

Saanen

Informations démographiques

Période de naissance des femelles 2011 -2014

Femelles

Mâles d'IA*

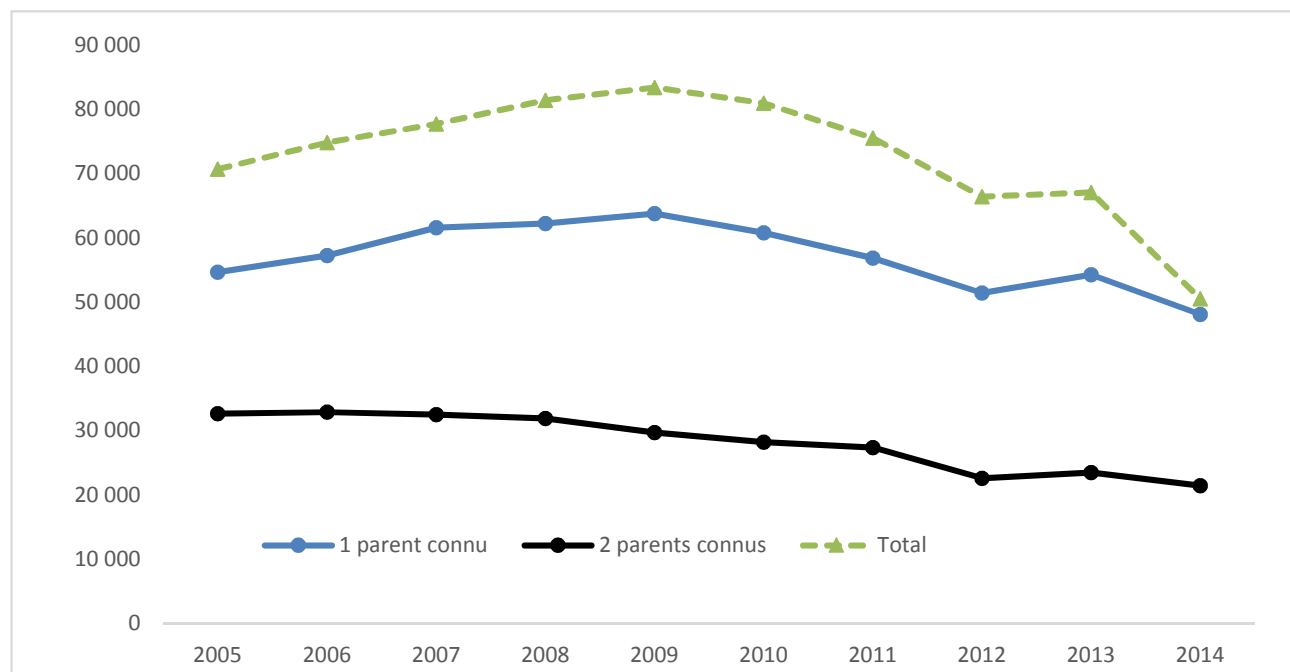
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	210 456	272
Nb pères différents	3 691	79
Nb max de descendants par père	1 089	14
Nb grands-pères paternels différents	538	52
Nb max de descendants par GPP	6 054	17
Nb mères différentes	124 753	258
Nb max de descendants par mère	10	2
Nb grands-pères maternels différents	6 069	52
Nb max de descendants par GPM	1 186	20
Nb d'animaux avec deux parents connus	94 887	272

