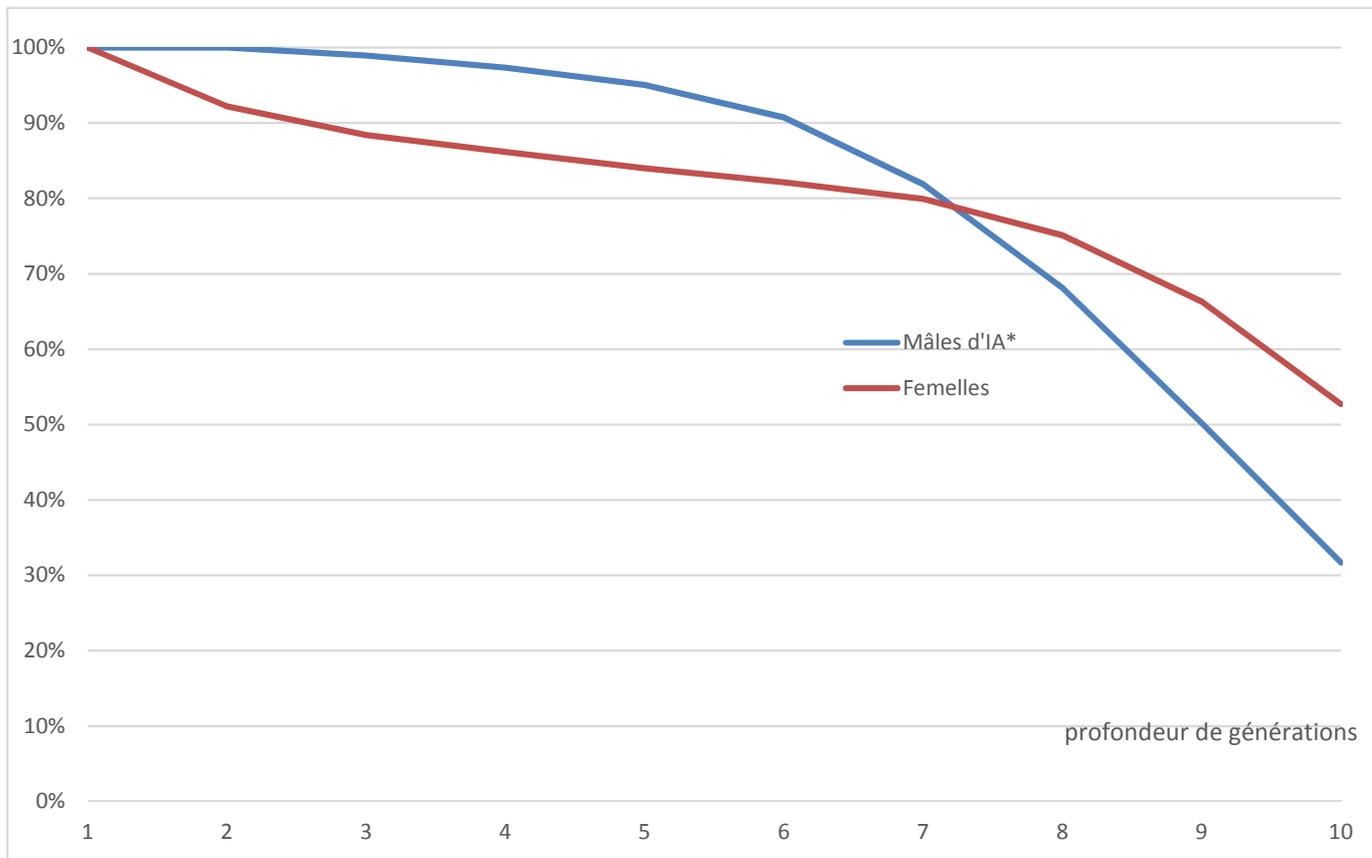
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,9
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,2
Moyenne 4 voies	4,1

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	92 962	267
Nb moyen de générations remontées	8,8	8,4
Nb moyen d'ancêtres connus	5 998	2 378
Nb maximum de générations remontées	29	23

\* père des femelles

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



**Critères issus de la probabilité d'origine des gènes**

Femelles Période 2012 -2015

Nombre de fondateurs	40 452
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	78
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	37
Ratio Ae/Fe	47,3%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	9,0%
Nombre d'ancetres expliquant 50% des genes	14

**Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle**

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR7955994029	JUMP	M	1994	9,0%	9,0%	9,0%
2	FR7905887002	COLLARO	M	1987	7,4%	7,4%	16,4%
3	FR8601275062	LYS	M	1975	7,0%	6,0%	22,4%
4	FR7941890040	FRANCK	M	1990	5,5%	5,1%	27,5%
5	FR7979982038	T321TAPIOC	M	1982	6,2%	3,9%	31,5%
6	FR9900170256	MIXER	M	1970	6,4%	3,6%	35,1%
7	FR9900271277	GOODSON JA	M	1971	4,6%	3,0%	38,0%
8	FR8618890050	FUSAIN	M	1990	2,3%	2,3%	40,3%
9	FR7944484018	VETERAN	M	1984	3,5%	2,2%	42,5%
10	FR7961896019	MERVEILLEU	M	1996	3,3%	2,0%	44,5%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparait pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## **Probabilité d'identité des gènes**

Nombre de générations connues	8,8
Consanguinité moyenne (%)	3,2
Consanguinité sur 3 générations (%)	0,5
Parenté (%)	3,2
Consanguinité des parents (%)	1,6
Parentés des parents (%)	1,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	139
Taille efficace (méthode démographique)	13 654

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents. La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### **Répartition de la consanguinité**

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	11,3%
entre 0 à 3,125% inclus	43,2%
entre 3,125% à 6,25% inclus	37,8%
entre 6,25% à 12,5% inclus	6,0%
entre 12,5% à 25% inclus	1,1%
plus de 25%	0,6%
% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité	7,6%

### **Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)**

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

0

