

Paramètres génétiques pour la composition protéique du lait dans 3 races bovines

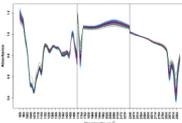
BROCHARD M. (1), SANCHEZ M.P. (2), GOVIGNON-GION A. (2), FERRAND M. (1), GELE M. (1), POURCHET D. (3), MIRANDA G. (2), MARTIN P. (2), BOICHARD D. (2)

(1) Institut de l'élevage, 75012 Paris ; (2) INRA, UMR1313 GABI, 78350 Jouy en Josas ; (3) ECEL Doubs et Territoire de Belfort ; France



Matériel & Méthodes

~ 900 000 spectres MIR de 160 253 vaches



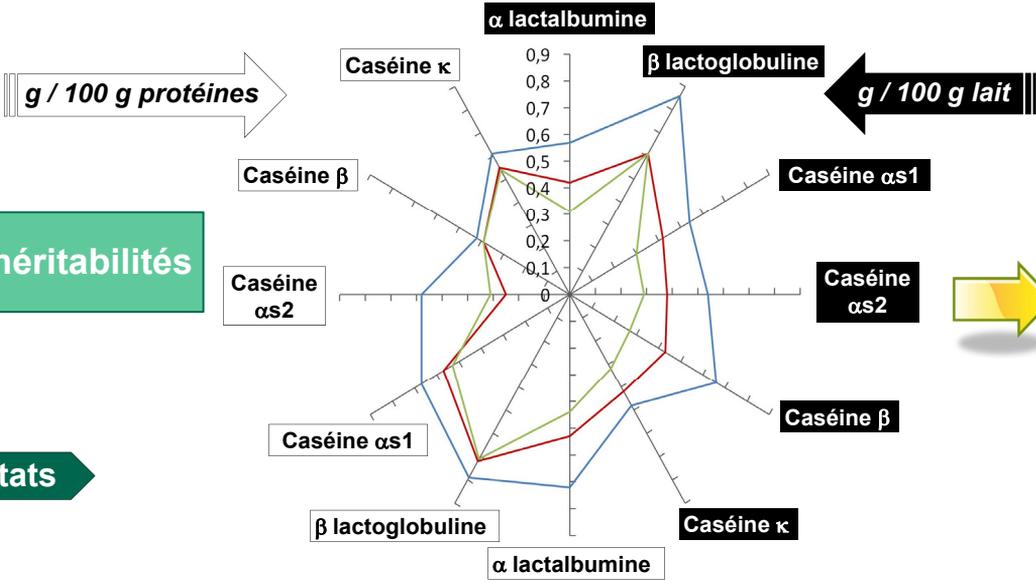
Moy. 1^{ères} lactations

8 477 en **Montbéliarde**
6 253 en **Normande**
5 734 en **Holstein**

Méthode du **REML** appliquée à un **modèle animal**

Effets fixes troupeau, mois x année vêlage & spectromètre	Effets aléatoires génétique & résiduel
---	---

h² héritabilités



Résultats h²

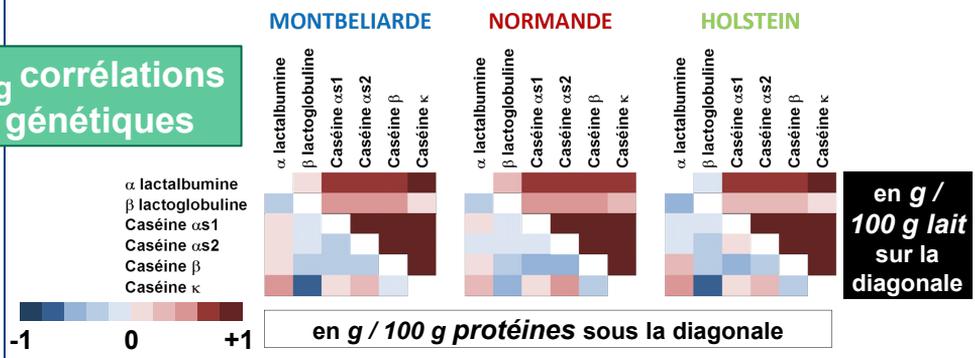
h² moyennes à fortes max. 0,86 pour **β lactoglobuline**

Montbéliarde >> **Normande** > **Holstein**
→ lié au nb de contrôles

g / 100 g lait < g / 100 g protéines

Résultats

r_g corrélations génétiques



Résultats r_g

r_g similaires pour les 3 races

g / 100 g lait >> 0
g / 100 g protéines < 0

Conclusion

Sélection possible !

pour la composition protéique à partir spectres **MIR** collectés en routine
Antagonismes génétiques entre certaines protéines → **Objectifs de sélection**