* père des femelles

% femelles issues IA

20

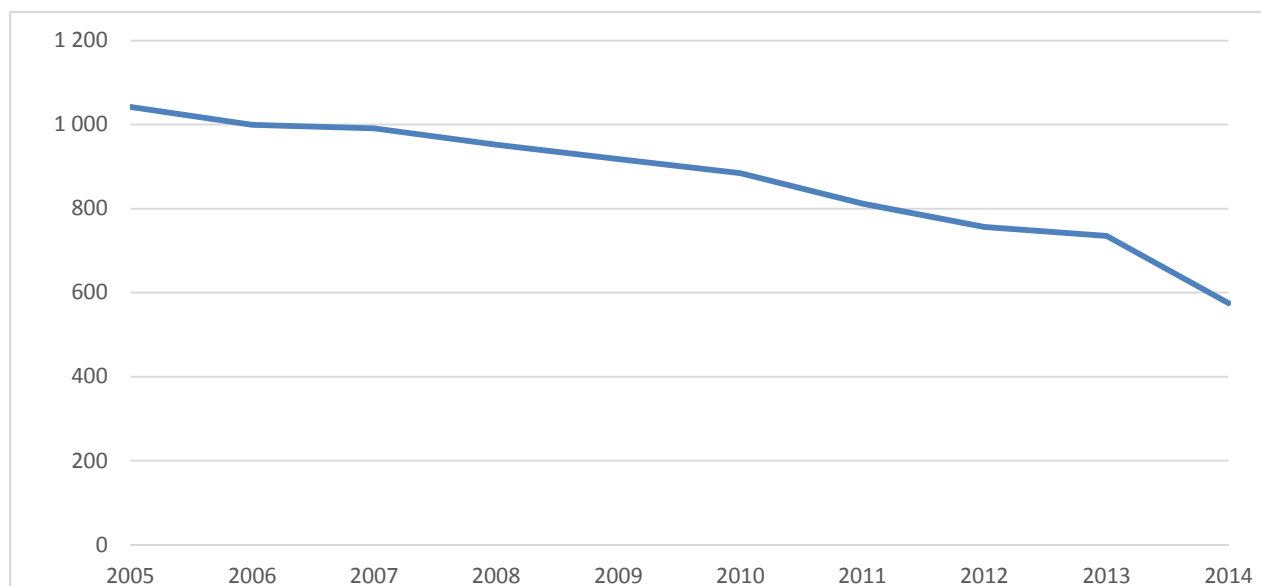
Evolution de la population femelle



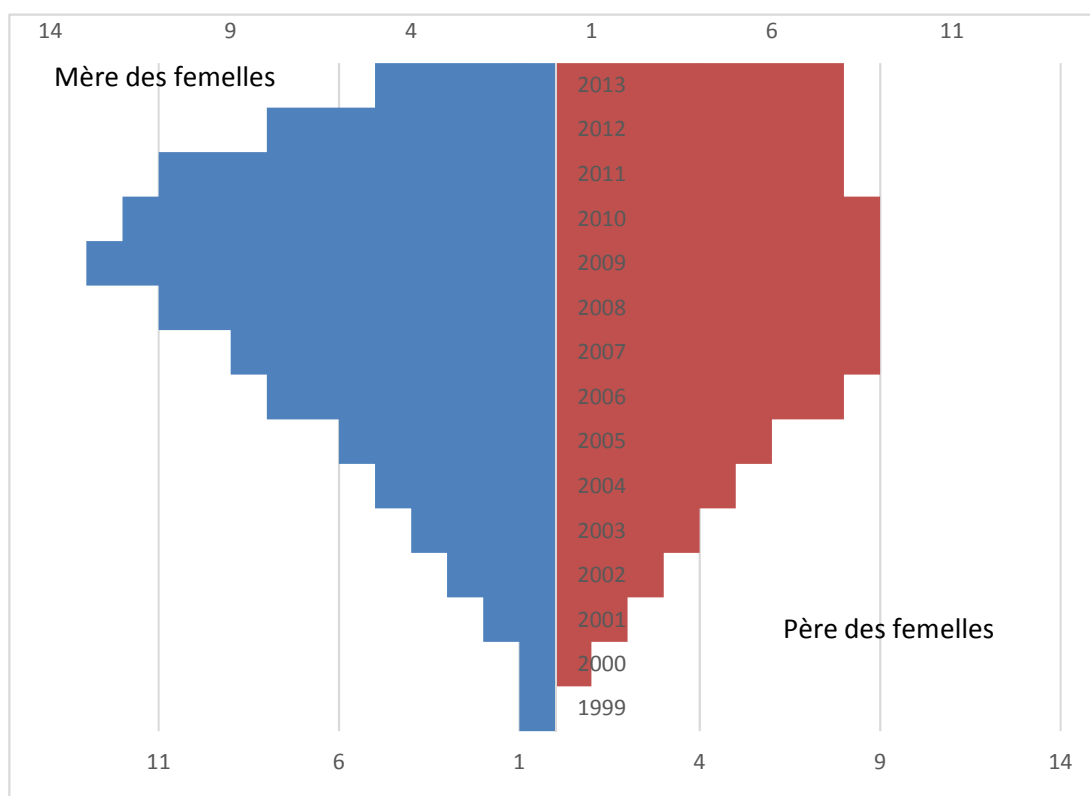
Développement de la population ●-12

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

Evolution du nombre de naisseurs



Pyramide des âges de la population active femelle (%)



Intervalle de générations des animaux reproducteurs

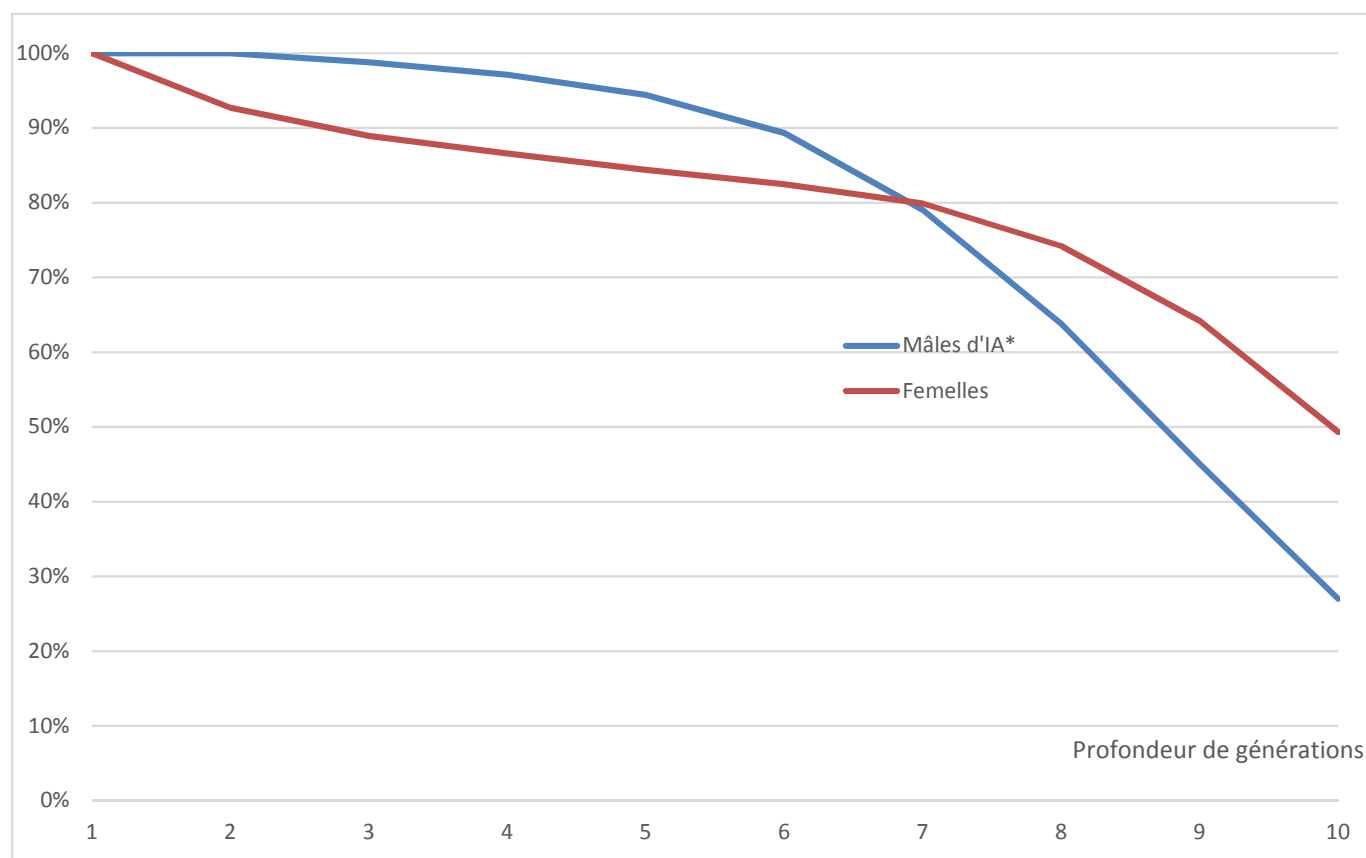
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	5,8
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,8
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,3
Moyenne 4 voies	4,1

Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	94 887	272
Nb moyen de générations remontées	8,7	8,2
Nb moyen d'ancêtres connus	4 948	1 923
Nb maximum de générations remontées	27	23

* père des femelles

Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2011 -2014

Nombre de fondateurs	39 961
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	77
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	36
Ratio Ae/Fe	47,4%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	9,2%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	14

Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	FR7955994029	JUMP	M	1994	9,2%	9,2%	9,2%
2	FR7905887002	COLLARO	M	1987	7,3%	7,3%	16,5%
3	FR8601275062	LYS	M	1975	7,1%	6,0%	22,5%
4	FR7941890040	FRANCK	M	1990	5,5%	5,1%	27,6%
5	FR7979982038	T321TAPIOC	M	1982	6,3%	4,0%	31,6%
6	FR9900170256	MIXER	M	1970	6,4%	3,7%	35,3%
7	FR9900271277	GOODSON JA	M	1971	4,6%	3,0%	38,3%
8	FR8618890050	FUSAIN	M	1990	2,4%	2,3%	40,5%
9	FR7944484018	VETERAN	M	1984	3,5%	2,2%	42,8%
10	FR7961896019	MERVEILLEU	M	1996	3,3%	2,0%	44,8%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute: cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal dont la contribution cumulée atteint 50 %.

Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	8,7
Consanguinité moyenne	3,2
Consanguinité sur 3 générations	0,6
Parenté	3,2
Consanguinité des parents	1,6
Parentés des parents	1,0
Taille efficace (Cervantès)	138
Taille efficace (méthode démographique)	14 340

La consanguinité apparaît en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

Répartition de la consanguinité

(% de la population compris entre 2 seuils)

0% de consanguinité	11,3%
entre 0 à 3,125% inclus	44,5%
entre 3,125% à 6,25% inclus	36,5%
entre 6,25% à 12,5% inclus	5,9%
entre 12,5% à 25% inclus	1,1%
plus de 25%	0,6%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité **7,6%**

Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique

Consanguinité

Information généalogique (ngen)

